**CAB INTERNATIONAL** 

ISSN 0032-0803

Volume 68 Annual Indexes

**Includes list of Source Journals** 

# Plant Breeding Abstracts



CABI BIOSCIENCE MICHAEL WAY LIBRARY

2 3 APR 1999

### **Plant Breeding Abstracts**

A monthly journal covering the world literature on crop breeding and genetics. All species of economic importance are covered, including ornamentals and forest trees. It started publication in 1930 and contains approximately 13,000 abstracts each year derived from the CAB ABSTRACTS database.

**Editor** Andrew M. Praciak BSc

Assistant Editor D.G. Massey BSc

The CAB ABSTRACTS database is compiled from the world's scientific and technical literature. Over 40,000 published documents, including research papers, conference proceedings and papers, books, reports, patents and theses are received annually from more than 130 countries in 50 languages. This material is screened, translated, abstracted and indexed by professional and support staff, including 90 subject specialists and linguists. More than 150,000 new records are added to the database each year, the majority containing informative abstracts. Over 3 million abstracts from the world literature have been added to the computerized database since 1973, and this is complemented by a similar number in printed form before 1973, from CABI's origins in 1913.

**Subscription Information** 

For institutions in member countries of CAB INTERNATIONAL, the subscription to volume 68 is £620.00. The subscription price for non-member countries is £775.00 (dollar rate \$1,360.00). All orders must be accompanied by payment. Abstract Journals are available on floppy disk for the same annual price. Back volume prices are available on request. A reduced rate for personal subscriptions is available for orders placed directly with the publisher. For details of other CABI publications and services see back cover.

All Editorial correspondence, reprint requests, advertisement enquiries, claims, orders, remittances and any other enquiries should be addressed to:

CAB INTERNATIONAL, Wallingford, OXON OX10 8DE, UK.

Tel: +44 (0)1491 832111 Fax: +44 (0)1491 826090 E-mail: cabi@cabi.org

© 1998 CAB INTERNATIONAL. All rights reserved. No part of this publication may be reproduced, stored in a retrieval system or transmitted in any form by any means, mechanical, electronic, by photocopying, recording or otherwise, without the prior written permission of CAB INTERNATIONAL.

## Plant Breeding Abstracts

Volume 68



**CAB INTERNATIONAL** 

Prepared by

CAB INTERNATIONAL INFORMATION INSTITUTE
DEPARTMENT OF PLANT SCIENCES AND NATURAL RESOURCES

1998

CABIBIOSCIENCE MICHAEL WAY LIBRARY 2 3 APR 1999 CAB INTERNATIONAL Wallingford Oxon OX10 8DE UK

Tel: +44 (0)1491 832111 Fax: +44 (0)1491 833508 Email: cabi@cabi.org CAB INTERNATIONAL 10 E 40th Street Suite 3203 New York, NY 10016 USA

Tel: +1 212 481 7018 Fax: +1 212 686 7993 Email: cabi-nao@cabi.org

©CAB INTERNATIONAL 1998. All rights reserved. No part of this publication may be reproduced in any form or by any means, electronically, mechanically, by photocopying, recording or otherwise, without the prior permission of the copyright owners.

ISSN 0032-0803

Printed and bound in the UK by Antony Rowe Ltd, Chippenham.

77 838 991 1169 1932 1494 1837 183A												
BREEDING (GENERAL AND THEORETICAL)	ia es	183	327	469	597	743			1239		1573	1749
Genetic resources		183	327	469	7227	743	909	1076	1239	1407	1573	1749
Methods and mechanization		183	327	1194	597	744		1076		1407	- NY 02	of life
Breeders' rights and legislation		183	328	2/01	732	solds.	910	1077	1240	1407	1575	ablaio.
Genotype environment interaction		183	329	470		744			1240			TRUES
Resistance breeding		184	329	470	597	744			1240			1750
GENETICS (GENERAL AND THEORETICAL)		185	330	470	598	745			1241			
Molecular genetics		186	330	470	598	745			1241	100	BOOK	Marine Co.
Arabidopsis genome		188	332	472	599	747			1244			
Quantitative and population genetics		194	337	476	607	753			1250			
Hybridization and mutation		195	338			754	925		-		1591	Pome
CYTOLOGY AND CYTOGENETICS		196	338	477		754	925		1251			1763
REPRODUCTIVE BEHAVIOUR		196	339	477	607	755			1251			
IN VITRO CULTURE		198	853	22, 8	_	756	926		1252			
EVOLUTION AND BIOSYSTEMATICS		198	339	478	608	756			1252			
CROPS (GENERAL)		199	340	478	608	758	T. 240	1383 F V.	1253		11 15 15 15	0.03039
CEREALS		199	341	479	609	759			1253			
Wheat (including Aegilops)		200	342	481	612	760			1254			
Barley		210	354	491	634	775			1267			
Oats		213	358	495	638	779			1271			
Rye	357 003	215	359	496	639	780			1272		1619	
Triticale		_	360	496	639	781		1111			1619	
Maize (including <i>Tripsacum</i> )		215	361	497	640	782			1272			
Sorghum		224	369	505	646	793			1282			
Millets		226	371	505	648	794			1284			
Rice		227	372	506	649	795			1285			
Minor cereals and pseudocereals	989	234	378	516	653	804			1295			
FODDER PLANTS		235	379	516	654	804			1296			
Grasses		235	380	517	654	805			1296			
Lucerne		239	385	519	657	810			1300			
Clovers	PE 25	240	387	520	658	812			1301			
Other fodder legumes		241	388	521	659	813			1302			
GRAIN LEGUMES		243	391	522	660	816			1304			
Soyabeans		243	391	522	660	816			1304			
Faba beans	The Day	247	396	527	663	111111111			1317			
Phaseolus		247	396	527	664	819	975	1159	1318	1478	1660	1821
Peas		249	398	529	665	821			1320			
Lentils	77	251	400	531	667	822			1321			
Chickpeas		251	400	531	668	823	979	1162	1322	1484	1665	1825
Pigeon peas		252	401	532	668	824	980	1162		1484	1667	1826
Vigna		253	401	532	668	824	980	1163	1322	1485	1668	1827
Other grain legumes		255	403	534	669	825		1164	00000		1668	20000
ROOT CROPS		255	403	534	670	825			1323			
Potatoes		255	403	534	670	825			1324			
Carrots		260	405	536	673	828			1328			0.021200
Swedes and turnips		260	406	537	674		988				News - Land	- XBIT
Cassava		260	406	_	674	831		1167	1329	1491	1673	1832
Sweet potatoes		260	407	537	674	831			1329			
Yams		3 84	409		674	832	989		1330			Tento
14110					100		111111			M. P.		

Colocasia	104	261	409	_	_	832	989	_	1330	_	1674	BIT
Other root crops	104	261	410	537	675	832	989	1168	1330	1492	1675	1832
LEAFY VEGETABLES, BULBOUS												
VEGETABLES, STEM VEGETABLES	105	261	411	537	676	833	990	1169	1331	1493	1676	1833
Allium	105	261	411	537	676	833	990	1169	1332	1493	1676	1833
Brassica	106	262	411	538	677	838	991	1169	1332	1494	1677	1834
Spinach	107	263	413	539	679	-	992	1171	1333	1496	1677	MIT
Celery	9 681	75%	5 BB1	-	-	839		-		Second .	2000	1835
Lettuces	000	263	5 681	540	_	839	992	1171	1334	1496	1678	1835
Other leafy, bulbous and stem vegetables	107	-	413	540	679	840	992	in the	1334	1496	1678	1835
FRUIT VEGETABLES	108	263	414	540	681	840	993	1172	1335	1497	1679	1836
Tomatoes	108	263	414	540	681	841	993	1172	1335	1497	1679	1836
Aubergines	111	267	416	544	684	845	998	1175	1339	1501	1683	1840
Capsicum	112	267	416	544	684	846	999	1176	1340	1502	1684	1840
Cucurbitaceae	113	269	417	545	685	848	1000	1176	1341	1503	1685	1841
Other fruit vegetables	117	-	418	546	-	851	1002	-	1342	1505	1686	1844
TEMPERATE FRUITS	117	273	418	547	686	851	1003	1177	1342	1505	1687	1845
Pome fruits	117	274	419	547	687	851	1003	1177	1342	1505	1687	1845
Stone fruits	119	276	420	549	687	853	1006	1180	1344	1508	1690	1846
Small fruits	120	277	422	551	688	854	1008	1182	1346	1515	1694	HEPR
Grapes	122	278	423	553	698	856	1013	1183	1347	1516	1696	1847
Other temperate fruits	122	281	425	554	700	857	1015	1185	1348	1517	1698	1848
TROPICAL AND SUBTROPICAL FRUITS	123	282	425	555	703	857	1016	1186	1349	1518	1699	1848
Bananas	123	282	425	555	703	857	1016	1186	1349	1518	1699	1848
Citrus fruits	123	284	427	555	704	858	1017	1186	1351	1519	1700	1850
Other tropical and subtropical fruits	124	285	427	557	705	860	1018	1187	1352	1520	1701	1850
NUT CROPS	126	287	428	558	707	861	1021	1189	1356	1521	1702	1854
FATTY OIL PLANTS	126	287	428	559	708	862	1023	1190	1357	1523	1702	1855
Rape (including other oilseed brassicas												
and Sinapis)	127	288	429	559	708	862	1023	1190	1357	1523	1702	1855
Linseed	8 253	290	432	561	711	865	1028	-	1363	1527	1706	Soron
Sunflowers	130	291	432	561	711	865	1028	1194	1363	1527	1707	1858
Safflower	n -	293	0 00	98	712	-	_	1195	-	1529	1710	esiFl
Oil palms		293	e ve	562	-		1030				1710	
Coconuts	131	1	1	562	713	866	1030	1195	1364	1529	1710	1859
Olives	3 5		433	562	713	866	1031	1196	1364	1529	1710	1860
Groundnuts	132	293	433	562	713	866	1031	1196	1364	1530	1711	1860
Castor beans	1 10	1 100	6 65	563	713	867	1032	-	1365	_	1712	1860
Sesame	132	295	434	563	714	867	1032	1201	1365	1531	1712	1861
Other fatty oil plants	132	296	435	563	714	867	1032	1201	1365	SINE	1713	1861
SUGAR CROPS	133	296	435	564	714	868	1034	1201	1366	1531	1713	1862
Sugarcane	133	296	435	564	714	868	1034	1201	1366	1531	1713	1862
Sugarbeet	135	297	436	565	715	871	1034	1204	1367	1533	1714	1863
Other sugar crops	8 QU	- 50	(a)	2 170	-	-		1206	-	-	-	REST
STIMULANT PLANTS	136	299	438	565	715	873	1036	1206	1369	1536	1716	1864
Tea	a fel	299	1 12	565	-	-	1036	_	1369	1536	1716	1864
Coffee	136	299	438	565	715	873	1036	1206	1369	1537	1716	1865
Cocoa	137	299	439	566	-	873	1036	1206	1371	1537	1716	1865
Tobacco	137	299	439	3 50	716	873	1037	1207	1371	1537	1717	1865
Other stimulant plants	143	= 50	444	567	_	-	_	1211	1376	-	9085	TORB
FIBRE PLANTS	143	304	444	571	720	878	1041	1211	1378	1543	1723	1871
Cotton	143	304	444	571	720	878	1041	1211	1378	1543	1723	1871
Flax	145	307	446	573	722	_	1043	1215	-	1544	Jone -	cha.Th
Jute		-	446	. 5	722	-	_	-	-	-	-	1877
Sisal	-	4 5	4 (15)	573	_	-	-	1215	-	B- 10	olelan	bounds.
Other fibre plants	145	307	446	573	722	886	1043	1215	1380	1545	1725	1877

RUBBER PLANTS	5 3 -	307	447		me	886 1043	1216	1380	1545	1725	_711
FOREST TREES	145	308	447	574	723	886 1044					1877
Broadleaves	146	308	447	574	723	888 1044					
Conifers	151	310	450	577	726	890 1050	1219	1384	1551	1730	1879
ORNAMENTAL PLANTS	157	314	452	581	728	893 1053					
Ornamental woody plants	157	314	453	581	729	894 1054	1221	1389	1554	1735	1883
Lawns and turf	_	315	454	584		896 1056	-	1390	_	_	
Herbaceous plants	159	315	454	584	730	896 1056	1224	1390	1557	1737	1884
Ornamental bulbs	164	317	459	586	733	900 1061	1228	1393	1560	1740	1888
Orchidaceae	166	318	460	587	733	901 1063	1229	1395	1566	1741	1888
Foliage and succulent plants	167	318	461	587	1 -	902 1064	1229	1395	1567	1742	1888
Ornamental aquatic plants	-	318	-	589	100	- 1065	John M	1397	1568	-	27, 37200
MEDICINAL PLANTS ETC.	168	318	462	589	734	903 1065	1230	1397	1568	1743	1889
Medicinal plants	169	318	462	589	734	903 1065	1230	1397	1568	1743	1889
Pesticidal plants	WOOT	319	463	100	736	- 1066	1232	1398	1569	-	-
Spice plants	174	320	463	590	736	904 1067	1232	1398	1569	1744	1890
Culinary herbs	174	320	grica sur	591	737	904 1067	1233	1398	1569	1744	1891
Essential oil plants	177	323	464	592	738	904 1068	1234	1399	1570	1745	1892
Industrial crops	177	323	464	-	-	905 -	_	1400	- 110	_	1892
Hops	SHO1520	323	465	A COLL	738	Renewood rather	1234	Care and I	451115	1745	1892
Bamboos	178	323	465	592	739	905 1069	1234	1400		1745	1893
Other miscellaneous crops	178	324	-	_	739	906 -	-	1400	10 1 -	-	1 m -
EDIBLE FUNGI	178	324	465	593	739	- 1070	1234	1400	1570	1746	1893
PTERIDOPHYTA, BRYOPHYTA, ALGAE,		004				000 4074		4400		4740	
LICHENS			400	593	740	906 1071		1402		1746	1000
REPORTS	179	324	466	-	740	- 1071			11 1 1	7.	
CONFERENCES		324	466	594	740	906 1071					
BOOKS		325	466	595	741	907 1073	1236	1403	15/1	1/4/	1894
AUTHOR INDEX											
SUBJECT INDEX											
LIST OF SERIALS ABSTRACTED	1651										

**Disclaimer:** The information contained herein, including any expression of opinion and any projection and forecast, has been obtained from or is based upon sources believed by us to be reliable but is not guaranteed as to accuracy or completeness. The information is supplied without obligation and on the understanding that any person who acts upon it or otherwise changes his/her position in reliance thereon does so entirely at his/her own risk. **CAB INTERNATIONAL** does not accept responsibility for any trade advertisement included in this publication.

#### **EDITORIAL POLICY**

Plant Breeding Abstracts is an abstract journal produced by the CAB INTERNATIONAL Information Institute (CABI-II). CABI-II's central function is the compilation of the CAB ABSTRACTS and CAB HEALTH bibliographic databases. CABI-II aims to achieve growth of its programme through new projects, often in collaboration with other organizations and backed by external funding, for the benefit of the international community.

Plant Breeding Abstracts is derived from the CAB ABSTRACTS database, which covers the significant research and development literature in the fields of agriculture, forestry, aspects of human health, human nutrition, animal and veterinary science and the management and conservation of natural resources.

The CAB ABSTRACTS editorial policy is to:

scan all relevant literature

Forestry

Horticulture

Plant Breeding

Weed Science

Nematology

Soils

Plant Entomology and

Plant Pathology and

- record comprehensively the most relevant and scientifically significant material
- record all bibliographic details accurately
- prepare informative, fact-filled abstracts for all items reporting new findings or reviewing original research
- write the abstracts in clear, concise, unambiguous English with consistent usage of terms and abbreviations
- index all important concepts within each record with the most appropriate terms selected from the CAB
  Thesaurus, CABI's controlled vocabulary.

This policy relies on the expertise of CAB INTERNATIONAL's 90 professional subject specialists and linguists who translate and summarise the international scientific literature in the subject.

#### **Department of Plant Sciences and Natural Resources**

Head: S.L.A. Hobbs DPhil

Quality Manager: P. Wightman BSc

#### **Scientific Information Officers**

Biotechnology	D.J. Hemming PhD, D.G. Massey BSc, J.M. Palmer MSc, K.A. Rowlett PhD
Field Crops	A.M. Doroszenko PhD, R.E. Austin MSc, J.C. Bulson BSc, A.K. Chudasama MAgSt MSc, R.E. Hill BSc, K.E. Langdon BSc MIL D.M. Mitcham MSc, D. Simpson PhD, L.J. Wootten BSc

G. Petrokofsky BSc, B. Biggs BSc, A. Handley PhD, R.E.H. Haynes DPhil, H.M. Porter BSc

A.J. Rendell-Dunn BSc MIHort, C.D. Aldridge PhD, D.J. Cousins BSc CBiol MIBiol, A.C. Elliston BSc, J.M. Kisz BSc MIHort, R.M. Merryweather MSc, C. Parker BSc

A.M. Praciak BSc, H.J. Dawson PhD, D.E. Mitchell MSc, A.G. Pearson MSc, C. Schuetze MRes

I.L. Tonnet PhD, E.D.L. Brooks PhD, S.C. Brown BA, D.S. Buckley PhD, B. Carter BSc, H.J.M. Gijsbers MSc., L.M. Ridout PhD, L. Thorn BSc

J.A. Brunt MSc, V. M. Cottrell BSc, P.A. Farnell BSc, K. E. Hopkins BSc, M.L. Jones MSc, L.A. Martyniuk MA MIL, S.F. Siddiqi BSc

L. Connor BSc DipInfSc MIInfSc, D. J. Eldridge BSc, B. Lascelles PhD, S. Stokes MSc, K. Whitaker BSc, G.P.R. Yeates DPhil

#### **AUTHOR INDEX**

A. J. Newport & Son Pty Ltd 4104, 13524 4104, 13524
Aaasveen, M. 6572
Aagaard, J. E. 12480-12481
Aalen, R. B. 6503
Aarssen, L. W. 124
Aarts, M. G. M. 63, 6518
Abad, M. S. 3792
Abadie, T. 12884
Abak, K. 1881
Abamu, F. J. 12995
Abayasekara, C. 10964
Abbate, P. E. 12738
Abberton, M. T. 3695, 8202, 10618, 13048-13049
Abbitt, S. 6308 Abbitt, S. 6308 Abbo, S. 4361, 11546, 11552 Abbott, A. G. 10917, 10919, 12197 Abbott, D. 2483 Abbott, R. J. 1125, 11919 Abd-Alla, M. H. 5734 Abd-El-Moneem, K. M. H. 8584 Abd-Mishani, C. 12745 Abdalla, A. Y. 8479 Abdalla, O. 1438 Abdel-Aal, E. S. M. 2441 Abdel-Aal, E. S. M. 2441 Abdel-Hamid, M. 10333 Abdel-Mawgoud, T. 2089 Abdel-Sattar, A. A. 7930 Abdel-Sattar, E. 8837 Abdel-Tawab, F. M. 7952 Abdelguerfi, A. 527 Abdelnoor, R. V. 13100 Abdelnoor, G. J. 11314 Abdi, N. 3886 Abdul Chaudhury 12636 Abdul Sattar 7593 Abdullah, Z. C. 4788 Abe, F. 3614 Abdullah, Z. C. 4/88
Abe, F. 3614
Abe, H. 2356, 12657
Abe, J. 2465, 2793, 5728, 9373, 9410-9411, 9436
Abe, K. 5986
Abe, M. 13108
Abe, T. 422, 2799, 10560 Abe, T. 422, 2799, 10560 Abe, Y. 2207 Abe, Y. 2207 Abedon, B. G. 5543, 11709 Abel, W. 3963 Abenes, M. 4941 Abera, G. 2881, 12119 Aberlenc-Bertossi, F. 13372 Abernethy, D. 555 Abet, M. 956, 961 Abiko, K. 10793 Abirached-Darmency, M. 5113 Ablett, G. R. 13076 Abirached-Darmency, M. 5113
Ablett, G. R. 13076
Abney, T. S. 3712, 3729
Abood, N. H. 9427
Abou-El-Enain, M. M. 9345
Abou El-Nasr, N. M. 815
Abouhaidar, M. G. 7004
Ábrahám, E. 84
Abraham, H. M. 8131
Abraham, K. 2909, 4712
Abraham, M. J. 12949, 12955
Abraham, S. 2928
Abraham, V. 8520
Abraham-Peskir, J. V. 10225
Abraham-Pierce, F. A. 7835
Abrahams, S. 2483
Abraimova, O. E. 311
Abram, B. 8647 Abram, B. 8647 Abrams, G. D. 13357 Abrams, S. R. 13357 Abrecht, D. G. 1404 Abreu, L. L. 4507 Abrigo, E. 11855, 11857 Abrol, D. P. 3872 Abu-Taleb, A. M. 2089 Abugaliev, I. A. 12740 Abugalieva, A. I. 12740 Abram, B. 8647

Abushita, A. A. 1827 Acar, İ. 12437 Accerbi, M. 2454, 4355, 6622 Acciarri, N. 8384, 10783 Accotto, G. P. 3842 Acedo, C. 8161 Accoto, G. 7. 5842
Accoto, C. 8161
Acedo, C. 8161
Acedo, S. 6368
Ach, R. A. 2948, 6703
Acharya, B. 11841
Acharya, S. 6746
Acholo, M. 4714
Açik, L. 2222
Açikgöz, N. 1561
Açıkgöz, N. 5773, 11925
Acker, A. 230
Ackerly, D. D. 129
Ackerman, A. 7506
Ackerman, J. D. 1217-1218
Ackerman, S. 3447
Acock, B. 952
Acosta, J. 8271
Acosta, M. 8376
Acosta-Gallegos, J. 3740
Acosta-Gallegos, J. A. 1701, 10672 10672 Acosta Mayra, C. 3929 Acta Physiologiae Plantarum Acta Pruhoniciana 7632 Adachi, T. 2241, 3300, 3611, 4732, 8109-8111, 8369, Adachi, T. 2241, 3300, 3611, 4732, 8109-8111, 8369, 12097
Adachi, Y. 12173
Adak, M. K. 11842
Adám, É. 6496
Adam, G. 7396, 10145
Adam-Blondon, A. F. 6936
Adamczyk, J. J., Jr. 9927
Adame-Alvarez, R. M. 480
Adamidis, T. 12708
Adamowski, E. de V. 3255
Adams, H. P. 2590
Adams, M. J. 12805
Adams, P. D. 11944
Adams, R. L. P. 6941
Adams, R. L. P. 6941
Adams, R. P. 5083, 6390, 7600, 12296, 12570
Adams, W. T. 2186, 7469, 9985, 12468, 12479, 12587
Adamska, E. 7879, 9821
Adamski, T. 7880-7881, 7885
Adamus, A. 7033
Adar, R. 4619
Adabita, S. A. 3773, 12014 Adamus, A. 7033
Adar, R. 4619
Adato, A. 13317
Adebitan, S. A. 3773, 12014
Adelaja, B. A. 1967, 1979
Adelberg, J. 1852, 4791
Adeniji, T. 3063
Adeola, O. 312
Adepoju, A. 11744
Adepoju, A. A. 3771
Aderkas, P. von 1052, 9936, 11207, 12482
Ades, P. K. 6260
Adeyeye, E. I. 3782
Adhikari, K. N. 6850, 10579, 11861, 12815
Adhya, T. K. 450
Adikaram, N. K. B. 10964
Adipala, E. 3776, 13181
Adiseshaiah, K. 11762
Adkins, S. W. 3950, 12911, 13308, 13375-13376
Admiraal, P. C. 11918
Adnan, S. 7072
Adon, B. 12317
Adonina, I. G. 4346
Addiagreese W. 1813 Adonina, I. G. 4346 Adriaenssens, W. 1813 Adu-Ampomah, Y. 9864 Adu-Amponian, 1. 3004 Adu-Depaah, H. 13146 Adzet, T. 4191 Ae, N. H. 12013 Aebi, M. 1222 Aedo, C. 3290, 9646, 12343

Aert. R. 38, 11516 Aeschbacher, R. A. 6471 Afgin, L. 7517, 10781 Afreh-Nuamah, K. 1975, 1981 Afgin, L. 7517, 10781
Afreh-Nuamah, K. 1975, 1981
Afsar, K. 4239
Aftergoot, E. 7096
Afun, J. V. K. 13146
Afza, R. 4908, 13305
Afzal, M. 11758
Ag-Seed Research Pty Ltd 8500
Agadzhanyan, A. M. 13210
Agafonov, A. V. 3470
Agafonov, N. V. 10895
Agafonova, O. V. 2722, 6869
Ağaoğlu, S. 12233
Agapova, N. 4149
Agarwal, K. K. 7593
Agarwal, R. 9270
Agata, W. 5839
Agate, B. 9048
Agazio, M. de 1960, 3580
Agbor, A. N. 1967
Ageeb, O. A. A. 4411
Aggarwal, R. K. 395
Aggoun, A. 10245
Aghaeizadeh, M. 11096
Aghav, S. D. 8449
Aghora, T. S. 4649, 8272
Agić, R. 10778
Agnese, A. M. 6900 Agić, R. 10778 Agnese, A. M. 6900 Agnew, R. E. 2712 Agnihori, P. 5154 Agninotri, P. 5154 Agostino, S. di 10380 Agra, M. de F. 2966 Agrama, H. A. 10381 Agrawal, K. C. 10659 Agrawal, R. C. 13385 Agrawal, S. 6766 Agrawal, S. B. 2968, 6676, 6679 Agrawal, S. B. 2968, 6676, 6679
Agrawal, S. K. 12970
Ågren, J. 12534
AgrEvo GmbH 7625
Agriculture Victoria Services
Pty Ltd 8498, 8501-8502
Agudelo, F. V. de 2001
Agüera, F. 3976, 11028
Agüero, C. B. 5874
Aguerre, M. N. 1512
Aguiar, C. G. 6719
Aguilar, G. 3160, 9857
Aguilar, R. 4505
Aguillard, W. 2134-2136
Aguiluz, A 9175
Aguinagalde, I. 1037
Agúndez, D. 6285
Agung, S. 8263
Agur, M. 7008
Agwanda, C. O. 932, 9863, 9869
Ahad, A. 8912 Agwanda, C. O. 932, 9863, 9869
Ahad, A. 8912
Ahad, M. A. 9289
Ahad, S. F. 10989
Ahanen, K. 4707, 12687
Aharoni, A. 12609
Aher, R. P. 4677
Ahiekpor, E. K. S. 1975, 1981
Ahlawat, S. P. 5065
Ahlawat, T. R. 2456, 5786
Ahlawat, Y. S. 13192
Ahloowalia, B. S. 6545, 10114
Ahmadi, N. 3660
Ahmad, A. 12749
Ahmad, F. 6648, 11640
Ahmad, I. 172, 7316
Ahmad, M. 2845, 5310, 6505, 7720, 12755
Ahmad, R. T. 6210
Ahmad, S. 4060
Ahmad, Z. 618
Ahmadi, H. 7187
Ahmed, A. 4665
Ahmed, A. M. 10737
Ahmed, A. M. 10737
Ahmed, A. W. K. 2000

Ahmed, E. A. 1859 Ahmed, H. U. 2668 Ahmed, I. A. 2000 Ahmed, K. Z. 5330 Ahmed, M. F. 13330 Ahmed, M. I. 6770, 12923, 12942, 12944, 12947, 12950-12951, 12958, 12963, 12990, 12997-12998 Ahmed, N. 5950-5951, 12115, 12123 12123 Ahmed, N. U. 11190 Ahmed, S. 12791 Ahmed-Said, T. 6962 Ahn, B. J. 507, 4590 Ahn, I. O. 2104 Ahn, J. K. 3640 Ahn, Y. H. 7215 Ahn, Y. H. 7215 Ahn ByungJoon 507, 4590 Ahn JoungKuk 3640 Ahn YoungHee 7215 Ahne, R. 1194 Ahnert, D. 4018 Ahokas, H. 10316, 11676 Ahrendt, L. W. A. 6318 Ahroni, A. 1091, 2213, 7525 Ahuja, I. 12292 Ahuja, K. L. 6912, 8253 Ahuja, M. R. 8874 Ahuja, R. B. 6912, 8233 Ahuja, M. R. 8874 Ahuja, P. S. 1287, 6379 Ahuja, R. M. 6258 Aida, R. 8790, 9881, 10010, 10044 10044
Aiello, N. 1164
Aigle, M. 2288
Aii, J. 8110
Aiken, S. G. 5662, 6857, 10592
Ainouche, M. L. 2729
Ainsley, P. J. 12844
Ait-Ouada, M. 515
Aitken, E. A. 13312
Aitken, K. 13604
Aitken, S. N. 2186
Aitzetmüller, K. 3285
Aizawa, Y. 11544
Aizen, M. A. 7554, 10029, 12535 12535 Ajalov, V. 2107 Ajay Kohli 11785 Ajay Koul 3923 Ajay Parida 7592 Ajay Parida 7592 Ajin Mandaokar 7093 Ajisaka, H. 3817 Ajith Anand 7592, 8845 Ajithkumar, C. E. 446 Ajlouni, M. M. 1826, 10740 Ajmer Singh 11831 Ajmone-Marsan, P. 5482, 10370-10371 Akada, S. 3638, 8217 Akaffou, S. 6159, 9871 Akaffou, S. 6159, 9871 Akagawa, K. 4446 Akagi, H. 12993 Akalumhe, Y. O. 3063 Akao, S. 562 Akasaka, Y. 7329 Akashe, V. B. 8539 Akashi, K. 12607, 12628 Akashi, R. 9341, 9343, 12097 Akazawa, S. 7090 Akazawa, T. 2799 Akça, Y. 1917 Akcin, A. 4397 Akçin, A. 4397 Aked, J. 4907 Aked, J. 4907 Akella Mahalakshmi 1367 Akem, C. N. 3122 Akgün, İ. 10584, 10588 Akhilesh Singh 6935, 7097, 7101, 11734 Akhtar, B. 12749 Akhtar, L. H. 9923 Akhtar Ali 10695, 10703 Akhtar Haseeb 7593 Akhunov, F. D. 6605 Akhunov, E. D. 6605

Akihama, T. 3067, 3890, 3937, 4631, 4805, 12525 4631, 4803, 12323 Akinermi, J. A. 1600 Akinremi, J. A. 9217, 9219 Akiyama, M. 9034, 12734 Akiyama, Y. 2662, 4558 Akiyoshi, M. 11894 Akkapeddi, A. 13496 Akoroda, M. O. 702, 2271 Akpan, G. A. 8693 Akpınar, N. 1660 Aksenova, N. A. 10956 Aksenovich, T. I. 4005 Akula, A. 12367 Akutsu, K. 4790 Akutsu, K. 4/90 Al-Azaki, A. 10731 Al-Babili, S. 390 Al-Bakry, A. N. 9695 Al-Belushi, M. I. J. 6338 Al-Doss, A. A. 10614 Al-Ghafri, A. S. 6338 Al-Hajri, H. A. 6338 Al-Hakimi, A. 4417 Al-Hooti, S. 10975 Al-Jibouri, A. J. M. 6694 Al-Kaff, N. S. 7302 Al-Karaki, G. N. 205, 3758 Al-Khatib, K. 4663 Al-Khayri, J. M. 10796 Al-Kobaisi, N. M. 7868 Al-Lawati, A. H. 1710 Al-Mamun Chowdhury 4665 Al-Mamun Chowdhury 4665 Al-Raddad, A. 205 Al-Shamma, M. 3761 Al-Shehbaz, I. A. 4717, 13206 Al-Shinawi, T. 1188 Al-Zahim, M. 5880 Alabushev, A. V. 336 Alagarswamy, G. 6733, 8014 Alaimo, M. 61 10025 Alamo, M. G. 10025 Alam, M. 3324, 7593 Alam, M. F. 11855, 11857 Alam, M. M. 660 Alam, S. M. K. 341 Alam, S. S. 12532 Alam. S. 2914 Alarco, A. M. 1150, 11330 Alarco, A. M. 1150, 11330 Alarcón, A. 6060 Alarcón, S. R. 12432 Alba, E. 4573, 11962 Albà, M. M. 6459 Albany, N. 13332 Albar, L. 1605, 3660 Alberini, J. L. 9458 Albers, D. 8687 Albers, D. W. 6224 Albert, R. 10233 Albert, V. A. 5126, 6291 Albertini, E. 8171, 10605, 11874 Albertó, E. 10088 Albertsen, M. C. 10422-10424 Albertsen, M. C. 10422-1 Albin, A. 1896 Alborn, H. T. 8685 Alborran, M. 4378 Albouy, J. 11136, 13173 Albrecht, B. 11708 Albrecht, C. 13124 Albrechtsen, R. 1378 Albrechtsen, R. S. 1394 Albrechtsen, R. S. 1394 Albregts, E. E. 6021 Albuquerque, A. S. 10927 Albuquerque, U. P. de 12569 Albus, U. 10668 Alcaide, A. 3943, 6055 Alcala, J. 5868 Alcocer, M. J. C. 3927, 7543 Aldam, C. 6147 Aldemita, R. R. 389, 12939 Alderman, S. C. 548 Aldridge, W. G. 5453 Aldwinckle, H. 7120 Aldwinckle, H. S. 1897, 7126, 12160 12160 Aleem, M. M. A. 145 Alegbejo, M. D. 12129 Aleksandrova, M. 10848 Aleksashov, V. N. 10350 Aletà, N. 6065 Alexander, C. 9575 Alexandrou, G. 3983

Alexandrova, M. 10848 Alexandru, G. 5308 Alfaro, C. 2764 Alfaro, R. I. 13516 Alfenas, A. C. 8701 Alfenito, M. R. 11517 Alfonso, J. 6808, 11817 Alhadrami, G. A. 4588 Ali, A. 2458, 12422 Ali, A. 2458, 124. Ali, A. H. 10501 Ali, A. J. 12963 Ali, A. M. 11549 Ali, E. S. 10321 Ali, G. S. 7208 Ali, H. 12882 Ali, H. 12882 Ali, H. C. 6694, 9131, 9169 Ali, I. 2021, 10308 Ali, J. 12947, 12951 Ali, K. A. 8249, 11961 Ali, M. A. 3653 Ali, M. L. 2668 Ali, M. S. 8249, 10566 Ali, S. 1753-1754, 3280 Ali, S. S. 413, 1574 Ali, W. 172 Ali-Khan, S. T. 13155 Alia 8957 Alía, R. 2175, 6285 Aliaga Cárdena, R. 10111 Aliaga Cárdena, R. 10 Aliev, J. 2107 Alifano, P. 9025 Alikhan, W. M. 652 Alimoradi, I. 11096 Alinia, F. 471 Aliskevicius, E. 9607 Alix, K. 12346 Aliyev, R. T. 2139 Alkan, A. 4415 Alkhimova, F. G. 341 Alkan, A. 4415 Alkhimova, E. G. 3418 All, J. N. 888, 9463, 13365 Allah Rang 2388 Allan, R. E. 2412, 5351, 9066 Allard, G. 536, 2737, 11906 Allavena, A. 11247 Allavena, A. 11247
Allegra, D. 1507
Allegro, G. 7442
Allem, A. C. 1791
Allen, D. E. 830, 7163
Allen, E. R. 2122
Allen, G. A. 10217, 12517
Allen, G. J. 8374
Allen, K. K. 1010
Allen, R. D. 974, 2122, 2138, 6177, 6247, 13460
Allenton Nurseries Ltd 8731
Alleoni, M. R. B. 5497
Alleyne, S. 6121
Allidawati 1560
Alliprandini, L. F. 7923 Alliprandini, L. F. 7923 Allison, R. F. 4206 Allona, I. 13503 Allsopp, P. G. 6135-6136 Alluri, K. 12995 Allurwar, A. W. 8071 Almashadani, S. M. 9427 Almeida, A. A. F. de 8630, 8632 8632 Almeida, C. G. de 3138 Almeida, D. L. de 3741 Almeida, I. M. G. de 2672 Almeida, R. P. de 9809 Almeida Torres, R. A. de 6719 Almoguera, C. 3979, 7312 Almonor, G. O. 10649 Almouslem, A. B. 1395, 12724 Alok Kalra 7603 Alok Kumar 5331 Aloni, R. 13221 Alok Kumar 5331 Aloni, R. 13221 Alonso, A. 5190 Alonso, J. C. 10364 Alonso, J. J. M. 10869 Alonso-Blanco, C. 1295, 2525, 6487, 8931, 8948, 10184, 11446 Alpert, K. B. 12096 Alpi, A. 1877 Alston, F. A. 8396 Alston, F. H. 9642, 12154 Alston, R. E. 9346 Alstrom-Rapaport, C. 6271

Alt-Mörbe, J. 1279 Altaf, M. K. 6199, 7403-7404, 7413 Altaf Hussain 1826 Altamura, M. M. 4889 Altay, F. 5179, 8867, 11530 Altenbach, S. B. 12741 Altınkut, A. 636 Altinkut, A. 6951 Altman, A. 3219, 7427, 7443-7444, 7450, 7452, 7628 Altman, D. W. 6242 Altmann, T. 10166, 12635 Altosaar, I. 9862, 11854 Altschmied, L. 8358 Altschuler, M. 290 Altukhov, Yu. P. 991, 3342 Aluko, K. 4541 Alyarado, J. L. 13237 Altinkut, A. 6951 Aluko, K. 4541 Alvarado, J. L. 13237 Alvarez, A. M. 11264 Álvarez, C. 3958 Alvarez, E. 2525, 5675 Alvarez, J. B. 11522, 11607 Alvarez, J. I. 10843 Alvarez, J. M. 6038, 9699 Alvarez, M. 5909 Alvarez, M. T. 6773, 10673, 11990 Alvarez, P. J. C. 589 Álvarez Acosta, J. M. 3057 Alvarez-Buylla, E. 5069 Alvarez-Buylla, E. 5069 Alvarez-Buylla, E. R. 7467 Alvergna, P. 12700 Alves, E. J. 9689-9690, 10960 Alves, M. de A. 7240 Alves-Ferreira, A. 2769 Alvin, A. S. 12791 Alvim, F. C. 5729 Alvim, M. J. 1647 Alvizo, H. 6185 Aly, R. 4705, 6998 Alzate-Marin, A. L. 1705, 9479 Alzubi, H. 9990 Amaducci, S. 3824 Amaducci, S. 3824 Amagai, H. 13231 Åman, P. 243 Amani, K. 243 Amanip Kaur 6956 Amani, R. 12929 Amaral, A. 1428 Amaral Júnior, A. T. do 2954, Amarlal, M. K. 12968 Amarnath, S. 11114 Amaro, A. P. 10295 Amaro, T. 7802, 9039 Amasino, R. M. 65, 1270, 8910, 8947, 10227 Amateis, N. 1846 Amato, G. 5714 Amatruda, M. R. 687 Amaya, I. 958 Ambawatia, G. R. 2070 Ambrosano, G. M. B. 5745, 6916 6916 Ambrose, J. T. 7104 Ambuel, J. 2792 Amedeo, P. 1299 Amenduni, M. 13224 Amerson, H. V. 4092 Amezquita, M. C. 5627 Amézquita, M. O. de 6345 Aminuddin 2128 Amiot, M. J. 3006 Amir, R. 7389 Amirthadevarathinam, A. 6798, 6829, 7334-7335, 12419 Amitai-Zeigerson, H. 7073 Amitava Roy 3967 Amler, P. 6601, 9008 Amma, C. S. E. 2892, 2898 Ammann, K. 3356, 10133 Ammerer, G. 6881 Amor, M. B. 8393 Amoroso, C. B. 13579 Amoroso, V. B. 13579 Amory, A. M. 11118 Amos, T. T. 3773 Ampomah-Dwamena, C. 8360 Amr, A. E. 3203

Amrhein, N. 6517, 10192, 13214 Amselem, J. 10147 Amson, C. 13307 Amudha, K. 8678 Amudna, K. 8678 Amzallag, G. N. 10507 An, C. S. 7100 An, L. S. 2105 An, S. K. 9643 An ChungSun 7100 An GyeHeung 11782 An LinSheng 2105 An ShuKang 9643 An Shukang 9643 Anagnostakis, S. L. 866 Anai, T. 3425, 8336, 11950 Anand, A. 7592, 8845 Anand, G. 6797-6798, 6829 Anand, P. H. M. 4179 Anand, S. C. 2783 Anand Singh 5790 Anandam, R. J. 3847 Ananthakrishnan, G. 10078 Ancora, G. 3842 Ancos, B. de 1973 Andary, C. 7315 Andaya, C. B. 12988 Andaya, V. C. 12988 Anderseh, A. 12758 Anderseh, A. 12758 Andersen, J. J. 9416 Andersen, P. C. 13379 Andersen, R. T.157 Andersen, R. L. 7120 Andersen, R. L. 7120 Andersen, S. B. 7042, 9846, 10284 Ancora, G. 3842 10284 Andersen, S. E. 12044 Anderson, B. 13458 Anderson, C. H. 4464 Anderson, D. 6216, 6246 Anderson, D. L. 2073 Anderson, D. M. 6211, 8665 Anderson, E. J. 1741, 10796 Anderson, G. J. 1763 Anderson, J. A. 5699, 10252 Anderson, J. A. D. 1759 Anderson, J. B. 3340, 4198-4199, 7619 Anderson, J. M. 2476, 4032, 11117
Anderson, K. L. 13346
Anderson, L. M. 7157
Anderson, M. 13629
Anderson, M. B. 626
Anderson, M. B. 626
Anderson, M. D. 6165
Anderson, O. D. 183, 4391, 7830, 7835, 9043, 10293
Anderson, P. 4057
Anderson, P. C. 6070
Anderson, R. E. 1208
Anderson, R. L. 2617
Anderson, R. M. 9201
Anderson, S. J. 11895
Anderson, S. L. 2347
Anderson, T. R. 6917 11117 Anderson, S. L. 2347 Anderson, T. R. 6917 Anderson, W. F. 3987 Andersson, B. 2692, 3334, 4090, 6288, 8358, 8956 Andersson, C. R. 5247, 12637 Andersson, E. W. 13488 Andersson, S. 3267, 4609 Andhale, B. M. 2863-2864 Ando, A. 10537, 12576 Ando, I. 1612 Ando, S. 2733 Ando, S. 2733 Ando, T. 4210, 6349 Andrade, A. C. S. de 2944 Andrade, E. H. A. 13590 Andrade, F. H. 12738 Andrade, F. P. de 3123, 3190, 3197, 9915, 9918 Andrade, G. P. de 9809 Andrade, G. P. de 9809 Andrade, H. 4683, 4697 Andrade, H. G. 7471 Andrade, J. 1777-1778, 4697 Andrade, L. de H. C. 12569 Andrade, M. L., Jr. 1708 Andrade, M. T. de 5788 Andrade, P. J. M. 4640, 12816 Andrade, R. V. de 10483, 12884

Andrade, W. E. de B. 10527 Andrade Castro, O. F. de 8335 Andrade Castro, O. F. de 8335 Andrade Rodrigues, A. de 8599 Andrahennadi, C. P. 1725 Andrahennadi, R. 8530 Andrásfalvy, A. 7099, 12186 André, B. 8938 André, P. 1025 André, P. 1025
Andreasson, E. 4945
Andreev, R. 4743
Andrei, E. 11027, 11029-11031
Andrés, M. F. 10309
Andrés, M. V. 10891
Andreu, F. 1157
Andrews, D. J. 2626
Andrews, L. C. 3474
Andrews, P. C. 12689
Andrews, T. J. 8645
Andrews, T. J. 8645
Andreyuk, D. S. 955, 2109
Andrianifahanana, M. 2959
Andrianov, V. M. 2118
Andrivon, D. 8325, 13168
Androulakis, I. I. 4901
Andryushchenko, N. I. 5555, 12910
Andrzejewska, L. 12192 Andrzejewska, L. 12192 Ang, L. H. 11426 Ang, L. H. 11426 Ang LayHong 10148, 11426 Angel, A. M. B. 1277 Angel, F. 10977 Angeles, E. R. 13018-13019 Angelini, L. G. 906, 1214 Angelini, R. 10380 Angelis, B. de 13182 Angelis, L. de 11979 Angelova, S. 11869 Angenent, G. C. 7109 Angenent, G. 3373, 6927, 9474 Angevain, M. 516 Anglade, P. 11548 Angosto, T. 10815 Angrisano, A. 5799 Anguiz, R. J. 689 Angus, W. J. 3463, 4336 Anido, F. L. 13254-13255 Anikster, Y. 11589, 12587 Anil, M. 12953 Anil Khar 2242 Anil Kumar 4570, 8512, 11070 Angelis, B. de 13182 Anil Kumar 4570, 8512, 11070 Anil Sindu 2242 Anil Sirohi 5790 Anilkumar, T. B. 9287 Anim-Kwapong, E. 9864 Anioł, A. 2461 Anis, M. 6386, 11931 Anitha, S. K. 2666
Anjali Bhagwat 8559
Anjani, K. 7332
Anjum, F. M. 10294
Anma, S. 2086
Annabi, M. 13295
Annan, I. B. 1742-1743
Annen, F. 4518, 9187, 12905
Annerose, D. J. M. 8574
Annicchiarico, P. 546, 4316, 4401, 6555, 6634, 10607
Anoshenko, B. Y. 9084
Anpilogova, L. K. 7856
Ansan-Melayah, D. 2026, 13362
Ansanelli, C. 8362
Antaryami Singh 10777
Anthony, F. 3160, 4999-5000, 8629, 9857-9858, 9863, 9867, 12368, 13627 Anitha, S. K. 2666 12368, 13627 Anthony, P. 1103, 5117 Anthony, W. S. 6213, 6217 Antipina, A. I. 141 Antognozzi, E. 12323 Anton, A. M. 8135 Anton, A. M. 8135 Antonacci, D. 3037-3041, 9677 Antonelli, A. 8762 Antoniacci, L. 12081 Antonielli, M. 8648 Antonio, B. A. 363, 5582 Antonius, K. 4809 Antonov, I. 9833-9834 Antony, K. 5565 Antonyuk, M. Z. 12725 Antos, J. A. 10217 Antosiewicz, D. M. 86 Antunes, L. E. C. 3068

Anuntalabhochai, S. 10563 Anupunt, P. 7230 Anuradha, T. 8695 Anuratha, C. S. 3225, 8098 Anver, S. 660 Anyim, C. 7339 Anver, S. 660
Anyim, C. 7339
Anzidei, M. 11197, 13505
Anzizar, I. 13498
Ao, Y. 1597, 12992
Ao Yan 1597, 12992
Aoyagi, M. 12061, 12211
Aoyagi, S. 11667
Aoyama, M. 1084
Aoyama, T. 8961
Ap Rees, T. 12643
Apanavičiene, M. 3352
Aparna-Rau, M. V. 5119
Apel, K. 66, 85, 2338, 5261-5262, 6509, 8962-8963
Apolinarska, B. 268, 2534, 7919, 10345
Aponte, O. 6112
Apostol, J. 1919
Apostol, V. 7195
Apostolova, E. L. 10177
Apotheker, M. 13225
Appels, R. 2483, 2486, 3480, 3495
Applebaum, S. 7589
Applebaum, S. 7589 Applebaum, S. 7589 Appleby, J. M. 3167 Appleford, N. E. J. 9031 Aprem, H. 2368 Aptelli, II. 2308 Apte, U. B. 2856 Aquino, M. J. 6346 Aracri, B. 3743, 11512 Aradhya, M. K. 2976, 4939 Aragão, F. 6275 Aragón-Alcaide, L. 399, 1399, 2395, 6610, 9019 Arapides, R. 7899 Arahira, M. 4625, 11935 Arain, M. A. 5310, 12755 Arakawa, T. 3786 Araki, H. 7750 Araki, T. 5839 Arantes, E. M. 3190, 9914 Araújo, A. P. 3741 Araujo, F. P. de 2854 Araujo, G. A. de A. 9475 Araújo, J. A. 7434, 9943 Araújo, J. P. P. de 9754 Araújo, L. G. 2678 Araújo do Nascimento, C. W. Apte, U. B. 2856 Araújo do Nascimento, C. W. 8268 Araus, J. L. 7802, 9039 Araus, J. L. 7802, 9039
Aravanopoulos, F. A. 7468
Aravind Ramakrishnan 11692
Araya, A. 5010, 13157
Arazi, T. 11423
Arbab, M. E. 1544
Arbault, S. 2269
Arbeláez, G. 13566
Arbeláez, Torres, G. 6345
Arbez, M. 5192
Arbizu, C. 8876
Arbones, F. 4579-4580 Arbones, E. 4579-4580 Arboriculture Fruitière 12151, Arbuzova, V. S. 9036, 11569 Archambault, D. J. 3491, 7847 Archana Mukherjee 2906 Archana Sachdev 3593 Archana Singh 645 Archana Thorat 8017 Archer, R. H. 9960 Archer, T. L. 7980 Archetti, R. 6584 Archetti, R. 6584
Archna Suman 6953
Arcia M., A. 2326
Arcioni, S. 519, 1649, 2734, 3339, 5671, 6695, 13045
Arctander, P. 39
Arcuti, P. 4823, 7048, 12208
Ardiles, W. 7711
Ardiles-Díaz, W. 11472
Arduini, M. G. 6642
Areces-Mallea, A. E. 4168
Aref'eva, L. P. 2702
Arefi, H. A. 12929
Arellano, C. 9443, 11729
Arelli, A. P. R. 597, 10663

Arelli, P. R. 10661-10662, 13097 13097 Arencibia, A. 6761 Arencibia, A. D. 11063 Arendt, C. S. 10163 Arene, O. 1967 Arene, O. B. 1978 Arens, P. 4072, 4863, 12084 Arens-de Reuver, M. 6156 Arens-de Reuver, M. 6156 Ares, X. 6184 Arft, A. M. 7566 Argentina, Universidad Nacional del Sur 12586 Argillier, O. 2589, 5507, 6714, 9170, 11722 Argüello, J. A. 3791 Argüello-Astorga, G. 11499 Arias, E. 1995, 6060, 7234, 9724, 9726 9724, 9726 Arias, G. 6666 Arican, E. 6985 Arija-Mad-Arif, S. 12429 Arima, S. 11950 Arimura, S. I. 10534 Arioli, T. 4265, 8937, 11911 Arisi, A. C. M. 5062, 12453 Arista, M. 5082 Arisumi, K. 1062, 9999 Aritua, V. 13181 Ariyanayagam, R. P. 8296 Ariyanayagam, R. P. 8296 Ariyaratne, I. 12128 Arjmand, M. N. 11096 Arjunan, A. 6102 Arkel, G. van 4795, 12154 Arkhipov, A. 13188 Arlandini, E. 238 Arlandini, E. 238
Arlat, M. 10213
Arlaud, G. 6479
Armas, G. de 5909
Armas, R. 6808, 11817
Armbruster, W. S. 11491
Armengol, J. 5960
Armstead, I. 10596
Armstrong, G. A. 85, 390, 6509
Armstrong, J. 4206
Armstrong, K. C. 2408
Armstrong, S. 4661, 6487
Arnab Sen 5331
Arnason, J. T. 1534, 7977-7979, Arnason, J. T. 1534, 7977-7979, Arnason, J. T. 1534, 7977-7979, 7985
Arnason, T. J. 2614
Arnaud, E. 3354
Arnaud, P. 3962
Arndt, H. 1527
Arnedo, T. 10843
Arnold, D. L. 9582
Arnold, G. M. 4071
Arnold, J. 11475
Arnold, M. A. 2164
Arnold, M. L. 3296, 3299, 7551
Arnold, N. P. 8752, 8761
Arnold, N. P. 8752, 8761
Arnold, S. von 7478, 12475
Arnold, M. A. 7280
Arnolin, R. 2910
Arnone, S. 7010, 12042
Arntzen, C. J. 5213, 9522, 12022
Aro, E. M. 4657
Arokiaraj, P. 9931
Aron, Y. 1991
Arora, P. 11713
Arora, P. K. 1950
Arora, R. K. 3923
Arora, R. N. 1755, 2245
Arora, S. K. 7119
Arpaia, S. 8384
Arrebola, M. L. 1171
Arredondo-Peter, R. 8295
Arredouani, A. 7129 7985 Arrebola, M. L. 1171
Arredondo-Peter, R. 8295
Arredouani, A. 7129
Arriel, N. H. C. 3123
Arrieta-Montiel, M. 11971
Arrillaga, I. 13219
Arriola, P. E. 2605, 6452
Arroyo, A. 11400
Arroyo, Garcia, R. 3823 Arroyo, G. 11400 Arroyo-Garcia, R. 3823 Arru, L. 12793 Arruda, P. 4571, 7721, 11428 Arsana, D. A. 13392 Arsenijević-Maksimović, I. 2857

Arslan, O. 3114 Arteca, R. N. 3787 Arthur, A. E. 6111 Arti, P. 11818, 12947, 12957 Artlip, T. 3897 Artsaenko, O. 2100, 11110, 13158 Artsaenko, O. 2100, 11110, 13158
Artus, N. N. 89
Arulnandhy, V. 8546
Arulsekar, S. 10984
Arumugam, S. 9094
Arumugamathan, K. 2409, 4358, 9320, 10643, 12540
Arús, P. 7254, 9654
Arya, K. P. S. 9257-9258
Arya, S. 5776, 6742 Aryan, A. P. 12844 Arzate-Fernández, A. M. 1118, 8818 8818 Arziev, A. S. 10375 Asaad, F. A. 10328 Asad, S. 3691 Asada, K. 13425 Asafo-Adjei, B. 13146 Asakura, N. 11639 Asanuma, K. 9041, 9253 Asao, T. 1931, 4789 Asay, K. H. 1635, 6868 Ascheraden, R. F. von 335 Aseeva, E. A. 9533 Asha, K. I. 5567 Ashburner, G. R. 899 Ashburner, G. R. 899 Ashby, M. K. 944 Asheque Ahmed 4665 Ashfield, T. 10653 Ashikari, M. 6789 Ashikari, T. 7728 Ashima 12983 Ashima 12983
Ashley, D. A. 6910, 9419, 9443
Ashley, M. V. 6266
Ashmore, S. E. 5282, 12596
Ashok Kumar 3744
Ashok Varma 4995
Ashraf, M. 202
Ashraf, M. Y. 11628
Ashri, A. 3829
Ashton, A. R. 3281
Ashvani Panwar 9257-9258
Asian Vegetable Research and Asian Vegetable Research and Development Center 7623 Asíns, M. J. 750, 852, 4917 Asir, R. 9094 Asir, R. 9094
Askarova, N. A. 2473
Askerlund, P. 5882
Askew, G. R. 1233
Askri, F. 13290
Aslam, M. 4051
Asma, B. M. 1917
Asmar, F. 2503, 7882
Asmus, G. L. 4640, 12816
Asmussen, C. B. 9349
Asmussen, M. A. 1030, 7748, 10157, 10170, 11479
Asran, M. R. 10501
Assabgui, R. 7979
Asselin, A. 10717 Asselin, A. 10717 Assis, M. C. 12551 Asselin, A. 10717
Assis, M. C. 12551
Astanto, K. 8573
Astarini, I. 8741
Asthana, A. N. 645, 8287
Asthana, N. 9193-9194
Asthana, O. P, 9193-9194
Asthana, O. P, 9193-9194
Astika, I. G. N. 13018
Astiz Gassó, M. M. 10491
Astley, D. 2019, 3814, 5854
Asyka, Yu. A. 2558
Atabekov, J. G. 695, 12040
Ataga, A. E. 13200
Ataku, K. 12843
Atale, S. B. 2426
Atanasov, P. 5425
Atanasova, B. 11251
Atanassov, A. 4457, 7396, 9333
Atanassova, A. I. 9903
Atanassova, R. 9136
Atanassova, R. 9136
Atanassova, R. 1260
Atehortua, L. 6324
Athalye, V. V. 9351
Athanasiou, A. 907

Atherly, A. 9376 Atherton, K. M. 12792 Athow, K. L. 6903 Athwal, G. S. 11729 Atibalentja, N. 2267, 5166 Atkins, C. A. 555, 5721, 6964 Atkinson, A. H. 4027 Atkinson, B. G. 5534 Atkinson, C. J. 8413 Atkinson, H. 5636, 6844 Atkinson, H. J. 1265, 6520 Atkinson, J. 7979 Atkinson, R. G. 2989, 5207, 9880, 12242, 13277, 13573 Atlagić, J. 7311, 8533, 9801 Atlan, A. 5153, 13599 Atli, A. 4318, 4439 Atlin, G. 5325, 5428 Atlin, G. N. 9009 Attathom, S. 6427 Attene, G. 12793 Attia, T. 12739 Attiya, H. 12882 Attree, S. M. 7290, 9980, 12280 Atuahene-Amankwa, G. 5750 Atwal, S. S. 3108-3109 Atzmon, N. 5688 Auberson, L. 11393 Aubert, D. 6479 Aubert, G. 13307 Aubert, S. 3006 Auboiron, E. 13307 Aubry, C. 11969 Audeon, C. 4024 Audergon, J. M. 3001 Audran, J. C. 10037, 12451 Audy, P. 5389 Auer, A. 841 Augustin, E. 10798 Augustine, A. C. 11331 Augustyniak, J. 5199 Auh, C. K. 1498 Auh ChungKyoon 1498 Aujla, K. K. 7306 Aular, K. K. 7500 Aukerman, M. J. 65, 10227 Aulakh, K. S. 5628 Aul'chenko, Yu. S. 4005 Auld, D. L. 3098, 5758, 9758, 9760, 13465, 13470 Aung, T. 3491 Austin, D. F. 8765 Austin, M. T. 564 Austin, S. 9534 Australia, Agriculture Western Australia 146-148, 8206-8207, 9088-9090, 9338-9340, 9344, 9483-9484, 10262-10264, 11539-11540, 11914, 12812-12813 Australia, Co-operative Research Centre for Legumes in Medi-terranean Agriculture 8230 Australia, CSIRO Division of Plant Industry 3682, 4291, 8667-8671, 9312-9313, 11537 Australia, CSIRO Tropical Agriculture 3778, 8170 Australia, New South Wales Department of Agriculture 8155-8156, 8497, 8499 Australia, Northern Territory, Department of Primary Industries and Fisheries 9714 Australia, Queensland Department of Primary Industries 6897, 7772-7775, 7777, 7779-7780, 8157-8159 Australia, South Australia Department of Primary Indus-tries 2747, 7776, 8285 Australia, South Australian Research and Development Institute 6878-6879 Australia, Strategic Industry Research Foundation 2491 Australia, University of Adelaide 9086 Australia, University of Sydney Plant Breeding Institute 8766-8768, 13552

Australia, University of Western Australia 2762-2763 Australian Tropical Produce Pty Ltd 9714 Ausubel, F. M. 1327, 6519, 8941, 10214 Autio, K. 243 Autrey, L. J. C. 11056 Autrique, E. 4431 Autrique, J. E. 3507, 5415 Avalkina, N. 4494 Avanzi, S. 13107 Avci, M. 4318 Avcioğlu, R. 518 Avdiushko, S. 3715 Avelange-Macherel, M. H. 8930 Avellaneda F., I. C. 6019 Averill, R. H. 9163 Averill, R. H. 9163 Aver'yanov, A. A. 10572 Avila, A. de L. 3791 Avila, F. J. 1010 Ávila, Z. R. de 8270 Avilán, L. 13315 Aviv, D. 4705, 6998 Avni, A. 13221 Avramova, Z. 3433, 7759 Avili, A. 13221 Avramova, Z. 3433, 7759 Awaad, H. A. 7838 Awadalla, P. 12276 Awan, M. F. M. 1776 Awan, S. J. 1317 Awashi, L. P. 8064 Awasthi, L. P. 6826 Awasthi, R. P. 357, 3969 Ayala, F. 202 Ayala, P. P. de 3527 Ayanoğlu, H. 12177 Ayanoğlu, H. 12177 Ayaydin, F. 11899 Ayaz, M. 10989 Ayaz, S. 172 Aycock, M. K., Jr. 12403 Aydin, A. 12313-12314 Aydin, M. 4415 Ayele, M. 505 Ayensu, F. K. 3365 Ayiecho, P. O. 11750 Ayliffe, M. 4057 Aymard C., G. 13152 Aymes, S. 5022 Ayodele, M. 1982 Ayodele, M. 1982 Ayres, J. F. 4602, 5696 Ayres, K. L. 10218 Ayres, N. M. 12709 Aytaç, Z. 11923 Ayub, R. 3855 Ayyamperumal, A. 8078, 9271 Azar, C. 3547 Azarenko, A. 7157 Azarenko, A. N. 13342 Azbaid, L. 10230 Azevedo, D. M. P. de 6107, 12333 12333 Azghandi, A. 13345 Azhakanandam, K. 3632 Azhar, F. M. 9921 Azhar, S. S. 12532 Azizahwati 8387 Azmi, A. 998, 5054 Azpiroz, R. 6506 Azwar, R. 11165 Azzam, O. 13018-13019 B. L. Cobia Inc. 10041-10043 Ba, A. T. 9955 Baba, K. 3333, 6264 Baba, T. 3633 Baba, T. 3633 Babai, T. 11996 Babbar, A. 6676, 6679 Babbar, S. B. 5283 Babber, S. 3764 Babenko, V. N. 1652 Babic, V. 4943 Babich, V. G. 12358 Babich, F. F. F. 3051 Babiker, E. F. E. 3951 Babin, J. 799 Babin, J. 799
Babinec, F. J. 13202
Babinec, J. 8191, 8194, 8196
Babini, A. R. 5985
Babiychuk, E. 2335
Babnik, D. 6717
Babrikov, D. 4874, 6027
Babu, C. 9828, 12352
Babu, C. S. J. 1749

Babu, K. N. 5145-5146, 8847-8848, 10096 Babu, P. P. P. 6739, 10522 Babu, R. C. 1602, 8302 Babu, S. C. 2911 Babushkina, L. G. 9973 Bacchetta, L. 12042 Bacci, L. 10291 Bačelis, K. 3207, 11155 Bach, I. C. 5826 Bach, T. J. 4225 Bacheler, J. S. 6232 Bachelier, C. 4838 Bachelier, J. C. 1918, 5024, 8651 Bachmair, A. 5224, 11181, 12411, 12629
Bachman, M. S. 594, 3728, 4635, 9369 Bachmann, K. 4725, 5194, 9565 Bachvarova, R. 7396 Bachvarova, R. B. 9903 Bacivarova, K. B. 9903 Bacic, A. 1342, 7384, 8370, 9588, 11116 Bacilieri, R. 7437, 11180 Back, K. 5013 Backert, S. 2325 Backes, G. 4314 Backhaus, R. A. 9615 Backhausen, J. E. 4653 Backiyarani, S. 5608, 6109, 7334-7335 Badaeva, E. D. 2484-2485, 7794, 9042 Badami, P. S. 638 Badaoui, S. 7317 Badebo, A. 12767 Baden, C. 2950, 5673 Badenes, M. L. 8429, 10892, 10910 Badenhauser, I. 9466 Badenhorst, P. C. 9122 Badenhorst, P. W. 11118 Badger, M. 3282 Badger, M. R. 4032, 11117, 11119, 13560 Badhe, P. L. 1540, 11622 Badiu, A. 9832 Badiu, A. F. 9832 Badiyala, D. 7591 Badu-Apraku, B. 11744 Baek, I. Y. 9361-9362, 9482 Baek InYoul 9361-9362, 9482 Baena-Gonzalez, E. 2331 Baenziger, P. S. 1386, 2409, 4358, 4385, 4394, 9074, 4358, 4385, 4394, 9 10326, 12718 Baert, J. 8133 Baert, J. R. A. 731 Baeta, J. 10295 Báez, E. 8596 Baffray, M. 10075 Båga, M. 7831 Bagga, P. S. 11651 Bagga, S. 2590, 9326 Baggett, J. R. 5905 Baghaei, N. 11899 Bagheri-Chaichian H Baghel, M. S. 11809 Bagheri-Chaichian, H. 12676 Bagnara, G. L. 813 Bagni, N. 4889, 13441 Baguley, B. C. 7382 Bagyaraj, D. J. 4993 Bahal, V. K. 10729 Bahia, V. K. 10729 Bahia Filho, A. F. C. 1521 Bahia Filho, A. F. de C. 319 Bahieldin, A. 7952 Bahk, J. D. 5577 Bahk JeongDong 5577 Bahl, J. R. 7593 Bahl, P. N. 7646 Bahraei, S. 11592 Bahrenberg, G. 3532 Bahrman, N. 2170, 3236, 13509 Bai, D. 11648 Bai, D. G. 3564 Bai, D. P. 11717 Bai, F. 3451 Bai, H. H. 10072 Bai, H. X. 2802

Bai, S. J. 343 Bai, S. N. 6780 Bai, Y. 2828 Bai, Y. Y. 7706 Bai, Z. L. 4522 Bai Feng 3451 Bai HuiXia 2802 Bai LiXin 982 Bai ShuJuan 343 Bai ShuNong 6780 Bai YongYan 7706 Bai ZhiLiang 4522 Baía, G. S. 1705, 9479 Baidu-Forson, J. 3982 Baig, M. J. 8063, 11806 Bailey, B. 3585 Bailey, C. D. 1670 Bailey, D. 3873 Bailey, D. A. 3264 Bailey, J. R. 3985 Bailey, K. J. 2684 Bailey, K. L. 5406 5406 Bailey, L. D. 9065 Bailey, M. 12863 Bailey, R. A. 8604 Bailey, R. H. 2709 Bailey, R. L. 9957 Bailey-Serres, J. 9163, 12891 Bain, H. 684 Bains, N. S. 2306, 6437, 8994 Bains, P. S. 1774 Baird, E. 232, 4467 Baird, J. H. 10595 Baird, K. 2831 Baird, N. 2631 Baird, S. J. E. 12300 Baird, V. 1555 Baird, W. V. 345, 5669, 10917, 10919, 12197 Baisakh, B. 6973, 11142 Baizabal-Aguirre, V. M. 2349 Bajaj, K. L. 5765, 5787 Bajaj, R. K. 7306 Bajaj, Y. P. S. 13625 Bajjalieh, N. L. 312 Bajpai, S. 3324 Bajroviç, K. 636, 6951, 6985 Bajwa, B. S. 5717 Bajwa, H. S. 4 Bajwa, M. S. 142 Bak, S. 4517 Bakaldina, N. B. 3432 Baker, C. A. 11658 Baker, H. G. 11494 Baker, J. 8118 Baker, R. J. 5358, 13465 Baker, R. P. 6160 Baker, S. C. 62 Baker, S. J. 12802 Bakhetia, D. R. C. 6437 Bakhtiyarova, R. M. 3240 Bakhri, Ö. 11868 Bakker, F. T. 12507 Bakker, J. 1781, 1783, 6981, Bakker, J. 1781, 1783, 6981, 8638, 9538 Bakry, F. 3064, 13307 Bakshi Ram 3999, 6117, 13397 Bakulina, V. A. 2872, 6549 Balachandran, S. M. 11818 Balagué, C. 1854, 3857 Balagura, O. V. 11079 Balakrishna, P. 8845 Balakrishnan, R. 5145-5146 Bălan, V. 10909 Bălana, I. 4970 Balardin, R. S. 3746 Balashova, I. A. 837 Balashova, N. N. 2885, 2938 Balasubramanian, K. A. 2037 Balasubramanian, K. A. 2244 Balasubramanian, P. 10127 Balasundaram, N. 4000, 6134 Balasundaram, N. 4000, 6134
Balázs, E. 4206
Balbyshev, N. F. 7009
Balcells, L. 4252
Balčiūnienė, L. 5447
Balconi, C. 1514, 5524, 10401, 10474 Baldan, B. 3798 Baldanzi, M. 4985, 13383 Baldi, M. 6925

Baldi, P. 5388, 5473, 6656, 12789 Balding, D. J. 10218 Baldini, M. 4973, 11037, 12305-12306, 12311 Baldwin, B. C. 11491 Baldwin, B. C. 11491 Baldwin, D. 10488 Baldwin, F. L. 3664, 6849 Balemi, T. 2815 Balesdent, M. H. 2026, 13362 Balestrazzi, A. 700, 7442 Balestrini, R. 13493 Balforrier, F. 4579-4580, 8139, Balfourier, F. 4579-4580, 8 11878 Baligar, V. C. 314, 319 Balint-Kurti, P. J. 3841 Baliu, E. 11301 Balk, P. A. 11308 Balko, C. 247 Balkov, D. I. 6146, 7352 Balkov, I. V. 6146 Balkov, I. Ya. 7352-7353, 12362 Balkov, I. Ya. 7352-7353, 12362

Balkov, V. I. 7352

Ball, T. M. 10070

Ball Flora Plant 7519

Ballard, R. E. 10917, 10919

Ballard, C. L. 75, 3534

Ballas, N. 4248

Ballenger, J. A. 6250

Ballester, A. 4938, 6315, 8742

Ballester, J. 7254, 9744, 12175

Ballington, J. R. 7176

Ballvé, R. M. L. 10970

Ballve, R. M. L. 6051

Balmas, V. 4041

Balog, J. 6881

Balogh, E. 9566

Balogh, P. 7103

Balota, M. 4414

Baltensperger, D. D. 1386, Baltensperger, D. D. 1386, 2617, 3098, 12718 Baltrusch, M. 1291 Balyan, H. S. 5331, 6563, 9013, Balzer, H. J. 159, 4768 Bambalov, K. 4879 Bambalov, V. 4879 Bamberg, J. B. 9526, 13164 Ban, D. 2820 Ban, T. 501 Banaev, E. V. 2168 Banaszak, Z. 11605, 11688, 12845, 12851 12845, 12851 Bănăţeanu, C. 9117 Banba, K. 10657 Bancroft, I. 3388, 6474 Bandaranayake, H. 10443 Bandinelli, R. 7200 Bando, E. 6168 Bando, T. 8244 Bandyopadhyay, A. K. 5611 Bandyopadhyay, B. B. 9205, 11768, 12922 Banerjee, B. 9220 Banerjee, H. 11775 Banerjee, M. K. 5929, 13223, 13227 Banerjee, S. 13588 Banerjee, S. P. 11039, 12316 Banerji, R. 6382 Banerji, R. 6382
Banful, B. 1968
Bang, S. W. 2015, 2917, 7273
Bang SangWoo 2015
Banga, S. K. 12285
Banga, S. S. 9, 2388, 12285
Bangar, V. D. 13380
Bangarwa, K. S. 2456
Bangerth, F. 9734
Baniyal, B. K. 8113, 12776
Baniyal, D. K. 1434
Bank, F. H. van der 13519
Bank, M. van der 1159, 13585
Bank, M. van der 1159, 13519, 13585 13585 Bankeh Saz, A. 12886 Banks, D. J. 9812 Banks, J. A. 11322 Banks, K. 7022 Banks, P. M. 1400

Bannerot, H. 6936

Bannister, A. J. 9149 Banno, H. 13417 Banno, K. 12159 Bannon, E. 9071 Bañón, S. 781 Bañón, S. 781
Banowetz, G. M. 2714
Bansal, G. L. 13029
Bansal, R. L. 6641
Bansal, V. K. 9796
Bansal, Y. K. 9469
Bantignies, B. 4228
Bantin, S. 10416
Bañuelos, G. S. 3212
Bañuelos, G. S. 3212
Banzet, N. 7068
Bänziger, M. 317-318, 5532-5533
Bao, G. L. 1591 Bao, G. L. 1591 Bao, H. X. 3990 Bao, J. S. 8914 Bao, L. 4361 Bao, M. Z. 4300, 6003, 10888, 10894, 11215-11216, 11234
Bao, S. L. 7804
Bao, X. M. 1301
Bao, Z. Y. 12262 Bao GenLiang 1591 Bao HongXia 3990 Bao JinSong 8914 Bao ManZhu 4300, 6003, 10888, 10894, 11215-11216, 11234 Bao ShiLai 7804 Bao XiaoMing 1301 Bao XiaoMing 1301
Bao Zhen Yang 12262
Baob, W. 5620
Bapat, V. A. 2921, 10963
Baptista, G. C. de 745
Bar-Hen, A. 9167
Bar-Zvi, D. 7073, 7344
Bara, R. F. 1629, 2705, 2708
Baradat, P. 9869
Baradat, S. 9138 Barakat, S. 9138 Barakate, A. 10436 Baral, B. H. 617 Baran, J. 11661
Baranczewski, P. 6920-6921
Barandiaran, X. 10776
Baranek, M. 9374
Baranger, A. 872, 4946, 12272
Barański, R. 5833, 7015, 7631
Baraoidan, M. R. 6832
Barashkova, E. A. 9057
Baravelli, M. 6581, 6598
Barba, D. 5648
Barba, M. 3008, 6068
Barba, R. C. 13189
Barbacar, N. 2210, 4138
Barbacari, N. I. 2952
Barbadilla, A. 110
Barbados, West Indies Central
Sugar Cane Breeding Station Baran, İ. 11661 Sugar Cane Breeding Station 10093 Barbanti, D. 12220 Barber, L. 8279 Barber, L. M. 3755 Barber, S. 6428 Barbiani, G. 6580 Barbieri, M. 800, 809, 12144 Barbieri, R. L. 5408, 6619 Barbosa, L. V. 4933 Barbosa, M. H. P. 5800, 6991, 8307 8307
Barbosa, V. 3840
Barbosa Cánovas, G. V. 3874
Barbosa e Silva, K. M. 2582
Barbosa Neto, J. F. 4303, 5356, 5361, 5462, 5471
Barbour, L. 7431
Barbour, L. 7431
Barbrook, A. C. 4240
Barbu, C. 1138
Barbuzzi, G. 10789, 10791
Barcaccia, G. 487, 2736, 4578, 4599, 6884, 8171, 8174-8175, 8177-8178, 8180, 10605, 11874 11874 Barcellos, A. L. 3505 Barceló, P. 6626 Barcelo, P. 4302 Barcikowska, B. 9773, 11016

Barciszewska, M. 5123

Barciszewski, J. 554, 11915 Barclay, I. 3480 Barclay, I. R. 4393 Barden, J. A. 10872-10873 Barden, L. S. 3115 Barfield, M. 8664, 13458 Barg, R. 3828, 7060-7061 Bargeron, J. D. 6213 Bargioni, G. 6010, 8397, 10899, 12180
Bari, R. P. 463, 6746, 12714
Bariana, H. S. 10270
Baričevič, D. 1196, 2247, 3314
Bariffi, J. H. 12738
Barik, K. C. 13607
Baril, C. 8968
Baril, C. P. 8698
Bariring, A. L. 13189
Bark, O. 4723
Bark, O. H. 5879
Barkan, A. 1486
Barker, A. D. P. 12602
Barker, D. G. 5683, 10613
Barker, H. 4699, 9901 12180 Barker, H. 4699, 9901 Barker, J. H. A. 5064, 6270 Barker, M. J. 8706 Barker, R. E. 490-491, 2714, 2719, 3680
Barker, S. J. 11507 Barlaan, E. A. 11834 Barlow, E. W. R. 3495 Barloy, D. 9029 Barloy, D. 9029
Barman, T. S. 4007
Barnabás, B. 1248, 5390
Barneby, R. C. 5068
Barneix, A. J. 9026, 9050
Barnes, D. K. 529, 2611, 9328
Barnes, J. M. 8603
Barnes, R. D. 1042, 2163, 2166
Barnett, R. D. 1390, 4986
Barnon, A. 1510 Baron, A. 1510 Barone, A. 4687, 5798 Baroni, G. 12212 Barr, A. R. 4472, 9115 Barrade, R. 11284 Barratt, D. H. P. 12705 Barratt, D. H. P. 12705
Barrault, G. 4460
Barraza, C. 3807
Barre, A. 3925, 4905
Barre, P. 897, 6158-6159, 9871
Barreau, G. 1334
Barrell, P. J. 4078
Barrena, I. 12036
Barrera, A. J. 13566
Barrera, A. J. 13566
Barret, P. 3080, 3100, 4946, 6087, 9790, 11022, 12272, 12278 12278 Barreto, D. 8258 Barreto, M. 7076 Barretto, M. 7076 Barrett, C. 8703 Barrett, J. A. 11323 Barrett, L. 7989 Barrett, S. C. H. 118, 11494 Barrière, Y. 2587, 2589, 5502, 5507, 6714, 7934, 9170, 11722 Barrieu, F. 8345, 12877-12878 Barritt, B. H. 7627 Barro, F. 4302, 6626 Barros, B. de C. 13089 Barros, E. G. 5755, 9479 Barros, E. G. de 1705, 2784, Barros e Silva, A. E. 6049 Barroso, G. 7618 Barry, B. D. 7969, 7993-7994, 8000 8000 Barry, C. 9606 Bársony, C. 2960 Barsukova, V. S. 210 Bartel, B. 2348 Bartels, C. 1073 Bartels, D. 1098, 2206, 3270, 5220, 7575, 8162, 8826, 13581 Barthakur, N. N. 8761 Barthels, N. 3411 Bartkowiak-Broda, I. 9766, 9769 Bartling, D. 4262

Bartoletti, L. 12212, 12223 Bartolini, G. 1960 Bartoloni, N. 6538 Bartolozzi, F. 10984, 12321 Barton, F. E., II 445, 9275 Barton, N. H. 128, 4289, 7739, 12683 Bartoš, P. 215, 1429, 5414, 6645, 7857, 7863, 10300 Bartos, S. L. 2665 Bartošová, L. 8198 Bartošová, L. 8198
Bartoszewicz, K. 3540
Bartual, R. 4835
Barua, I. 5128
Barua, K. 5128
Barua, P. K. 13594
Baruah, A. 6377
Baruah, D. K. 10566
Baruah, R. K. S. M. 5635, 8034-8035
Barut A. A. 11661 8034-8035 Barut, A. A. 11661 Baruzzi, G. 1933, 3026, 3029, 3031, 4818, 10944, 12212, 12222 Barysas, D. 5447 Barzilay, A. 7517 Basalic, R. 5308 Basantai, A. K. 1434, 3500, 4428, 7418, 11734
Basandrai, D. 7418
Basandrai, D. 7418
Basant Singh 12896
Basavaraja, P. 421, 2656
Basavarajaih, D. 12113
Bascomb, N. F. 13405 BASE: Biotechnologie, Agronomie, Société et Environnement 10102 Baset, A. 12987 Basford, K. E. 2055, 2453, 6635 Bashir, A. 3555 Bashir, M. I. 10501 Basile, M. 9001 Basilio, A. 7554 Basilio, A. 7554
Basiulis, A. 3352
Baskaran, K. 1210, 3330
Baskauf, C. J. 10627
Baskin, C. C. 12530
Baskin, J. M. 12530
Basova, I. A. 10407
Basra, A. S. 2306
Bass, D. 4577
Bassett, D. 6214 Bassett, D. 6214
Bassett, M. J. 2822, 3739, 10675, 10679, 13111
Bassetti, P. 185, 7959
Bassi, D. 3003, 12171, 12189, 12195 12195
Bassi, G. 7119
Bassi, R. 1519, 4504, 8397
Bassil, N. 13342
Basso, E. V. 6592
Bassüner, R. 7640
Bassüner, R. 8641
Bastawisy, M. B. 8249
Bastawisy, M. H. 8250
Basten, C. J. 1030
Bastiaans, L. 9291
Bastiaanssen, H. J. M. 10739, 12029 12029 Bastianel, M. 10969 Bastida, J. 1172 Bastidas, y. R. 5966 Bastide, P. Y. de la 7619 Bastien, J. C. 2186 Bastola, D. R. 5691, 12044 Bastos, J. K. 4148 Bastos Andrade, W. E. de 6748 Basu, A. K. 9818
Basu, M. S. 8563, 11050
Basu, P. 6380
Basu, S. 4563, 4960, 8095
Basu, U. 3491
Basuda, N. 4108 Basu, U. 3491
Basualdo, N. 4108
Baswana, K. S. 3846
Bataglia, O. C. 11169
Bataillon, T. 119
Bataillon, T. M. 5188, 5278
Batard, Y. 8339, 13185
Bate, N. 10810
Pataman, K. S. 3747 Bateman, K. S. 3747 Batey, I. L. 188, 3480

Bati, C. B. 8544 Batini, P. 8648 Batista, E. 9209 Batista, F. A. S. 6107, 12333 Batista, L. A. R. 2849, 5674, Batista Teixeira, J. 7250 Batlle, I. 2005, 6072, 7248, 7254, 9743-9744, 9747 Batoko, H. 3655 Batra, V. I. P. 6661 Batta, R. K. 2297
Battan, K. R. 5433
Battey, N. 10018 Battistutta, F. 4878 Battistutta, F. 487
Battle, I. 1244
Battle, P. J. 9957
Batts, G. R. 7803
Baturo, S. A. 275
Bätz, G. 2432
Bau, H. J. 13329 Bau HueyJiunn 13329 Bauchan, G. B. 5682 Bauchan, G. R. 2735, 4810, 6883 Baucher, M. 6455, 7447 Baudino, M. 12212 Baudoin, J. P. 605, 1702, 6206, 6924, 9352, 9473, 11965, 11975, 12413 Baudouin, L. 9807, 12317 Bauer, C. E. 6447 Bauer, E. 4468 Bauer, F. 3916 Bauer, P. 2740, 6880 Bauer, P. J. 8680 Baulcombe, D. 7395 Baulcombe, D. C. 964, 2127, 3743, 4042, 10750, 12406 Baum, B. 6654 Baum, B. 6054
Baum, B. R. 2614, 5298, 10602
Baum, D. A. 11502
Baum, M. 632, 8876, 11991
Baumann, U. 12604
Baumer, J. S. 5735
Baumes, R. 3918 Baumes, R. 3918
Baumgartner, S. 7341
Bäumlein, H. 159, 4768, 6500, 6902, 7622, 10196, 10199, 10665, 12091
Baur, R. 1796, 7044
Baurens, F. C. 1970, 3926, 6041, 12248, 13307
Bautista, R. C. 1580
Bauw, G. 3641, 4740, 12699
Bauwens, S. 8176
Bauage, A. D. 1099, 8218 Bavage, A. D. 1099, 8218 Bavaresco, L. 1943 Bavaresco, L. 1943 Bavcon, J. 9978 Baviskar, M. B. 8232 Bavrina, T. V. 11127 Bawa, K. S. 8712, 11184 Baxendale, F. 8165 Bayaa, B. 4666 Bayan, H. C. 4009 Bayer, K. 10775
Bayer, R. J. 2729
Bayliss, K. L. 9944
Baynton, C. E. 2833
Bayonove, C. 3918 Bayram, E. 1190 Bayramoğlu, H. O. 11530 Bayramoğlu, O. 4415 Baz, A-g. I. O. 8567 Bazzalo, M. E. 11035 Bazzicalupo, M. 9331 Bazzocchi, R. 8018, 8762 Beachy, R. 2637, 4229 Beachy, R. N. 1263, 3186, 4044, 4221, 5213, 6179, 6184, 6843, 12048 Beale, M. 8373 Beale, M. H. 12705 Beales, J. 4298 Beals, T. P. 3173 Beaman, T. 7640 Beaman, T. W. 8641 Bean, A. R. 6016 Bean, S. R. 9051

Bear Creek Gardens Inc. 8744-8746 Beardsell, D. V. 8729 Bearzoti, E. 1758 Bearzott, E. 1758
Beauchemin, K. A. 6076
Beaver, J. 7966
Beaver, J. S. 1706, 2817, 2827, 6933, 10679, 13114, 13117
Beavis, M. 5636, 6844
Bebeli, P. J. 1569 Becerra-Leor, E. N. 1701 Bechere, E. 11532, 11600, Bechet, G. R. 8604 Beck, D. 5533 Beck, E. 10795 Beck, K. 3703 Beck-Bunn, T. 1820, 5930, 12107, 13207
Becker, A. 989
Becker, C. 4610
Becker, D. 4345
Becker, F. 12629
Becker, H. C. 2023, 2278, 9786-9787, 11015, 13360
Becker, M. 8118
Becker, T. W. 742, 12100
Becker, W. M. 4586, 6875
Beckert, M. 12865
Beckhove, U. 3532
Beckman, T. G. 8418, 8435, 8437, 10925 Beck-Bunn, T. 1820, 5930, 8437, 10925 6437, 10923 Beckmann, B. 13478 Beclin, C. 2315 Becquart-de Kozak, I. 3690 Becuwe, N. 4693 Bečvář, J. 8612 Bedbrook, J. 2950 Bede, M. 11601, 12731, 12742 Bédécarrats, A. 10622-10623, 13033 Bedecarrats, A. 560 Bedinger, P. 10424 Bednář, J. 11672 Bednarek, P. 6859 Bedő, Z. 171, 213, 4396, 4406, 5392, 5443, 11527 Bedoya, J. 2895 Beebe, S. 9470 Beebe, S. E. 606, 1701 Beecher, B. 5011 Beecher, B. 5011
Beeghly, H. H. 1533
Beek, J. G. van der 13175
Beerepoot, L. 6861
Beerepoot, L. J. 2712, 6450
Beevers, L. 1717
Beffa, R. 12405
Beereman, F. 1745, 1748, 1 Begemann, F. 1745, 1748, 1752, 2275 Beggs, J. M. 6442 Begna, S. H. 3579 Bégu, D. 13157 Begu, D. 4366 Begum, I. 12791 Begum, S. 6422 Behal, R. H. 5230 Beharav, A. 10330 Behe, B. K. 4113 Behera, N. 6433 Behera, U. K. 1558 Beheshti, A. R. 329 Behl, R. K. 1415, 2420 Behm, A. 989 Behroozin, M. 218 Bei QiXin 7385 Beiles, A. 173, 3530, 6654, 9028 Beismann, H. 5064 Beisvåg, T. 879 Beiträge zur Züchtungsfor-schung - Bundesanstalt für Züchtungsforschung an Kul-Euchtungstorschung an turpflanzen 13619 Bejarano, A. 5480, 11716 Bejarano, E. R. 944 Bekal, S. 12769 Bekavac, G. 7948, 11712 Beke, B. 4409 Bekele, I. 6129-6130 Békés, F. 6626 Bekes, F. 3495, 7830

Bekheet, S. A. 8481 Bekki, E. 1580 Bela, J. S. 10065 Belal, A. H. 12456 Bélanger, A. 4848 Bélanger, C. 1278 Bélanger, G. 5705 Belardinelli, A. 487, 4578 Belay, G. 4433, 6566, 11600, 12767 Belcher, A. R. 1455 Belder, J. de 9992 Beldüz, A. O. 6330 Belenko, E. L. 6002 Belesky, D. P. 2724 Belgium, Proeftuin voor de Boomkwekerij 2199
Belgium, Universiteit Gent 7634
Belhassen, E. 2041, 9805
Belingheri, L. D. 9908
Belkind, A. 6178
Bell, G. E. 10003
Bell, J. A. 4824, 4845, 4865,
4870 Boomkwekerij 2199 Bell, J. C. 1012 Bell, J. M. 4646 Bell-Johnson, B. 9445 Bell-Lelong, D. A. 11461 Bella, R. di 4886 Bellachew, B. 9856 Bellamy, A. 2942 Bellamy, S. 6126 Bellaoui, M. 4951 Bellaoui, M. 4951 Bellatar, G. 528 Belletti, P. 4781, 7482 Bellincampi, D. 11512 Bellini, C. 4263, 10172, 10180 Bellini, E. 810, 819, 3009, 3016, 3020, 4921, 6013, 10897, 10913 Bellini, L. 12789 Bellis, L. de 1877 Belloni, C. 6598 Belloni, P. 906, 1214, 6596 Belloni, V. 12118 Bellotti, W. D. 1656 Bellucci, M. 519 Bellucci, M. 519 Belmonte, S. 42 Belocchi, A. 6588, 6595, 12904, 12912 Belorit, A. 8610 Belorkar, V. T. 1559 Beloshitskaya, O. V. 7194, 8488 Belouin, A. 799 Belova, L. I. 4354 Beltrán, L. 5190 Beltrán-Peña, E. 12876 Belyak, V. B. 11364 Belzile, F. J. 4234 Ben, J. R. 9056 Ben, P. T. 3662 Ben Abdallah, F. 839, 12235, 13290 Ben Amer, I. M. 2435 Ben-Amor, M. 3855 Ben-Bassat, D. 7218 Ben-Hammouda, M. 4407 Ben-Harush, S. 1848 Ben-Jaacov, J. 7506 Ben-Joseph, R. 1848 Ben Jouíra, H. 7454 Ben-Meir, H. 5105, 7490 Ben Naceur, M. 9105 Ben Salah, H. 9105 Ben Salem, A. 13290, 13295 Ben-Yaacov, S. 7389 Ben-Yephet, Y. 4143 Benabdelmouna, A. 5113 Benatti, R., Jr. 12425 Benavente, E. 272, 10266 Bence, N. 59 Bence, N. 59
Bendahmane, A. 1781, 10332
Bendahmane, M. 3186
Bendale, V. W. 11812
Bender, A. 6885, 9332
Bender, C. M. 1435
Bender, D. 12649
Bender, J. 10151
Bendich A. I. 7381 Bendich, A. J. 7381 Benedek, P. 3881 Benedetti, C. E. 7721, 11428

Benedetto, F. di 3077 Benedetto, J. P. 12720 Benedict, J. H. 6242 Benega, R. 1995, 6060, 7234, 9725-9726 Beneš, K. 12361 Benesh, D. 12531 Benetka, V. 6302 Benfer, R. A., Jr. 11800 Benfey, P. N. 1300, 1316, 2344, 8951 Bengtsson, A. 3086 Benhamou, N. 9061 Benítez de Rojas, C. E. 7751 Benítez Riquelme, I. 8996, 10244 Benito, C. 1037, 6691 Benito, E. P. 7080 Benito, M. I. 6702 Benito, M. J. 8928 Beniwal, S. P. S. 5179, 8867 Benkirane, R. 3657 Benlhabib, O. 12775 Beninablo, O. 12/75
Benmoussa, M. 4163, 11799
Bennett, A. B. 5916, 8371, 10814, 10828, 12134
Bennett, D. E., Jr. 12542-12543
Bennett, J. 385, 471, 9225
Bennett, J. W. 5171
Bennett, M. 13629
Bennett, M. D. 2370, 3306 Bennett, M. D. 2370, 3306, 7655, 11314 Bennett, M. J. 4247 Bennett, S. J. 551, 2749, 10580 Bennett-Easy, M. 6116 Bennett-Lartey, S. O. 3365, 13146 Bennetzen, J. L. 2369, 3433, 5311, 7759, 8913 Bennici, A. 5020, 6176 Benning, C. 4263, 6494, 6497 Benning, G. 7726 Benong, M. 11172 Benoyes-Rothan, B. 4861 Bensalah, B. 9113 Benson, D. A. 11386 Benson, D. L. 7988 Benson, E. E. 7 Bent, A. F. 11469 Bent, E. 3388, 6474 Rentile A. 12775 Bentika, A. 12775 Bentolila, S. 11269 Bentota, A. P. 9245 Bentur, J. S. 686 Bentvelsen, G. C. M. 4821 Bentz, J. A. 4080 Benveniste, P. 4225, 11458, 13432 Benzioni, A. 7344
Bequette, R. K. 1381, 1392
Bera, G. C. 2062
Beránek, F. 12573
Berardi, G. 12148
Berardo, N. 305, 513, 2588, 5687, 8189
Berardocco, H. G. 12738 Berardocco, H. G. 12738 Béraud, J. 9623 Berbeć, A. 7380 Berbec, A. 7380
Berberich, S. A. 6242
Berberich, T. 4483, 13413
Berbezy, P. 9532
Berdahl, J. D. 1620, 1636, 3680
Berding, N. 912-913, 4989, 4992, 12348
Bered, F. 2434
Berenguer, Navarro, V. 4035 Berenguer-Navarro, V. 4935, 9745 Berényi, B. 12139 Berg, B. 8188
Berg, C. C. 490-492
Berg, C. G. J. van den 886
Berg, C. van den 3397 Berg, E. E. 992 Berg, J. E. 1383-1385 Berg, J. van den 1550, 11752

Berg, L. J. 13624 Berg, L. M. 11476 Berg, P. J. vanden 1455

Berg, P. M. M. M. van den 12029

Berg, R. G. van den 6995-6996, 9508 Bergamaschi, M. C. M. 8247 Bergamini, D. 9595 Bergantino, E. 4504 Berge, G. 6866
Bergelson, J. 4137, 8933, 12634
Berger, A. 1771
Berger, F. 6504, 6513-6514
Berger, G. 12236
Berger, K. 1174, 1176
Berger, P. H. 5016, 5023
Berger, S. 3407, 5808
Berger Büter, K. 7537
Bergersen, F. J. 13085
Bergervoet, J. E. M. 677
Bergervoet, J. H. W. 11191
Bergkamp, R. 3388
Berglund, T. 4658
Bergman, P. 946
Bergmann, F. 4089 Berge, G. 6866 Bergmann, F. 4089 Bergonfón, S. 1172 Bergounioux, C. 2104, 5241 Bergstrom, G. C. 10251 Bergstrom, G. C. 10251 Bergvinson, D. 12897 Bergvinson, D. J. 1534, 7977-7978, 7983, 7993 Berjak, P. 125, 854, 13627 Berka, R. M. 12134 Berke, T. 1845, 5938-5939, 5955 Berken, B. 11975 Berken, B. 11975
Berkowitz, G. A. 11774
Berkum, P. van 3742
Berleth, T. 7716
Berlinger, M. J. 5934
Berloo, R. van 4218
Berlyn, G. P. 74
Bermúdez, I. 3929
Bern, C. J. 8257
Berna, A. 52
Bernacchi, D. 4757, 12107, 13207 13207 Bernacchia, G. 5824 Bernachi, D. 5930 Bernal, C. C. 473 Bernal, J. H. 9199 Bernal, N. 11055 Bernard, M. 6522, 9029, 10275, 11543 Bernard, M. J. 13398 Bernard, R. 3112 Bernard, R. L. 6903 Bernard, S. 10275 Bernardello, G. 12432
Bernardo, G. di 8492
Bernardo, M. A. 6832
Bernardo, R. 302, 11480, 12859
Bernasconi, B. 9722
Bernáth, J. 1141, 1201
Bernatzky, R. 866, 1822
Bernhard, P. 11255
Bernhardt, J. 9144
Bernhardt, J. L. 6745, 6830
Bernier, F. 52, 12390
Berrío, L. E. 9209
Berros, B. 3958-3959
Berry, A. M. 1093
Berry, J. O. 2683
Bersani, L. 184
Bersimbaev, R. I. 2473 Bernardello, G. 12432 Bersimbaev, R. I. 2473 Bertagnolli, P. F. 11953 Bertault, G. 12577 Bertauski, A. F. 1624 Bertazza, G. 1962 Berthaud, J. 4516 Berthomieu, A. 12577 Berthouly, M. 9862, 9867, 11170 Berthouzoz, F. 1828 Bertin, P. 3642, 3648-3649, 5523, 13001 Bertin, R. I. 7529 Bertoia, L. M. 10475 Bertoli, A. 1214 Bertolini, M. 305, 2553, 2588, 2591, 7924-7925 Bertrand, A. M. 3309 Bertrand, B. 3160, 4999-5000, 9857, 9867 Bertrand, C. 2879

Bertrand, D. 5648 Bertrand, L. 7319 Bertrand-Garcia, R. 2578 Bertrandy, J. 2026 Bervillé, A. 2032, 8713, 13368 Berville, A. 2032, 6713, 15308 Berville, A. 4974 Berwal, K. K. 2455, 2623, 3328 Berwal, O. P. 5371 Berzins, P. 2718 Besendorfer, V. 7030, 9946 Besnard, G. 8713 Bespalhok, F. J. C. 12527 Bespathok, F. J. C. 1232/ Bespathok Filho, J. C. 8626 Besse, P. 3138 Bessho, H. 802, 5986 Bessonova, V. P. 2216 Bestwick, R. K. 8442 Bestwick, R. K. 8442
Bethke, J. A. 13569
Bethune, T. D. 11202
Betrán, E. 110
Betrán, F. J. 317, 5533
Betsche, T. 950
Bettachini, A. 11246
Bettany, A. J. E. 3675, 5646
Betteridge, A. 13422
Betti, J. A. 6035
Betti, J. A. 6035
Betti, J. A. 6035
Betti, J. R. 6035
Betti, J. A. 6035
Betti, J. A. 6035
Betti, J. A. 6035
Betti, J. A. 6035
Betti, J. A. 6035
Betti, J. A. 6035
Betti, J. 7. 3441
Bettini, P. 38, 6192
Betz, C. 2957, 6033
Betzner, A. S. 4265, 8937
Beuker, E. 6278
Beulé, T. 7319, 13370
Beule, T. 897 Beule, T. 897 Beung, H. P. 9302 Beung HoonPark 9302 Beung HoonPark 9302
Beuselinck, P. R. 9342, 13056
Bevan, M. 3388
Bevan, M. W. 4231, 11397
Beven, A. 1399, 9019
Beven, A. F. 286, 619, 12867
Beveridge, C. A. 8277
Beversdorf, W. D. 2024
Bevilaqua, G. A. P. 8072
Bewley, J. D. 8372, 10609
Beyazoğlu, O. 2139, 4175, 6330
Beyer, P. 390
Beyl, C. A. 3922
Beynon, J. 10213
Beynon, J. L. 6518, 8960
Beyrouty, C. A. 3639
Beyssac, B. C. de 7978
Bezançon, G. 342
Bezard, G. 9861
Bezděk, M. 13421
Bezerra, A. R. 2582
Bezerra, J. E. F. 7240-7241, 7247 Beuselinck, P. R. 9342, 13056 7247 Bezerra Neto, E. 3858 Bezlyudnyĭ, V. N. 275 Bezrukov, V. F. 2924 Bezus, R. 12928 Bezzi, A. 1164 Bezzi, A. 1164
Bhadauria, A. 2268
Bhadauria, N. S. 5782
Bhadoriya, V. S. 6094
Bhadouriya, N. S. 6731
Bhadra, S. K. 3780
Bhagabati, K. N. 13017
Bhagat, A. P. 3868
Bhagsari, A. S. 9413, 10767 Bhagwat, A. 8559
Bhagwat, A. A. 5682
Bhagwat, B. 9701
Bhagwat, S. G. 5354
Bhalala, M. K. 12116
Bhalla, J. K. 10714, 12012
Bhalla, P. L. 3287, 7559
Bhalla, S. 3101
Bhan, U. 5776-5777
Bhandari, H. S. 6746, 11534, 11772-11773, 11837, 12714
Bhandari, J. C. 12888
Bhandari, M. M. 7645
Bhandhufalck, A. 10487 Bhagwat, A. 8559 Bhandari, M. M. 7645 Bhandhufalck, A. 10487 Bhandol, P. S. 5118 Bharad, S. 8677, 12420 Bharaj, T. S. 348, 2388, 6777, 9241 Bharathi, M. 13023 Bharati, M. 3847 Bharati Ghosh 10129, 11839

Bhardwaj, H. L. 10647 Bhardwaj, R. K. 11986 Bhargava, S. C. 2243 Bhargava, T. 467 Bharodia, P. S. 8552-8553 Bhaskar, V. 12973 Bhat, R. S. 7328, 7330 Bhat, R. V. 5538 Bhat, S. 5556 Bhat, S. R. 13354 Bhat, S. R. 13354 Bhat, S. S. 8846 Bhathal, G. S. 5872 Bhatia, C. R. 3767, 8559 Bhatia, V. S. 9407, 9422 Bhatia, V. S. 9407, 9422 Bhatnagar, A. 651 Bhatnagar, D. 2144 Bhatnagar, P. S. 9405, 9408-9409, 9422, 9442 Bhatnagar, S. K. 12885 Bhatnagar, V. K. 7887, 12787 Bhatt, A. M. 7712 Bhatt, R. P. 12106 Bhattacharjee, B. 414, 11782, 12954 Bhattacharjee, R. 10055 Bhattacharya, S. 5158, 5158 Bhattacharyya, M. K. 2806 Bhattarai, S. P. 1814, 2978, 13226 Bhatti, A. S. 11628 Bhatti, M. H. 705, 1792 Bhatti, M. H. R. 7316 Bhatty, R. S. 3528-3529, 6091, 6668 6668
Bhavsar, V. V. 1410, 11622
Bhikne, N. S. 1182
Bhirud, P. R. 2441
Bhise, H. T. 2616
Bhol, B. B. 6973
Bhoosal, D. L. 5933
Bhor, T. J. 3769
Bhorali, P. 5635
Bhowmik, A. 428
Bhuninder Singh 859 Bhupinder Singh 859 Bhushana, H. O. 12113 Bhutta, A. R. 7316 Bi, I. V. 12413 Bi, I. Z. 1702 Bi, J. L. 4048, 8656 Bi, X. Z. 288, 11848, 12934 Bi, Y. M. 3187 Bi XueZhi 11848, 12934 Bi XueZhi 11848, 12934
Bi YongMei 3187
Biacs, P. A. 1827
Bian, C. S. 2933, 8346
Bian, Q. J. 9392
Bian, Y. L. 7957
Bian ChunSong 2933, 8346
Bian QiJun 9392
Bian YunLong 7957
Biancardi, E. 7360, 8622
Bianchetti, L. B. 9719
Rianchi A. 2399, 6692 Bianchi, A. 2399, 6692 Bianchi, A. A. 6584, 12903 Bianchi, M. 4296 Bianchi-Hall, C. 1676 Bianchi-Hall, C. M. 9443 Bianchini, C. 3297, 8812 Bianco, J. 4098 Biancolatte, E. 4296, 6595 Biarnès-Dumoulin, V. 7674 Biarnès-Dumoulin, V. 76 Biasi, J. 10774 Biasi, R. 4889 Biborchi, A. 527 Bica, D. 4880 Bicar, E. H. 269 Bichta, J. 10345 Bick, J. A. 4983, 13382 Bidonde, S. 10817 Biel, C. 9747 Bielawska A. 11526 Biel, C. 9747
Bielawska, A. 11526
Bielawski, W. 3540
Bieleski, L. R. F. 2989, 13573
Bielig, L. M. 1667, 12348
Bielli, A. 2823
Bieniek, J. 9778
Bienvenu, F. E. 2255
Biesiadka, J. 137
Bietz, J. A. 1408
Bigey-Schupp, J. 1930
Biggs, A. R. 3899, 4807

Bigler, F. 224
Bigot, C. 7454
Bigozzi, L. 1960
Bijelić, I. 6144
Bijral, J. S. 2431, 6611, 7277, 10268, 10559
Bijzet, Z. 1998
Bikram Singh 8512
Bilaloğlu, R. 1660
Bilancini, L. 12912
Bilang, J. 9877
Bilang, R. 10142
Biles, C. L. 5499
Bilgin, O. 11814
Bilgrami, K. S. 7645
Bilinskaya, E. N. 6649
Biliński, Z. R. 2518, 9776
Billis, J. 3352
Billings, S. 759, 7094, 8385
Billy, F. de 9330
Bilsborrow, P. E. 13351 Billy, F. de 9330 Bilsborrow, P. E. 13351 Binarová, P. 4576 Binarova, P. 875 Binder, S. 6940, 9485 Binding, H. 493, 4055 Bineeta Sen 1857 Binelli, G. 5548 Bing, T. 13094 Bing Teng 13094 Bingham, E. T. 522, 11901 Bingham, J. 11389 Bingham, R. A. 3275 Bingo, M. 10826-10827 Bingo, M. 10826-10827 Binh, N. Q. 12871 Binh, N. Q. 12871
Binh NguyenQuoc 12871
Bini, L. 13107
Biniari, K. 3915
Binks, R. H. 1983
Bino, R. J. 11191
Biondi, D. 3941
Bir, S. S. 7645
Biradar, B. D. 4520, 4975, 6965
Biradar, D. P. 1479, 3555
Birari, S. P. 2856, 11812, 12009
Birbal 1987
Birch, A. N. E. 7044 Birch, A. N. E. 7044 Birch, C. J. 7938 Birch, R. 4265
Birch, R. 4265
Birch, R. G. 915
Bird, C. R. 4907
Birdar, D. P. 2787
Birks, J. S. 1042
Birong, D. E. 9526
Birrer, A. 3668
Birua, N. K. 3665
Birus, T. 1272
Bisaria, S. 7093
Bisby, F. A. 3783
Bischoff, F. 2112, 5227
Bisen, M. S. 8565
Bishara, S. I. 10333
Bishir, J. W. 986
Bisht, I. S. 3865, 6972, 10726, 13385
Bisht, P. S. 6755 Birch, R. 4265 Bisht, P. S. 6755 Bisignano, V. 11962 Bismuth, E. 12385 Bisseling, T. 2755, 4659, 5736, 13124 13124 Bissessur, D. 3132, 11062 Bist, H. S. 804 Biswal, J. 6818 Biswas, A. K. 13384 Biswas, B. B. 8879 Biswas, G. C. G. 9229 Biswas, K. K. 3780 Biswas, S. 3661 Biswas, S. K. 2663 Biswas, S. K. 2663 Biswas, V. R. 12106 Bisztray, G. D. 2960 Bitonti, M. B. 8544 Briomungu, B. 11656 Bjelić, V. 10790 Björkman, O. 11452 Bjorn, G. K. 5978 Bjørn, G. K. 7035 Bjørnstad, Å. 5431 Blachowska, E. 4997 Black, C. C. 5601 Black, L. D. 132 Black, L. L. 12128

Black, R. G. 10689 Black-Samuelsson, S. 4609 Blackburn, M. G. 5704 Blacker, M. 5243 Blackmore, S. 5285, 6536 Blada, I. 4083 Blada, I. 4083 Blagodarova, T. A. 9952 Bláha, L. 2396 Blaich, R. 8457 Blair, M. 364 Blake, T. J. 8718 Blake, T. K. 249, 11668 Blakesley, D. 705, 1792, 9582 Blakey, C. A. 3590 Blanchard, A. 13624 Blanchárd, J. L. 12664 Blanché, C. 12523 Blanchet, P. 4885, 6004, 7148, 9659, 12240 9659, 12240 Blanco, A. 6592 Blanco, F. 11753 Blanco, F. A. 11035 Blanco, M. A. de los 8596 Blanco, M. A. de los 8596 Blanco-Gomis, D. 10869 Blanco-Labra, A. 7985 Blanco Sánchez, C. 3057 Bland, B. F. 13351 Bland, D. E. 1441 Blankenship, S. M. 8411 Blankestijn-de Vries, H. 8948 Bläsing, O. 3279 Bläsing, O. E. 5107 Blatt, C. R. 5325 Blatt, M. R. 7710 Blatt, R. 5428 Blattes, A. 5943 Blattes, A. 5943 Blauth, S. L. 7062 Blauth, S. L. 7062 Blaylock, A. D. 8267 Blaylock, L. A. 4597 Blažek, J. 1906 Blažhev, V. 5681, 10611 Blažková, V. 5414, 6645, 10300 Blázquez, M. A. 6470, 10174 Blechl, A. E. 4391, 7830, 10293 Bleecker, A. B. 12639, 12650 Bleeker, M. 12111 Blein, J. P. 963 Blenda, V. P. 3793 Bletsos, E. 12708 Bletsos, F. A. 9612, 10832 Bleve-Zacheo, T. 9620 Bleve-Zacheo, T. 9620 Blickling, S. 84 Bligh, H. F. J. 12932 Bligh, H. F. J. 12932 Bligny, M. 4744 Block, L. M. 49 Blocker, M. M. 6745 Blokland, R. van 5114, 13424 Bloksberg, A. 89 Blomerus, L. M. 7494, 11271, 11295
Blomstedt, C. K. 8163
Bloom, A. J. 9592
Bloor, S. 7531
Bloor, S. J. 4145, 6351, 8808
Blouhos, P. 12707
Blount, A. R. S. 13091
Blount, J. W. 2116
Blum, A. 1602, 4410, 11750
Blume, B. 1824
Blume, B. Ya. 3179
Blume, Y. B. 13444
Blumenthal, A. 9607 11295 Blumenthal, A. 9607 Blumenthal, C. 3495 Blumenthal, M. J. 2760 Blumenthal, M. J. 2760 Blush, T. D. 1233 Boase, M. R. 13525 Bobde, P. N. 1559 Bobková, L. 2417, 6601, 9008 Bobrova, V. K. 6946 Boćanski, J. 7948, 11712 Bocchini, P. 7811 Bock, K. R. 11043-11044 Bock, T. S. M. de 929, 6156, 11091 Bockel, C. 1098, 5220, 8826 11091 Bockel, C. 1098, 5220, 8826 Bockholt, A. J. 3574 Bocková, R. 4312 Bockstade, E. van 8144 Bockstaele, E. van 1515, 5522, 6861, 7491, 8142 Bockus, W. W. 3484, 5411

Bócsa, I. 3213, 8192 Bodanese-Zanettini, M. H. 579-580
Böddi, B. 1520
Boddupalli, S. 3996
Bodeau, J. 13228
Bodénès, C. 1000
Bodnaryk, R. P. 887, 9823
Bodson, B. 4338
Boe, A. 9202, 13058-13059
Boe, A. A. 6263
Boecklen, W. J. 2158, 5270
Boer, A. D. de 11286, 11308
Boer, J. M. de 1783, 8638
Boerjan, W. 6455, 7447, 7453 580 Boerjan, W. 6455, 7447, 7453, 9949 Boerma, H. R. 598, 2808, 3713, 3734, 6910, 9419, 9443, 9463, 13091 9463, 13091 Boersig, M. R. 3831 Boeuf, C. 9029, 10275 Boever, J. de 9298 Boevink, P. 13422 Bogani, P. 2121, 12384 Bogdanov, Yu. F. 6690, 11684 Bogers, R. J. 11272 Boggetti, B. 11329 Boggini, G. 4296, 4401, 4471, 6589, 6675 Boyle, A. J. 9959 Bogle, A. L. 9959 Bogner, J. 12549 Bogoni, M. 1937 Bogorad, L. 4500 Bögre, L. 6881 Bogušas, R. 2812, 2830 Boguski, M. S. 11386 Boguslavskiř, R. L. 5341 Boguslavskiy, R. L. 11515 Bogusz, D. 4232 Boháč, J. 4312 Bohanec, B. 12071 Bohl, W. 9530 Bohlmann, H. 5261-5262, 8962-8963 Bohlmann, J. 3243, 11405 Böhm, A. 7198 Bohmert, K. 4263 Bohn, M. 3589, 7987, 12897, 12899 Bohn, T. 1169 Bohnert, H. J. 4170, 6167, 11326, 13430, 13624 11326, 13430, 13624 Bohorova, N. 4507 Bohr, C. 1179 Bohrer, T. R. J. 11954 Bohs, L. 1766, 6062 Boiça, A. L., Jr. 1548, 5546 Boicheva, R. 4808 Boiffin, V. 13493 Boinski, J. 2683 Bois, E. 2178 Boissean, M. 9730 Boisseau, M. 9730 Boiteux, L. S. 5836 Bok, S. H. 9902 Bok SongHae 9902 Bol, J. F. 7393 Bolan, B. 7989 Boland, W. 8373 Bolarín, M. C. 8376, 10822 Bolat, N. 11530 Boldt, A. F. 3190 Boldt, R. 10317 Bolitho, K. M. 13277 Boller, B. 6856, 8139, 8147, 8150, 9301, 10098, 11876
Boller, T. 5435, 6471, 10214, 11120 11120
Bollich, C. N. 1564, 12924
Bollich, P. K. 1565
Bollini, R. 2823, 13106
Bollivar, D. W. 6447
Boltenkov, E. V. 7555
Bomme, U. 2231, 12567
Bommert, P. 10427
Bommineni, V. R. 1395, 2403, 11202, 12724
Bompard, E. 3160
Bona, L. 8995, 9003
Bonadé-Bottino, M. 4222. Bonadé-Bottino, M. 4222, 11023 Bonar, N. 1457

Bonari, E. 906 Bonato, E. R. 11953 Bonciarelli, U. 12790 Bond, D. 5485, 10376, 12863 Bond, J. E. 11507 Bond, W. J. 2187 Bondari, V. P. 12890 Bondarenko, L. B. 5803 Bondari, K. 7984 Bondt, A. de 7125 Bondt, A. de 7125 Bones, A. M. 54 Bonet, F. J. 10230 Boneti, J. I. 9635 Bonetta, D. 8953 Bonetta, D. 8953 Bonetti, A. 552 Bonfante, P. 13493 Bonga, J. M. 8720, 9936, 13627 Bongale, U. D. 12244 Bongard-Pierce, D. K. 42 Bongarten, B. C. 9966 Bongiovanni, M. 9620 Bonhoure, J. P. 2191 Bonian, L. 12228 Bonian, L. 12228
Bonierbale, M. W. 1791, 13178
Bonilla, M. 10081
Bonini, P. 12226
Bonk, M. 390, 889
Bonnard, G. 10265
Bonne, U. 1212
Bonnefous, F. 342
Bonnel, E. 8321
Bonnel, A. 4804 Bonnet, A. 4804 Bonnet, D. 6882 Bonnier, F. J. M. 1115, 11307 Bonnin, I. 516, 8172 Bonnisseau, B. 5502, 7934 Bonnt, A. 10936 Boogaart, T. van den 10128 Boon, E. 11298 Boonchitsirikul, C. 8101, 8104, 11851 Boonmalison, D. 5749 Boonmalison, D. 5749
Boonseng, O. 8332
Boorse, G. 8647
Boote, K. J. 2058, 3738
Booth, A. 232, 4467
Booton, G. C. 7703
Booy, G. 7560
Boparai, M. S. 7408
Bora, G. C. 6119, 10667
Bora, P. 4009
Borah R. K. 6979 Borah, R. K. 6979 Borbora, T. K. 11815 Borchardt, D. C. 8609 Borchsenius, F. 5066 Bordallo, P. N. 4507 Bordas, M. 784, 9621-9622, 11301 Bordelon, F. 6220, 6237 Borden, J. H. 13516 Bordes, J. 1493 Bordes, J. 1493 Bordignon, R. 6051, 10970 Bordini, R. 1961 Bordoloi, D. K. 2852 Borel, C. 3521 Borg, M. 7732 Borges, R. C. G. de 12460 Borghi, B. 2454, 4296, 4355, 5400, 6576, 6622, 6686 5400, 6576, 6622, 6686, 9044, 9052 Borgo, R. 3808 Borgohain, R. 8034 Borisjuk, N. V. 2103 Boriskina, E. B. 5942 Borisov, A. V. 5942 Borisov, A. Y. 6948 Borisova, T. A. 2118 Borisova, T. A. 2118 Borisyuk, V. A. 11085, 11087 Borne, F. D. de 7388 Börner, A. 2421, 2435, 3430, 4301, 4377, 5465, 11685-4301, 4377, 5465, 11685 11686 Börner, T. 56, 2325, 4447, 9104, 10317, 12782 Borochov, A. 11352 Borodich, G. S. 6353 Boron, L. 5708 Boronat, A. 4238, 4252 Borovkova, I. 6670 Borovkova, I. G. 7903 Borozan, P. A. 10349

Borralho, N. M. G. 999, 4066-4067, 7434, 11179 Borre, A. van den 1644 Borre, A. van den 1644 Borrego, F. 9590 Borrelli, G. M. 9025 Borrelli, L. 8169, 10604, 11908 Borrero, J. 353, 9232 Borrias, M. 11427 Borries, C. 1451, 9103 Borroto, C. G. 8596, 9725-9726 Borrut, A. 12484 Borth, T. D. 8682 Bortnem, R. 13058 Bortnem, R. 13058 Bortoletto, N. 6915, 7420, 8474 Bortolotti, C. 13441 Borua, P. K. 6355, 12976, 13149 13149
Borys, J. 5813, 7668
Borzan, Ž. 9953, 10103
Bos, I. 7886, 7892
Bos, R. 1155, 4181, 12561
Bosabalidis, A. M. 11336
Bošáková, M. 9046
Bosc, J. P. 5835
Bósca, I. 8184
Bosch, D. 1783, 8638 Bosch, D. 1783, 8638 Bosch, J. van den 4607 Bosch, L. 6693, 6925 Bosch, M. 12523 Bosch, N. van den 8931 Boschelle, O. 9808 Boscherini, G. 1960 Boschetti, W. 8622 Boschetti, W. 8622 Bose, K. 13384 Bose, L. K. 13022 Bosemark, N. O. 11082 Bosio, D. 1514, 10401, 10474 Bošković, R. 2005, 7254, 9744 Bosland, P. W. 5944, 5953, 7054, 10834, 12125 Bosnich, W. 13512 Bosque-Pérez, N. A. 8007, 10492 10492 Boss, P. K. 10948 Bosshard, H. R. 484, 495-496, 545, 4502 Bossmann, B. 236
Bostan, S. Z. 7146, 8422, 13343
Bostock, R. M. 10935
Botella, J. R. 12256
Botella, M. A. 2359, 7069 Botero, J. 13604 Both, M. de 12111 Botha, A. M. 1412, 5420, 10311 Botha, F. C. 916, 8603 Bothe, H. 9154 Bother, R. 9134
Bothmer, R. von 3678, 5665, 8993, 9014, 9035, 9307
Bothona, C. R. A. 5463
Botondi, R. 3855
Botrel, M. de A. 1647
Bottazzi, P. 6582, 6596, 12904
Rotterman, J. 12600 Bottazzi, P. 6582, 6596, 12904 Botterman, J. 12699 Bottka, S. 11899 Botton, B. 4203 Botton, E. 11284 Bouabdallah, S. 528 Boualong, L. K. L. 9659 Boubaker, M. 4407 Boucaud, M. T. de 7144-7145 Bouchez, D. 4263, 6498, 8960, 10146, 10160 Bouchireb, N. 8876 Bouchireb, N. 8876 Boudet, A. 7448 Boudet, A. M. 998, 5052, 5054, 6265, 6449, 7432, 9940, 12393, 12865 Boudonck, K. 11421 Bougourd, S. M. 1339, 2401 Bouguennec, A. 6625 Bouharmont, J. 2670, 3642, 3648-3649, 3655, 9280, 10053, 13001 Bouillaud, F. 1761 Boukema, I. W. 3814 Boulay, M. 4876, 9678 Boulton, G. 1909 Bounejmate, M. 535, 4574 Bounphanousay, C. 6768 Bouquet, A. 7209

Bouquin, T. 1854, 2949, 3857 Bouras, F. 5057 Bourgeois, L. 4473 Bourguignon, J. 9486 Bourland, F. M. 3189, 3200, 3204, 6218, 7399, 7416, 9917, 11150 3204, 0218, 7399, 7416, 9917, 11150
Bournat, P. 8904
Bourne, W. F. 7296
Bourque, J. E. 7394
Bourquin, J. C. 2942
Boursiquot, J. M. 10947, 12235
Boursot, P. 39
Boury, S. 9568
Bouslim, F. 3657
Bousquet, J. 1046, 2162, 11203
Boussaid, M. 527
Bouthillier, M. J. 4871-4872
Boutin, J. P. 3752
Bouton, J. H. 1633
Boutry, M. 4746, 9465, 9895
Boutteaux, C. 5022
Bouty, F. de A. C. 3123
Bouvier, F. 9893
Bouvier, Navé, P. 11458, 13432
Bouw, W. J. 9186
Bouzar, H. 8380 Bouzar, H. 8380 Bouzayen, M. 2949, 3837, 3855, 8393, 9606, 10817 Bouzerzour, H. 12786 Bouznad, Z. 13139 Bovi, O. A. 1142 Bovo, O. A. 2169 Bowden, R. L. 3502, 3506, 5411, 9076 5411, 9076
Bowen, B. 10365
Bower, C. C. 7565
Bowers, J. E. 7197
Bowes, C. E. 10760
Bowler, C. 36, 1271, 5912, 6907, 8242, 13073
Bowles, D. J. 8378
Bowley, S. R. 1627, 5692, 11902
Bowling, S. A. 2360 Bowling, S. A. 2360 Bowman, D. T. 1473, 2130, 6194, 6197, 9176 Bowman, H. F. 1383-1385, Bowman, J. 13351 Bowman, J. 13351 Bowman, J. L. 4288, 9581 Bowman, K. D. 6057 Bown, D. P. 13023 Bowser, J. 3428 Boxus, P. 3012-3014, 4813, 7129 Boyadzhieva, D. 10305 Boyat, A. 9153 Boyd, C. 11936 Boyd, C. 11936 Boydston, R. 4663 Boyé, R. 8416 Boyer, A. S. 13122 Boyer, N. 4759, 10809 Boyle, T. H. 7573, 10048 Boyle, T. J. B. 9956 Bozhinov, B. 11140-11141 Bozziniov, M. 11140-11141 Bozzini, A. 11960 Bozzo, F. 8169 Braam, J. 86, 12618 Braam, W. F. 1759 Brabant, P. 1418, 7652 Brac de la Perriere, R. A. 66 Brac de la Perriere, R. A. 6962 Bradeen, J. M. 295, 4723, 5818, Bradford, J. M. 2154 Bradford, L. G. 3892 Bradford, N. G. 3892 Bradford, N. G. 3892 Bradley, J. M. 1080, 6351, 7531 Bradová, J. 10323 Bradow, J. M. 8680 Bradshaw, H. D., Jr. 3277 Bradshaw, J. E. 3801, 6999, 8316, 11406, 12037, 12041, 13172 Brady, L. 13111 Bragg, C. K. 6214 Brain, P. 2163 Bramley, P. M. 5902 Bramucci, M. 2155

Branca, F. 7049 Brancadoro, L. 1937 Branch, W. D. 3120, 12326 Branchard, M. 730 Brancourt-Hulmel, M. 7674 Brand, R. J. 7185 Brandenburg, W. A. 6342, 6383, 11091 Brandes, A. 2853, 3418, 5242 Brandham, P. E. 3306, 5118 Brandi, M. 11966 Brandizzi, F. 12536 Brändle, R. 9887 Brandon, D. M. 2631-2632, Brandstädter, J. 10808 Brandstatter, I. 11442 Brandstötter, M. 6881 Brandt, A. 13356 Brandt, K. 7553 Brandt, P. 6477 Brandt, P. 6477
Brandwagt, B. 12110
Branham, B. E. 11891
Branlard, G. 2442, 5355, 6625, 6629, 11571
Branzell, C. 685
Brar, A. P. S. 981
Brar, D. S. 394-395, 6783, 10114 10114 Brar, G. S. 499 Brar, J. S. 672 Brar, K. S. 10066, 12421 Brar, S. S. 6006 Brar, S. S. 6006 Brathwaite, R. A. I. 306 Brauer, D. K. 3489 Braun, H. 7622, 10196 Braun, H. J. 3542, 4334, 4373, 5179, 5393, 8867 Braun, H. P. 12023 Bravi, R. 4325 Bravo-Almonacid, F. F. 13440 Bravo-Almonacid, F. F. 13440 Brawner, J. 8861 Bray, C. M. 7709, 11671 Bray, E. A. 748, 5920 Bray, R. A. 9325 Breazu, I. T. 8213 Brecht, J. K. 6021, 7089 Breda, C. 1654, 3690 Brede, A. D. 1629, 1632, 2708, 2715, 2723, 5667, 9308 Bredemeijer, G. 38 Breeding Science 10235-10236 Breedt, H. 845 Breedt, H. J. 856 Breger, E. L. 6549 Bregitzer, P. 6665 Bregliano, R. 8812 Bregliano, R. 8812 Bregu, R. 494 Brehler, R. 12429 Breiman, A. 4366 Breitembücher, A. 1014 Breiteneder, H. 3424, 12429 Breitkreuz, K. 8938 Breitler, J. C. 12307 Breitwieser, I. 8984 Brembu, T. 54 Bremer, K. 6367 Bremm, S. 11112 Bremm, S. 11112 Brenac, P. 1509, 3556 Brendel, V. 4485 Brendel, V. 4485
Brennan, J. P. 6570, 7832
Brennan, N. J. 1208
Brennan, P. 11507, 12389
Brennan, R. M. 10940
Brenner, D. M. 5099
Brennicke, A. 5794, 6477, 9485, 10735, 11435, 12622
Bressan, M. 2774, 9358
Bressan, R. A. 958, 1789, 2309, 5152, 5552, 6357, 10510, 13434 13434 Bressan, W. 4507 Bret-Mestries, E. 4974 Bretag, T. W. 1726, 3762, 13130 Bretagnolle, F. 10223 Breton, C. 11637 Breton, D. 5835 Breton, F. 3215 Brettell, R. I. S. 6604 Bretting, P. K. 893, 1247

Brettschneider, B. 247 Brettschneider, R. 38, 3467, 10417 Breusegem, F. van 11732, 12699 Brewbaker, J. L. 564, 1530 Brewer, G. J. 11038 Brewin, N. J. 6948 Breyne, P. 6472 Briand, F. 5869 Briand, L. 11964 Briat, J. F. 4498, 7298 Bridgen, M. P. 5092 Bridges, A. C. 3201 Bridges, J. 1424 Bridges, J. 1424
Bridgwater, F. E. 1029, 8862
Bridson, D. 5001
Bridts, C. 7609
Brierley, K. L. 10039
Brigaglia, N. 9686
Briggs, C. J. 9353
Briggs, D. R. 2255
Briggs, F. N. 7788
Briggs, K. 10377
Briggs, K. G. 3491, 12800
Briggs, S. 10488
Briggs, S. P. 283, 6725, 7694, 7940, 11739
Briggs, W. R. 4243
Brighenti, E. 9635
Brigotti, M. 12700
Brij Paul 5765 Brij Paul 5765 Brindley, G. P. 11320 Briner, H. U. 483, 9295 Bringloe, D. 13423 Brink, G. E. 3698 Brinkmann, S. 6892 Brison, M. 7145 Brisset, M. N. 7682 Brisson, L. F. 12396 Bristol, P. W. 5996 Britt, A. B. 59, 5228, 5240, 8955 Brizuela, M. M. 10669 Brizzi, M. 12912 Brkić, S. 10838 Broad, I. J. 2612 Broadhurst, P. G. 4711 Broadhvest, J. 11488, 12390 Brockmann, S. 9192 Broda, Z. 10918 Brodbeck, B. V. 13379 Broder, Y. C. 6532 Broderick, K. 11911 Brodie, B. B. 1785, 12020-12021 12021 Broeck, D. van den 5115 Broeck, L. van den 1875 Broekaert, W. F. 12067, 12659 Broers, L. 4467, 12764 Broers, L. H. M. 9112 Broglie, R. 6718, 7640 Brogna, G. 12903 Brommonschenkel, S. H. 756 Bronner, R. 9802, 12390 Bronsema, F. B. F. 2585 Brooks, R. J. 112-113 Broothaerts, W. 122, 5989, 7125 Brosius, M. 940 Brothers, M. 893 Brotherton, J. E. 12400 Brötje, H. 13278 Broughton, W. J. 2857, 3772 Brouillet, S. 3384 Broun, P. 3996 Broutin, J. 11194 Brouwer, D. J. 521 Brovko, G. A. 5901 Brown, A. E. 11964 Brown, A. E. 11964 Brown, A. H. D. 1460, 9092 Brown, A. P. 9758-9762, 9799 Brown, B. F. 1127-1129 Brown, C. M. 1479 Brown, C. R. 4702, 4774 Brown, D. M. 1764, 8317 Brown, G. E. 8468 Brown, G. G. 12274, 13353 Brown, G. N. 3501 Brown, J. 9758-9762, 9779, 9799

Brown, J. F. 2044 Brown, J. W. S. 286, 10132, 11396, 11422, 12867 Brown, L. M. 9642, 12154 Brown, P. D. 5461 Brown, R. C. 1121 Brown, R. L. 2144, 5536, 7956 Brown, R. N. 13249 Brown, R. P. 4279 Brown, R. P. 4279
Brown, S. 523, 3396, 12385
Brown, S. C. 12450
Brown, S. K. 1341, 3870-3871, 5988, 7120, 7124, 7126, 10867, 12160
Browne, W. E. 5229
Browning, K. S. 10241, 11425, 12777 Brownlee, R. T. 7134 Browse, J. 1307, 2358, 7640, 11466, 11470, 12641, 12644 Browse, J. A. 10205
Bruce, W. B. 10376
Bruchem, J. van 442
Bruckner, C. 8469
Bruckner, C. H. 10927
Bruckner, P. L. 1383-1385, 1390, 11618 Bruederle, L. P. 11199 Bruford, M. 39 Bruggemann, E. P. 11460 Brugidou, C. 6843 Brujin, F. J. de 1664, 4209, 11917 11917 Bruinsma, B. L. 7833 Brûlé-Babel, A. 5461 Brûlé-Babel, A. L. 12761 Bruma, S. G. 2543 Brummell, D. A. 4758 Brummitt, D. 4141 Brun, H. 3100, 9798 Brunak, S. 2334, 12627 Brunáková, K. 10056 Brunckhorst R. 8118 Brunckhorst, R. 8118 Bruneau, A. 4228 Brunel, D. 9790 Brunell, M. 11870 Brunetti, A. 3842 Brunner, A. M. 12440 Brunner, H. 505, 4908, 13305 Brunner, S. 13214 Brunner-Neuenschwander, B. 11735 11735 Bruno-Sousa, R. 10949 Bruns, R. 4320 Brunstedt, J. 7356, 9841 Brush, S. B. 6562 Brushwood, D. E. 6235-6236 Brutnell, T. P. 4489 Bruton, B. D. 5960 Brutovská, R. 10056-10057 Brutsch, M. O. 1232 Bruulsema, T. W. 6720 Bryan, G. J. 8049 Brykczyńska, L. 11605, 12845, 12851 Bryngelsson, T. 11886, 12796 Buanec, B. le 10, 2300 Bucci, G. 1045, 3235, 12473, 13505 Bucciarelli, B. 4074 Buchala, A. 9288 Buchanan Turf Supplied Pty Ltd Buchanan-Wollaston, V. 1642 Bucher, M. 740, 13214 Buchert, G. P. 5072 Buchholz, W. G. 4568 Buchowicz, J. 2413 Büchsenschütz-Nothdurft, A. 4987 4987
Büchter, R. 3795
Buck, F. 1291, 3963
Buck, K. W. 7383
Buck, S. de 8924
Buckley, P. M. 10497
Buckner, B. 9162
Budahn, H. 714, 5820
Budar, F. 876, 4951
Budashkina, E. B. 2427
Ruddenhagen, I. W. 104 Buddenhagen, I. W. 10492 Bude, A. 10314

Budhathoki, C. B. 7846, 11534 Būdvytytė, A. 2292 Budzianowski, G. 7921, 12834 Buechley, G. C. 5453, 10254 Buehler, R. E. 4052 Buell, R. 11517 Buerstmayr, H. 7624 Bufe, A. 4586, 6875 Buffard, D. 1654, 3690 Buffo, R. A. 3594, 9196 Buffo, R. A. 3594, 919 Bufler, G. 9734 Buga, S. F. 12795 Bugaenko, L. 7595 Bugaenko, L. A. 1192 Bugara, A. M. 1192 Bugarcić, Z. 10741 Bugbee, B. 1378 Bugrova, V. V. 143 Bugti, R. A. 10481 Buhiniček, I. 5518 Budini, K. A. 10461 Buhiniček, I. 5518 Buhr, K. 8320 Bui, A. Q. 12541 Buiatti, M. 38, 2121, 6192, 12384 12384
Buirchell, B. J. 13623
Buitendijk, J. H. 13575
Buiteveld, J. 5861, 5863, 9563
Buitink, J. 13225
Bujak, H. 12822
Bujarski, J. J. 4206
Bukhari, Y. M. 7455
Bulbiks, P. 2521
Bulcha Woyessa 3125
Bulińska-Radomska, Z. 11909 Bulińska-Radomska, Z. 11909 Bull, A. L. 7164 Bull, J. K. 4989 Bullens, P. 13001 Bullitta, S. 5658, 5697 Bullock, D. G. 2787 Bullock, R. C. 2771, 7089 Bulrich, L. 9050 Bulorchik, A. A. 6644, 7866 Bülow, L. 6434, 11106 Bultynck, L. 962 Bumane, S. 2718 Bundrock, T. 7303 Bungener, P. 8215 Bünger, T. 11998 Bulińska-Radomska, Z. 11909 Bünger, T. 11998 Bunker, T. W. 8248 Bunnell, S. C. 13624 Buntin, G. D. 13365 Bunyard, B. A. 1225 Buraczewska, L. 568 Burandt, C. L., Jr. 4148 Burba, J. L. 4208, 5860, 5870 Burbea, M. 1279 Burbidge, A. 1816 Burchi, G. 3297, 8812 Burczyk, J. 2182, 3244, 7469 Burd, J. D. 3439 Burd, S. 4764, 7222 Burdett, L. P. 13452 Burdon, R. D. 12461 Bureau, T. E. 10565 Burenin, V. I. 926, 3143, 11092, 12366 Burgazova, I. 5425 Bunyard, B. A. 1225 Burgazova, Ĭ. 5425 Burge, G. K. 11252 Burger, J. T. 10384 Burger, K. 1912 Burger, P. 7205 Bürger, R. 12671
Burggraeve, B. 7447
Burgon, A. 2699
Burgos, L. 817, 9654, 12175
Buriánek, V. 12438
Burilkov, V. K. 10407
Burkard, G. 9477
Burke, J. M. 7551
Burkhamer, R. L. 5334
Burkhardt, P. K. 390
Burn, J. 4265
Burn, J. E. 8937
Burnell, J. N. 2563
Burner, D. M. 2077-2078, 3138, 13394 Bürger, R. 12671 13394 Burnet, M. 1811 Burns, J. A. 12676 Burns, J. K. 8466, 8468 Burns, T. 13460

Burns, V. J. 13165 Burny, A. 7129 Burr, T. J. 1946-1947 Burrell, M. 944 Burridge, J. A. 9355 Burris, E. 2134-2136, 6243 Burrows, P. A. 6173 Burrows, P. R. 1264, 12602 Burrup, D. E. 10326 Burrus, M. 12451 Burrus, P. B., Jr. 10585, 10598 Burscheidt, J. 3279 Burson, B. L. 506, 9317 Burstin, J. 1337, 5193, 5502, 7934
Burtin, D. 5459, 11680
Burton, C. S. 5439
Burton, G. W. 2619, 9311
Burton, J. W. 571, 582, 1676, 1682, 1687-1688, 3709, 9429-9430, 9443
Burton, R. A. 8372, 11665
Buruchara, R. 1704
Burvill, M. 4357
Burza, W. 13264
Bus, V. G. 12160
Buscaroli, C. 800, 1961, 2987. 7934 Buscaroli, C. 800, 1961, 2987, 5985 Busch, M. A. 12648 Busch, R. H. 10250, 12721 Busch, W. 9021 Büschges, R. 1464, 6652 Buschmann, P. 6919 Buscot, F. 4203 Buscot, F. 4203
Busemeyer, D. T. 6014
Bush, A. L. 6682
Bush, D. R. 1510
Bush, S. 6100
Bush, T. D. 13480
Bushamuka, V. N. 8990, 11510
Bushana, H. O. 12017
Busheva, M. C. 10177
Busheva, M. C. 10177
Busheva, M. R. 10338
Bushuk, W. 4392
Bušić, M. 7030
Businský, R. 6287 Busic, M. 7030 Businský, R. 6287 Busk, P. K. 3567, 8907 Buso, G. S. C. 3629 Buso, J. A. 1773 Busogoro, J. P. 3649 Buss, G. R. 3733 Busscher, M. 7109 Bussemakers, A. 783 Busscher, M. 7109
Bussemakers, A. 783
Bustamante, P. I. 4514
Busti, E. 10429
Bustos, A. de 4445
Bustos, M. M. 9875
Buswell, J. A. 12575
Buszard, D. 2985, 4836, 4855, 4859, 4868 4859, 4868 Butcher, P. A. 13497 Buteler, M. I. 703 Butenko, A. I. 7167 Butenko, R. G. 12754 Büter, B. 1174, 1176, 12739 Butland, S. L. 9963 Butler, E. T., III 4969 Butler, L. 10365 Butnaru, G. 11531, 11666 Buto, K. 6349
Butorina, A. K. 9935, 9937
Butrón, A. 11743, 12901
Butt, M. S. 10294
Butt, W. 10294
Butterlin, G. 11081
Buttery, B. R. 2825, 3742, 9398, 9438
Büttner, R. 12163
Butzmann, R. 7227
Buxton, D. R. 5521
Buysse, L. 1535
Büzek, J. 4734
Buzzell R. I. 593, 2806, 93 Buto, K. 6349 Buzzell, R. I. 593, 2806, 9398, 9438, 13076 Byczyńska, B. 9788 Bye, R. 6383 Byers, D. L. 3278 Bylich, V. G. 10448 Byram, T. D. 8862 Byrd, N. 10202

Byregowda, M. 1749 Byrne, D. 12189 Byrne, D. H. 2203 Byrne, J. 13389 Byrne, M. 2157, 3305, 7436, 13492 Byrne, P. F. 327, 7967, 9185, Bystrov, R. A. 248 Byun, J. K. 12259 Byun JaeKyun 12259 Byung ChulKim 12646 Caballero, A. 12019, 12035 Caballero, J. L. 4844, 12218 Cabello-Hurtado, F. 13185 Caberas, J. A. 12229
Cabin, R. J. 3129
Caboche, M. 2113, 3177, 4263, 6478, 8903, 10146-10147, 10160, 10172, 10179-10180, 11126 Caboche, P. M. 11385 Cabral, J. R. S. 9719, 9729 Cabral, S. 6184 Cabrera, J. L. 6900 Cabrera, O. 3058 Cabrera, S. 5480 Cabrera-Asencio, I. 7032 Cabrera-Ponce, J. L. 480, 9583 Cabrera y Poch, H. L. 1329 Căbulea, I. 9180 Cabunagan, R. C. 13018-13019 Caounagan, R. C. 13018-1301 Cacak-Pietrzak, G. 12846 Cacchioli, C. 9595 Caceres, M. E. 5671, 8160 Caciagli, P. 3842 Čačić, N. 8618, 8621, 11073 Cadalen, T. 6522, 10275 Caddick, M. X. 12375 Cadic, A. 1061 Cadick, M. A. 12375
Cadic, A. 1061
Cadle, M. M. 2464
Caemmerer, S. von 3281-3282, 3348, 11117, 12908, 13560
Caeneghem, W. van 10563
Caetano-Anollés, G. 33, 570, 5737, 9310 Caetano-Pereira, C. M. 5494, 10400 Cafferty, S. 9124, 10032 Cağlar, G. 1881 Çağlar, S. 13283 Cahalan, C. 7480 Cai, D. 2094 Cai, D. G. 6156, 11382 Cai, D. T. 411 Cai, H. W. 425 Cai, J. H. 8438 Cai, Q. F. 8074 Cai, Q. G. 6036, 12243 Cai, Q. H. 407, 8074 Cai, R. X. 2504 Cai, S. B. 2460, 2463 Cai, S. X. 5586 Cai, T. 10376 Cai, T. M. 12504 Cai, W. 13327 Cai, W. J. 5601 Cai, X. 154, 7753 Cai, X. L. 9269 Cai, X. N. 2930, 13462 Cai DaGuang 6156, 11382 Cai DeTian 411 Cai HongWei 425 Cai JianHua 8438 Cai QiGui 6036 Cai QiHua 407 Cai QiuHong 8074 Cai RenXiang 2504
Cai ShanXin 5586
Cai ShiBin 2460, 2463
Cai TongNi 12504
Cai WeiJuan 5601 Cai XiaoNing 2930, 13462 Cai XiuLing 9269 Cai Xue 7753 Caillaud, C. M. 223, 9081 Cailleteau, B. 6187, 11136 Cain, C. C. 81 Cairney, J. 13489 Caissard, J. C. 13598

Caithness Potato Breeders Ltd 9512-9513, 9516-9517 CAK Sorenson 8769 Çakmak, I. 198, 3542, 4373, 4415 Çakmakçi, S. 12860 Çakmakçi, S. 12860 Calamante, G. 6184 Calame, F. G. 10223 Calatrava, J. 8473 Calba, H. 7951 Calderini, D. F. 160 Calderini, O. 1649, 2734 Caldwell, C. R. 11929 Caldwell, M. M. 8976 Caldwell, W. D. 2134-2136, 7416 7416 7416
Calestani, C. 246, 457
Calheiros, M. B. P. 1142
Calhoun, D. S. 2130, 21342136, 2149, 4413, 6194-6195,
6213, 6245, 7416
Calhoun, S. 6217
Caligari, P. D. S. 2991, 7074,
12355 Caliński, T. 7673 Calip-DuBois, A. J. 3708, 3710-Caliskan, M. 11585 Calistru, G. 7192 Calixto, S. 6735 Callac, P. 3338, 3340, 4198, 10089 10089 Callahan, A. 10917 Callahan, A. M. 1918 Callahan, H. S. 1756 Callan, B. E. 2161 Calle, F. 2895 Calle, M. de la 5108 Callis, J. 45, 1269, 9876, 10176 Callot G. 12577 Callot, G. 12577 Callot, G. 12577
Calò, A. 6026, 10950
Calsyn, E. 6861
Calvert, C. M. 8378
Calvo, E. S. 5727
Calwey, N. W. 10110
Camacho, J. P. M. 11283
Camacho C., L. G. 6019
Camadro, E. 2941 Camadro, E. L. 9523, 13202 Camara, B. 5947, 9893 Camara, M. 1973 Câmara Machado, A. da 7209 Camara Machado, A. da 7209
Camargo, C. E. de O. 10281
Camargo, L. E. A. 12072
Camargo Lezama, M. F. 6938
Cambron, S. E. 5453, 10254
Camellia Grove Nursery 3252
Cameron, A. G. 3683, 3702,
8154, 8229
Cameron, D. F. 8110, 2224 Cameron, D. F. 8119, 8224-8225 Cameron, S. 13627 Cameron-Mills, V. 11676, 12784 Camilleri, C. 4265, 6468, 10146, 10160 Camilli, M. 7212 Camilloni, G. 935 Camilo, A. P. 5990, 13273 Camilo, P. A. 9635 Camlin, M. S. 2698 Cammilli, C. 7212 Cammue, B. P. A. 13309 Camp, H. J. M. op den 1223 Camp, R. G. L. op den 947 Camp, W. van 13436 Camp, W. van 13436 Campalans, A. 8894 Campanile, R. G. 5400 Campbell, A. B. 5326 Campbell, C. G. 8110, 9353, 10107-10108, 10579, 11861 Campbell, C. S. 3882, 9645 Campbell, C. W. 6058 Campbell, D. R. 3283, 6331 Campbell, G. L. 5468 Campbell, H. 10303 Campbell, K. G. 1387-1389 Campbell, K. G. 1387-1389, 3533 Campbell, K. W. 3582 Campbell, M. 4245

Campbell, M. M. 13503
Campbell, P. 86, 12618
Campbell, R. J. 6058
Campbell, R. K. 7483
Campbell, S. A. 1256, 12875
Campbell, T. A. 4416
Campbell, W. F. 2720
Campbell, W. H. 11706
Campèll, M. T. B. 9810
Campello, M. T. B. 9810
Campenhout, S. van 4299, 5364, 10625, 11516
Camper, N. D. 11213
Campion, B. 2816, 12071
Campos, F. 611, 8923
Campostrini, F. 3047, 3913
Camussi, A. 1536, 5084, 9974 Camus, i. 4203 Camussi, A. 1536, 5084, 9974 Camut, S. 10213 Can, C. 10213 Can, N. T. 5616, 6747 Canada, Agriculture and Agri-Food Canada 12811 Canal, L. de la 11035 Canard, D. 2191 Canard, D. 2191
Cancellier, S. 9674
Canci, P. C. 5356, 5361
Candeia, J. A. 5856
Candela, M. 5956
Candela, M. E. 5956
Candilo, M. di 5757, 11988
Candresse, T. 4206
Cane, J. H. 3908
Cangemi, R. de C. 1837
Cani, M. R. 969-970, 9686
Caniglia, E. J. 5963, 10787
Cañigueral, S. 4191 Cani, M. R. 969-970, 9686
Caniglia, E. J. 5963, 10787
Cañigueral, S. 4191
Cannell, M. E. 4302
Cano, E. A. 10822
Cano, M. P. 1973
Canova, A. 11098, 13441
Cánovas, F. M. 4081
Cánovas, J. L. 1795
Cant, K. A. 1422-1423
Cantamutto, M. A. 11595
Cantarella, H. 1235
Cantin, D. 1036
Cantini, C. 3898
Cantino, P. D. 10071, 11338
Cantón, F. R. 4081
Cantone, F. 2775, 4296, 9359
Cantoni, L. 12148, 12195
Cantoni, L. 12148, 12195
Cantrell, R. G. 6199, 7404
Cantù, E. 1943
Cao, B. S. 5976
Cao, D. 1570 Cao, D. 1570 Cao, H. 10212 Cao, J. 5232 Cao, J. C. 5894 Cao, J. S. 5890 Cao, J. S. 5890
Cao, K. M. 8044, 9399
Cao, L. Y. 5604, 6769, 9243
Cao, M. Q. 724, 7043, 12075
Cao, M. S. 5649
Cao, S. C. 5889-5890, 8349, 9574, 13194
Cao, S. Y. 6759
Cao, W. Q. 10090
Cao, X. J. 4532
Cao, X. Z. 420, 9249
Cao, Y. 2460, 2463
Cao, Y. J. 4177
Cao, Y. L. 2238, 8556 Cao, Y. L. 2238, 8556 Cao, Y. M. 8491 Cao, Y. P. 9448-9449 Cao, Y. S. 351, 6418 Cao, Z. X. 7936, 8817 Cao BeiSheng 5976 Cao Hui 10212 Cao JiaShu 5890 Cao JinCheng 5894
Cao KaiMing 8044, 9399
Cao LiYong 5604, 6769, 9243
Cao MingQing 724, 7043, 12075 Cao MingShu 5649 Cao MingShu 3649
Cao ShouChun 5889-5890, 8349, 9574, 13194
Cao ShouYun 6759
Cao WenQin 10090
Cao XianZu 420, 9249

Cao XiuJu 4532 Cao YaJuan 4177 Cao Yang 2460, 2463 Cao YongSheng 351, 6418 Cao YouLong 2238 Cao Yu 8657 Cao YuePing 9448-9449 Cao YuLiang 8556 Cao YuMei 8491 Cao YuMei 8491
Cao ZongXun 7936, 8817
Caoile, A. G. F. S. 2555
Cap, G. B. 1836
Caparros-Ruiz, D. 4715
Capel, I. E. M. 5151
Capel, J. 4276, 5257, 10815
Capell, T. 11680
Capellades, M. 11700 Capell, T. 11680
Capellades, M. 11700
Capellades, M. 11700
Capelli, P. 13340
Capesius, I. 11877, 11879
Capitanio, R. 9358
Caplan, A. 5016
Caplow, F. 3703
Capocasa, F. 12220
Capone, I. 11512
Capone, J. 51
Cappadocia, M. 134, 2879
Capps, C. D., Jr. 9917
Caprari, C. 11512
Capretta, F. 6568
Caputo, A. 9677 Caputo, A. 9677 Caputo, P. 6368 Capy, P. 4205 Caradus, J. R. 8208, 9335, 11910 1910 Carandang, C. 5593 Carandang, S. 9250 Caranta, C. 3854, 5943 Carbone, R. 9432 Carbonell, E. A. 750, 852 Carbonero, P. 6653 Carde, J. P. 5010 Cârdei, E. 10874 Cardeña, R. 11040 Cárdenas, J. 4844 Cárdenas-A., M. L. 769 Cárdenas-A., M. L. 769 Cárdenas S., E. 8799 Cardi, T. 679, 4686, 5798, 7039 Cardin, M. L. 1418 Cardini, D. 12322 Cardon, G. H. 11424 Cardona, C. 1709, 10672, 11977 Cardona, C. A. 509, 512 Cardone, A. M. 6582, 6596 Cardoso, A. A. 5383, 8469, 9475 Cardoso, M. A. 10076 Cardoso, M. I. L. 4173 Cardwell, K. F. 8897 Carena, M. J. 11707 Caretto, S. 9542 Carey, E. E. 2897, 13181 Carey, P. 3697 Caricato, G. 7212, 11329 Carimi, F. 12254 Carisse, O. 4836, 4868 Carle, R. B. 1868 Carlier, L. 1515, 8144, 9298 Carlis, J. 13503 Carlson, G. 2327 Carlson, G. R. 1383-1385, 11618 Cardoso, M. A. 10076 11618 Carlson, I. T. 490-492 Carlson, J. E. 11481 Carlson, S. J. 12879 Carlson, S. R. 3184 Carlson, W. C. 1026 Carlsson-Granér, U. 3292
Carlsward, B. S. 1122
Carman, J. G. 1112, 5376
Carman, R. C. 1010, 8874
Carmi, N. 3828, 7061
Carmi, T. 7450
Carmi, Y. 7060
Carmo, M. G. F. do 8701
Carmona, E. R. 11063
Carneiro, N. 3571
Carneiro, N. 3571
Carneiro, V. T. C. 4643
Carney, S. E. 3299, 7551
Carnicelli, D. 12700
Carnide, V. 11571, 11627
Carnide, V. P. 11573 Carlsson-Granér, U. 3292

Carninci, P. 12623 Caro, M. 10822 Carol, P. 3399, 5249 Carolino, S. M. B. 5729 Carolis, E. de 1150 Carone, F. 6592 Carozzi, N. B. 1240, 7963 Carpenter, C. D. 4206 Carpenter, R. 2220 Carpin, S. 1157, 6326 Carpita, N. 4264 Carputo, D. 4687, 5798 Carr, D. E. 6323, 10006 Carr, G. D. 6329 Carr, J. P. 12614 Carranco, R. 3979 Carrari, F. 9583 Carraro, L. 7154 Carraro, R. 10950 Carrasco, A. 12036 Carrasco, P. 11984 Carratalá, M. L. M. 9745 Carrayol, E. 12100 Carré, I. A. 10195 Carré, S. 9466 Carreel, F. 3064, 13307 Carrera, E. 4683, 4697 Carrera, M. 7143, 8436 Carrera, O. B. de la 1867, 13246, 13256 13246, 13256 Carrera, P. 10220 Carrière, Y. 7672 Carrièro, F. 3157 Carrillo, J. M. 1413, 2443, 6664, 11609, 12743 Carrillo Castañeda, G. 7471 Carrillo Castañeda, G. 7471
Carrington, J. C. 8964
Carrión, S. 9555
Carrizosa, M. S. 3901
Carro-Mariño, N. 3918
Carroll, B. J. 12090
Carroll, K. 1281
Carron, M. P. 2153, 11170
Carroni, A. M. 4603
Carrow, R. N. 1637
Carryol, E. 742
Carsky, R. 11744
Carson, C. B. 3560
Carson, M. 12459
Carson, S. D. 9966, 12459 Carson, M. 12459
Carson, S. D. 9966, 12459
Carstens, K. 7228
Cartea, M. E. 277, 1502, 9178, 11743, 12647
Carteau, S. 13624
Carter, J. V. 10168
Carter, T. E., Jr. 1676, 1682, 1687, 3709, 6910, 9429-9430, 9443
Cartichour, S. W. 274, 14500 Cartinhour, S. W. 374, 12709 Cartwright, R. D. 6834, 6837 Caruso, P. 3030 Carvajal, C. Q. 6619 Carvalho, A. 7434 Carvalho, A. O. de 8701 Carvalho, C. H. S. 4507 Carvalho, D. B. 4199 Carvalho, E. B. 4199 Carvalho, F. I. F. de 1428, 2434, 5356, 5361, 5408, 5462, 5470-5471, 6619, 7809, 10285 10285
Carvalho, G. A. de 1705, 13116
Carvalho, G. R. 7225
Carvalho, H. 1650
Carvalho, H. W. L. de 9127, 10355, 10483
Carvalho, J. G. de 5752
Carvalho, J. M. F. C. 8660
Carvalho, J. R. P. de 2849
Carvalho, L. P. de 3190, 9915, 9918, 9925
Carvalho, M. A. 6895 9918, 9925 Carvalho, M. A. 6895 Carvalho, M. T. V. 12446 Carvalho-Niebel, F. de 5689 Carver, B. F. 1427, 8995, 9003 Carver, T. L. W. 2522 Carvil, O. N. 1694 Cary, J. W. 2144 Cary, T. R. 3728, 9367-9369, 10632-10633, 10663 Casacuberta, J. M. 2108, 4024, 4040

Casadoro, G. 824, 10837 Casal, C. 10540 Casal, C. L. 12941, 12948 Casal, J. J. 73 Casali, V. W. D. 2954, 8361, 9597 Casamitjana Martínez, E. 78 Casañas, F. 6693, 6925 Casanova, A. 5783 Casanova, C. 4308, 4445 Casanova Galarraga, E. 10847 Casarini, B. 7419 Casarini, E. 5531 Casas, A. M. 5552, 10510 Cascardo, J. C. M. 5729, 13411 Cascino, A. 8492 Cascino, A. 8492 Case, A. L. 7024 Caselli, S. 12322 Casey, R. 10688 Cash, S. D. 5664, 9323-9324 Cashmore, A. R. 6505, 7719-7720, 8900 7720, 8900 Casida, J. E. 8008 Casino, C. del 1941 Casler, M. D. 490-492, 11872, 11892 Casquero, P. A. 6923 Cass, D. D. 1355 Cassagne, C. 12644 Cassalett, C. 13395 Casse, F. 12307 Casse-Delbart, F. 3113 Cassells, A. C. 4111-4112 Casselton, L. A. 7617, 10085 Cassidy, B. G. 9043 Castaglione, S. 38 Castagna, A. 204 Castagna, R. 2454 Castagna, R. 2434
Castagnone-Sereno, P. 9620
Castaldini, P. 6581
Castaño, C. I. 12087
Castaño, F. 11036
Castelán, M. E. 11756
Castellano, E. 3946
Castells, W. 3344
Castiglione, S. 6761
Castiglioni, P. 1507, 5482 Castiglioni, P. 1507, 5482, 10370-10371 Castillo, A. M. 11673 Castillo, B. 4918 Castillo, D. 11817 Castillo, E. 1995 Castillo, J. 12025, 12027 Castillo, J. A. 1173 Castillo, P. 13140 Castillo, R. 7348, 8596 Castillo, R. O. 1768 Castillo, R. O. 1768
Castillo de Meier, G. C. 2169
Castle, L. 2342
Castrejón, J. 13237
Castro, A. M. S. 8270
Castro, E. da M. de 8105
Castro, V. 1634, 10589
Castro Neto, M. T. de 7900
Castroviejo, M. 12720
Casulli, F. 5407, 6642, 7859, 10306 10306 Catalá, M. S. 5940 Catalá, R. 5436 Catalán, P. 485 Catalán, P. 485
Catchpole, S. 11414
Cathala, N. 9886
Catling, P. M. 9672, 12221
Čatský, J. 7386
Cattan-Toupance, I. 9478
Cattivelli, L. 238, 245, 5388, 5451, 5473, 7908, 12788
Cattivello, C. 2816
Caubergs, R. J. 962
Cauchy, T. 6799
Cauwer, I. de 8464
Cayagnaro, J. B. 3808 Cavagnaro, J. B. 3808 Cavalcante, J. J. V. 9754 Cavalcanti, J. J. V. 9753 Cavalcanti, J. J. V. 9/5 Cavalleri, A. J. 11695 Cavallaro, A. S. 12256 Cavallini, A. 10401 Cavallo, C. 6592 Cavell, A. 5244 Cavell, A. C. 12270 Cavicchi, L. 12161

Cawood, M. 10311 Cazzatello, L. 3917 Cazzonelli, C. I. 12256 Cealâcu, M. 5308 Ceballos, H. 1521, 9177 Cebulla, M. 2448 Ceccardi, T. L. 12875 Ceccarelli, M. 8160, 11395 Ceccarelli, S. 2506, 4295, Ceccarelli, S. 2506, 4295, 12801
Cecchi, V. 6588
Cecchini, C. 6628
Cecchini, E. 3409, 7387, 11433
Cecchini, M. 7362
Cecconi, F. 10380
Cecen, S. 12860
Ceci, L. R. 5214
Cercialska Taras T. 9782 Ceci, L. R. 5214
Cegielska-Taras, T. 9782
Ceglińska, A. 12846
Čejka, L. 13027
Cejudo, F. J. 12726
Celami, A. 517
Celestino, C. 5058
Celio, G. J. 1072
Cella, R. 700, 4839, 5824
Čellárová, E. 10056-10057
Cellier, F. 12307
Celotti, E. 4878
Cen, C. 11266
Cen Chuan 11266
Cena, P. 2147
Cenci, C. A. 6859, 6899
Cenis, J. L. 7201
Cenklová, V. 875
Centeno, M. L. 3959 Centeno, M. L. 3959 Centre International de Hautes Etudes Agronomiques Méditerranéennes 1237 Century, K. S. 5260 Çeoloni, C. 9049 Čepl, J. 686 Cerbah, M. 9976 Cerbino, D. 7048, 11966 Cerff, R. 9487 Čergan, Z. 2552 Cerjani, Z. 2332 Cerioni, M. F. 4221 Ceriotti, A. 2823 Černý, J. 2445, 10323 Cerović, S. 3956 Červenski, J. 10676 Cervera, M. 846, 4910 Cervera, M. T. 7453, 12229 Cervone, F. 3743, 11512 Cesar, V. 9977 Cesari, A. 9641 Cesniene, T. 5447 Çetiner, S. 13298 Cetiner, S. 13298
Ceulemans, R. 1007
Ceylan, A. 1190
Cha, D. Y. 8860
Cha Dong Yeul 7620, 8860
Chaal, B. K. 4240
Chabanne, A. 3605
Chabbert, B. 7447, 10436
Chaboud, A. 9150
Chabra, B. S. 11831
Chabrillange, N. 2153, 9858 Chabrillange, N. 2153, 9858, 12368, 13627 Chacharkar, M. P. 10777 Chadov, B. F. 3416 Chae, Y. A. 10650 Chae, Y. S. 3953 Chae YoungAm 10650 Chae YunSeok 3953 Chae YunSeok 3953 Chaela, V. 11598 Chagala, E. 4102 Chagué, V. 755 Chahal, A. 13177 Chahal, G. S. 7306 Chahal, S. S. 5628 Chahota, R. K. 6949 Chai, J. H. 6034 Chai, T. Y. 9477 Chai JuHua 6034 Chai Tuan Yao 9477 Chaikiattiyos, S. 7230 Chair, H. 6758, 6799 Chakrabarti, D. K. 8475 Chakrabarti, S. K. 178, 1772, Chakrabarty, B. K. 13594

Chakrabarty, N. K. 13486 Chakraborti, P. 9818 Chakraborti, S. P. 4903, 9683-9684, 12245 Chakraborty, B. N. 5739 Chakraborty, S. 8224, 13149 Chakraborty, S. P. 7214 Chakraborty, U. 5739 Chakravarty, B. K. 1829, 13217 Chakravarty, T. N. 5642 Chakroun, M. 4574 Chalak, L. 4891, 4902 Chalapathi, M. V. 1685 Chalavand, A. 588 Chalchat, J. C. 13601, 13603 Chalmers, K. J. 6609, 9115. 9684, 12245 Chalmers, K. J. 6609, 9115, 11617 Chalutz, E. 7222 Chalyk, S. T. 10448 Chamberlain, J. R. 7462 Chamberland, M. 3311 Chamberland, M. 3311
Chamberlin, M. 10365
Chambers, A. Y. 13480
Chambers, P. G. S. 4065
Chamnongpol, S. 13436
Chamola, R. 7287, 13355
Champagne, E. T. 445, 9275
Champagne, E. T. 445, 9275
Champagne, G. 12278
Champenoy, S. 13415
Champolivier, J. 3102, 9764
Chamshama, S. A. O. 4099
Chan, K. F. 1619
Chan, K. W. 896
Chan, M. T. 7564, 8819, 10372, 10533, 11063, 12933
Chan, S. C. 8829
Chan, Y. K. 9728
Chan KookWeng 896
Chan MingTsair 10533, 11063, 11063, 11063, 11063, 11063, 11063, 11063, 11063, 11063, 11063, 11063 Chan MingTsair 10533, 11063, 12933 Chan ShiuChen 8829 Chancellor, T. C. B. 5177, 13018-13019 Chand, H. 2848, 3765, 5776-5777 Chand, L. 653 Chand, S. 6380 Chandarashekhar, C. H. 7326 Chandel, G. 12985 Chandel, G. 12985 Chandel, K. P. S. 346, 2870 Chandel, R. S. 10693, 13127 Chandel, S. T. 660 Chandel, Y. S. 13127 Chandirakala, R. 12011 Chandler, C. K. 6021-6022, 12198 12198 Chandler, J. 5220 Chandler, J. W. 2206, 3270 Chandler, L. D. 1516 Chandler, P. M. 3522, 10319, 10692, 11664 Chandler, V. L. 103, 10379, 11607 11697 Chandna, M. 6898 Chandra, B. V. 12973 Chandra, D. 6820 Chandra, N. 2029, 2623, 8513, Chandra, R. 8842 Chandra, S. 903, 6733, 9492 Chandrababu, R. J. 7253, 7255 Chandran, K. 8562 Chandrappa, H. M. 8844 Chandraprakash, J. 1749 Chandrasekharan, M. B. 7693, 10670 Chandreshwar Prasad 7017 Chandreyee Das 4144 Chandreyee Das 4144
Chandy, K. C. 10993
Chang, C. 6366, 9192, 12650
Chang, C. C. 9727
Chang, C. J. 12066
Chang, C. L. 5352
Chang, C. Y. Y. 2235
Chang, H. C. 3323
Chang, H. R. 13239 Chang, H. R. 13239 Chang, H. S. 5006 Chang, J. H. 6030, 8012 Chang, J. L. 12905 Chang, J. W. 9731, 9741 Chang, K. C. 1677, 2819

Chang, P. K. 2144
Chang, R. Z. 2807, 4636, 8238, 9420, 9434, 9444, 11945
Chang, S. C. 4348
Chang, S. H. 11175
Chang, S. J. 10412-10413
Chang, T. L. 1079
Chang, W. C. 6366, 10077, 13610
Chang, X. P. 2459 13610
Chang, X. P. 2459
Chang, Y. J. 13627
Chang, Y. M. 13239
Chang, Y. S. 6122, 7346, 7349, 8594, 8598
Chang, Z. F. 4101
Chang ChengLin 5352
Chang ChingChyn 9727 Chang ChingChyn 9727 Chang ChingChyn 9727
Chang HsienChang 3323
Chang JerWay 9731, 9741
Chang JinHua 6030, 8012
Chang RuZhen 2807, 4636, 8238, 9420, 9444, 11945
Chang TsehLing 1079
Chang WeiChin 13610
Chang XiaoPing 2459
Chang ZhongFang 4101
Channakrishnaiah, K. M. 2036, 7307-7308 7307-7308 Chantal, A. 8321 Chantes, T. 82 Chao, C. N. 9731, 9741 Chao, H. R. 9255 Chao ChengNan 9731, 9741 Chao HongRen 9255 Chaphekar, S. B. 7645 Chapin, F. S., III 1089 Chapman, D. F. 9335 Chapman, G. P. 6410 Chapman, H. 10991 Chapman, K. D. 6037, 6201 Chapman, M. 1086 Chapman, M. J. 2209 Chappelka, A. H. 1071 Chappelka, A. H. 1071 Chappell, J. 5013 Chapple, C. 2343, 11399, 11461 Chapurin, V. F. 8139 Chapuset, T. 11161, 11163 Charbonnier, M. 8345 Charchar, M. J. D'A. 8224 Charcosset, A. 1337, 4219, 5204, 5502, 5523, 7746, 7929, 7934 Charest, P. J. 1050, 13627 Charles, G. 730 Charlesworth, B. 3413, 7742, 12662, 12683
Charlesworth, D. 3413, 7649, 7742, 11253, 12276, 12662
Charlot, G. 864
Charlwood, B. V. 2234, 9931
Charmet, G. 4579-4580, 6522, 9029, 10275, 11878
Charmetant, P. 9859
Charng, Y. C. 4490
Charng YuhChyang 4490
Charon, C. 2738
Charpentier, J. P. 13340
Charrier, A. 932, 1451, 4999, 6158-6159, 7647, 8629, 9103, 9857, 9863, 9869, 9871, 10762, 12369, 13139 12662, 12683 10762, 12369, 13139 Charrière, F. 13366 Chartier, J. 12240 Charvat, B. 3475 Chasalow, S. D. 7745 Chase, C. D. 296 Chase, M. W. 5126, 5676, 8902, 10231, 12550 Chastain, C. J. 3280 Chat, J. 4887, 4891, 4902 Chatel, M. 353, 9232 Chatfield, J. A. 5996, 5999, 8410 Chatot, C. 8321 Chatterjee, A. 11066 Chatterjee, B. 6804 Chatterjee, S. D. 6790, 9220 Chatterji, D. 12339 Chatterton, N. J. 1635 Chattopadhyay, C. 7314

Chattopadhyay, M. K. 10129, Chattopadhyay, P. 2861-2862 Chattopadhyay, P. K. 7237 Chattopadhyay, S. 11448 Chaturvedi, M. 4160 Chaturvedi, S. 11375 Chaturvedi, S. K. 8287 Chatwachirawong, P. 918, 8332, Chatzialioglou, A. 2059 Chatzivasileiadis, E. A. 757 Chatzivasileiadis, E. A. 757 Chau, L. M. 3662 Chaubet, B. 223 Chaubet, N. 2340, 9136 Chaubet-Gigot, N. 11107 Chaudhary, B. D. 11997 Chaudhary, B. R. 2968 Chaudhary, B. S. 2074, 3140, 6117, 10725, 11061, 12349 Chaudhary, H. B. 6553 Chaudhary, H. K. 144, 478, 670, 5639, 11865, 13028-13029 Chaudhary, J. L. 432 Chaudhary, J. L. 432 Chaudhary, J. P. 9830 Chaudhary, M. T. 3692 Chaudhary, R. 7276 Chaudhary, R. C. 359, 12925 Chaudhary, S. 4944, 6083 Chaudhry, M. 9492 Chaudhuri, D. 11842 Chaudhury, A. 12636 Chaudhury, A. 12636 Chaudhury, A. M. 11438 Chaufaux, J. 3587 Chaufaux, J. 3587 Chauhan, G. S. 10648 Chauhan, J. S. 2651, 5583, 6782 Chauhan, M. P. 10702 Chauhan, R. S. 258, 1525 Chauhan, S. 4903 Chauhan, S. K. 7461 Chauhan, S. P. 12554 Chauhan, Y. S. 12008 Chaulet, E. 516 Chaumont, F. 4746, 12877-12878 12878 Chaure, P. T. 10085 Chausset, D. 4834 Chauvet, M. 5192, 8884 Chauvin, J. E. 11287 Chavan, A. S. 4680, 13380 Chavan, U. D. 2616, 2850 Chavanne, F. 9487 Chavarriaga-Aguirre, P. 13178 Chaves, L. J. 5185 Chaves, N. 1211 Chavez, V. M. 10973 Chavez-Lapitan, V. P. 13189 Chaw, S. M. 3233 Chaw ShuMiaw 3233 Chawla, B. 1822 Chawla, B. 1822 Chawla, H. K. L. 8527 Chawla, V. 221, 11586, 11649 Cházaro B., M. 3336 Chazdon, R. L. 4185 Che, X. Q. 3931 Che XiangQian 3931 Che XiangQian 3931 Cheah, S. C. 3980 Chebotar', L. L. 11078 Chebotar, O. D. 10448 Checheneva, T. N. 5520, 6713 Cheek, M. 3310, 4116, 5001, 10976, 13580 Cheema, D. S. 5917 Cheema, P. 7645 Chełkowski, J. 253, 1523 Chelliah, S. 8037 Chemeris, A. V. 6605, 9011 Chen, B. B. 9651 Chen, B. K. 3059 Chen, B. Q. 12462 Chen, B. K. 3059 Chen, B. Q. 12462 Chen, B. Y. 9240, 11808, 13209 Chen, B. Z. 1598, 2664 Chen, C. 7447, 11882 Chen, C. B. 11770 Chen, C. C. 7873, 8447 Chen, C. S. 9500 Chen, C. X. 1589 Chen, D. C. 8465, 9738 Chen, D. F. 4300, 9229 Chen, D. H. 5031

Chen, D. H. 5031

Chen XiongTing 12431 Chen XiuLan 12213

Chen, D. M. 2333, 9854, 10859 Chen, D. X. 343, 5599, 5762 Chen, D. Z. 11220 Chen, F. 2238, 12342 Chen, F. D. 8832 Chen, F. H. 13292 Chen, F. Q. 249, 3517, 5918 Chen, F. Z. 9705 Chen, G. L. 8088, 10556 Chen, G. M. 12250 Chen, G. M. 12230 Chen, G. Y. 4749-4750 Chen, H. 1568, 3635, 4556 Chen, H. B. 4527, 6039, 6764, 7216 Chen, H. C. 5902 Chen, H. H. 9426 Chen, H. P. 10921 Chen, H. S. 2564 Chen, J. 259, 2203, 7719, 11666, 12805 Chen, J. C. 4260, 7723 Chen, J. C. F. 3124 Chen, J. F. 775, 790, 1880, 13259 13259
Chen, J. G. 2141, 10557
Chen, J. J. 739, 4763
Chen, J. K. 8342
Chen, J. M. 2647, 12974
Chen, J. N. 2802, 3378
Chen, J. P. 12805
Chen, J. Q. 1864, 2660, 3860
Chen, J. S. 13292
Chen, J. T. 4771, 9240
Chen, J. W. 8673, 9215
Chen, J. X. 3469
Chen, J. X. 3469
Chen, J. Y. 9685, 11231, 11234
Chen, J. Z. 4794 Chen, J. Y. 9685, 11231, 11234 Chen, J. Z. 4794 Chen, K. R. 3637, 5613, 8076, 11823, 11833 Chen, L. 310, 2637, 2937, 3093, 4564, 6843, 8510, 8684, 9854-9855 Chen, L. B. 3620 Chen, L. F. 4420-4421 Chen, L. F. O. 2786, 3818 Chen, L. G. 7224 Chen, L. J. 2342, 8357, 10544 Chen, L. J. 2342, 8357, 10544 Chen, L. Q. 6003, 10888, 11234 Chen, L. Q. 6003, 10888, 11234 Chen, L. Y. 4545, 5575, 10803 Chen, L. Z. 8369, 12598 Chen, M. H. 2786 Chen, M. S. 3433, 5311, 7759 Chen, N. 444, 1593 Chen, N. C. 1838, 5937 Chen, P. 3733, 6299 Chen, P. D. 2406, 7793, 7860, 8832 Chen, L. F. O. 2786, 3818 8832 8832 Chen, P. S. 4639 Chen, P. W. 10544 Chen, Q. 2408, 4436, 4441, 6648, 7094, 11640 Chen, Q. B. 11171 Chen, Q. F. 2661 Chen, Q. G. 12639, 12650 Chen, Q. H. 12241 Chen, Q. Q. 4721, 11021 Chen, Q. X. 3000 Chen, Q. Z. 5625 Chen, R. K. 3131, 3136, 8592, 8600, 9825 Chen, R. M. 10325 Chen, R. P. 2633 Chen, R. X. 3637 Chen, R. Y. 6615 Chen, R. Z. 6647 Chen, S. 6239, 7412 Chen, S. C. 8815, 9705, 11259 Chen, S. C. G. 2786, 3818 Chen, S. H. 2657, 10299 Chen, S. H. 2037, 10239 Chen, S. L. 4403 Chen, S. W. 9752 Chen, S. Y. 6819, 8091, 8508, 9372, 9448-9449, 9453-9454, 9459 Chen, T. B. 12262 Chen, T. H. H. 249, 5443, 8957 Chen, T. J. 4046, 6188 Chen, W. 12907 Chen, W. C. 7937

Chen, W. D. 5626 Chen, W. F. 9255 Chen, W. H. 7564, 8819 Chen, W. P. 5649, 9376 Chen, W. Q. 6647 Chen, X. 376, 5413, 7580, 9078, 9357, 12759 Chen, X. B. 2238, 4550, 6814, 12262 Chen, X. F. 6908, 9378, 9380 Chen, X. F. 6908, 9378, 9380, 9415 9415
Chen, X. G. 9649
Chen, X. H. 5976, 6778, 11793
Chen, X. L. 364, 727, 12213
Chen, X. M. 10189, 12713
Chen, X. N. 13624
Chen, X. Q. 12213
Chen, X. T. 12431
Chen, X. Y. 6277, 8711
Chen, Y. 2646, 2796, 4624, 5581, 6794, 6802, 9941. 5581, 6794, 6802, 9941, 13080 Chen, Y. C. 1401 Chen, Y. F. 459 Chen, Y. J. 2564 Chen, Y. M. 4660 Chen, Y. M. 4660 Chen, Y. P. 8674 Chen, Y. R. 12295 Chen, Y. S. 9266 Chen, Y. W. 8238 Chen, Y. X. 4421, 5928 Chen, Z. 9396 Chen, Z. G. 8487, 9740, 11776 Chen, Z. H. 1985, 3196, 4237, 7621 Chen, Z 7621 Chen, Z. H. 1983, 3196, 4237, 7621
Chen, Z. J. 2935, 3103, 9406, 9772, 12868
Chen, Z. K. 904
Chen, Z. L. 2322, 3195, 3293, 6551, 7083, 9891
Chen, Z. M. 405
Chen, Z. Q. 8073, 13292
Chen, Z. X. 1916, 2466, 2468, 2647, 3205, 4696, 5030, 6164-6165, 10570
Chen, Z. Y. 4930, 7956, 13077
Chen, Z. Z. 11175
Chen BaiBing 9651
Chen BaoYuan 9240, 11808
Chen BaoZhang 1598, 2664
Chen BingKun 3059
Chen BingKun 3059
Chen BingKun 3059 Chen BingQuan 12462 Chen BingQuan 13209 Chen CaiCeng 7873 Chen ChangChun 8447 Chen ChengBin 11770
Chen ChingSan 9500
Chen Call W 2000 Chen-Cole, K. 8098 Chen CuiXia 1589 Chen DaCheng 8465, 9738 Chen DaMing 2333, 9854, 10859 Chen DeHua 5031 Chen DeXin 343, 5762 Chen DeXing 5599 Chen DeZhong 11220 Chen DongFang 4300, 9229 Chen FaDi 8832 Chen Fang 2238 Chen Fei 12342 Chen FengHua 13292 Chen FengZhen 9705 Chen FuQiang 249 Chen FuQuiang 3517 Chen GouLin 8088 Chen GuangMing 12250 Chen GuangYu 4749-4750 Chen GuoLin 10556 Chen HaiBao 6764 Chen HaiPing 10921 Chen Hao 1568 Chen HengHe 9426 Chen HouBin 6039, 7216 Chen HsuChing 9615 Chen JenTzu 4771 Chen JiaKuan 8342 Chen Jian 12805 Chen JianGuo 10557 Chen JianMin 2647, 12974 Chen JianNan 2802, 3378 Chen JianPing 12805

Chen JianQun 3860 Chen JianTong 9240 Chen Jian Ye 9685 Chen JianZhong 4794
Chen JinFeng 775, 790, 13259
Chen Jing 2323 Chen Jing 2203 Chen JiWei 8673 Chen JiXian 3469 Chen JuJiun 739, 4763 Chen JunShen 13292 Chen JunYu 11231, 11234 Chen JyChian 4260 Chen JuChian 4260
Chen KunRong 3637, 5613, 8076, 11823, 11833
Chen LanZhuang 12097
Chen Li 8510, 8684
Chen Liang 9854-9855
Chen LiangBi 3620
Chen LiangJwu 8357, 10544
Chen LiangZheng 12598
Chen LiGeng 7224
Chen LiGeng 7224
Chen LiLi 1607, 10567
Chen Ling 310
Chen LingJing 2342
Chen LiShan 12613
Chen LiSong 2303 Chen LiSong 2303 Chen LiYun 4545, 5575 Chen LongQing 6003, 10888, 11234 Chen LongYing 10803 Chen Lu 2937 Chen MeiHwei 2786 Chen MingSheng 3433, 5311, 7759 Chen Neng 444, 1593 Chen NungChe 1838, 5937 Chen PeiDu 7793, 7860, 8832 Chen Peng 6299 Chen PengWen 10544 Chen PinSan 4639 Chen Qi 7094 Chen QiFeng 8074 Chen Qin 6648 Chen QingHong 12241 Chen QingXi 3000 Chen QiuBo 11171 Chen QiuFang 2661 Chen QiZhi 5625 Chen QuanQing 4721, 11021 Chen RongZheng 6647 Chen RuiYang 6615 Chen RuKai 3131, 3136, 8592, 8600, 9825 Chen RuMei 10325 Chen RunXing 3637 Chen RuoPing 2633 Chen ShanChun 9705 Chen SheYuan 8508 Chen ShingChi 11259 Chen ShouLiang 4403 Chen ShouYi 6819, 8091, 9372, 9448-9449, 9453-9454, 9459 Chen ShunHe 10299 Chen ShunHui 2657 Chen ShunWei 9752 Chen SingChi 8815 Chen Song 6239, 7412 Chen TianBao 12262 Chen TingJun 4046, 6188 Chen WanQuan 6647 Chen WeiCheng 7937 Chen WeiDong 5626 Chen WeiPing 9376 Chen WenFu 9255 Chen WenPin 5649 Chen XianFeng 9378, 9380 Chen XiangFeng 9415 Chen XiangFeng 9415
Chen XiangGao 9649
Chen XiangNing 13624
Chen Xiao 5413, 9078, 12759
Chen XiaoBao 12262
Chen XiaoBin 2238
Chen XiaoQiang 12213
Chen XiaoQiang 12213
Chen XiaoQiang 6277, 8711 Chen Xiao Yong 6277, 8711 Chen Xin 9357 Chen XinBo 4550, 6814 Chen XiongHui 6778, 11793

Chen XiuLi 364 Chen XueHao 5976 Chen XueMie 10189 Chen Xun 7580 Chen Yan 9941 Chen YaoChu 1401 Chen Yi 2796, 4624, 13080 Chen YiFeng 459 Chen YihMing 4660 Chen Ying 2646, 5581, 6802 Chen YiSin 9266 Chen YiWu 8238 Chen Yong 6794 Chen YongXing 4421 Chen YongXuan 5928 Chen YuPing 8674 Chen YuRong 12295 Chen ZhangLiang 2322, 3293, 6551, 7083, 9891 Chen ZhanKuan 904 Chen ZhaoXia 2466, 2468 Chen ZhaoXia 2406, 246 Chen ZhaoYang 4930 Chen ZhengGuang 8487 Chen ZhengHua 7909 Chen ZhenGhua 11776 Chen ZhenGuang 9740 Chen ZhenLing 3195 Chen ZhenQuan 13292 Chen ZhiHong 4237 Chen ZhiQiang 4206 Chen ZhiQiang 8073 Chen ZhiXian 1916, 3205, 5030 Chen ZhiXiang 4696, 6164-6165 Chen ZhongHua 1985 Chen ZhongMing 405 Chen ZhuJun 2935, 3103, 9772 Chen ZongXiang 2647, 10570 Chen ZueyYing 13077 Chen ZuHai 3196 Chen ZuHai 3196 Chen ZuoHong 7621 Cheng, B. 2504 Cheng, B. Q. 7607 Cheng, C. Y. 11791 Cheng, F. 6378, 7365 Cheng, F. S. 1341, 12160 Cheng, F. Y. 11220 Cheng, H. 10835 Cheng, H. F. 8829 Cheng, H. H. 9816 Cheng, J. C. 2342 Cheng, J. S. 11231 Cheng, K. C. 12934 Cheng, K. J. 6076, 8188 Cheng, K. T. 3323, 5132 Cheng, I. A. 6034 Cheng, K. T. 3323, 5132
Cheng, L. A. 6034
Cheng, M. C. 3818
Cheng, M. J. 5168
Cheng, Q. 4037
Cheng, R. 11669
Cheng, S. H. 7860, 13341
Cheng, W. Y. 4623
Cheng, X. M. 10090
Cheng, X. Y. 435, 7820, 11854
Cheng, Y. C. 2151, 2859, 10052, 10772
Cheng, Y. H. 7083, 13239, 13329
Cheng, Y. J. 5625 13329 Cheng, Y. J. 5625 Cheng, Y. M. 10414 Cheng, Y. P. 1020 Cheng, Y. Y. 9633 Cheng, Z. H. 1884 Cheng, Z. K. 8050 Cheng, Z. M. 410, 6263, 7873, 9896, 10906 Cheng Bing 2504 Cheng BiQiang 7607 Cheng ChaoYang 11791 Cheng FangYun 11220 Cheng Fei 6378 Cheng Feng 7365 Cheng HaoHung 9816 Cheng Hong 10835 Cheng HweiFang 8829 Cheng JinChen 2342 Cheng JinShui 11231 Cheng KeCheng 12934 Cheng KuoJoan 6076

Cheng KurTa 3323, 5132 Cheng LiAn 6034 Cheng Luo 5432 Cheng MingJie 5168 Cheng Qi 4037 Cheng SanHu 13341 Cheng SainHu 15341
Cheng ShunHe 7860
Cheng WeiYuan 4623
Cheng XiaoMei 10090
Cheng XiongYing 11854
Cheng YaoChu 2151, 10052, 10772 101/12 Cheng YingHao 7083 Cheng YingHuey 13329 Cheng YongJian 5625 Cheng YouYu 9633 Cheng YuChang 2859 Cheng ZhaoMing 410 Cheng ZhaoMing 410 Cheng ZhiHui 1884 Cheng ZhuKuan 8050 Cheng ZhuoMin 7873 Chengalrayan, K. 2056, 8568 Chengappa, S. 12522 Chénieux, J. C. 1157-1158, 6326 6326 ChenZhu, X. Z. 6335 Cheong, H. S. 6490 Cheong, J. W. 9627 Cheong, K. F. 9931 Cheong, N. E. 8529 Cheong, Y. H. 9224, 11933 Cheong, Y. K. 7333, 8583 Cheong HyeonSook 6490 Cheong JaeWoan 9627 Cheong NaEun 8529 Cheong JaeWoan 9627
Cheong NaEun 8529
Cheong YeongKeun 8583
Cheong YongHwa 9224, 11933
Cheong YoungKeun 7333
Cheralu, C. 1753-1754
Cherenkov, A. V. 12890
Cherepneva, G. N. 13052
Cherkaoui, S. 4384
Cherkobaĭ, I. G. 10986
Chern, S. T. 9713
Chern ShiTarn 9713
Chernomorets, A. A. 10448 Chernomorets, A. A. 10448 Cherry, J. M. 5233 Cherry, R. J. 3250-3251, 4103, 4125 Cherubini, M. 6584 Chesnokov, Y. V. 7622 Chessa, I. 857, 860 Chet, I. 2123 Chetelat, R. T. 12096 Chetti, M. B. 10711 Chetti, M. B. 10711
Chetvertakova, N. N. 5410
Cheung, A. Y. 13629
Cheung, K. Y. 3394
Cheung, W. Y. 12278
Cheung KaYun 3394
Chevalier, M. 7137, 10878
Chevalier, P. 4374
Cheverud, J. M. 6526
Chevillard, M. 6479
Chèvre, A. M. 872, 3080, 3100, 4946, 9763, 11022, 12272
Chevreau, E. 7140, 7682, 9642, 10878, 12154
Chhabra, A. K. 4529
Chhabra, M. L. 8524, 13223
Chi, G. L. 13520
Chi, H. B. 2633
Chi, H. S. 11297 Chi, H. S. 11297 Chi, H. W. 13266 Chi GekLan 13520 Chi HeBao 2633 Chi HeBao 2633
Chi HongWen 13266
Chian, R. J. 561
Chian RuJu 561
Chiang, C. H. 3245
Chiang, V. L. 3382, 11175, 11186, 11394
Chiang ChiaHua 3245
Chiaretti, D. 11960
Chiarugi, P. 6192
Chiavarino, A. M. 6707, 10408-10410
Chiba. S. 922 Chiba, S. 922 Chibani, F. 12235 Chibbar, R. N. 1395, 6001,

Chiha, F. 12006 Chikani, B. M. 8564 Chikida, N. N. 6620 Chikida, N. N. 6620 Chikkadevaiah 7309 Chikkalingaiah 1599, 8083 Chikrizova, O. F. 3208 Child, A. 12034 Chilton, M. D. 2560, 3568 Chilton, W. S. 3568 Chimote, V. 11775 Chin, C. K. 759 Chin, D. B. 12082 Chin, J. F. 543 Chin, P. P. 896 Chin, S. W. 11281, 11305 Chin CheeKok 759 Chin CheeKok 759 Chin PohPeng 896 China, Citrus Research Institute 1984 China, Hunan Academy of Agricultural Sciences 1365, 2630 Chinbenjaphol, S. 10080 Chinbenjaphol, S. 10080 Chinchev, B. 6161 Chino, M. 4716 Chintapalli, P. L. 10714 Chinushi, T. 1692 Chinyamakobvu, E. 8090 Chirame, B. B. 13092 Chiron, H. 6629 Chisholm, S. T. 8964 Chitale, M. W. 2766 Chiteka, Z. A. 8576 Chithral, G. M. W. 648 Chittka, L. 13571 Chithral, G. M. W. 648
Chittka, L. 13571
Chittoor, J. M. 3652
Chitty, J. 13559
Chitty, J. A. 3276, 3280-3281
Chiu, W. L. 1079
Chiu WanLing 1079
Chiu WanLing 1079
Chiurazzi, M. 561
Chlan, C. A. 2144
Chlodwig, F. 1152
Chloupek, O. 2296, 2509, 2511, 8191, 8872
Chlyah, A. 4384, 6623
Chlyah, H. 4384, 6623
Chlyah, H. 4384, 6623
Chmara, W. 13430
Chmeley, V. 9491
Cho, B. H. 10152 Chmeley, V. 9491
Cho, B. H. 10152
Cho, C. 6322, 7516
Cho, C. H. 12843, 13235
Cho, H. M. 7141
Cho, H. S. 5017
Cho, H. T. 2667
Cho, J. H. 5222, 7021
Cho, J. J. 7022
Cho, J. J. 7022
Cho, M. C. 1856
Cho, M. J. 5222, 5577, 8529, 9224, 11933
Cho, M. R. 1872
Cho, S. K. 9363
Cho, S. Y. 7333, 8583, 9211, 9363-9364, 13010 Cho, S. 1. 7333, 8363, 9211, 9363-9364, 13010 Cho, U. H. 4306, 11261 Cho, Y. G. 364, 376, 12936 Cho, Y. H. 1802, 2013-2014, 4735-4737 Cho, Y. R. 11500 Cho ChangHwan 12843 Cho HyeonMo 7141 Cho HyeSun 5017 Cho HyungTaeg 2667 Cho JaHyang 5222 Cho JiHyoung 7021 Cho KwangSik 7141 Cho MooJe 5222, 5577, 8529, 9224, 11933 Cho MyeongCheoul 1856 Cho MyeongCheoth 1830 Cho SangKyun 9363 Cho SooYeon 7333, 8583, 9211, 9363-9364, 13010 Cho UnHaing 11261 Cho YangRae 11500 Cho YongGu 364 Cho YoungHwan 1802, 2013-2014, 4735-4737 Chochola, J. 3153 Chod, J. 2090, 8395

Chodová, D. 2090, 8395 Choe, M. S. 9224 Choe, S. 6507 Choe MiSook 9224 Choi, B. S. 7021, 8827, 8855 Choi, C. H. 5577 Choi, D. 9902, 12379 Choi, G. W. 11248 Choi, J. D. 4147 Choi, J. K. 9482 Choi, J. K. 9482 Choi, J. S. 507, 4590 Choi, K. C. 4957 Choi, K. T. 10063 Choi, K. T. 10063 Choi, K. W. 11139 Choi, M. S. 7451 Choi, M. S. 7451 Choi, M. Y. 4738 Choi, S. Y. 13006 Choi, T. J. 6402 Choi, W. Y. 13006 Choi, Y. C. 7215 Choi, Y. E. 4180, 5139, 10063 Choi, Y. H. 2353 Choi, Y. J. 9224 Choi, Y. O. 8529 Choi BooSull 7021, 8827, 8855 Choi CheolHoon 5577 Choi Doil 9902 Choi Doil 9902 Choi GeunWong 11248 Choi JeongDoo 4147 Choi JinKyung 9482 Choi JoonSoo 507, 4590 Choi KwangTae 10063 Choi KyuWhan 11139 Choi MiYoung 4738 Choi MyungSuk 7451 Choi Sun Young 13006 Choi TaeJoo 6402 Choi WonYul 13006 Choi YeonOk 8529 Choi YongEui 5139, 10063 Choi YongHwa 2353
Choi YoungCheol 7215
Choi YoungJu 9224
Choisne, N. 4643-4644
Chojsecki, J. 284, 10436
Chomczynski, P. 2295
Chomicz, B. 9781
Chon, K. H. 1465
Chon KilHyung 1465
Chong, D. K. X. 3786
Chong, J. 1478
Chong, K. 7804, 12753
Chong, L. C. Y. L. S. 3132
Chong, S. S. 8557
Chong Kang 7804, 12753
Chong Kang 7804, 12753
Chong SingSit 8557 Choi YongHwa 2353 Chong SingSit 8557
Chongo, B. 1669
Choo, T. M. 1452, 5428, 5705, 9334, 11675, 12800
Choo, Y. S. 10233
Choo YeonSik 10233
Chopra, V. L. 12273, 12286, 13354-13355
Chore, C. N. 1559
Chorlton, K. H. 497, 2687
Chory, J. 83, 1318, 2347, 2353, 3402, 8929, 8949
Chotechuen, S. 671, 5749
Chou, C. P. 8829
Chou, I. T. 4242
Chou, M. L. 11453 Chong SingSit 8557 Chou, M. L. 11453 Chou, W. M. 11413 Chou ChingPang 8829 Chou MingLun 11453 Chou WingMing 11413 Choudhari, B. T. 1559 Choudhari, K. G. 4765-4766 Choudhari, K. G. 4765-4766 Choudhary, M. K. 10577 Choudhary, O. P. 142 Choudhary, S. C. 2905 Choudhry, A. K. 6120 Choudhury, P. K. D. 11811 Choumane, W. 11993 Chourey, P. S. 10433, 12879 Chow, L. P. 13270 Chow, M. L. 9963 Chow, T. Y. 13077 Chow, W. S. 4032 Chow LuPing 13270 Chow LuPing 13270 Chow TehYuan 13077

Chow WahSoon 4032 Chowdari, K. V. 11759-11760 Chowdhry, M. A. 2458 Chowdhury, A. K. 3661, 5637, 13018 Chowdhury, A. M. 4665 Chowdhury, D. 761 Chowdhury, J. B. 2848, 6807, 7041 Chowdhury, M. K. U. 4788, 8540 Chowdhury, S. 208 Chowdhury, V. K. 6807 Chowings, W. 733 Chrástková, V. 5161 Chriqui, D. 998, 2314, 5054, 13412 Chrispeels, M. J. 1305, 3747, 8359, 12877-12878
Christ, B. J. 12020-12021
Christeller, J. T. 12136
Christen, P. 7586 Christensen, A. B. 4465, 10329 Christensen, A. H. 2730 Christensen, C. A. 4254 Christensen, D. 10351 Christensen, J. H. 7447 Christensen, J. V. 12266 Christensen, K. I. 4086 Christensen, L. 558 Christensen, L. P. 1064, 7553, 11285 Christensen, S. 13572 Christenson, E. A. 12542 Christerson, T. 2510 Christey, M. C. 1803, 4749-4750 Christiansen, F. B. 4282, 6535 Christiansen, H. 5736 Christiansen, J. L. 8114 Christiansen, S. 5314 Christiansen, M. L. 5245 Christie, B. R. 5705, 9334, 11910 Christie, C. B. 7503, 9579 Christie, J. M. 5231 Christie, P. J. 1280 Christopher, D. A. 1309, 6495 Christou, P. 370, 566, 5484, 5580, 5636, 6761, 6844, 10531, 11680, 11785, 13023 Christov, M. 3111, 12297 Christov, V. 6919 Chrpová, J. 2417, 6674 Chrpová, J. 2417, 6674 Chrzanowska, M. 9535 Chtioui, Y. 5648 Chu, B. Y. 10168 Chu, C. C. 6235-6236 Chu, J. Z. 4532 Chu, S. H. 6299 Chu BoYang 10168 Chu ChangChi 6235 Chu JuZheng 4532 Chu ShengHua 6299 Chua, N. H. 36, 2350, 4770, 5912, 6907, 8961, 11418, 11441, 12407 Chua NamHai 36, 2350, 4770 11441, 12407 Chua NamHai 36, 2350, 4770, 5912, 6907, 8961, 11418, 11441, 12407 Chuang, L. H. 8869 Chuang LiuHsiung 8869 Chuck, G. 9164 Chudzik, H. 7662 Chueca, A. 1719 Chueca, A. 1719 Chueire, L. M. de O. 8254 Chugh, L. K. 1415 Chukwu, U. 3063 Chumak, M. V. 2576 Chun, J. U. 11630 Chun, J. Y. 8925 Chun, T. J. 8348 Chun, U. B. 260 Chun, Y. W. 8874 Chun JongYoon 8925 Chun TongJing 8348 Chun YoungWoo 8874 Chung, B. C. 1310 Chung, E. S. 748 Chung, I. K. 5579, 12069 Chung, I. M. 3640

Chung, J. 10643, 11958 Chung, M. G. 3274 Chung, M. S. 5021, 9792 Chung, O. K. 1380-1382, 1392, 3485, 7826, 8866, 9051 Chung, S. D. 10054 Chung, S. D. 10054
Chung, S. H. 8827, 8855
Chung, W. I. 9671, 10846
Chung, W. J. 12045
Chung, W. J. 12045
Chung, Y. S. 12501, 12514
Chung, Y. Y. 4144
Chung ByoungChull 1310
Chung EunSook 748
Chung IIKyung 12271
Chung IIKyung 12069
Chung IIIKyung 12069
Chung IIIKwon 5579
Chung MinSup 5021, 9792
Chung MyongGi 3274
Chung SangHwan 8827, 8855
Chung SuDong 10054
Chung WonII 9671, 10846
Chung WookJin 12045
Chung YongYoon 4144
Chung YoungSoo 12501, 12514
Chuni Lal 11056 Chuni Lal 11050 Chunilal 12885 Chupeau, M. C. 11136 Chupeau, Y. 11136 Chuprina, M. A. 276 Chuprina, V. P. 7856 Church, G. E. 9927 Church, L. 5485 Churchill, G. A. 7062 Churchill, K. 7435 Churin, J. 12782 Chuzaemi, S. 442 Chweya, J. A. 1242, 9560, 10105 Chye, M. L. 3394 Chye MeeLen 3394 Chye, M. L. 3394
Chye, MeeLen 3394
Ciaffi, M. 4399, 9049
Ciampaglio, C. N. 6481
Ciampolini, F. 1344
Čiamporová, M. 6721
Cianzio, S. R. 572, 3735, 9431
Cianzio, S. R. de 5735
Ciardi, J. A. 3835, 12092
Cibula, W. G. 5171
Ciccarese, F. 13224
Ciccoli, R. 7010
Ciccotti, A. M. 3049
Cicek, M. 9190
Cicero, S. M. 1492
Cicha, A. 12834, 12854
Cicha, A. 12834, 12854
Cicky, W. 5679
Çiftçi, V. 10697
Cilas, C. 9869, 12373
Cilliers, B. 7228
Cilliers, J. D. 9195, 11749
Cimato, A. 6100
Činč, M. 1196
Cinquanta, L. 13377
Cincov, A. S. 5773 Cinc, M. 1396 Cinquanta, L. 13377 Cinsoy, A. S. 5773 Cinsoy, A. S. 11925, 12176, 12178, 12267 Ciocăzanu, I. 3543 Ciocazanu, I. 3543 Ciociola, A. I. 12895 Ciolpan, G. 10248, 10314 Cioni, F. 11098 Cionini, G. 6096 Cionini, P. G. 8160, 11395 Ciotti, E. M. 11756 Cipollaro, M. 8492 Cipriani, G. 1954, 1956, 4886, 4894, 4900, 7213 Ciriciofolo, E. 6595 Čirkova, G. M. 8392 Čirkova-Georgievska, M. 10811 Čirkova-Gjorgievska, M. 10811 Cirulli, M. 13224 Cisneros, A. 1995, 6060, 9725-9726 97/26 Cisneros, P. 12096 Cisse, N. 3768 Cistué, L. 4306, 11673 Citores, L. 4905 Citovsky, V. 4248, 7085 Ciuffreda, P. 9899-9900 Claassen, M. M. 5411

Clacher, K. 7 Clack, T. 65, 10187 Claesson, L. 9014 Claflin, L. E. 4524 Clatin, L. E. 4524 Claparols, I. 6314 Claridge, M. F. 13630 Clark, A. J. 11512 Clark, G. P. 286 Clark, J. R. 12200 Clark, K. M. 2776, 10663, 13070 13070
Clark, L. E. 2610, 10504
Clark, L. G. 1215, 3336, 4197, 6396, 6400, 7615
Clark, M. S. 3359, 8876
Clark, R. B. 319, 9199
Clark, S. G. 543, 8204
Clarke, A. E. 1342, 4027, 4029, 7384 Clarke, B. 3495 Clarke, B. 3495 Clarke, D. D. 1476 Clarke, F. R. 5358 Clarke, J. D. 2360, 8958 Clarke, J. M. 1377, 1409, 3461, 3481, 4395, 5327, 5365, 11542, 12717 Clarke, M. C. 5636, 6844 Clarke, N. A. 923 Clarke, P. J. 200 Clarke, R. C. 3210, 3214, 5042-5043 Clarke, R. T. 6147 Clarke, S. R. 12557 Clarkson, D. T. 1455 Clarkson, J. M. 9582 Clary, D. 9893 Clausen, A. M. 13161 Clavé, J. 9743 Clavel, D. 2600, 7974, 7986, 7995, 8574 Claverie, J. 10899, 12180 Clavero, J. 3929 Clawson, S. 1378 Clawson, S. M. 1394 Claxton, J. R. 9582 Clay, H. A. 11191 Claydon, R. B. 2694, 2706, 2746 2746
Clayton, G. W. 200
Clayton, K. 10653
Cleary, S. P. 5760
Clegg, M. T. 2382, 12257, 12257, 12783
Clem, R. L. 8227
Clemants, S. E. 5089, 13522
Clément, C. 10037
Clement, C. R. 10109
Clément, D. 11101
Clément, G. 6799 Clément, G. 6799 Clément-Demange, A. 11161, 11163 Clements, J. D. 9522, 12022 Clements, R. K. 12530 Clendenen, G. W. 5061 Clendennen, S. K. 4906 Cleomene, J. 9805 Clerck, R. de 3388 Clerck, R. de 3388 Clerck, R. de 3388 Clercq, J. de 3373, 6927, 9474 Clercq, R. de 7711 Clergeot, P. H. 11903 Cleve, B. van 85, 6509 Cleveland, T. E. 2144, 5536, 7956 7956
Clikeman, A. D. 10630
Cline, K. 1510
Cline, M. N. 6552
Cline, W. O. 7176
Clinebell, R. R., II 11255
Cliquet, J. B. 5014
Clore, A. M. 3571, 10478
Close, P. S. 283
Close, T. J. 249, 664, 1256, 11551, 12875
Clough, R. C. 4470
Clouse, S. D. 6906
Clowez, P. 4203
Clulow, S. A. 676 Clulow, S. A. 676 Cluster, P. D. 2734 Cobb, B. G. 3564 Cobbett, C. S. 13629

Cober, E. R. 583, 3718, 11927-11928, 13076 Coble, C. J. 6903 Coca, M. A. 13434 Cochran, K. C. 5996 Cochran, K. D. 5999, 8410 Cochran, K. C. 5996
Cochran, K. D. 5999, 8410
Cock, J. 13395
Cock, J. M. 725, 2936
Cockerham, C. C. 1490, 12674
Cocking, E. C. 13627
Codianni, P. 6585-6586, 6592-6593, 6685, 11541
Codina, C. 1172
Codoni, D. 6594
Coe, E. H. 327, 1506, 7926, 7967, 9185, 10373, 11699
Coelho, A. G. 6719
Coelho, R. M. S. 11728
Coelho, R. S. B. 3774-3775
Coen, E. 10018
Coen, E. S. 2220
Coenen, C. 10813
Coetzee, N. A. 8606
Coffelt, T. A. 6113, 11048
Coffin, R. 13155
Cogoni, C. 3381
Cohat, J. 11287
Cohen, A. 1273, 5920, 11276
Cohen, A. C. 6235-6236
Cohen, M. 8650, 9747
Cohen, M. 8650, 9747
Cohen, M. B. 471, 473, 3662, 6846
Cohen, O. 3832 6846 Cohen, O. 3832 Cohen, S. 1848, 3843 Cohen, O. 3832
Cohen, S. 1848, 3843
Cohn, J. 8236
Cohn, N. S. 1711
Cointry, E. 2941, 13254-13255
Cointry, E. L. 13205
Coker, D. R. 13445
Coker, P. S. 11213
Colabelli, M. 11036
Colak, N. 11530
Colasante, M. 1113
Colasante, M. 1113
Colasanti, J. 10457
Colbaugh, P. F. 9314
Colbert, J. T. 289
Colborn, N. 4133
Colby, S. M. 8366
Cole, D. J. 4478
Cole, G. 10998
Coleman, M. D. 13496
Coleman, M. D. 13496
Coleman, M. D. 13496
Coleman, P. M. 1799
Coles, G. D. 628
Coleta Filho, H. D. 10969 Coleta Filho, H. D. 10969 Coletta Filho, H. D. 10967 Coletti, A. 6579, 6598, 9358 Coll, Y. 6808, 11817 Collado, L. S. 706 Collavino, M. 9913 Collavino, N. 1722
Coller, L. van 3414
Collett, C. E. 10161
Collin, H. A. 5647
Collin, J. 6648, 10324, 11656
Colling, C. 1207
Collinge, D. B. 4462, 4464-4465, 10329
Collins, F. I. 6903
Collins, F. I. 6903
Collins, G. B. 3715
Collins, J. 3851
Collins, N. 4057
Collins, N. C. 10332
Collins, R. P. 3695, 10618
Collison, M. 4581
Colliver, S. P. 608
Collimenero-Flores, J. M. 611, Collavino, N. 1722 Colmenero-Flores, J. M. 611, Coloccini, M. 12220 Colombo, C. 10762 Colombo, L. 7109, 12223 Colombo, M. 8622 Colombo, M. L. 238 Colonna, G. 906 Colonna, M. 6568, 6585, 6593, 7769 Colson, M. 13598 Colton, B. 869-870 Colucci, G. 3747

Colugnati, G. 1938, 4878 Colunga-García Marín, P. 4058 Comai, L. 7692, 12613 Coman, M. S. 4849, 4851 Comas, C. 10394 Combes, M. C. 932, 7319, 8629, 9863, 11816, 13331 Combs, C. 5232 Comeau, A. 6648, 10324, 11656 Çömlekçioğlu, N. 4830 Companioni, L. 9726 Compoint, J. P. 6629 Comps, B. 4069, 9971 Compton, W. A. 2551, 5477, 5545 Colugnati, G. 1938, 4878 5545 Comstock, J. C. 2080, 3133-3134, 12353 Comstock, R. E. 1490 Conard, S. G. 4068 Concari, L. 2774, 4296, 6581 Conciatori, A. 6628 Concibido, V. C. 5211 Concilio, L. 9853 Condro, R. 12137 Condron, R. 12137
Conéjéro, G. 12307
Conejero, V. 3839, 5926
Confalonieri, M. 7442
Confalonieri, V. 10394
Conger, B. V. 489
Conicella, C. 679
Conkle, M. T. 4068
Conkling, M. A. 8636
Conner, A. J. 685, 938, 1803, 4749-4750, 7375, 8360, 12386 12386 Conner, J. A. 11012 Conner, J. K. 4955, 5846 Conner, P. 11012 Conner, P. J. 10867 Conner, R. L. 4436, 11640 Connerton, I. 5104 Connerton, I. 5104
Connerton, I. F. 10085
Connolly, E. 11462
Connolly, T. 931
Connolly, V. 8139
Conocono, E. A. 12971
Conrad, U. 2100, 11110, 12605, 13158 Conrath, U. 7597, 12411 Consaul, L. L. 5662, 6857 Considine, J. A. 8741, 8865 Consiglio, F. 687 Consiglio, F. 687 Consolacion, E. C. 6338 Consonni, G. 1508, 6695, 10429, 10450 Constabel, C. P. 4293 Constable, J. V. H. 1044 Constantino, S. V. 9225 Constantinovici, D. 4006 Contarini, M. G. 7737 Conte, L. 1924, 3018-3019, 9808 9808 Conti, D. 2973, 6582 Conti, S. 225, 4523, 5531, 8018, 9198 Contoli, S. 2774, 6581, 6598, 9358 Contreras, G. B. 6240 Conus, M. 9623 Converso, R. 9358 Converso, R. 9358 Conway, G. 5183 Conway, L. J. 6501 Cook, A. 11668 Cook, B. G. 8226 Cook, C. G. 2131, 2146, 3201, 3212, 5036, 6225, 6231 Cook, D. R. 6243 Cook, D. R. 6243
Cook, I. O. 8699
Cook, R. J. 5213, 7757, 11470
Cooke, R. 3538, 5226
Cooke, R. J. 7787, 11550
Cooke, T. J. 2374
Cooley, M. B. 13215
Coomber, S. 9931
Coon, C. 6371
Cooney, S. E. 10186
Coop. "de ZPC" BA 8310-8314
Cooper, F. 4071
Cooper, H. B. 6214, 6216, 6246
Cooper, H. B., Jr. 6211, 8665
Cooper, J. I. 2124

Cooper, M. 209, 539, 2453, 2669, 6635, 9197, 10509 Cooper, R. L. 3708, 3710-3711, Cooper, W. 9606 Coops, H. 4072 Coops, H. 4072 Coors, J. G. 1533, 3588 Cope, T. A. 13043-13044 Copeland, L. O. 3358 Copenhaver, G. P. 5229 Coppens d'Eeckenbrugge, G. 9719-9722, 9729 Coppey, G. 1828 Copping, L. 17 Coppey, G. 1828 Copping, L. 17 Coppolino, F. 6642 Coraggio, I. 455, 3613 Corazza, L. 1477, 4041, 7188 Corazzina, E. 8397 Corbellini, M. 4355, 6622, 6685-6686, 9044, 9052 Corbiere, R. 13139 Corbin, D. R. 6190 Corbineau, F. 4098 Corcuera, V. R. 10466, 10489-10490 10490 Cordeiro, A. 949 Cordeiro, C. 12884 Cordeiro, M. C. 7737 Corden, S. 10195 Cordenunsi, B. R. 3927 Cordero, M. J. 6758 Cordewener, J. H. G. 875, 4026 Cordischi, N. 12042 Cordo, C. A. 4422-4423, 9070 Cordonnier-Pratt, M. M. 9591, 10808 T0808 Córdova, H. 5514-5516 Cordts, S. 10417 Cordts, T. 10416 Corey, A. C. 2683 Corff, J. le 12534 Corić, T. 5486, 5509 Corich, V. 5720, 9350 Cork A 4265 Cork, A. 4265 Corke, F. M. K. 5049 Corke, H. 706, 3539 Corke, H. 706, 3539 Corlett, J. 1816 Cormack, R. S. 10150 Cornacchia, G. 12460 Corneanu, G. 10988 Cornélio, M. T. M. 6049 Cornélio, V. M. de O. 4536, 10528 Cornelissen, B. 12111 Cornelissen, M. 1488, 2101, 6699 Cornelius, J. P. 8709 Cornic, G. 12453 Cornillon, P. 1844 Cornish, E. 555, 4033-4034 Cornuet, J. M. 12660 Corona, B. 3058 Corona, R. M. C. 6346 Corona, R. M. C. 6346
Coronado, C. 13047
Corrado, G. 13424
Corre, V. le 2159, 3218, 8705
Corrêa, R. X. 2784
Correa-Victoria, F. 5627
Correal, E. 4190
Corredor S., E. 5574
Corrigan, V. 1909
Corrin, A. A. 816
Corsini, A. 238
Corsini, D. 4702
Cortés R., G. 3336
Cortez, M. G. R. 1549
Cortez, M. J. 2533
Coruzzi, G. 2832
Coruzzi, G. M. 10173, 10185
Coyell, V. H. 10660
Coschigano, K. T. 10173
Čosić, J. 5401 Ćosić, J. 5401 Coşkunçelebi, K. 2139, 6330 Cosser, N. D. 4379 Cosset, A. 5793 Cossignani, L. 3978 Cossis, F. 6010 Costa, A. 687 Costa, A. S. 6035 Costa, C. L. 7721 Costa, C. P. da 10857

Costa, D. M. da 9528 Costa, G. 1954, 4894 Costa, I. T. da 3123 Costa, J. 5940, 9617 Costa, J. C. G. 6735 Costa, J. N. da 9915, 9918, 9924-9925 Costa, P. 995, 2170, 13509
Costa, R. A. da 6748, 10527
Costa, S. F. 2147
Costa de Macedo, C. 2670
Costa e Silva, J. 12476
Costacurta, A. 10950
Costello, T. A. 6784
Costet, L. 13307
Cota, J. H. 6375
Côté, C. 13512
Côte, F. 9867
Cother, E. 13011
Cotte, B. van de 1304
Cottrell, J. E. 1004-1005
Coughlan, S. 10998
Coulibaly, M. M. 5634
Coulman, B. 8188
Coulman, B. E. 5702, 11755, Costa, P. 995, 2170, 13509 Coulman, B. E. 5702, 11755, 11873 Counce, P. A. 5601, 6784 Coupe, S. A. 8461 Coupland, G. 1297, 10181, 10184, 10195, 10198 Courbou, I. 12865 Courbou, I. 12865
Courtel, A. de 755
Court, D. L. 966
Courtial, B. 10160
Courtois, B. 5593, 8102, 9250
Coury, D. A. 5245
Cousens, R. D. 12772
Cousin, R. 616
Cousineau, J. C. 7161
Coutand, C. 4759
Couteau, F. 2104, 5241
Coutinho, J. L. B. 9810 Coutinho, J. L. B. 9810 Couto, F. A. D. 7243 Coutos-Thévenot, P. 4876 Coutts, M. P. 12477 Coutts, R. H. A. 928 Couturier, C. 4010 Couturon, E. 12369 Couvet, D. 5153, 8854 Covane, S. T. 6744 Covane, S. 1. 6744
Covarrubias, A. A. 611, 8923
Covey, S. N. 3409, 7302, 11433
Cowling, R. 10180
Cowling, R. J. 3399, 12640
Cowling, W. A. 556, 13623
Cox, A. V. 3304, 5126, 8902, 11314 Cox, C. 11500 Cox, G. 4577 Cox, K. N. E. 8873 Cox, M. C. 6135 Cox, P. A. 8873 Cox, T. S. 1380-1382, 1392, 1440, 1443, 3502, 3506, 6569, 9076 Coy, A. E. 2392, 3083 Coyle, G. 7409 Coyle, G. G. 976, 4050 Coyne, J. A. 128 Cozza, R. 8544 Cozzolino, S. 6368 Crabb, D. 12802 Crabbé, J. 9473 Crăcană, A. 7195, 7204 Crackles, F. E. 1640 Crackles, F. E. 1640
Craenen, K. 843
Craiciu, D. S. 4970
Craig, J. 8279
Craig, S. 11438, 12636
Craig, W. 4956
Craik, D. 9588
Craik, D. J. 11116
Cramer, C. L. 1714
Cramer, C. S. 5092, 10849-10850, 13263
Crane, C. F. 11151
Crane, J. M. 3993
Crane, V. 10488
Cranstoun, D. A. S. 4458 Cranstoun, D. A. S. 4458 Crasta, O. R. 2476 Craufurd, P. 4285

Craufurd, P. Q. 2059, 12909 Crawford, D. J. 1095, 10616 Crawford, N. 7712 Crawford, N. M. 2330, 5234, 5239, 10164 Crea, F. 2734, 6695 Créach, A. 10322 Creaser, E. H. 11911 Crèche, J. 1158 Creemers-Molenaar, J. 5863, 9563, 11301 Cregan, P. B. 1680, 1695, 1997, 5682, 6045, 13317 Cregg, B. M. 1043 Creij, M. G. M. van 1119, 11306 Creissen, G. P. 1716, 5760 Creller, M. A. 825 Cremeens, C. R. 6903 Cremona, R. 5700 Crepel, C. 1911 Crespan, M. 13296 Crespi, M. 523, 2738, 8195 Crespi, S. 3842 Crespo, M. B. 6388 Cress, W. A. 6223, 11378 Cresswell, J. E. 2017, 10226 Cresti, M. 1344, 1941, 6100, 6540 Creusot, F. 607, 6936 Cribb, L. 11691 Cribb, P. J. 5127 Crisosto, C. H. 12190 Crisosto, G. M. 12190 Crisóstomo, J. R. 9753-9754 Cristaldo, R. M. de L. O. de 5408 5408 Cristaldo, R. M. L. O. 5408 Cristea, M. 9134 Cristofaro, M. 12042 Croat, T. B. 3312 Crochemore, M. L. 526, 8173, 9327 Crock, J. 4187, 8366 Crofton, G. R. A. 603 Croix, I. la 5127 Croke, J. T. 4111-4112 Crombie, H. J. 12522 Crone, D. E. 12875 Cronin, K. 5240 Cronk, Q. C. B. 1094 Cronn, R. 893 Croom, E. M., Jr. 8727 Cros, J. 8629 Cros, J. 8629
Crosatti, C. 245, 5388
Crosbie, G. 3480
Crosbie, G. B. 3476, 4393
Crosby, W. L. 12616
Cross, J. W. 1350
Cross, R. J. 7752
Crossa, J. 1491, 3549, 4413, 5357, 8892, 11602, 11716
Crossland, L. 10159
Crossland, C. 3802
Crotean, R. 3243, 4187, 8366 Croteau, R. 3243, 4187, 8366, 8853, 11405, 11412 Crouch, H. K. 6040, 6045, 12249 Crouch, J. 12247 Crouch, J. H. 1971, 3060, 6040, 6045, 12249, 13306 Croughan, T. P. 6248 Crow, J. F. 9126 Crowe, F. D. 13204 Crowell, D. N. 9370 Crowther, T. C. 5834, 5862 Crozier, R. H. 5290 Crozier, R. H. 5290
Cruickshank, A. 2055
Crute, I. R. 1327, 7679
Cruz, C. D. 4648, 5186, 5475, 6827, 9475, 10516-10517, 10927, 11844-11845, 12460
Cruz, F. 299
Cruz, I. 8024, 12895
Cruz, M. de la 8631
Cruz, N. D. da 12370
Cruz, N. dela 6816
Cruz, N. M. dela 8082
Cruz, S. S. 8652, 13422
Cruz de Mello Sereno, M. J. Cruz de Mello Sereno, M. J. 5462

Cruz-Hernández, A. 8478 Cruz-Ortega, R. 1421 Cruzan, M. B. 7702 Csanádi, G. 13247 Csapó, B. 1520 Cselényi, L. 6669, 12797 Cseuz, L. 4322 Csõsz, M. 4322 Cuadra, C. de la 7906 Cuadrado, A. 1795 Cuadros, S. 9748 Cuba, M. 11409 Cubero, J. I. 565, 1668, 6922, 9467 Cubicciotti, G. 12208 Cubillos, A. 9547 Cuéllar, J. M. 6125 Cuesta, X. 4683, 4697 Cueto, C. A. 7322 Cuevas, J. 8543 Cugini, D. 4504 Cuguen, J. 8854, 11081, 13401 Cui, D. C. 5513 Cui, D. Q. 189 Cui, G. X. 2151 Cui, H. A. 8491 Cui, H. W. 1883, 13267-13268 Cui, J. 9253 Cui, L. H. 7909 Cui, M. Q. 6108 Cui, P. Y. 11173 Cui, S. P. 310 Cui, W. F. 9457 Cui, W. F. 9457 Cui, X. A. 8556 Cui, X. C. 6980 Cui, Y. Z. 6034 Cui, Z. G. 9387, 9400, 9462 Cui, Z. L. 1696, 2810, 13064 Cui DangQun 189 Cui DeCai 5513 Cui QuoXion 2151 Cui GuoXian 2151 Cui HongAn 8491 Cui HongWen 1883, 13267-13268 Cui LiHua 7909 Cui MiaoQing 6108 Cui PeiYi 11173 Cui ShaoPing 310 Cui WenFu 9457 Cui XiAn 8556 Cui XingChun 6980 Cui YanZhi 6034 Cui ZhangLin 1696, 2810 Cui ZhanGlin 9387, 9400, 9462 Cui ZhangLin 13064 Cuisset, C. 10947 Ćulafić, L. 12058 Culbreath, A. K. 3988 Culham, A. 12507 Culiáñez-Macià, F. A. 6503, 7545 7545 Culligan, K. M. 4253 Cullimore, J. 5689 Cullimore, J. V. 1650 Cullings, K. W. 11403 Cullis, B. R. 556, 1375, 1375, 4472 Cullis, B. R. 556, 1375, 1375, 4472
Culvenor, R. A. 8149
Cuming, A. C. 11585
Cummings, M. 6128, 6941
Cummings, M. P. 12783
Cummins, J. 7120
Cummins, J. 7120
Cummins, J. N. 7127
Cunfer, B. M. 1441
Cunha, A. 11156
Cunha, A. P. da 4191
Cunha, E. T. 2896
Cunillera, N. 4238
Cunnac, S. 7019
Cunningham, C. 6415
Cunningham, F. X., Jr. 11384
Cunningham, F. X., Jr. 11384
Cunningham, F. M. 2339
Cunningham, F. J. 4574
Cunningham, S. M. 13046
Cuomo, G. J. 1671
Cuong, N. L. 3662
Curie, C. 2951
Curković Perica, M. 11109
Čurn, V. 7281, 10691, 11006
Curnow, R. N. 5216
Currah, L. 4722, 5859

Currah, L. 4722, 5859

Curran, S. P. 1380-1382, 1392 Currie, A. J. 3873 Currie, A. J. 3873
Currie, G. 8370
Currie, R. W. 1357, 9775
Currie, V. 13155
Curtin, B. M. 188
Curtis, I. S. 3820
Curtis, M. D. 1665
Curtis, P. S. 7024
Curvetto, N. 5122
Curvetto, R. O. 12831
Curvo, J. B. E. 6735
Cushman, J. C. 1421, 13582
Cushman, M. A. F. 13582
Cushman, M. A. F. 13582
Cushdan, M. A. F. 13582
Cushda, R. M. 7376
Custers, J. B. M. 4026, 11309
Cusumano, J. C. 11461
Cutler, A. J. 12616, 13357
Cutler, S. 4234
Cuvillier, C. 11417
Cuzzoni, E. 6761
Cvikrová, M. 13494
Cvrčková, F. 5227
Cybularz, T. 5931
Cygankiewicz, A. 11613-11614, 12824, 12826, 12847
Cyr, S. S. 13503
Czaja, I. 949, 2119, 4035
Czajka, S. 7673
Czarnecka-Verner, E. 5304 Currie, G. 8370 Czajka, S. 7673 Czarnecka-Verner, E. 5304 Czarnecki, E. 5326 Czeladzka, B. 5822 Czembor, E. 8137, 8164 Czembor, H. 2470 Czembor, H. J. 2391 Czerwińska, E. 12837 Czeschin, D. G., Jr. 6729, 11746 Czeschin, D., Jr. 2604 Czihal, A. 10196 Czosnek, H. 1991, 7085-7086, 9608 Czubaszek, A. 190, 7895 Czuber, B. 5931 Czuchajowska, Z. 193, 3472 Da, L. Z. 10249 Da Câmara Machado, A. 7209 Da Câmara Machado, L. M. 7209 Da Costa, C. P. 10857 Da Costa, D. M. 9528 Da Costa, I. T. 3123 Da Costa, J. N. 9915, 9918, 9924-9925 9924-9925
Da Costa, R. A. 6748, 10527
Da Cruz, N. D. 12370
Da Cunha, A. P. 4191
Da LongZhu 10249
Da Mota, W. F. 1837
Da Silva, A. L. S. 6666
Da Silva, A. P. G. 9810
Da Silva, J. A. L. 2809
Da Silva, J. B. 10798, 12916
Da Silva, M. B. 13116 Da Silva, M. B. 13116 Da Silva, M. F. F. 7240 Da Silva, M. J. 4571 Da Silva Coelho, A. F. 8469
Da Silva Filho, P. M. 8072
Da Silva Junior, J. F. 7241
Da Silva Leal, M. D. L. 9127
Da Silva Leal, M. de L. 11041 Da Silva Pereira, A. 9528 Daba, C. 2815 Dabauza, M. 784, 9621-9622 Dabert, M. 5199 Dabrowska, B. 7357 Dabrowska, J. 1153, 1178 Dadashev, S. Ya. 6690, 11684 Dadd, R. 3813 Dadd, R. 3813 D'Addabbo, T. 4978 Dade, P. J. 5217 Dadley, J. T. 8085 Dadson, R. 7027 Dadzie, B. K. 7648 Daele, H. van den 7711 Daelen, R. van 1464 Dafalla, G. 3859 Dafforn, M. R. 6390, 7600, 12570 Dafni, A. 11489 Dag, A. 7231

Dagani, C. 8864 D'Agnano, G. 6592 Daguin, F. 9331 Dahat, D. V. 3766 Daher, R. F. 2954, 10516-10517 Dahinden, I. 6700 Dahiya, B. N. 5779 Dahiya, B. S. 644, 7286 Dahlbeck, D. 5260 Dahlberg, J. A. 2610-2611, 10504 10504 Dahleen, L. S. 2493 Dahse, I. 6919 Dai, H. 2859 Dai, H. P. 4812 Dai, H. Y. 8407 Dai, J. T. 5349, 9023 Dai, L. Y. 13002 Dai, N. 682, 10814 Dai, O. H. 13098 Dai, R. C. 12288 Dai, O. H. 13098
Dai, R. C. 12288
Dai, S. J. 2641
Dai, S. L. 11219, 11317
Dai, Z. L. 12213
Dai, Z. Y. 13026
Dai HongPing 4812
Dai HongYi 8407
Dai Hwa 2859
Dai ishi Seed Co. Ltd 80 Dai-ichi Seed Co. Ltd 8786 Dai JunTi 5349, 9023 Dai LuYuan 13002 Dai OuHe 13098 Dai RiChun 12288 Dai ShaoJun 2641 Dai SiLan 11219, 11317 Dai ZhiYi 13026 Dai ZiLin 12213 Daie, J. 2088 Daily, M. 6201 Daily, M. 6201
Daimon, H. 7329
Dainauskaitė, D. J. 3248
Dainese, P. 1519
Dajoz, I. 4530
Daie, M. F. B. 684
Dale, P. J. 7302
Daleba, A. 6801
Daley, M. 8504
Daljeet Singh 5849
Dalke, L. 5847
Dallard, J. 9153
Dallwitz, M. J. 5662
Dalman, P. 3902
Dalton, S. J. 3675, 5646
Dalvir Singh 5433
Dally, A. 38
Dam, N. M. van 8839
Damasco, O. P. 13308
Dambier, D. 13307
Damboeck, A. 7341
Damerval, C. 291, 5500
Damesse, F. 4916
Damian, D. 7192
Damiani, P. 3978
Damiano, C. 7121, 7188
Damicone, J. P. 9812
Damjanović, M. 8364, 10797, 10821
Dammer, E. J. M. van 713, Daimon, H. 7329 Intervention of the control of the c 10821 Danesh, D. 5744, 10636, 10660 Daneshian, J. 588 Dang, B. Q. 11776 Dang, P. M. 6247 Dang, S. Y. 12265 Dang, T. A. 1280 Dang, Y. H. 1884 Dang BenYuan 11776

Dang ShuanYin 12265 Dang YongHua 1884 Dangasuk, O. G. 3227 Dangl, J. 1257 Dangl, J. L. 3408 Daniel, B. 6381 Daniel, H. 6203 Daniel, M. 7645 Daniel, P. 4589 Daniel-Vedele, F. 6478, 11126 Danielis, R. 6580 Daniell, H. 4497, 7699, 11138, 11411, 13473 Daniells, J. 9696 Daniells, J. 9696
Daniels, M. J. 11381
Danielsen, D. 557, 5708
Danin-Poleg, Y. 13241
D'Anna, F. 3030, 4823
Danneberger, T. K. 5659, 10003
Dannenhoffer, J. M. 7640 Dannenhoffer, J. M. 7640
Dános, B. 1147-1148
Dansi, A. 7020
Danso, K. 2893
Danso, S. K. A. 1024
Dantas, A. P. 7247
Danton, P. 1199, 10075
D'Antuono, L. F. 6574, 7769, 7811 Dănulescu, D. 7204 Danyluk, J. 9061, 11634 Danzer, J. R. 10653 Danziger "Dan" Flower Farm 8779-8785 Danzmann, R. G. 8965 Dao The Tuan 5594 Daood, H. G. 1827 Daood, H. G. 1827 Daouda, K. 1980 Dapoigny, L. 6174 Dar, G. H. 4086 Daram, P. 13214 Daratech Pty Ltd 3441-3443 Darby, R. M. 3187 Dargatz, H. 5430 Darlewska, M. 6688 Darlewska, M. 6688 Darmawan, T. 7350 Darmency, H. 1621, 4527, 13352 Darrah, L. L. 7969, 7993-7994, 8000 Darrah, P. R. 203 Darris, D. C. 3679 Darroch, B. 5652 Darshan Singh 3923 Darshan Singh 3923
Darsow, U. 691
Darus, A. 3980
Darvey, N. L. 269, 3449, 7795-7796, 11557
Das, A. 1281, 12337
Das, A. B. 2228, 6042, 6374, 7571-7572, 10045, 11334, 12564 12564 Das, B. 9593
Das, B. C. 6848
Das, C. 4144
Das, H. K. 8879
Das, K. K. 7214, 9684
Das, L. D. V. 2855, 8661
Das, M. 2861-2862
Das, M. L. 3991
Das, N. 452, 3329, 13597
Das, N. K. 4903
Das, O. P. 295
Das, P. 2228, 5148, 5162, 6042, 6374, 7571-7572, 7584, 10045, 10512, 11334, 12564
Das, P. K. 919, 2062, 9593, 11811 Das, B. 9593 11811 Das, S. B. 11902 Dasanonda, M. 7230 D'Ascenzo, D. 2977 D'Ascenzo, M. 13220 Dasgupta, S. 8578 Dasgupta, S. 8578
Dasgupta, S. K. 2837
Dash, D. K. 3329
Dash, G. B. 8294
Dash, S. K. 8294
Dashek, W. V. 11353
Dashiell, K. 3721
Dashora, S. L. 5154
Dashwood, E. P. 9106
Dass, S. 11713

Dastgheib, F. 12771 Dastidar, N. G. 7269 Date, R. A. 8223 Datke, S. B. 8071, 13024 Datla, R. S. 4943 Datishvarov, S. 5851 Datt, B. 7645 Datta, K. 4160, 10561, 11855, 11857 Datta, K. 4160, 10361, 11855, 11857

Datta, R. 11138

Datta, S. K. 3259, 3663, 4160, 10561, 11849, 11855, 11857

Dattée, Y. 5192, 7746

Daub, M. E. 7542

Daubeny, H. 3900

Daubèze, A. M. 5943, 12127

Daúd, M. A. 5752

Daudin, J. J. 9167

D'Auria, J. C. 10017

D'Auzac, J. 3215

Davelaar, E. 5809

Davenport, G. F. 964

Davenport, T. L. 3071

Davey, C. D. M. 705

Davey, J. C. 5825

Davey, M. R. 1103, 3632, 3820, 4956, 5078, 5097, 5117, 7513, 11974, 12510, 13593

Davey, M. W. 4740

David, A. 52

David, J. L. 1418, 5188

David, K. A. V. 5354 David, H. 32 David, J. L. 1418, 5188 David, K. A. V. 5354 David, O. 8532 David, P. 2367, 8969 David, R. 9889 David Austin Roses 4120-4124, 13528-13529 Davidson, J. 3241
Davidson, R. 4096
Davidson, A. 2013
Davidson, B. 3241
Davidson, R. 4096
Davierusla, A. P. 11750
Land Davidson, R. 4096
Davierwala, A. P. 11759-11760
Davies, B. J. 5081
Davies, E. 743, 5919
Davies, F. T., Jr. 4162
Davies, G. J. 1297
Davies, H. 4838
Davies, H. V. 1053, 4098, 5796
Davies, I. G. 1099
Davies, I. M. 7660 Davies, J. M. 7669 Davies, J. W. 10128 Davies, K. M. 4145, 6351, 7531 Davies, K. M. 4145, 6351, 7531 Davies, M. S. 3671 Davies, N. W. 13123 Davies, P. A. 4455 Davies, P. J. 620 Davies, W. P. 4379 Davik, J. 4709 Davis, A. A. 4684 Davis, A. P. 5149 Davis, A. R. 1356 Davis, E. A. 3447 Davis, F. M. 7970, 7991, 7996 Davis, J. 12257 Davis, J. 12257 Davis, J. B. 9758-9762, 9779, 9799 Davis, J. I. 2377, 9299 Davis, J. W. 13342 Davis, K. R. 11463 Davis, R. M. 2145, 5035 Davis, S. J. 4250 Davis, S. K. 6242 Davis, T. D. 10621 Davis, T. M. 6023 Davy, A. J. 5056 Davydova, O. 7595 Dawa, T. 7790, 7813 Dawah, H. A. 13630 Dawe, R. K. 11485 Dawson, I. 988, 1145 Dawson, S. 9901 Dawson, T. E. 6114 Dawson, W. M. 6272 Dax, E. 9607 Daxneroyá, Z. 10056 Davis, S. K. 6242 Daxnerová, Z. 10056 Day, A. 4037, 11509

Day, D. A. 13085 Day, I. S. 4272 Day, J. L. 2392 Day, R. B. 8236 Day, R. K. 4102 Day, T. 124 Day, T. 124
Dayal, D. 8571
Dayal, T. R. 2907
D'Ayala Valva, F. 3255
Dayanandan, S. 8712, 11184
Daykin, M. E. 4867
Dayteg, C. 12611
De, Y. 60
De Agazio, M. 1960, 3580 De Agazio, M. 1960, 3580 De Agudelo, F. V. 2001 De Albuquerque, U. P. 12569 De Almeida, A. A. F. 8630, 8632 De Almeida, C. G. 3138 De Almeida, D. L. 3741 De Almeida, I. M. G. 2672 De Almeida, R. P. 9809 De Almeida Torres, R. A. 6719 De Amézquita, M. O. 6345 De Ancos, B. 1973 De Ancos, B. 1973
De Andrade, A. C. S. 2944
De Andrade, F. P. 3123, 3190, 3197, 9915, 9918
De Andrade, G. P. 9809
De Andrade, M. T. 5788
De Andrade, R. V. 10483, 12884 De Andrade Castro, O. F. 8335 De Andrade Castro, O. F. 8335 De Andrade Rodrigues, A. 8599 De Angelis, B. 13182 De Angelis, L. 11979 De Araujo, F. P. 2854 De Araújo, J. P. P. 9754 De Ávila, Z. R. 8270 De Ayala, P. P. 3527 De Azevedo, D. M. P. 6107, 12333 De Baptista, G. C. 745 De Barros, E. G. 1705, 2784, 5730 De Bastos Andrade, W. E. 6748 De Belder, J. 9992
De Bellis, L. 1877
De Beyssac, B. C. 7978
De Billy, F. 9330
De Bock, T. S. M. 929, 6156, 11091 De Boer, A. D. 11286, 11308 De Boer, J. M. 1783, 8638 De Boever, J. 9298 De Bondt, A. 7125 De Borges, R. C. G. 12460 De Borne, F. D. 7388 De Both, M. 12111 De Boucaud, M. T. 7144-7145 De Bruijn, F. J. 1664, 4209, 11917 De Buck, S. 8924 De Bustos, A. 4445 De Carolis, E. 1150 De Carvalho, A. O. 8701 De Carvalho, F. I. F. 1428, 2434, 5356, 5361, 5408, 5462, 5470-5471, 6619, 7809 De Carvalho, G. A. 1705, 13116 De Carvalho, H. W. L. 9127, 10355, 10483 De Carvalho, J. G. 5752 De Carvalho, J. R. P. 2849 De Carvalho, L. P. 3190, 9915, 9918, 9925 De Carvalho-Niebel, F. 5689 De Castro, E. da M. 8105 De Castro Neto, M. T. 7900 De Castro Neto, M. 1, 7900
De Cauwer, I. 8464
De Cianzio, S. R. 5735
De Clerck, R. 3388
De Clercq, J. 3373, 6927, 9474
De Clercq, R. 7711
De Courcel, A. 755 De Cristaldo, R. M. de L. O. 5408 De Faria, M. J. S. S. 7161 De Feyter, R. 11152 De Filho, J. B. M. 5501

De França, J. G. E. 5856 De Freitas, P. M. 6872 De Freitas, V. G. 8558 De Froidmont, D. 9016 De García, E. 4990, 7574 De García, E. G. 9697 De Gomez, I. H. 9697 De Granada, E. G. 6345 De Greve, H. 4244 De Halac, I. N. 7540 De Haro, A. 882, 7294, 8521, 11019 De Haro-Bailón, A. 10058 De Heralde, F. 9747 De Hoffmann, E. 7964 De Hys, L. 7388 De Jager, S. 9149 De Jeu, M. J. 1109, 1338, 2224, 3295, 10030 De Jong, H. 13165 De Jong, J. H. 5913, 6690, 7059, 11684 De Keukeleire, P. 5115 De Keukeleire, P. 5113 De Keyser, A. 7711 De Kiihl, R. A. S. 13100 De Kloe, J. 13225 De Kock, M. B. 7493 De Koning, C. T. 8204 De Kozak, I. 1654 De Kozak, I. 1654
De la Bastide, P. Y. 7619
De la Calle, M. 5108
De la Canal, L. 11035
De la Carrera, O. B. 1867, 13246, 13256
De la Cruz, M. 8631
De la Cuadra, C. 7906
De la Fé, C. 12035 De la Fuente, J. R. 12432 De la Herrán, R. 11283 De la Montaña, J. 3957 De la Peña, R. 7022 De la Peña, T. C. 523 De la Taille, G. 6075 De la Torre, C. 1795, 4726, 10220 De la Vega, M. P. 5715, 10673 De Labrouhe, D. T. 895, 7315, 12310 De Lamotte-Guéry, F. 6606 De Leenher, S. 8989 De Lelis Morello, C. 11728 De León, H. 5515, 9128 De Lima, D. 8072 De Lima, S. M. F. 3123 De Lima, V. M. 7737 De Loose, M. 6397, 6861, 7491, 8142 De Lorenzo, G. 3743, 11512 De los Blanco, M. A. 8596 De Luca, V. 1150, 11330 De Lumen, B. O. 10240 De Lyra Netto, A. M. C. 8383 De Macedo, C. Costa 2670 De Macêdo Vieira, R. 12333 De Magalhães, P. 1163, 1184 De Magalhães Júnior, A. M. 354 De Maine, M. J. 1762, 12037 De Majnik, J. 10367 De Maranhão, E. A. A. 5856 De Masi, L. 8492 De Mastro, G. 2251 De Matos, A. P. 9689-9690, 9729, 10960 De Mello, S. C. M. 2958, 5921-5922 De Mello Prado, R. 11725 De Melo, N. F. 7250 De Melo, P. E. 1773 De Menezes, J. T. 5856 De Micheli, L. 3047, 3913 De Miera, L. E. S. 10673 De Miguel, M. 10220 De Miranda, L. E. C. 10402 De Miranda, L. T. 10402 De Miranda Filho, J. B. 5185 De Miranda Santos, M. 2301, De Moraes, C. F. 10516-10517 De Moraes, R. M. A. 5730

De Moraes-Fernandes, M. I. B. 3505, 5373 De Morais, O. P. 10551 De Moura Barros, L. 9754 De Nettancourt, D. 116 De Ninno, G. 4296 De Ninno, M. 6593 De Nogueira Fernandes, E. 11845 11845
De Novais, R. F. 587
De O. Penteado, M. I. 5715
De Oliveira, A. B. 8469
De Oliveira, A. F., Jr. 7225
De Oliveira, D. A. 5730
De Oliveira, D. E. 68, 6275, 7737, 8558, 9613, 10076
De Oliveira, E. B. 1249
De Oliveira, F. T. 2147
De Oliveira, L. C. 3190, 9914
De Oliveira, M. A. R. 5356 De Oliveira, L. C. 3190, 99
De Oliveira, M. A. R. 5356
De Oliveira, M. N. 11844
De Oliveira, M. S. 1758
De Oliveira, M. W. 587
De Oliveira, S. M. A. 3858
De Oliveira, S. O. 10774 De Oliveira Guimarães, P. E. 7949 De Oliveira Zimmermann, M. J. 6467 De Pace, C. 8160 De Paiva, J. R. 9754 De Paiva, W. O. 10857 De Palma, J. M. 471 De Paoli, E. 12081 De Pape, R. 4028 De Pasquale, F. 12254 De Paula, F. R. 6827 De Paula Ferreira, R. 11844-11845 De Paula Júnior, T. J. 1705, 5755 De Pienaar, R. V. 5347 De Prada Esquivel, F. 11055 De Preitas, V. 7247 De Proft, M. P. 12087, 12364 De Resende, M. D. V. 1249, 9904, 9907, 9910 De Reycke, L. 13186 De Riek, J. 6861, 7491, 8142 De Rincón, C. C. 13332 De Rocher, A. 8939 De Ron, A. M. 6923 De Ronde, J. A. 5034 De Rooster, L. 1807, 1812, 7046, 13186, 13201, 13203 De Roton, C. 7388 De Rubin, S. A. L. 11953 De Sa, M. F. G. 3747 De Saint-Albin, A. 4001 De Santana, J. C. F. 9918, 9924 De Silva, M. 8255 De Simone, M. 5898 De Siqueira, D. L. 8469 De Sloover, J. 6312 De Sordi, G. 6722
De Sousa, C. N. A. 8998-9000, 9004, 9037, 9079, 11632
De Sousa, J. A. 10831
De Sousa, M. 9914 De Sousa Moraes, J. 8547 De Sousa Reis, M. 4536 De Souza, M. 3190 De Souza, M. A. 5383 De Souza, P. E. 8270 De Souza, R. M. 6064, 8270 De Souza Gonçalves, P. 7420, 11169 De Souza Nascimento, C. E. 9739 De Toda, F. M. 7202 De Vallavieille-Pope, C. 4434 De Vicente, M. C. 7254, 9654 De Virgilio, M. 2823, 12397 De Visser, J. A. G. M. 8970 De Vliegher, A. 8123, 8144 De Vogel, E. F. 6367 De Vos, A. L. F. 8145 De Vries, D. P. 7514, 11244 De Vries, J. 8906

De Vries, S. 8972

De Vries, S. C. 2886, 3798, 4284, 10200, 10759 De Vries, S. M. G. 7438 De Vries, T. 11312 De Waele, D. 1264, 13313 De Wilde, W. J. J. O. 2980 De Wit, P. J. G. M. 7079, 13225 De Witte, K. 5989, 7125 De Wulf, A. 1535 De Ye 60 Deahl, K. L. 13176 Deaker, R. 3435 Dean, C. 3388, 3552, 5242, 7712, 8931, 12270 Dean, E. 13336 Dean, R. 11475 Dean, R. A. 1858, 10845 Dear, B. S. 4608, 8204 Dearnaley, J. D. W. 4952 Debabrata Sarkar 12032 Debarba, J. F. 10774 Debata, B. K. 1213 Debell, D. S. 5061 Debener, T. 1073, 6321, 10002, 12511 Debergh, P. 7536, 7611, 12702 Debeck, F. 4244 Debrauwer, L. 11548 Debrunner, N. 1184 Debus, E. E. 6457 Dechamp-Guillaume, G. 4460 Dechanet, R. 3604, 3645-3646 Dechen, A. R. 9056 Deckert, J. 2757 Decoin, M. 10495 Decraene, L. P. R. 6546 Decroocq, V. 12445 Dedicova, B. 3828, 7060 Dedieu, A. 5683 Deeken, R. 64 Defani-Scoarize, M. A. 10400 Defani-Scoarize, M. A. 10400 Defance, M. C. 876 Degani, C. 1991, 3072, 3945, 7231, 12215 Degen, B. 6285, 13490 Degener, J. 13369 Degenhardt, H. 3573 Degenhardt, J. 87, 10206, 10208 Degenhardt, K. J. 5326 Degi, K. 6061 D'Egidio, M. G. 6628, 10291 Degrande, D. 732 Degras, L. 2910 Degreef, J. 605, 11965 Degroote, J. 1812, 13201 Déhais, P. 7711 Dehaye, L. 1715 Dehesh, K. 13389 Dehghan-Shoar, M. 3688 Dehmer, K. J. 4972, 7037, 7304 Dehne, S. 270 Dehsmukh, R. B. 1751 Deidda, P. 970, 9686 Deikman, J. 3835, 4256, 12092 Deineko, E. V. 1652 Delobel, B. 1864 Deineko, E. V. 1652
Delobel, B. 1864
Déjardin, A. 3752, 5432
Deji, A. 304, 9141
Dejwor, I. 4853
Deka, A. 4007
Deka, P. C. 768
Dekánková, K. 6721
Dekhili, M. 10245
Dekkers, B. 1780
Dekkers, J. C. M. 5219
Dekkers, W. A. 7659, 7661
Del Arco, A. 4252
Del Casino, C. 1941
Del Duca, L. de J. A. 8999
Del Duca, L. J. A. 8999
Del Duca, L. J. A. 8999
Del Giudice, L. 9025
Del Molina, M. C. 11718
Del Pero Martínez, M. A. 4108
Del Piano, L. 956, 961
Del Pozo, A. 3807
Del Pozo, J. C. 10176
Del Pozo, J. C. 10176
Del Pozo, O. 747
Del Puglia, S. 6595
Del Río, J. A. 3940

Del Río, M. 8521, 10058, 11019 Del Vaglio, M. 12208 Del Vecchio, A. 6586 Del Villar, A. 1740 Dela Cruz, N. 6816 Dela Cruz, N. 6816
Dela Cruz, N. M. 8082
Delabays, N. 1163, 1184
Del.acy, I. H. 209
Delaney, D. E. 5540
Delaney, R. H. 13063
Delaney, T. P. 3408
Delano-Freier, J. 8365
Delaney, M. 10172 Delarue, M. 10172 Delecolle, B. 3859, 11135 Delecolle, B. 3859, 11135 Delesalle, V. A. 8973 Delgado, I. J. 8939 Delgado, M. 5466 Delgado, P. 7467 Delgado, P. /46/ Delgado Enguita, I. 525 Delgado Ramírez, V. 3057 Delgado-Salinas, A. 6928 Delibes, A. 10309 Delicé, N. 5509 Delicére, C. 2210 Deliporanidou, D. 5525 Della Donna, E. 2816 Della Gatta, C. 11962 Dellaporta, S. L. 280, 1508, 3569, 4489 Delledonne, M. 4501, 7442, 11468 Delmer, D. P. 1268, 8936-8937 Delogu, C. 4471 Delogu, G. 4296, 5451, 5473, 6656, 6692, 12777-12778 Delon, R. 11132, 11136 Delorme, F. 44 Delorme, V. 1553, 2936 Delos Reyes, B. G. 6783 Delos Reyes, B. G. 6783 Delourme, D. 4252 Delourme, R. 3080, 4946, 4961, 6087, 9790, 11022, 12278, 13362, 13364 Delph, L. F. 3421, 5103 Delseny, M. 52, 3538, 5226, 6087, 6758, 11781 6087, 6758, 11781
Deltapine Australia Pty Ltd
7401-7402
Deltour, R. 10229
Deltova, R. 3272
Deluc, L. G. 9971
Delvaux, M. 1702
Delwiche, S. R. 9053
DeMason, D. A. 2838, 3558, 7640, 9165
Demeke, T. 7831, 10304
D'Emerico, S. 4727
Demesure, B. 2159, 7437
Demetrakopoulos, A. 7468 Demetrakopoulos, A. 7468 Demeulemeester, M. A. C. 12087 Demidova, A. G. 12358 D'Emilio, F. 8193 Demirel, F. 7066 Demissew, S. 12057 Demissie, A. 5431 Demopulos, D. 280 Dempsey, D. A. 8895 Demura, T. 7533 Demurin, Y. 7311 Den Nijs, A. P. M. 4862-4863, 12154 Denardi, F. 5990, 9635, 13273 Denby, L. G. 4871-4872 Denchev, P. D. 489 Denčić, S. 9040, 9063 Dendauw, J. 7491, 8142 Deneken, G. 8985-8986, 9297 Dénes, F. 4832 Deng, D. X. 7957 Deng, G. C. 6364 Deng, H. W. 12675 Deng, H. W. 12675 Deng, L. Q. 8692 Deng, M. Q. 4812 Deng, Q. Y. 9244 Deng, W. Y. 12613 Deng, X. B. 1302 Deng, X. M. 10578 Deng, X. W. 10148, 11426, 11448

Deng, X. X. 4911, 6054, 9710, 12251 Deng, Y. 10421
Deng, Y. H. 2566
Deng, Z. 13316
Deng, Z. H. 8592
Deng, Z. N. 3069
Deng, Z. Y. 472
Deng DeXiang 7957
Deng GuoChu 6364
Deng HangWan 1266 Deng GuoChu 6364 Deng HongWen 12675 Deng LiQing 8692 Deng MingQin 4812 Deng QiYun 9244 Deng WanYin 12613 Deng XiaoBing 1302 Deng XiaoMei 10578 Deng XingWang 10148, 11426, 11448 Deng XiouXin 9710 Deng XiuXin 4911, 6054, 12251 Deng YingHai 2566 Deng ZhaNao 3069 Deng Zhao Yang 472 Deng ZuHu 8592 Denholm, I. 6440
Denieffe, S. 11682
Denis, J. B. 1251, 5502, 7674-7675, 7934
Denmark, Landsudvalget for Denmark, Landsudvalget for Planteavl 3345 Dennis, D. T. 12395 Dennis, E. 12636 Dennis, E. S. 378, 968, 994, 2156, 5247, 6604, 10158, 11398, 11438, 12445, 12651 Dennis, F. G., Jr. 11345 Dennis, F., Jr. 5983 Dennis, L. 11152 Denny, R. 10636 Denny, R. L. 2781, 5211, 5744 Dennis, L. 11132
Denny, R. 10636
Denny, R. L. 2781, 5211, 5744
Denyer, K. 3755
Deobley, J. 11724
Deokar, C. D. 8539
Deom, C. M. 1840, 3853
Deore, G. N. 5562
DePauw, R. M. 1377, 1409, 5326-5327, 5358, 10303-10304, 11542, 12717, 12761
Depège, N. 4759, 10809
Depicker, A. 6861, 8142, 8924
Deragon, J. M. 3962
Derbyshire, E. 12446
D'Ercole, N. 12212
Deren, C. W. 3133-3134, 8591
Derici, R. 3542
Deroles, S. C. 1080, 4145, 6351, 7531
Derron, M. 2291
Derycke, L. 1812 Derycke, L. 1812 Desai, A. R. 8842 Desai, B. B. 2613, 2616, 2850 Desai, N. 7963 Desai, N. C. 10743 Desai, N. S. 1681 Desale, S. B. 2922 Deschesne, A. M. 10690 Deschesne, A. M. 10690 Deschesne, A. 9861 Deshayes, A. 9861 Deshmukh, P. S. 208 Deshmukh, R. B. 2865, 3766, 4677 4677
Deshmukh, S. N. 8554
Deshnium, P. 789
Deshpande, A. D. 11518
Deshpande, K. 2034, 11763
Deshpande, S. B. 10994
Desiderio, A. 3743
Desiderio, E. 315, 6584, 6588, 6593, 6595, 6628, 9002, 12903-12904, 12912
Desiderian P. 6515 Desikan, R. 6515 Desjardins, A. E. 1785 Desjardins, Y. 4163 Deslandes, L. 10213 Desloire, S. 10179
Desmerger, C. 3338
Despréaux, D. 4017
Desprez, T. 5793, 10147, 11458
Desprez-Loustau, M. L. 5075

Desrochers, A. M. 12299-12300 Dessalegne, L. 7074 Destain, J. P. 4338 Destombes, D. 13021 Destro, D. 599 Desvignes, J. C. 8416 Deswal, R. K. 177, 2455, 5370 Deswarte, C. 1305 Dettendorfer, J. 4959, 7293, 7295 Dettori, M. 6590, 9047 Dettori, M. T. 7160, 10918 Deuter, M. 5672 Deutsch, J. 11194 Deutsch, J. A. 3589, 7987, 12899 Dev, J. 610, 1698, 11970 Devadas, V. S. 7118 Devani, M. 5740 Devantier, Y. 1050 Devaraj, G. 11068 Devarathinam, A. A. 6109, 8038 Devaux, P. 7880 Deveaux, Y. 7068 Develash, R. K. 1525 Devendra Kumar 9510 Devendra Prasad 8300 Deventer, C. S. van 5369 Dever, J. 6230 Dever, J. 6230 Dever, J. K. 13465, 13470 Dever, L. V. 2684 Deverall, B. J. 10307 DeVerna, J. W. 12096 DeVerno, L. 12467 DeVerno, L. L. 11197 Devi, J. 12976 Devi, K. U. 11762 Devi, T. 1571 Devi, T. T. 6355 Devi Daval 8571 Devi Dayal 8571 Devika, R. 8036 Devillard, C. 2191 Devillerd, C. 2191 Devine, T. E. 10635, 11942 Devitt, M. L. 11985 Devlin, P. F. 5254 Devos, K. 5313 Devos, K. M. 139, 246, 4298, 4364, 4526, 5301, 5336, 7760, 11554 7/6U, 11554 Devoto, A. 11512 Devyatkina, E. P. 4354 Dewaele, E. 732 Dewald, C. L. 328, 3590 DeWald, L. E. 990 Dewar, J. 335 Dewey, D. R. 6870 Dewey, E. 8945 Dewey, E. 8945 Dewey, V. 8442 Dewey, W. 1378 DeWitt, N. D. 10209 Dewitte, W. 998 DeWreede, R. E. 6402 Deynze, A. E. van 12709 Deynze, A. E. van 12709 Deyoe, C. W. 3485 D'Haeze, W. 5720 Dhaka, R. P. S. 9257-9258 Dhaka, R. P. S. 9257-9258
Dhal, A. 8266, 8304
Dhaliwal, H. S. 2393, 6624, 11651, 11777, 12033
Dhaliwal, L. S. 6624, 7855
Dhaliwal, M. S. 1855, 1874, 2974, 4786
Dhaliwal, S. 6805
Dhaliwal, Y. S. 10558
D'Hallewin, G. 862
Dhamodaran, S. 9094
Dhanapala, M. P. 423, 9206, 9256 9256 Dhandar, D. G. 3070, 7229 Dhar, A. K. 1209, 4184, 7601, 7604 Dhar, R. S. 1209, 4184, 7604 Dhari, R. 1734 Dharmalingam, V. 6102, 8551, 8585 Dharmatti, P. R. 7064 Dhatt, A. S. 6006 D'Hauw, M. 5115 Dhawan, K. 8527 Dhawan, O. P. 3324

Dhawan, S. 13600 Dhayal, S. L. 2243 Dhillon, B. S. 2388, 2548-2549, 6712, 7998, 11482, 11698 Dhiman, J. S. 672, 1855, 1949, 2974 Dhindsa, R. S. 6887, 7732 Dhingra, H. R. 3846 Dhir, N. K. 2177 Dhir, S. K. 10767 Dhiren Sarma 6377 Dhirendra Singh 6796 Dhital, B. K. 3788 D'Hont, A. 6121, 6158, 12346 D'Hont, A. 6121, 6158, 12346 Dhonukshe, B. L. 10524 Dhopte, A. M. 2846 Dhua, S. R. 10526 Dhuaga, K. S. 9489 Dhumal, M. M. 2970, 4782 Dhumal, P. M. 434 Di Agostino, S. 10380 Di Bella, R. 4886 Di Benedetto, F. 3077 Di Bernardo, G. 8492 Di Candilo, M. 5757, 11988 Di Fonzo, N. 6586, 6592-6593, 9025, 9045, 9059, 11541 Di Gioia, C. 7010 Di Giovannantonio, C. 8362 Di Giovannantonio, C. 8362 Di Giovannantonio, C. 8362 Di Muro, A. 956, 961 Di Pasquale, C. 11490 Di Pietro, A. 10776 Di Pietro, D. 1941 Di Pietro, J. P. 223, 9081 Di Prima, G. 6586, 6589, 6591 Di Salvo, V. 9048 Di Salvo, V. 9048
Di Sansebastiano, G. P. 13414
Di Stefano, A. 12208
Di Stilio, V. 6100
Di Toppi, L. S. 5970
Diaghileva, A. V. 2952
Diagne, O. 1143 Diallinas, G. 778 Diallo, I. 9955 Diamond, J. 2381 Diana, G. 957 Dianda, M. 1024 Diao, F. G. 10864 Diao, Y. L. 5366 Diao, Y. P. 5038 Diao, Y. P. 3038
Diao FengGui 10864
Diao Yanling 5366
Diao YuPeng 5038
Diarisso, N. Y. 9201
Dias, D. M. A. L. 4091
Dias, W. P. 2809, 13100
Diaz, B. 7077 Diaz, I. 6653 Díaz, J. 1491 Díaz, M. 3058, 6043, 7697 Diaz, O. 2019 Diaz, O. 2019 Díaz, T. 838 Díaz-Mínguez, J. M. 3745 Dibble, A. C. 9645 Dicenta, F. 8490 Dickburt, C. 1535 Dickey, L. F. 3757, 8275 Dickinson, G. R. 5050 Dickinson, H. 1349 Dickinson, H. G. 3815, 13 Dickinson, H. 1349
Dickinson, H. G. 3815, 13196
Dickson, J. I. 2134-2136
Dickson, M. H. 8525
Dickson, M. E. 13496
Dickson, W. K. 2705, 2708
Didier, V. 10952
Didierjean, L. 9477
Diederich, L. 4744
Diederichsen, A. 1144, 1187
Diefenthal, T. 5430
Diéguez, M. J. 13420
Diehl, J. H. 4942
Diekmann, W. 1179
Diemer, F. 10069, 13598
Diepeveen, D. 556 Diemer, F. 10099, 13598
Diepeveen, D. 556
Diergaarde, P. 1464, 12111
Dierig, D. A. 6113
Diers, B. W. 575, 3735
Dietrich, A. 4644, 5793
Dietrich, C. R. 4501
Dietrich, R. A. 3408
Diettrich, B. 7578

Dietz, K. J. 234 Dietzgen, R. G. 13318 Díez, M. J. 4773, 5959, 10830, 12114 12114
Díez-Barra, R. 2175
Difazio, S. P. 12440
Digamber Rao 1673-1674
Diggle, P. K. 5256
Dighe, S. 12579
Digonnet, C. 1495
Dihoru, A. 9336
Dijak, M. 301, 1689, 5503
Dijk, H. van 11088
Dijk, V. van 2101
Diikema, M. H. G. E. 1131 Dijkema, M. H. G. E. 11310 Dijken, F. R. van 2219 Dijkhuizen, A. 6716 Dijkstra, J. 5175, 8123 Dijkwel, P. P. 2350 Dik, M. 2219 Dik, M. 2219
Dikalova, A. E. 4004
Dikshit, H. K. 8287, 12989
Dikshit, U. N. 6973
Dilday, R. H. 3622, 3664
Dilkes, B. P. 6507
Dill, C. L. 1497, 4496
Dill, P. 2529
Dill-Macky, R. 9111, 10250
Dille, R. E. 13068-13069
Dillen, W. 3373, 6927, 9474
Dilley, D. R. 7071
Dillmann, C. 7686, 7746
Dillon, M. C. 8874
Dimitrijević, M. I. 9027
Dimitrijević, M. I. 9027
Dimitrov, B. 10608 Dimitrov, B. 10608 Dimitrov, L. 10313 Dimitrova, L. 11140-11141 Dimitrova, S. 11104-11105, 11125 Dimov, A. 5324, 10305 Din, A. K. 2048 Dinakaran, D. 8585 Dinant, S. 11136 Dinelli, G. 552 Dinesh Chandra 6820 Dinesh Kumar 6661 Dinesh Kumar 666 Dinesh Singh 3496 Ding, A. L. 9434 Ding, B. 10035 Ding, D. R. 9387 Ding, G. H. 13294 Ding, H. 10028 Ding, H. 10028 Ding, H. J. 11657 Ding, L. C. 12052 Ding, N. 5397 Ding, S. R. 11558 Ding, W. 983, 8689 Ding, X. F. 8658 Ding, Y. 288 Ding, Y. 288 Ding, Y. 288 Ding, Y. 288 Ding, Y. 2808 Ding Bing 10035 Ding DeRong 9387 Ding DeRong 9387 Ding GangHe 13294 Ding Hong 10028 Ding HongJian 11657 Ding ShouRen 11558 Ding Wei 983, 8689 Ding Wei 983, 8689 Ding XiongFei 8658 Ding YuanShu 8088 Dingkuhn, M. 4569 Dinkova, T. 4505 Dion, P. 1278 Dionisio-Sese, M. L. 11840 Diouf, M. 9557 Dirheimer, G. 12700 Dirkse, W. 3388 Dirlewanger, E. 10920, 10922, 10928, 10932, 10934, 10936 Dittebrandt, R. 5896 Dittebrandt, R. 5896 Ditterline, R. L. 2725, 5664 Dittrich, R. C. 2595 Divakaran, M. 8848 Diwan, N. 1680, 5682 Dixelius, C. 4948 Dixit, B. S. 6382 Dixit, G. P. 167, 10626 Dixit, J. P. 2070 Dixit, R. K. 6110, 12338 Dixon, D. P. 4478 Dixon, M. A. 1764, 8317 Dixon, M. A. 1764, 8317

Dixon, R. 4037 Dixon, R. A. 943, 2116, 3182, 4048, 4594, 6508, 11468, 12510 12510
Dixon, S. 3815, 13196
Díz Franco, A. 3866
Djakoune, A. 12786
Djangaliev, A. D. 1897
Djekić, R. 10730
Djilianov, D. 4808, 9333
Djokić, A. 10730, 10741
Djordjevic, M. A. 3694, 8211, 10367 10367 Djukic, N. 5553 Dmitriev, A. P. 7079 Do Amaral Júnior, A. T. 9597 Do Carmo, M. G. F. 8701 Do Carmo, M. G. F. 8/01 Do Nascimento, J. L. 9811 Do Nascimento, J. R. O. 3927 Do Valle, C. B. 10596 Doan, B. 11460 Doan, D. N. P. 5432 Dobbek, A. 7662 Dobos, G. 1160, 1180 Dobosz-Rojewska, K. 6911 Dobosz-Rojewska, K. 6911 Dobritsa, S. 4079 Dobritsa, S. 4079
Dobrotvorskaya, T. 1372
Dobrotvorskaya, T. V. 3458
Dobrzańska, M. 1397
Dobson, J. 1639
Doche, B. 4107
Dod, V. N. 2981
Dodake, S. S. 10524
Dodan, D. S. 466, 6842
Dodd, R. S. 12486 Dodd, R. S. 12486 Dodd, W. A. 12367 Doddamani, I. K. 2037, 8534 Dodeman, V. L. 115 Dodo, H. 4982 Dodo, H. 4982
Dodson, C. H. 11214
Doebeli, M. 5284
Doebley, J. 2580, 11501, 11705
Doebley, J. F. 1506
Doehlert, D. C. 1470-1472
Doelling, J. H. 10163
Doerksen, A. H. 12468, 12479
Doerner, P. 4257, 6508
Dofing, S. M. 3518
Doğan, B. 12468, 12479
Doerment, C. 783 Dogimont, C. 783 Dogo, M. 10826-10827 Dogra, B. S. 7112 Dohmae, N. 4479 Dohrmann, J. 2493 Doi, H. 12690 Doi, K. 449 Doi, M. 3333 Doi, M. 3533 Doijode, S. D. 3939 Doil Choi 12379 Đokić, D. 7805 Dolan, L. 5244, 6504, 6513-6514, 9920, 11421, 11508, 13629 13629
Dolan, M. 42
Dolar, F. S. 6954
Doldi, M. L. 574
Dole, J. M. 4113
Doležel, J. 3417, 6044, 10057
Doleželová, M. 6044
Dolferus, R. 378, 10158
Dolfini, A. S. 10429
Dolfini, S. 1507, 2573, 10450
Dolgacheva, V. S. 10956
Dolgikh, E. A. 10686
Dolgov, S. V. 7210, 7523, 13320
Dolgova, E. M. 5410 Dolgova, E. M. 5410 Doligez, A. 8968 Doliński, R. 11578, 11597 Dolmatov, E. A. 10876 Dolničar, P. 1775 Dologa, G. 8139, 8143 Dologa, M. L. 8143 Dolotovskii, I. M. 5268 Dolstra, O 8145 Doltchinkova, V. 9333 Domaine de Castang SA 8431 Domaingue, R. 3132, 11056, 11062 Domański, L. 693, 5806 Dombek, D. 591

Dombek, P. 1281 Dombrink-Kurtzman, M. A. 3576 Dombrowski, S. 9485 Dombrowski, S. 9485 Domergue, F. 6087 Domingo, C. 5104 Domínguez, F. 12726 Domínguez, J. 11019 Domínguez-Mariani, A. 13237 Domínguez-Ruiz, B. 4651-4652, 6937-6938 Dominici, L. 4399, 9049 Dominy, P. J. 1476 Domon, E. 1551 Domoney, C. 4656, 10688, 13119 13119 Donadio, L. C. 7626 Donahue, R. 4106 Donald, T. M. 3268 Donaldson, I. 7356 Donaldson, S. S. 8714 Donato, R. 8733 Done, D. 3265 Done, J. 3265 Doney, D. L. 11071 Doney, J. C., Jr. 1645 Dong, F. G. 7016, 12938 Dong, H. 2482 Dong, H. P. 596 Dong, H. P. 596 Dong, H. T. 10574 Dong, J. L. 4351 Dong, J. X. 10542, 10574 Dong, J. Z. 8717 Dong, L. 2330 Dong, L. Y. 5496 Dong, Q. H. 5885 Dong, W. M. 2935, 9772 Dong, X. N. 2360, 8958, 10212 Dong, Y. 5344 Dong, Y. 5344 Dong, Y. C. 1444, 7784, 11884 Dong, Y. H. 2989 Dong, Y. N. 10877 Dong, Y. S. 8153 Dong, Z. M. 3694 Dong, Z. S. 11013 Dong FengGao 12938 Dong FuGui 7016 Dong HaiTao 10574 Dong HongPing 596 Dong JianLi 4351 Dong JinZhuo 8717 Dong JiXin 10542, 10574 Dong Liu 2330 Dong LongYing 5496 Dong QingHua 5885 Dong WeiMin 2935, 9772 Dong XinNian 2360, 8958, 10212 Dong YanNian 10877 Dong YiHu 2989 Dong YuChen 1444, 7784, 11884 Dong YuShen 8153 Dong ZhengSheng 11013 Dong ZhengSheng 11013
Dong ZhongMin 3694
Dongol, D. M. S. 12776
Donini, G. 4041
Donini, P. 2401, 7787, 11550
Dönmez, E. 11661
Donna, E. della 2816
Donnelly, D. J. 7161, 8319
Donnelly, P. 105
Donnison, L. 1630 Donnelly, P. 105 Donnison, I. 1630 Donoghue, M. J. 129, 6316, 11502, 12506 Dons, H. J. M. 11296 Dons, J. J. M. 11309 Dookun, R. S. 6128 Doonan, J. H. 9149 Dooner, H. K. 285, 2565, 9147, 10388-10389 10388-10389 Doorn, W. G. van 11286 Doorsselaere, J. van 6265, 7447 Dopico, B. 637, 10707 Dopierała, A. 10341 Dopierała, P. 10341 Dora, K. B. 11058 Dorairaj, M. S. 8028 Doran, P. M. 7581 Dorans, A. 8378 Dorantes, I. 13315

Dorčević, R. 8364, 10797 Dörffling, H. 5391 Dörffling, K. 247, 5391 Dörflinger, H. 989 Dorion, N. 7454 Dorit, R. L. 10140 Dörmann, P. 6497 Dorn, R. D. 9954, 12455 Dorne, A. M. 6479 Dornelles, A. L. C. 1428, Dornelles, A. L. C. 1428, 2434, 5408, 10285 Dorogobid, A. V. 12362. Dorokhov, D. 691 Dorokhov, D. B. 3379 Doroshenko, N. P. 3048 Dorosti, H. 11832 Doroszenko, A. 10071, 11338 Dorrance, A. E. 2884, 7001, 9179 9179
Dorweiler, J. E. 103, 2580
Dos Santos, A. F. 9924
Dos Santos, F. G. 12916
Dos Santos, I. C. 8361
Dos Santos, J. B. 5752, 8270
Dos Santos, J. W. 6107, 12333
Dos Santos, M. X. 7949, 9127, 10355, 10483
Dos Santos, R. C. 8547, 9809. Dos Santos, R. C. 8547, 9809-9810 Dos Santos, R. P. 9911 Dos Santos, W. R. 11169 Dos Santos Dias, L. A. 11102 Dos Santos Soares Filho, W. 6049 Dosba, F. 12196 Dosba, F. 12196 Došenović, I. 11093-11094 Doshi, K. M. 12116, 12122 Dotlačil, L. 1372, 2398, 4312, 13027 Dotray, P. D. 13470 Doubler, T. W. 9447 Douce, R. 9486, 10682 Doucett, K. 8324 Douches, D. S. 9539, 11891 Doudrick, R. L. 866, 3418, 5171 5171 Doughty, J. 3815, 13196 Doughty, P. 2380 Douglas, A. W. 6336 Douglas, C. J. 2343 Douglas, G. C. 8703 Douglas, M. H. 1208 Douglas, M. P. 11486 Douik, A. 13295 Douira, A. 3657, 4565 Douiyssi, A. 5445 Doule, R. B. 4000 Doumas, P. 13340 Doumavi, K. 7468 Doupnik, B., Jr. 5545 Doupnik, B. L., Jr. 10654 Dourleijn, C. J. 7745 Doussinault, G. 9067 Doust, J. L. 4283 Doust, M. A. 4401 Doutriaux, M. P. 5241 Douzono, M. 10013 Dove, H. 8149 D'Ovidio, R. 2444, 4398, 4400 11607 Dovzhenko, O. N. 5984 Dow, B. D. 6266 Dowd, P. F. 7398, 13500 Dowdle-Rizzo, B. 8366 Dowe, J. L. 3231, 13498 Downer, C. P. 13452 Downes, B. P. 9370 Downie, J. A. 4659 Downie, S. R. 9540 Downs, D. M. 1227 Dowles, D. M. 12277 Dowson-Day, M. 4037 Doyama, N. 12937 Døygaard, S. 4719 Doyle, B. M. 4112 Doyle, B. M. 4112 Doyle, G. 6701 Doyle, J. J. 1670, 5723, 6250, 12068 Doyle, J. L. 5723 Doyle, M. F. 3231 Doyle, S. 2220 Draaistra, J. 6981

Dradi, R. 4818, 12212, 12223 Dradi, S. 6581 Dragavtsev, V. A. 9057 Dragiiska, R. 9333 Dragović, S. 10327 Drake, B. 11985 Drake, J. A. 5541 Drake, P. M. W. 5078 Drake, R. 5902 Dransfield, S. 5164 Draper, A. D. 3024, 6017, 12198 Draper, E. 5999 Draper, E. 5999 Draper, E. A. 5996, 8410 Draper, J. 3187 Draper, J. H. 9285 Dreccer, M. F. 160 Drees, B. M. 12924 Dreiseitl, A. 1462, 5449 Drenth, A. 13093 Dresselhaus, T. 10374, 10 Dresselhaus, T. 10374, 10416-10417 Dresselhaus, T. 10374, 1041610417
Dressen, U. 9192
Drevet, C. 998
Drevet, J. 10809
Drevet, J. 10809
Drevet, J. R. 8503
Drew, R. 13324
Drew, R. 13324
Drew, R. A. 853, 3950, 1332113323, 13375, 13622
Drew, T. P. 13451
Drewes-Alvarez, R. 12511
Drewry, R. E. 520
Drews, G. N. 3395, 4254
Dreyer, S. 244
Dreyfus, B. 1024
Drezner, G. 5372
Dridze, I. L. 698
Driessche, R. van den 3221
Driscoll, B. T. 11898
Driver, J. A. 3294
Drobná, J. 4593, 8167
Droby, S. 7222
Dromashko, S. E. 5196
Dron, M. 607, 6936
Drong, R. F. 6185
Droseppoulos, J. B. 12707 Drong, R. F. 6185 Drossopoulos, J. B. 12707 Drost, L. 3388 Drost, L. 3388 Droual, A. M. 1158 Droz, E. 4206, 10751 Drozd, D. 7788, 11559-11560 Drozdowicz, Y. M. 6482 Drozdowska, L. 9783 Druškovič, B. 9978, 9981 Druten, M. van 6156 Druzhinina, J. S. 3342 Druten, M. van 6156 Druzhinina, I. S. 3342 Dry, I. B. 8382 Drzewiecki, J. 7666 D'Souza, L. 11331 Du, C. 9010 Du, C. H. 1416 Du, H. 8649 Du, J. C. 4583 Du, J. Y. 4534, 9210 Du, J. Z. 1884 Du, L. P. 9078, 11604, 12759 Du, S. 10606 Du, L. P. 90/8, 11604, 12739 Du, S. 10606 Du, W. F. 3805, 5852 Du, W. G. 4624 Du, W. L. 3515 Du, X. M. 2141, 8675 Du, Y. Q. 10325 Du, Z. H. 4323, 7770, 13274 Du ChangHeng 1416 Du He 8649 Du He 8649 Du Jardin, P. 3789 Du JianCai 4583 Du JianYuan 4534, 9210 Du JunZhi 1884 Du LiPu 9078, 11604, 12759 Du Manoir, J. 4838 Du Manoir, J. 4838
Du Plessis, H. 855
Du Plessis, H. J. 7185
Du Plessis, M. C. 6886
Du Puy, D. J. 984
Du Toit, F. 11650
Du Toit, L. J. 1526, 2596, 4512, 12893 Du WangLei 3515 Du WeiGuang 4624 Du WuFeng 3805, 5852 Du XiongMing 8675

Du YongQin 10325 Du ZhenHua 7770 Du ZhiHui 13274 Dua, R. P. 2847 Duan, C. L. 4532 Duan, F. P. 5437 Duan, H. 5031 Duan, J. 8055, 11795 Duan, N. X. 4979 Duan, N. A. 49/9 Duan, X. M. 12213 Duan, Y. 10756 Duan, Y. C. 5614 Duan, Y. P. 4043 Duan ChunLan 4532 Duan FaPin 5437 Duan Hai 5031 Duan Jun 8055, 11795 Duan NaiXiong 4979 Duan XinMei 12213 Duan YinChi 5614 Duan Yu 10756
Duangpatra, P. 8332
Duanmu, Y. X. 4534, 9210
Duanmu YingXi 4534, 9210
Duarte, A. P. 7923
Duarte, F. R. 1142
Duarte, V. 5621
Dubbs, W. E. 8248
Dubcovsky, J. 1424, 2721, 3525, 5378, 9054
Dube, A. J. 4437
Dube, H. C. 7645
Dube, S. D. 1724
Dubeux Júnior, J. C. B. 6741
Dubey, M. P. 6918
Dubey, S. C. 2913, 8099
Dubin, H. J. 12763
Dubois, E. 4081
Dubois, L. 8326
Dubois, L. A. M. 7514, 11244
Dubois, M. E. 12744
Dubois, P. 4234
Dubouzet, J. G. 4733, 7029
Dubrail J. 6629 Duan Yu 10756 Dubouzet, J. G. 4733, 7029 Dubreil, L. 6629 Dubreil, L. 6629
Dubreucq, A. 2942
Dubreucq, B. 11385
Dubreuil, P. 5502, 7929, 7934
Duc, G. 600, 5690, 5763
Duca, L. de J. A. del 8999
Duce, A. 10309
Duck, N. B. 7963
Ducousso, A. 7437
Ducreux, G. 115 Ducousso, A. 7437 Ducreux, G. 115 Ducroquet, J. P. 7246 Duczek, L. J. 5406 Dudai, N. 2248, 2260 Dudareva, N. 10017 Dudash, M. R. 6323, 10006 Dudeck, A. E. 9309 Dudeja, S. S. 647, 4668 Dudek, S. 8933 Dudienas, C. 6722 Dudits, D. 5330, 11899 Dudler, R. 1403, 3499, 6436, 9288, 11850, 13012 Dudley, J. W. 3543, 3545-3546, 6716 Dudnikov, A. I. 6650 Dudnikov, A. I. 6650 Dudnikov, A. J. 6650 Duff, S. M. G. 227 Dufour, M. 5000 Dufresne, D. J. 12128 Duggan, T. R. 2533 Dugger, P. 6407-6408, 13618 Dugonjić, B. 3308 Duguma, B. 3224 Duha, S. 10920 Duha, S. 10920 Duhoon, S. S. 13347 Duhoux, E. 4232, 7464, 9955 Duijnhouwer, R. 7659 Dujardin, G. 3385 Duke, S. O. 4182 Dukes, P. D. 1862 Dukes, P. D., Sr. 1839, 2972, 13271 Duletić-Laušević, S. 2042 Dulloo, M. E. 26 Dulson, J. 11004 Duman, H. 1110, 2222, 3704, Dumanović, J. 5486, 7656

Dumas, C. 134, 725, 1495, 2936, 8347, 9150
Dumas, E. 7428
Dumas de Vaulx, R. 1493
Dumas-Gaudot, E. 625
Dumbre, A. D. 2863-2864, 3769
Dumet, D. 125, 13627
Dumitrescu, A. 1138
Dumke-Lehmann, U. 7578
Dummen, M. 8735-8738
Dumolin-Lapègue, S. 2159
Dumont-BéBoux, N. 12482
Dumoulin, P. Y. 4887
Dun, K. van 5435, 11128
Dunaeva, M. 226, 7875
Dunand, R. T. 1565
Dunbar, R. 12088
Duncan, D. 9140 Duncan, D. 9140 Duncan, E. J. 2098, 9701 Duncan, R. R. 509, 512, 1633, Dunemann, F. 9642, 12154 Dunez, J. 1918, 5024, 8651, 11135 Dunlap, J. R. 7939 Dunn, M. A. 12781, 12792 Dunn, R. A. 550, 4606 Dunn, R. L. 2725 Dunn, S. M. 3395 Dunn, S. M. 3395
Dunne, B. 4661
Dunnington, S. W. 4045
Dunsmuir, P. 2950
Dunstan, D. I. 8717, 11202
Duong Tuyet Nuong 11168
Dupouey, J. L. 1001
Dupuis, J. M. 3113
Dupuis, J. M. 3113
Dupuis, P. 4946
Dupuy, P. 3100
Duque, M. C. 1791
Dura, Ş. 3149-3150
Durairaj, C. 1739
Durán, J. M. 10891
Duran-Vila, N. 4910, 4913, 13627
Durand, F. 8173 Durand, F. 8173
Durand, G. T. 12317
Durand, J. L. 2703
Durand, P. 6880
DuRant, J. A. 6233, 7414
Durante, M. 5970
Durdu, M. H. 4338
Dure, L. 7640
Durel, C. E. 10868
Duren, M. van 13305
Durfee, T. 6703
Durga, K. K. 2065
Durham, S. 8976
Durić, N. 9055
Düring, K. 9520, 13158
Durner, J. 6164, 13443
Duron, M. 1061
Durst, F. 8339, 13185 Durand, F. 8173 Durst, F. 8339, 13185 D'Urzo, M. P. 958 Dusek, T. 13477 Dusek, T. F. 6244 Dussert, S. 9858, 12368, 13627 Dutilleul, P. 7672 Dutmer, M. 2218 Dutta, P. C. 867 Dutta, S. K. 9220 Duţu, H. 9134 Duyal, H. 9134 Duval, H. 2005 Duval, M. 1715 Duval, M. F. 9719, 9721-9722 Duval, Y. 897, 13370, 13372 Duvauchelle, S. 8326 Duvdevani, A. 7219-7220, 13319 13319 Duverney, C. 3051 Duvick, D. 4982 Duvick, D. N. 1247, 9431 Duvick, J. 11736 Duvick, S. A. 3577 Duvnjak, T. 8237, 9439 Duwenig, E. 729 Dvořák, J. 1424, 5378, 5421, 9043, 10269 Dvořák, M. 2396 Dvořák, M. 2396 Dvorak, V. 1184 Dweikat, I. 3575 Dwen, P. 1279

Dwivedi, A. K. 8471 Dwivedi, D. K. 6795, 12983 Dwivedi, N. 7283 Dwivedi, R. 10978 Dwivedi, R. 10976
Dwivedi, S. L. 903, 3983
Dwyer, J. D. 10656
Dwyer, L. M. 301, 3579, 5503
D'yachuk, T. I. 2507
Dyah Juliana S 8387
D'yakoy, Yu. T. 3242 D'yakov, Yu. T. 3342 Dybing, C. D. 4963 Dymock, D. 5248 Dymshits, G. M. 12363 Dzheneeva, E. L. 6002 Dzhigiris, L. A. 6155 Dziamba, S. 2448 Dziewit, J. 2530 Dzyubenko, N. I. 3685 Eakes, D. J. 1071 Ealing, P. M. 1455 Eapen, S. 8519 Eapen, S. J. 10096 Earle, E. D. 415, 7039, 11745 Early, R. J. 564 Eason, R. 6837 Eastburn, D. M. 2267, 5166 Eastburn, D. M. 2267, 5166 Easterbrook, M. A. 4870 Easton, H. S. 2711 Eastwood, R. F. 4437 Eathington, S. R. 3545-3546 Ebana, K. 12773 Ebdon, J. S. 5650, 5653-5654, 6114 Ebel, J. 10637, 11956, 13088 Eber, F. 872, 3100, 4946, 9763, 11022, 12272 Eberhardt, J. 759 Eberhardt, S. A. 1491, 11996, 12386 12386 Ebert, A. W. 7322 Ebert, G. 1996 Ebina, M. 10587 Ebizuka, Y. 1712, 13584 Ebrahim-Nesbat, F. 255 Écalle, C. 9327 Eccleston, C. L. 12517 Eccleston, V. S. 9785 Echaide, M. 2721, 5378 Echandi, E. 1887 Echeverría, M. 4715 Echikh, N. 6962 Echt, C. S. 11197 Eck, H. J. van 6981, 6995, 10749 10749
Eckard, K. J. 6358
Eckardt, N. A. 13426
Ecker, J. R. 1319, 5253, 12639
Ecker, R. 7524
Eckert, C. G. 12520
Eckert, M. I. 10798
Eckhoff, J. L. 1383-1385
Eckhoff, J. L. A. 2725
Eckhoff, S. R. 6715-6716 Eckhoff, S. R. 6715-6716 Edelbaum, O. 5007, 9607 Edelman, M. 6178 Eder, J. 13494 Ederli, L. 8648 Edison, S. 10096 Edmeades, G. O. 3559, 5532-5533 Edmonds, J. M. 1242 Edney, M. J. 11675, 11683 Edossa Etissa 3326 Edreva, A. 11132 Edwards, A. 8279 Edwards, D. 12615 Edwards, D. 12615 Edwards, E. A. 3755 Edwards, I. 10250 Edwards, I. B. 7821 Edwards, K. 10436 Edwards, K. J. 38-39, 4071 Edwards, L. H. 1683, 11949 Edwards, M. L. 2124 Edwards, M. L. 2124 Edwards, P. 13389 Edwards, R. 4478 Edwards-Burke, M. A. 1035 Edye, L. A. 5709, 8219, 8221-8222

Eeuwijk, F. A. van 7670-7671, 7675, 11294 Effati, M. 828 Efrau, M. 828 Efimenko, I. M. 674 Efremova, N. 7544 Efremova, T. T. 11569 Efron, H. 11276 Egaña, B. 11673 Egashira, H. 4756, 10819 Egasilia, H. 4750, 1 Egawa, Y. 671 Egdane, J. A. 12971 Egea, C. 5956 Egea, J. 817, 9654 Egertsdotter, U. 7478, 12475 Eggers-Schumacher, G. 10204 Eggers-Schumacher, G. Eggleston, W. B. 280 Egierszdorff, S. 2340 Eglinton, J. K. 1453 Egnin, M. 2899 Egoavil, C. 2833 Eguchi, Y. 10065 Eguiluz-Piedra, T. 6292 Egupov, V. P. 10357 Ehara, H. 6392 Ehara, Y. 6186 Ehdaie, B. 163, 10298 Ehlenfeldt, M. K. 1929, Ehlenfeldt, M. K. 1929, 7172, Ehlers, J. D. 661, 8297 Ehlke, N. J. 5706, 11880-11881 Ehmann, B. 3561 Ehrenbergerová, J. 2511, 8191 Ehrendorfer, F. 11181 Ehrhardt, T. 7687, 8315 Ehsanullah, M. 12345 Eichenseer, H. 8656 Eickelkamp, A. 4959 Eide, D. 11462 Eijlander, R. 678, 4688 Eikelboom, W. 11307, 11309, 11312-11313 11312-11313
Eimert, K. 4260
Einspahr, H. M. 2235
Eiras-Dias, J. E. 10949
Eisenstein, D. 7231
Eisner, T. 4229
Eissa, H. F. 7952
Eissa, M. S. 8249
Eisses, J. F. 293
Eizenga, G. C. 5660, 10585, 10590, 10598
Ejeta, G. 1539, 5558, 11751
Ejiri, S. 4538
Ek, B. 9519
Ekanayake, I. J. 7217 Ekanayake, I. J. 7217 Eker, S. 198, 4373 Ekim, T. 3704 Ekiz, H. 2436, 4334, 4373, 4397, 4415 Ekramoddoullah, A. K. M. 3241 El-Abyad, M. S. 2089 El-Aref, H. M. 8264 El-Assal, S. E. 10184 El-Attari, H. 4460 El-Bassam, N. 4405 El-Batsri, R. 3072, 3945, 7231 El-Bawab, A. M. O. 10328, 10334 El-Beshbeshy, T. R. 6639 El-Bouhssini, M. 12775 El-Bulk, R. E. 3951 El-Daoudi, Y. H. 7869 El-Demerdash, H. M. 2790-2791 2791 El-Domiaty, M. M. 8837 El-Euch, C. 13340 El-Farash, E. M. 8584 El-Gawad, N. S. A. 13471 El-Gendi, S. M. 8344 El-Gengaihi, S. E. 3203 El-Hady, M. M. 1697, 11961 El-Hafez, A. A. 791 El-Hafid, R. 10297, 11629, 11631 El-Hamid, M. A. 10334 El-Hariry, M. A. 10333-10334 El-Harouny, S. B. 12253 El-Hennawy, M. A. 181, 212, 250, 7890 El-Hosary, A. A. 7930 El-Kady, A. M. 10501

El-Kassaby, Y. A. 4096, 9984 El-Keblawy, A. 4283 El-Kholy, M. A. 9345 El-Maâtaoui, M. 9990, 12484 El Mahjoub, M. 7000 El-Mardi, O. 6338 El-Morsy, G. 8380 El-Mousadik, A. 12340 El-Nagar, G. R. 9058 El-Motsadik, A. 12340
El-Nagar, G. R. 9058
El-Nagouly, O. O. 10501
El-Nahrawy, M. A. Z. 537
El-Obeidy, A. A. 8451
El-Olemy, M. M. 8837
El-Rahim, M. F. A. 7955
El-Salhy, A. M. 8479
El-Sawy, B. I. 9625-9626
El-Sayed, A. A. 10328, 10333
El-Sayed, S. F. 791
El-Seidy, E. H. 7815, 7891
El-Seidy, E. S. H. 7889
El-Shamy, M. M. 7869
El-Shamshoury, A. R. 4615
El-Shathawi, M. K. 3758
El-Shatlawi, M. K. 3758
El-Shally, H. H. 9345
El-Sohly, H. N. 8727
El-Sohly, M. A. 8727
El-Tinay, A. H. 1544, 3951
El-Turk, J. 1654
El-Zik, K. 6202 El-Turk, J. 1654
El-Zik, K. 6202
El-Zik, K. M. 3199, 6226-6227, 6244, 12414, 13461, 13474, 13477, 13481
Elam, D. R. 2916
Elango, S. 3225
Eldik, G. J. van 2101, 2932
Elemery, M. I. 633
Elen, O. N. 4311
Elhag, H. 8837
Elias, M. L. 2401
Eliason, E. A. 6289
Elich, T. D. 3402
Elina, O. Yu. 6417
Elings, A. 3559, 5532
Elisens, W. J. 12531
Eljack, A. E. 1859 Elisens, W. J. 12531
Eljack, A. E. 1859
Elkind, Y. 3829
Elkind, Y. 3829
Elkins, W. M. 902
Elleman, C. 3815
Ellerbrock, L. A. 1799
Ellerström, M. 11005, 11007
Ellery, A. J. 13120
Elliott, J. 4132
Elliott, K. A. 12291
Elliott, M. C. 4300, 9229, 12361, 13399-13400
Ellis, B. E. 9963
Ellis, J. 4057
Ellis, J. R. 5712
Ellis, J. R. 5712
Ellis, M. A. 7136
Ellis, R. 4285
Ellis, R. H. 2059, 7749, 7803 Ellis, R. H. 2059, 7749, 7803, 12909 Ellis, R. P. 232, 1456-1458 Ellis, S. E. 5426 Ellis, T. H. N. 1713, 2831, 2834 Ellner, S. 96 Ellouz, R. 13173 Ellstrand, N. C. 2605, 2916 Ellsworth, J. W. 8267 Ellwood, S. 1328 Elmali, M. 4440 Elmayan, T. 942, 964, 2315, 7388 Elmer, W. H. 2260 Elmore, R. W. 10654 Elovsson, R. 6673 Elsakova, S. D. 7166 Elsen, J. M. 1 Elsner pac Jungpflanzen 9994-9995, 12493-12500 Elster, R. 10427 Elsy, C. R. 12966 Eltun, R. 6572 Eltun, R. 6572 Elumalai, R. P. 8949 Emam, Y. 11599 Embree, C. 7133 Emebiri, L. C. 7339 Emets, A. I. 3179 Emile, J. C. 2589, 2737, 6867, Emmatty, D. 1820, 5930, 12107

Emmery, P. 8122 Emmons, C. L. W. 3844, 7088, 9610
Emms, S. K. 3296, 3301
Emory, K. K. 3404
Empilli, S. 9052
Emshwiller, E. 12068
Enaleeva, N. 2110, 9885
Enaleeva, N. Kh. 2571
Encheva, J. 7310
Encheva, V. 12297
End, M. J. 7368-7373
Endo, K. 1931
Endo, N. 2674, 11894
Endo, S. 192
Endo, T. 372, 848, 3067, 13425
Endo, T. R. 2501, 2528, 9095
Endo, Y. 1662, 2773
Ende, G. 5684 9610 Endre, G. 5684 Endre, G. 5684
Endress, P. K. 10231, 11262
Endtner, V. 8215
Enebak, S. A. 4074
Enferadi, S. T. 12311
Engel, K. H. 6727, 9182
Engelen-Eigles, G. 3803
Engelke, M. C. 2728, 9314, 11895 11895 Engelke, T. 719 Engelmann, F. 2153, 6419, 6541, 9858, 12368, 12686, 13627 England, J. A. 3572 Engle, L. 5938 Engler, L. 5938 Engleman, E. M. 8975, 12550 Engler, A. 3322 Engler, G. 68, 2769, 8176 Engler, J. de A. 68 Englich, G. 5304 English, B. C. 8869 English, J. J. 964, 1100, 4042, 6169 English-Loeb, G. 9679 Engqvist, G. 2696 Engstrom, E. M. 74 Engström, P. 6291, 13513 Enkerli, K. 5743 Ennaffah, B. 3657 Ennik, E. 11301, 11309 Enno, T. 2404 Enno, T. 2404
Ennos, R. 6282
Ennos, R. A. 1336, 7475, 12433
Enns, J. M. 12199
Enoki, H. 372
Enomoto, S. 7063
Enríquez, R. 11900
Epelbaum, S. 3389
Epperson, B. K. 102, 2363
Epperson, J. E. 1790
Epple, P. 5261, 8963
Epton, H. A. S. 13200
Equiza, M. A. 3490
Erard, M. 5683
Erb, W. A. 7179 Erb, W. A. 7179 Erbar, C. 5279, 5886 Erbisch, F. H. 8877 Erdal, M. 3144 Erdelská, O. 3570 Ereifej, K. I. 1826, 3758, 8377, 10740 Erel, N. 4366 Eremin, G. V. 10904 Ergenoğlu, F. 13298 Erickson, D. A. 9758-9762, 9799 Erickson, L. 10606, 11897 Ericsson, T. 4090 Eriksson, G. 6255 Eriksson, M. E. 4073 Eriksson, M. E. 4073
Eriksson, S. 4945, 6078
Eriksson, T. 1175, 6316, 12506
Erişen, S. 11661
Erkkilä, M. J. 10316, 11676
Ermacora, P. 7154
Ermakov, E. I. 165
Ermakov, I. P. 955, 2109
Ermakova, M. F. 3471
Ermishin, A. P. 6989
Ernawati, A. 13375
Ernst, D. 2957, 6033, 7481, 12472
Ernst, F. 10302 Ernst, F. 10302

Ernst, K. 3279 Erokhina, S. A. 7678 Errebhi, M. 9526 Errebhi, M. 9526 Errington, N. 9598 Erskine, W. 632, 1722, 4666, 8876, 9492, 11991 Ertl, D. S. 10477 Erwin, J. E. 3803, 4106, 8728 Eržen-Vodenik, M. 3314 Esaka, M. 8305, 13248 Esbroeck, G. A. van 6194, 9176, 9203 Escalante, A. 4756, 9587 Escalettes, V. 12196 Escalona, M. 8596 Escaravage, N. 4107 Eschbach, J. M. 3215 Eschenlauer, A. C. 5495 Escobar, C. 11680 Escobar, W. 4683 Escobedo, R. M. 4909 Escribano, M. R. 6923 Escribano, M. R. 6923 Escudero, A. 4085, 7906 Escudero, J. 4023 Escudero, J. C. 1211 Esen, A. 9190, 10442-10444 Esendal, E. 2120 Eser, V. 4334, 4429, 11661 Eshead, Y. 5688 Eshed, Y. 1820, 5930, 12107, 13207 Eskes, A. 4017 Eskes, A. B. 4998, 5000, 8627, 9857 Eskew, L. G. 8874 Eskilsson, L. 12698 Eskridge, K. M. 1483 Esmailpour, A. 13345 Esmenjaud, D. 4800, 4804, 10933, 10936, 13285 Esnault, R. 1654, 3690 Espagnol, M. C. 11417 Esparza, D. 1740 Espelund, M. 1449 Espino, F. J. 6929 Espinosa, A. 9148, 9166 Espinosa, E. 5549-5550, 9209 Espinoza, E. 5349-5350, 9209
Espinoza, A. M. 4553
Espinoza, F. 6874
Espinoza Velázquez, J. 4516
Esquerré-Tugayé, M. T. 11134
Essa, M. S. 11961
Esselman, E. J. 10616
Essig, J. S. 11930
Essignan, B. 64044 Essigmann, B. 6494 Essl, A. 98 Están, M. T. 8376 Estelle, M. 4274, 8945, 10176, 12653 12653
Ester, A. 8363
Esteve-Raventos, F. 3344
Esteves, S. N. 8599
Estévez, A. 12019, 12025, 12027, 12035
Esti, M. 1924, 13377
Estiati, A. 6757, 8613
Estrella, J. E. 4719
Estruch, J. J. 7963
Ethridge M. D. 13470 Ethridge, M. D. 13470 Etienne, H. 2153, 9857, 9867, 11170 Etkin, N. L. 13620 Etkin, N. L. 13620 Etoh, K. 415 Etoh, T. 715, 4728, 5866, 5869 Eu, Y. J. 5006 Eujayl, I. 632, 11991 Eun, M. Y. 12936 Eva, B. 11027, 11029-11030 Evangelista, R. 12863 Evangelista, R. L. 12860 Evangelista, R. L. 12869 Evans, A. S. 3129 Evans, C. 1630, 10596 Evans, D. E. 1453, 1686 Evans, D. H. 8639 Evans, E. J. 13351 Evans, J. 2976 Evans, J. R. 11117 Evans, K. M. 8396, 9642, 12154 Evans, M. M. S. 1500 Evans, N. 2031, 3666

Evans, R. 1038-1039 Evdokimova, O. A. 2418 Evenor, D. 10781 Everaert, I. 6397 Every, D. 3510 Evison, R. J. 6307 Evrard, J. L. 9802 Ewald, A 1111 Ewertson, G. 9077 Ewertson, G. 9077
Ewing, R. M. 4486
Eyal, Y. 8368
Eymery, F. 4693
Eyquard, J. P. 12196
Eyre-Walker, A. 11723
Eyzaguirre, P. 9556
Ezcurra, I. 11005, 11007
Ezhova, T. A. 1330, 6942
Ezra, D. 4366
Ezura H. 13231 Ezura, H. 13231 Fabbri, C. 8762 Fabbri, S. 4889 Faber, N. 9575 Fabregat, C. 7606 Fabritius, E. 1169 Fabritius, E. 1169
Fabrizius, M. A. 2453, 12721
Faccini, N. 5451
Faccioli, P. 6656, 12788-12789
Facteau, T. 7157
Fady, B. 3238, 4087
Faedi, W. 1933, 3026, 3029, 4818, 4823, 4827, 4829, 10944, 12212, 12222-12223
Fageria, N. K. 314, 1235, 6827
Fagg, C. W. 2166
Faggioli, F. 3008
Fagundes, P. R. 354
Fahem, M. 7000
Fahim, M. 9206, 9256
Fahima, T. 220, 3530, 5332 Fahim, M. 9206, 9256
Fahima, T. 220, 3530, 5332
Fahmy, E. M. 2790-2791, 7952
Fahmy, F. G. 8584
Fahmy, G. M. 7955
Fahmy, Z. M. 7955
Fahrig, L. 2614
Fairhill Native Plants 7499
Faivre Parment, P. 3220, 8708 Faivre-Rampant, P. 3220, 8708 Fajardo, D. 10977 Fajardo, D. 10977 Fajemisin, J. M. 11744 Fakorede, M. A. B. 12319 Faktor, O. 5007 Falak, I. 12800 Falasca, G. 4889 Falaxiga, A. 7048 Falaxigna, A. 7048 Falcinelli, M. 487, 2736, 3263, 3686, 4131, 4578, 4599, 5680, 5698, 6548, 6884, 8171, 8174, 8180, 10605, 11874 118/4
Falco, S. C. 3389
Faleiro, F. G. 2784, 13116
Falisse, A. 4338
Falivene, M. 9001
Falk, D. E. 4456, 5429, 5455, 1280 Falk, J. 230 Falk, K. C. 3084-3085, 6074 Falk, M. 1116 Falkner, L. K. 11892 Fallo, J. 12373 Falloon, R. E. 8283 Fallour, D. 4087 Falquet, J. 607, 6936 Fam, Z. Kh. 11127 Fambrini, M. 6096, 12301 Famelaer, I. 11301 Famiani, F. 4896, 12323 Fan, B. F. 4696 Fan, H. L. 4535, 8557 Fan, H. Y. 2332 Fan, J. 3636 Fan, J. 3636
Fan, K. H. 4721, 11021
Fan, L. 189, 3401
Fan, L. J. 11711
Fan, L. Y. 10591
Fan, M. R. 6970
Fan, M. T. 9717
Fan, Q. C. 13624
Fan, Q. G. 2680
Fan, S. W. 5517, 9404
Fan, W. H. 2137
Fan, X. L. 7397

Fan, X. M. 11173 Fan, Y. 3663 Fan, Y. L. 7397 Fan BaoFang 4696 Fan HanLi 8557 Fan HongLiang 4535 Fan HuaYing 2332 Fan KunHua 4721, 11021 Fan Lian 189 Fan LiYing 10591 Fan LongJiang 11711 Fan MouTian 9717 Fan MuRen 6970 Fan QiChang 13624 Fan QuanGen 2680 Fan SanWei 9404 Fan ShenWen 5517 Fan WeiHua 2137 Fan XianLin 7397 Fan XinMin 11173 Fan YunLiu 7397 Fancelli, S. 9331 Fang, D. Q. 6053, 9707 Fang, H. M. 2642 Fang, J. H. 6418 Fang, J. J. 8716 Fang, J. L. 7576, 10052 Fang, M. 1406 Fang, S. C. 10870 Fang, W. M. 8832 Fang, W. P. 4049 Fang, X. W. 2460, 2463 Fang, Y. 3691, 5688 Fang, Y. M. 11642 Fang, Y. W. 11905 Fang, Z. 8346 Fang, Z. Y. 2933, 12074 Fang HongMing 2642 Fang JiaHe 6418 Fang JianJun 8716 Fang, M. 1406 Fang JianJun 8716 Fang JianLin 7576, 10052 Fang Min 1406 Fang ShuChang 10870 Fang WeiMin 8832 Fang WeiPing 4049 Fang XianWen 2460, 2463 Fang YiMin 11642 Fang YiWen 11905 Fang ZhiWei 11774 Fang ZhiYuan 2933, 8346, 12074 12074
Fanizza, G. 3917
Fanning, M. J. 9071
Fantino, M. G. 11987
Faoro, F. 2823, 12397
Faragher, J. D. 8729
Farago, J. 8186
Farbos, I. 2210
Fares, C. 9045
Fargette, D. 1605, 3660
Farhatullah 1693 Farhatullah 1693 Fári, M. 7098-7099, 7250 Faria, M. J. S. S. de 7161 Farias, F. J. C. 3190, 3197, 9914-9915, 9918, 9924-9925 Farid, A. 7872 Farid, M. 11599 Faris, D. G. 1735, 10713 Faris, J. 4341 Faris, J. 4341
Farjon, A. 13507
Farkas, J. 2960
Farley, P. C. 12136
Farmer, A. 11389
Farmer, F. 1676
Farmer, F. S. 3709
Farnham, M. W. 4742, 7038, 10787 10787 Farnsworth, B. L. 9511 Farnsworth, B. L. 9511 Farooqi, A. A. 10059 Farooqui, M. A. 762, 765 Farooqui, N. 4570 Farquhar, A. G. L. 6524 Farquhar, G. D. 2612, 3282, 12908 Farquhar, I. 8921 Farrar, J. 2273 Farré, J. C. 13157 Farrell, J. A. 3510 Farries, B. 3796 Farsinejad, K. 11096 Faruque, M. O. 1571

Faske, M. 4653 Fasoulas, A. C. 5476, 11690 Fath, A. 6658 Fatokun, C. A. 3771 Fatta, N. 9026 Fauquet, C. 7019, 9544, 10567 Fauquet, C. M. 6843, 12048 Faure, J. D. 2113, 10180 Faure, J. E. 1495 Faure, O. 10069, 13598 Fauré, S. 13307 Fautrier, A. G. 4440, 4740 Fauré, S. 13307
Fautrier, A. G. 4449, 4749-4750, 8360
Favara, C. 9048
Fayez, K. A. 10737
Fé, C. de la 12035
Feaster, C. V. 13448
Featherstone, A. M. 9279
Febvay, G. 1864, 7974
Fecker, L. F. 2126
Fedak, G. 2408, 4357, 6648, 7784, 11640
Federici, C. T. 2821, 6053 Federici, C. T. 2821, 6053, 9707 Federico, R. 10380 Federizzi, L. C. 1428, 2434, 3535, 5306, 5463-5464, 6619, 6681, 7809, 10285 6681, 7809, 10285
Fedorkin, O. 695
Fedorkin, O. N. 12040
Fedorova, M. Yu. 10686
Fedotova, Yu. S. 6690, 11684
Fedoulov, Y. P. 4412
Fedulova, T. P. 11086
Feglejin, J. 11093-11094
Fehr, W. R. 572, 5733, 9431, 13083 Fehrmann, A. 1197 Fei, F. H. 2804 Fei FuHua 2804 Feibelman, T. P. 5171 Feierabend, J. 270 Feigenbaum, P. 13221 Feil, B. 199 Feingold, S. 9054 Feito, I. 3309 Feix, G. 5481, 10445-10447 Fejes, E. 6496 Feldiev, A. S. 10885 Felder, F. 10223 Feldman, D. L. 11723 Feldman, K. A. 6506-6507 Feldman, M. 4361, 9017, 9024, 11546 Feldmann, K. A. 2358, 5245, 10205 Feldmann, P. 4001, 6121 Felföldi, K. 5684 Felger, R. S. 13563 Felger, R. S. 13563 Felicioli, A. 10607 Felicite, F. 7995 Felipe, A. 7143 Felipe, A. J. 8436, 8490 Felipe, E. M. 9754 Felix, I. 2442 Felker, P. 8485 Fell, D. N. 11321 Fellenberg, U. 13278 Fellers, J. P. 179 Fellner, M. 13238 Felsenstein, F. 266 Felsenstein, F. G. 9075 Felsenstein, F. G. 9075 Felton, G. W. 4048, 8656 Fenchel, S. 2158 Fendel A., J. E. 13386 Fendyur, L. M. 2216 Feng, B. J. 9998 Feng, F. 7580 Feng, G. H. 6647 Feng, G. L. 158 Feng, H. W. 5028 Feng, J. Z. 4981 Feng, L. 4949 Feng, L. C. 3055 Feng, L. R. 7036 Feng, D. R. 7036 Feng, Q. H. 13180 Feng, R. 11154 Feng, S. Q. 10541 Feng, X. Q. 8650 Feng, Y. 6335 Feng, Z. 1043

Feng, Z. J. 152 Feng, Z. Y. 8044 Feng BaoJun 9998 Feng Fang 7580 Feng GuiLing 158 Feng GuoHua 6647 Feng HengWen 5028 Feng JieZhen 4981 Feng LeRong 7036 Feng LiChun 3055 Feng Lin 4949 Feng PingZhang 8657 Feng QiHuan 13180 Feng QiHuan 13180 Feng ShengQiu 10541 Feng XuQiao 8650 Feng Yun 6335 Feng ZhengYu 8044 Feng ZhiJie 152 Fenner, G. P. 10649 Fenoll, C. 1314, 2285 Fenster, C. B. 5293 Ferchichi, A. 9296 Ferenczy, A. 8354 Ferenczy, A. 8354 Fereol, L. 2208 Fereres, A. 3860 Ferguson, A. R. 4888, 4900, 9681 Ferguson, I. B. 7382 Ferguson, M. E. 11989 Ferguson, T. 11675 Ferl, R. J. 1293, 12619 Fermaud, M. 4884 Fernádez-Carvajal, M. C. 5675 Fernandes, C. D. 8224 Fernandes, D. M. 11728 Fernandes, G. M. B. 10527 Fernandes, K. V. S. 5788 Fernandes, M. I. F. 6666 Fernandes, M. I. F. B. de 6666 Fernández, A. 3058, 6043 Fernández, C. 13313 Fernandez, D. 1280, 12577 Fernandez, E. C. 8005 Fernández, H. 3309 Fernández, J. 1995 Fernández, J. A. 781 Fernandez, M. R. 1377, 5327, 10303, 11542, 12761 Fernández, S. 10364 Fernández Almirall, A. 1867, 1869, 10847, 13246, 13256 Fernández C., E. 8341 Fernández-Calvín, B. 272, 10266 Fernández-Espinar, M. T. 10083 Fernández-Galiano, E 7439 Fernández-Galiano, E. 7440 Fernández-López, M. 5720 Fernández-Martínez, J. M. 882, 894, 7294, 8521, 11019, 11028, 12315 Fernández-Pavía, S. P. 13236 Fernández Prieto, J. A. 5675 Fernando, D. D. 1052, 11207 Fernando, D. M. 7422 Fernando, W. M. U. 6098 Ferradini, N. 828, 4896 Ferradino, A. 1955 Ferrandiz, C. 2831 Ferrara, G. O. 4376 Ferrare, K. 3113 Ferrarese, L. 824, 10837 Ferraresi, A. 9044 Ferrari, V. 5964 Ferrari, V. 5964 Ferrario-Méry, S. 950, 11130 Fernández Prieto, J. A. 5675 Ferrario-Méry, S. 950, 11130 Ferraz, C. T. 3190 Ferraz, F. M. 13182 Ferraz, F. M. 13182 Ferraz, S. 2809 Ferree, D. 7157 Ferree, D. C. 7136 Ferreira, A. G. 6666, 9912 Ferreira, D. F. 5264, 9471, 9753 Ferreira, D. I. 1966, 2096, 2240 Ferreira, E. 8105 Ferreira, F. 5668 Ferreira, F. R. 9719 Ferreira, F. R. 9719 Ferreira, J. F. S. 4182 Ferreira, J. G. 9943 Ferreira, J. J. 2525 Ferreira, K. L. 13484

Ferreira, M. A. 68, 5720 Ferreira, M. E. 3629 Ferreira, M. F. 11156 Ferreira, M. F. 11156 Ferreira, M. J. 1522 Ferreira, P. C. G. 10076 Ferreira, R. de P. 7737 Ferreira Filho, J. R. 9810 Ferrer, A. 4238, 4252 Ferrer, M. 12858 Ferrer, M. A. 10817 Ferrero, C. 184, 6577 Ferrière, C. 5943 Ferrière H. 9623 Ferrière, H. 9623 Ferrière, N. M. 6758 Ferris, C. 5056, 9945 Ferris, R. S. B. 1975, 1981, 3063 Ferte, M. P. 11548 Fery, R. L. 1839, 1849, 2972, 13271 Fettell, N. A. 5426 Feuerstein, U. 8130 Feuillat, F. 1001 Feuillet, C. 11545 Feussner, I. 6662, 7070, 8373, 12782 Feussner, K. 7070, 12782 Fey, J. 5793 Feys, B. F. 8934 Feys, B. F. 8934 Feyter, R. de 11152 Ficcadenti, N. 12133 Ficker, M. 675, 4688 Fido, R. 6626 Fiedler, J. 9734 Fiedler, U. 2100, 11110, 12605, Fieldorow, P. 8141
Field, R. J. 4749-4750, 12771
Field, T. R. O. 3262
Fielder, D. A. 4513
Fieldes, M. A. 11157
Fielding, W. J. 4217
Fieuw, S. 9521
Figlar, R. B. 9997
Figliando, G. 4427 Figliuolo, G. 4427 Figueira, A. 4013, 13411 Figueiras, A. M. 6691 Figueiredo, J. E. F. 5729 Figueras, M. 6698 Fikesová, E. 8196 Filatenko, A. 197 Filatov, A. 5737 Filatov, A. 5737 Filatov, A. A. 10686 Filatov, P. A. 11090 Filek, W. 12840 Filetici, P. 935 Filho, J. B. M. de 5501 Filipič, M. 1196 Filippowicz, W. 50 Filipp, D. 12398 Filippenko, I. M. 2305 Filippetti, I. 1941 Filippi, F. 12454 Filippi, M. C. 1611 Filippini, F. 3798 Filippova, T. V. 1031 Fillatti, J. 13389 Fillmore, S. A. E. 5705 Fillatd, J. 13389 Fillmore, S. A. E. 5705 Filotico, F. 2878 Finch, R. P. 3666 Finch-Savage, W. E. 11191 Fincher, G. B. 241, 1460, 8372, 11665 Find, J. I. 11205 Find, J. I. 11205 Findlay, K. 1328 Findley, D. A. 1071 Finer, J. J. 3372, 8240, 11930 Fineschi, S. 2159 Finger, F. 2114 Finger, F. L. 2954 Fink, G. R. 2348, 11430, 12649 Finkelstein, R. R. 11420 Finlay, K. W. 5617-5618 Finlayson, S. A. 8015 Finn, C. 826 Finn, C. 826 Finn, C. E. 3909, 4826, 10938, 12200 Finnegan, E. J. 11398, 12651 Finnegan, J. 4057 Finnegan, P. M. 13085

Finneman, J. 5708 Finnemann, J. 558
Finnerty, S. L. 2808, 3713
Finney, P. L. 3473-3474
Fiori, R. 1933, 12222
Fiorino, P. 3116
Fioritto, R. J. 3708, 3710-3711
Firat, A. E. 11513
Firat, M. Z. 3961
Firek, S. 3187
Firon, N. 1102, 6350, 7549
Firpo, I. T. 13205, 13254-13255
Firsov, A. P. 7210, 13320
Fisahn, J. 952, 1765, 5019
Fischer, A. 475 Finnemann, J. 558 Fischer, A. 475 Fischer, C. 12158 Fischer, J. 4610 Fischer, K. 4499 Fischer, K. S. 2593 Fischer, M. 8405-8406, 12182 Fischer, R. 3446, 6033 Fischer, R. L. 3395, 5916, 10193 Fischer, S. 10166 Fischer, T. C. 6487, 7227 Fischer, W. N. 8938, 10171 Fish, L. 5387 Fisher, J. A. 5398 Fisher, J. T. 6296 Fisher, P. J. 11195 Fisher, R. 13442 Fisher, R. F. 1018 Fisk H. I. 9882 10193 Fisk, H. J. 9882 Fitch, M. 13328 Fitchen, J. H. 3186 Fitt, G. P. 4053 Fitter, A. 8940 Fitz Maurice, B. 4169 Fitz Maurice, W. A. 4169 Fitzmaurice, L. C. 3163 Fitzsimmons, K. C. 4695 Fivaz, J. 1221 Fjell, D. L. 3578 Fjellstrom, R. G. 1808 Flach, M. 1243 Flaishman, M. A. 7196 Flamme, W. 2529 Flanders, D. J. 5233 Flash, I. 12423 Flath, K. 12758 Flavell, A. J. 2524, 3383, 3418, 3427 Flavell, R. 10137 Flegg, L. 4714 Flegg, L. M. 11381 Fleming, T. H. 10046 Flénet, M. 9136 Fletcher, M. 9136 Fletcher, J. 4907 Fletcher, J. C. 10189 Fletcher, N. 555 Fletcher, R. J. 13324 Flett, B. C. 4525 Flett, S. P. 549, 5701, 10620 Fleury, A. 13352 Fleury, C. 1761 Fliess, H. 1374 Flint, S. D. 8976 Flintham, J. 7785 Flintham, J. E. 3463, 7800 Flis, B. 694, 5806 Fils, B. 694, 3806
Florack, D. 63
Flores, A. 3527
Flores, C. 7221
Flores, C. L. 6470
Flores, F. 1668
Florido, R. 12019
Floris, R. 5658
Floss, P. A. 9909
Flowers, S. K. 3386
Flowers, T. J. 2665, 5198
Floyd, C. N. 7846
Flügge, U. I. 4499, 4746, 8644
Fluharty, K. 13059
Fluhr, R. 7688
Flury, N. 12405
Fnayou, A. 839, 12235
Foale, M. A. 899
Fobert, P. 13512
Foechterlen, D. 1199
Fofana, B. 11975
Fogain, R. 3930, 13314 Florack, D. 63 Fogain, R. 3930, 13314

Fogel, D. B. 12689 Fogel, G. B. 12689 Fogher, C. 7442 Foidart, J. M. 10229 Foisset, N. 4946, 4961, 12278, 13364 Fojtová, M. 11108 Foley, M. E. 2389 Folk, W. 51 Folk, W. R. 4237 Folke, S. H. 5103 Folkertsma, R. 9538 Folkertsma, R. T. 1781 Fominaya, A. 2408 Fonseca, J. R. 11973 Font, R. 8521 Fontana, F. 2030 Fontana, F. 2030 Fontanazza, G. 4978, 12321 Fontes, E. P. B. 5729 Fonzo, N. di 6586, 6592-6593, 9025, 9045, 9059, 11541 Foolad, M. R. 749, 1830, 3517, 5918, 9601 Foote, T. 399, 2395, 4297 Foote, T. N. 6610 Forbes, G. A. 8324, 8327 ForBio Plants Pty Ltd 7518 ForBio Plants Pty Ltd 7518, 7520-7521 Forcioli, D. 13401 Ford, A. 4854 Ford, C. M. 6672, 10948 Ford, C. S. 7368-7373 Ford, R. 3785 Ford, R. I. 12694 Ford-Lloyd, B. V. 26, 5880, 9852, 11367, 11989, 12360 Forde, B. 8943 Forde, B. 8943 Forde, B. G. 4275 Fordham, R. 3810 Fordham-Skelton, A. P. 5764 Forlani, F. 4041 Forlani, G. 732, 1536 Forlani, M. 1957 Formery, B. 10886 Fornara, M. 316, 6585, 6588, 6593, 6595, 12903 Fornasier, F. 12788 Forner, J. 3943 Forner, J. 3943 Forner, J. B. 6055 Forni, E. 3032 Forreiter, C. 3393 Forrest, G. I. 1004-1005 Forsberg, J. 4948, 11017 Forsberg, L. S. 3800 Forsberg, R. A. 1468 Forsline, P. L. 1897, 10861 Forster, B. P. 1422, 1456-1458, 12611 Forster, C. 10688 Förster, H. 4462 Forster, J. W. 267 Forster, P. I. 9987 Forster, R. L. S. 5207 Forsthoefel, N. R. 13582 Fortes, J. 8430 Förther, H. 12528 Fortin, C. N. 1902 Fortunato, I. M. 2257 Fortunato, R. H. 13061 Fortune, D. 4891 Fortune, J. 3117 Fortune, J. A. 1656, 8210 Fos, M. 1821 Foss, M. R. D. A. 1548 Fossey, A. 9033 Foster, A. E. 6663 Foster, G. D. 6413 Foster, J. E. 7990 Foster, P. F. 1149 Foster, R. 4770 Foster-Hartnett, D. 10636, 10660 Fotev, Yu. V. 2953 Fotirić, M. 10926 Fotso, M. 1744 Fouché, J. G. 10229 Fouillet, A. 10868 Foulkes, M. J. 4418, 7839 Fountain, D. W. 6332 Fourcroy, P. 7298 Fouré, E. 4916, 13307 10660

Foure, E. 1969 Fourmann, M. 9790 Fournier, J. 11134 Fournier, M. 2175 Fourner, M. 2173 Foure, J. L. 1025 Fowke, L. C. 7290, 9980, 12280, 12616 Fowler, B. 9061, 11196 Fowler, D. B. 5312, 5328-5329, 6600
Fowler, H. A., Jr. 1441
Fowler, M. R. 13399-13400
Fowler, S. 6475
Fox, P. N. 4329, 6570, 8997
Fox, S. L. 4469
Fox, T. 11462
Fox, T. C. 11402
Fox, T. W. 10422-10423
Foxon, G. A. 10436
Foy, C. D. 2229, 10593
Foyer, C. H. 950, 1239, 2717, 5062, 11130, 12453
Fragman, O. 11275 6600 Fragman, O. 11275 Frahm, C. 7579 Fraisier, V. 11126 Frampton, C. M. A. 8283 Franc, J. 4338 Franca, A. 5658 França, G. E. 7949 França, J. G. E. de 5856 França Neto, J. B. 589 France, Centre Technique Interprofessionnel des Oléagineux Métropolitains 2043 France, Institut National de la Recherche Agronomique 823, 3010, 3017, 6012, 8404, 10860, 12164
France, Union Nationale Interprofessionnelle des Légumes Transformés 2939, 5746 Frances, S. 1718 Frances, S. 1718 Franceschi, V. 8365 Franche, C. 4232, 7464 Francis, C. 8261 Francis, D. 3671, 5009 Francis, D. L. 3840 Francisco-Ortega, J. 4140 Franck, F. 6509 Francki, M. 6687, 7759 Francki, M. G. 2476 Franckowiak, J. 2493 Franckowiak, J. D. 1448 Francky, A. 10775 Franco, F. de A. 5356 Franco, J. 696, 1491 Franco, J. A. 781 Franco, L. 1296 Franco, M. 10047 François, I. 13309 François, I. 13309 Frandsen, G. 5223 Frank, A. B. 1620, 1636 Frank, M. J. 2330, 5234 Frank, T. E. 2579 Frank, W. 1098, 5220, 13581 Frankard, V. 12376 Franke, A. 989 Franke, I. 6632 Franke, J. 1194 Franken, J. 7109, 11296 Franken, P. 625, 13126 Franken-Bembenek, S. 12181 Frankham, R. 10586 Frankis, M. P. 13507 Franklin-Tong, V. E. 4176, 12557 Frankovskaya, M. T. 10419 Franks, F. R. 6453 Franks, T. 13294 Franssen, H. 4659 Fransz, P. 6487, 11424 Fransz, P. F. 7059 Franz, C. 1156, 1198, 2250, 12558 Franzmann, L. H. 7730 Frappier, J. R. H. 5534 Frascaroli, E. 5531 Frascarolo, P. 10450 Fraser, L. G. 3802, 4890, 4892, 13301, 13303

Fraser, M. L. 5666, 9304

Frattarelli, A. 7188 Frattini, F. 4296 Frattini, L. 4471 Frauen, M. 7292 Frayre-Vazquez, G. 1701 Frazer, E. J. 8821-8822, 8822 Frean, M. L. 11008 Frecon, J. L. 3895 Frederiksen, R. 3585 Frederiksen, R. A. 10487 Freeling, M. 1501, 6710, 9152, 9156, 10441 9156, 10441 Freeman, D. 9149 Freeman, D. C. 4283 Freeman, G. H. 12677 Frégeau-Reid, J. 1452 Frégeau-Reid, J. A. 583, 3718, 11927 11927
Fregene, M. A. 13178
Fregoni, M. 1943
Freialdenhoven, A. 257
Freire, A. B. 2678
Freire, E. C. 3190, 3197, 9914-9915, 9918
Freire, M. A. 6468
Freitas, B. M. 7260
Freitas, P. M. 5674
Freitas, P. M. de 6872
Freitas, V. G. de 8558
Frensham, A. B. 4472
Frentzen, M. 4959, 7293, 7295. Frentzen, M. 4959, 7293, 7295, Frese, L. 11344 Freudenstein, J. V. 12544 Frew, T. 624 Frew, T. J. 4654 Frey, K. J. 7788 Frey, L. 2731, 6873, 7633 Frey, M. 6697 Frey, L. 2/31, 0873, 7033
Frey, M. 6697
Frey, N. 10998
Frey, P. 4075
Freydl, E. 3499, 13012
Freytag, G. F. 1706
Freytag, U. 3430
Friar, E. 1116
Frick, G. 85, 6509
Frick, M. M. 5389
Frickel, G. E. 2617
Fridlender, M. 10387
Fridlund, B. 3146
Friebe, B. 1443, 2406, 2526, 4436, 9020-9021, 10271
Friedberg, J. N. 10411, 10484
Friedder, A. 6532
Friedman, W. E. 6534
Friedman, M. 3843
Friedt, W. 891, 4947, 4959, 4964, 4972, 4987, 6669, 7268, 7304, 8588, 9802, 11020, 12797
Fries, I. 2373
Friesen, K. R. D. 11018
Friesen, N. 4725, 9564-9565 Friese, I. 2373
Friesen, K. R. D. 11018
Friesen, N. 4725, 9564-9565
Frigerio, J. M. 2170, 13509
Frigerio, L. 2823, 12397
Frijters, A. 1464
Frischmuth, T. 8654
Frishman, D. 11390
Frisinghelli, C. 12227
Frison, E. 3056
Frisse, A. 786
Fritsch, R. 4725
Fritsch, R. M. 7034, 9565
Fritsen, H. 8139
Fritz, R. S. 3223
Frizzi, A. 11520
Froese, C. 3799
Frohlich, M. W. 5295
Frohnmeyer, H. 5912, 6907, 10067
Froidmont, D. de 9016 Froidmont, D. de 9016 Froidmont, F. 9113 Fromentau, M. 6517 Fromm, H. 6435, 9024, 11423 Frommer, W. B. 3431, 8938, 10171 Frongia, L. 9002, 12903 Frost, D. 4057 Frost, R. R. 13200 Froud-Williams, R. J. 4379 Frova, C. 321, 1354, 5548

Frugier, F. 523, 8195 Frühling, M. 10668 Frulleux, F. 4752 Frusciante, L. 4687, 5798 Fry, J. D. 2204, 4289, 13037 Frye, C. A. 11471 Fu, B. X. 11587, 11612 Fu, B. Y. 11848 Fu, C. X. 7412 Fu, C. Z. 2800 Fu, G. Y. 10864 Fu, H. 12709 Fu, H. H. 439, 4268, 10175 Fu, H. H. 435, 4208, 10 Fu, H. Q. 8675 Fu, H. Y. 10163 Fu, J. 5576, 5592, 5610 Fu, J. H. 2562, 9135 Fu, J. R. 8696, 11001 Fu, L. C. 5132 Fu, T. D. 4954, 6081 Fu, T. D. 4954, 6081
Fu, T. H. 11561
Fu, W. D. 2150
Fu, W. Y. 5614
Fu, X. 13023
Fu, X. D. 10531, 12284
Fu, X. Q. 9244
Fu, Y. B. 7649, 11481
Fu, Y. L. 11254
Fu, Y. M. 7564, 8819
Fu, Y. X. 106, 9549, 12675
Fu BinYing 11848
Fu ChunXia 7412
Fu CuiZhen 2800 Fu CuiZhen 2800 Fu GuangYi 10864 Fu HongYong 10163, 12932 Fu HuaiQin 8675 Fu HuiHua 439, 4268, 10175 Fu JiaRui 8696, 11001 Fu Jun 5576, 5592, 5610 Fu JunHua 2562, 9135 Fu LiChung 5132 Fu TingDong 4954, 6081, 12274 Fu WeiDong 2150 Fu WenYing 5614 Fu WenYing 5614
Fu XiangDong 10531, 12284
Fu XiQin 9244
Fu YongBi 11481
Fu YuLan 11254
Fu YunXin 106, 12675
Fuangthong, M. 2335
Fuchs, E. 1527-1528, 2598, 10493 Fuchs, J. 9095 Fuchzhun, L. 11980 Fuente, J. M. 3527 Fuente, J. R. de la 12432 Fuentes, M. 7966 Fuentes, M. R. 5478 Fuentes-Dávila, G. 5415 Fuentes-Granados, R. G. 5157 Fuerst, C. 98 Fuerst, P. A. 7703 Fuerst, C. 98
Fuerst, P. A. 7703
Fuerstenberg, S. I. 1506
Fuertes, A. 8928
Fugro, P. A. 3864
Fuhrer, J. 8215
Fujie, T. 5845
Fujigaki, J. 4446
Fujii, H. 6858
Fujii, K. 6365, 8820, 10575
Fujii, M. 5170
Fujii, N. 361
Fujii, T. 11851
Fujimori, K. 11457, 12630
Fujimoto, F. 4600, 11862
Fujimoto, Y. 7786
Fujimura, T. 3611, 12993
Fujioka, S. 2353, 6507, 10145
Fujisawa, H. 79, 8951
Fujita, H. 70
Fujita, K. 2542, 2554, 4210, 9132-9133
Fujita, M. 2457
Fujita, S. 3479, 13151
Fujiwara, H. 10548
Fujiwara, T. 6914, 10641
Fukai, S. 2669, 8090, 8763, 8823, 9197
Fukaki, H. 79, 8951
Fukami-Kobayashi, K. 11388

Fukaya, K. 4600, 11896 Fukazawa, C. 4625, 11935 Fukuchi-Mizutani, M. 7728 Fukuda, H. 7533, 11667 Fukuda, N. 3965 Fukuda, Y. 8241, 10278 Fukui, H. 11264 Fukui, K. 400, 1616, 3612, 3618, 4543, 7278, 9572, 9587, 9988, 10267, 11871 Fukui, R. 11264 Fukumasa-Nakai, Y. 1220 Fukumasa-Nakai, Y. 1220 Fukumoto, M. 9246, 13427 Fukunaga, K. 1551, 4528 Fukuoka, H. 2063, 2067, 7265, 10615 Fukuoka, S. 468, 6976, 12946 Fukushi, H. 5728 Fukushi, H. 5728 Fukuta, Y. 1616 Fukuyama, T. 7902 Fulgosi, H. 3308, 8358 Fuller, D. 3231 Fuller, J. 2498 Fuller, J. D. 229 Fullner, K. J. 1276 Fulneček, J. 13421 Fulton, T. M. 1818, 1820 Funatsuki, H. 7893 Fung, R. W. M. 13301 Funk, C. R. 1629, 1632, 2705, 2708-2709, 9304 Tunk, C. R. 1029, 1032, 2703, 2708-2709, 9304

Funk, S. 39

Funt, R. C. 7136

Fuqua, C. 1279

Furbank, R. T. 916, 3281-3282, 3348, 5596, 13560

Furini, A. 1098, 5220, 10429

Furlani, A. M. C. 1235

Furman, B. J. 3539

Furman, B. J. 3539

Furmanowa, M. 2237

Furner, I. J. 1297, 10161

Furui, H. 10820

Furui, S. 3819

Furuichi, T. 4762, 12099

Furusaki, S. 12383

Furusawa, M. 12690

Furusho, M. 4442

Furuumi, H. 401 2708-2709, 9304 Furuumi, H. 401 Furuya, M. 2112, 6499, 6858, 11447 Fusari, F. 5482 Fusari, P. 10371 Fusaro, E. 3234 Fuselli, D. 6583, 6597 Fushimi, H. 2233 Fuss, H. 1765 Fuster, M. D. 3940 Futami, K. 157 Futsuhara, Y. 429, 6791, 7641, 8043 Fyad-Lameche, F. Z. 528 Gaag, D. J. van der 219 Gaal, T. M. van 13558 Gabara, B. 12820 Gabaraeva, N. I. 2230 Gabay-Laughnan, S. 4495 Gabellini, E. 7362 Gábor, G. 3052 Gáborík, N. 8128-8129, 8235 Gáborjányi, R. 5544, 11738 Gacek, E. 2470, 2518 Gacesa, P. 9488 Gačić, N. 6144 Gadal, P. 12385, 13493 Gaddanakeri, S. A. 337 Gadea, J. 3839 Gadeva, P. 10608 Gadewar, A. V. 1772 Gadgil, M. 352 Gaetani, M. 4129-4130 Gaff, D. F. 8162-8163 Gaff, J. L. 8162 Gafni, Y. 7085, 9889 Gage, D. A. 1811 Gage, K. M. 11473 Gaget-Faurobert, M. 135 Gaddanakeri, S. A. 337 Gaget-Faurobert, M. 1353 Gagliano, W. 11437 Gagliano, W. B. 6492 Gagliardi, S. J. 9875 Gagnon, J. 7068

Gagnon, Z. 13496 Gahoonia, T. S. 3523 Gai, J. Y. 1696, 2810, 4618, 4622, 4630, 4632, 5724, 8252, 9372, 9386-9387, 9400, 9402-9403, 9433, 9453-9454, 9459, 9461-9462, 11940, 13064-13065 13064-13065
Gai Jun'yi 1696, 2810, 4618, 4622, 4630, 4632, 5724, 8252, 9372, 9386-9387, 9400, 9402-9403, 9433, 9453-9454, 9459, 9461-9462, 11940, 12064, 12065 13064-13065 Gaiani, A. 4839 Gaidalenok, R. F. 2427 Gaido, Z. A. 12744 Gaike, M. 2487 Gaike, W. 2487, 2502 Gaĭko, N. T. 10505 Gaikwad, K. 13354 Gaillard, C. 5243 Gaines, C. S. 3474 Gaiotto, F. A. 2155 Gaiser, J. C. 62 Gajbhiye, S. A. 11763 Gajdasz, W. 9757 Gajewski, Z. 5931 Gajraj 2420 Gal, S. 13629 Gal, S. W. 9224 Gal SangWan 9224 Gaidalenok, R. F. 2427, 3448 Gal SangWan 9224 Galagan, J. A. 3831 Galambosi, B. 1181, 4194 Galano, G. 8492 Galarraga, E. C. 1869 Galasso, I. 2853 Galatowitsch, S. M. 13558 Galbraith, D. W. 936 Galderisi, U. 8492 Gale, B. V. 8715 Gale, M. 7785 Gale, M. D. 139, 3463, 4298, 4364, 4526, 5301, 5336, 5344, 7760, 7800, 8049, 3544, 7760, 7800, 8049, 11554
Galek, R. 12823
Galiba, G. 2462, 5386-5387, 7898, 11591
Galili, G. 48, 4391, 7389, 7640, 7713, 7830, 9889
Galili, S. 5688, 6998
Galinat, W. C. 10393, 10462
Galis, I. 4244
Galkin, A. P. 674
Gall, O. le 4206
Gallacher, D. J. 913-914, 917
Gallagher, L. 2206
Gallagher, T. F. 9939
Gallais, A. 3, 4219, 5502, 5523, 7652, 7686, 7934
Gallardo, F. 4081 11554 Gallardo, F. 4081 Galle, A. M. 12647 Gallego, F. J. 5058, 6691 Gallerani, M. 2977 Gallerani, M. 2977
Gallerani, R. 5214
Galletta, G. J. 833, 3025, 3909, 4826, 12198-12200, 12215
Galletti, G. C. 7811
Gallez, L. M. 11595
Galli, J. 354, 5638
Galli, L. 5638, 10798
Galliano A. 1955 Galliano, A. 1955 Gallialo, A. 1733 Gallie, D. R. 3558, 4348, 10241, 12727 Gallis, A. T. 2176 Gallielli, M. 3157 Gallo, G. 6586, 6589, 6642, 9048 9048 Gallo, L. A. 1014, 12487 Gallo, P. B. 8474 Gallois, A. 12451 Galloway, G. L. 6454 Galloway, L. F. 5293 Gally, M. 8258 Galmarini, C. 5858 Galmarini, C. R. 4208, 5874, 5941 5941 Gálová, Z. 7823

Galterio, G. 4296, 6628, 9045, 11541 Galun, E. 6998 Galusha, D. D. 2551, 5477, 5545 Galván, G. 5857 Galvão, J. C. C. 6722 Galvez, A. F. 10240 Gálvez, S. 12385, 13493 Gálvez, S. 12385, 13493 Gálwez, S. 12385, 13493 Gálweiler, L. 5208 Galwey, N. W. 606, 4645 Gama Lopez, S. 10625 Gamage, N. 3062 Gamas, P. 5689, 9330 Gamborg, O. L. 4561 Gamma, E. E. G. 319 Gampert, U. 2265 Gamzikov, G. P. 4324 Gamzikova, O. I. 210 Gan, L. 10954 Gan, S. 8947 Gan, X. M. 8575 Gan, Y. T. 5468 Gan Lin 10954 Gan XinMin 8575 Gan XinMin 8575 Ganal, M. 4768, 12091 Ganal, M. W. 10274, 10276, 11547, 12095 Ganapathi, A. 10078 Ganapathi, T. R. 2921, 5201, 10963 Ganapathy, N. 1739
Ganapathy, S. 1541, 8031
Ganapathy, T. 13018
Gancedo, C. 6470
Gandin, C. L. 10774
Ganesan, G. 8272
Ganesan, K. 8031, 8070, 10506, 13199 Ganesan, K. N. 5607, 8057 12965-12966, 12968, 12978 Ganesh, M. 8032 Ganesh, S. 8016 Ganeshaiah, K. N. 5130, 7590 Gang, B. C. 7244 Gang, T. S. 12135 Gang BangChu 7244 Gang TaeSuk 12135 Gangappa, E. 1599, 2036, 7307-7309, 8083, 11754, 12335-12336 Gangaram, A. 6787 Gangopadhyay, G. 4563, 4960, 8095 Ganguli, D. K. 2904, 10280 Ganiger, V. M. 6997 Gannavarapu, M. 10917 Gannaway, J. 6221 Gannaway, J. R. 13476 Ganry, J. 13307 Gantt, E. 11384 Gant, J. S. 530, 11898 Gao, C. S. 7870 Gao, D. M. 6967 Gao, D. R. 7860 Gao, D. Y. 9022 Gao, F. 9705 Gao, F. L. 13094 Gao, H. 11038 Gao, H. B. 7337 Gao, J. 626, 4617 Gao, J. C. 9210 Gannavarapu, M. 10917 Gao, J. 626, 4617 Gao, J. C. 9210 Gao, J. L. 4351, 5375 Gao, J. W. 6602 Gao, L. Z. 11770 Gao, M. 5720, 7928 Gao, M. Q. 726 Gao, M. W. 407, 435, 7820, 8077, 11794, 11820 Gao, Q. K. 9854-9855 Gao, S. 2934 Gao, S. 2534, 9210 Gao, S. R. 4534, 9210 Gao, S. T. 8491 Gao, W. D. 6418 Gao, W. S. 11574 Gao, X. M. 1914 Gao, Y. 2993 Gao, Y. F. 472 Gao, Y. J. 3621, 4542 Gao, Y. L. 9640 Gao, Z. 4632, 11564

Gao, Z. H. 4062, 5904 Gao, Z. J. 10864 Gao ChongSheng 7870 Gao DeRong 7860 Gao DiMing 6967 Gao DongYing 9022 Gao Feng 9705 Gao FengLan 13094 Gao JiaLing 4351, 5375 Gao JianChun 9210 Gao JianWei 6602 Gao Jing 4617 Gao LiZhi 11770 Gao Ming 7928 Gao MingWei 407, 8077, 11820 Gao Mingwei 407, 8077
Gao MuQiang 726
Gao QiKamg 9854
Gao QiKang 9855
Gao Shan 2934
Gao ShaoTang 8491
Gao ShuRen 4534, 9210 Gao WeiDong 6418 Gao WenShu 11574 Gao XiaoMeng 1914 Gao Yi 2993 Gao YinLi 9640 Gao YungFeng 472 Gao ZhenHua 5904 Gao Zhi 11564 Gao ZhiHe 4062 Gao Zhong 4632 Gao Zhong 4632 Gao ZhongJiao 10864 Gaofeng, Z. 8052 Gaona, J. 9209 Gapeeva, T. A. 5236 Garay-Arroyo, A. 8923 Garba, M. 10720, 13150 Garba, M. 10720, 15130 Garbaczewska, G. 3540 Garcés, R. 894 Garcés, S. 1777-1778, 4697 García, A. 494, 6825, 10479, 11875 Garcia, A. 1625, 2665, 5198, 10774 Garcia, A. M. 12448 Garcia, D. 3215 Garcia, E. 10843 García, E. de 4990, 7574 García, E. G. de 9697 García, F. A. 6346 Garcia, F. V. 12975 Garcia, G. 7439-7440 Garcia, G. 7439-7440 García, G. P. 9723 García, J. A. 2125 García, J. E. 8490 García, J. M. 3957 García, L. 3929 Garcia, M. D. 11718 García, P. 5715, 11990 García, S. M. 13205, 13254-13255 García de Ceca, J. L. 7874 García-de la Cruz Fernando, R. García-Espinosa, R. 6932 García-Fayos, P. 7261, 10995 García García, M. 6038 García-Garrido, J. M. 11781 García-Gutiérrez, A. 4081 García-Jiménez, J. 5960 García-Lidón, A. 3940 García-López, C. 9745 García-López, C. 9745 García-Martínez, J. 3554 García-Martínez, J. L. 8278 García-Maya, M. M. 7383 García-Mendoza, A. 13487 García-Muniz, N. 12894 García-Olmedo, F. 252 García-Pastor, M. 11387 García-Pérez, M. D. 5956 García-Ruíz, R. 11019 García-Suárez, R. 5675 García Suárez, R. G. 2525 García-Vallejo, C. G. 4190 García-Vallejo, C. G. 4190 García-Velázquez, A. 12547 Garciarrubio, A. 611, 8923 Gardeström, P. 72 Gardiner, J. 6115 Gardiner, S. 12154 Gardiner, S. E. 3688, 12160 Gardner, C. O. 2581, 12386

Gardner, D. E. 6015
Gardner, R. 7213
Gardner, R. C. 2989, 4078, 4900, 7211, 8714, 9880, 11195, 11463, 13301, 13303
Gardner, R. G. 9603
Garg, A. 12508
Garg, A. P. 13223
Garg, D. K. 12735
Garibaldi, A. 5111
Garnett, C. R. 3253
Garnica, S. 3344
Garnier, F. 1157
Garnock-Jones, P. J. 8984
Garramone, A. 3039
Garrett, C. 7989
Garrick, D. J. 3361
Garrido, A. 3943
Garrido, B. 1296
Garrido-Ramos, M. A. 11283 Gardner, D. E. 6015 Garrido-Ramos, M. A. 11283 Garriga-Calderé, F. 1109, 2878, Garro, G. 4553 Gartland, J. S. 12361 Gartland, K. M. A. 12361 Gärtner, E. 3694 Garvey, G. 9445 Garvin, D. F. 2821 Gasch, A. 11418
Gasch, A. 11418
Gasch, O. 11553
Gaskin, P. 2574, 9031, 11456
Gaspar, A. M. 6071-6072
Gaspair, I. 9120
Gaspair, M. 2709 Gaspar, I. 9120 ...
Gasparian, M. 3798
Gaspin, C. 7664
Gasquez, J. 1621
Gass, T. 8139, 8882
Gasser, C. S. 62, 4242, 11488
Gateau, I. 11571 Gatehouse, A. M. R. 5200, 13023 Gatehouse, J. A. 5200, 13023 Gates, M. J. 13250 Gates, R. N. 1516, 1633, 2619 Gatsovski, Zh. 10430 Gatt, M. 10028 Gatt, M. 10028
Gaucher, E. A. 11937
Gaučienė, O. 5814
Gaude, T. 2936
Gaudet, D. A. 5389, 10304
Gaudiel, R. G. 3740
Gaudillère, J. P. 10922
Gaudino, R. J. 4233
Gaudio, L. 6368
Gaudron, J. 13020
Gauhl, F. 1976
Gaunt, R. E. 4200, 8283, 1 Gaunt, R. E. 4200, 8283, 11678 Gaur, P. C. 9510 Gaurab Gangopadhyay 8095 Gaus A. 7157 Gausing, K. 6657 Gaussoin, R. E. 2204 Gaut, B. S. 1506, 2382, 10567, 11723 Gaut, R. L. 11723 Gautam, A. S. 12888, 13112 Gautam, P. L. 7461 Gautam, R. 7528 Gautam, R. K. 348, 9241 Gauther, P. 560, 10622-10623, 13033 Gautier, M. F. 6606 Gauvin, S. 728 Gavalas, N. 11336 Gavazzi, G. 1507-1508 10450 Gavish, N. 9607 Gavrilă, L. 5308 Gavrilă, L. B. 5308 Gavrila, V. R. 5308 Gavrilenko, T. 691 Gavrilets, S. 97, 2364 Gavuzzi, P. 5400 Gawlak, S. L. 2235 Gaxiola, R. A. 11430 Gay, A. P. 498 Gay, D. C. 9414 Gay, G. 4880, 10275 Gaye, A. 9955 Gayler, K. R. 5704 Gavazzi, G. 1507-1508, 10429, Gayler, K. R. 5704 Gazaryan, K. G. 674

Gazecka, B. 9769
Gazit, S. 1991, 3072, 3945, 7231, 7236, 8864
Gazzarrini, S. 3431
Gbur, E. E. 3639
Gbur, E. E., Jr. 6286
GC, Y. D. 1794
Gc, Y. D. 5933
Gdala, J. 568
Ge, H. B. 8443
Ge, K. L. 3610
Ge, S. 11770
Ge, T. M. 4356
Ge, W. C. 8716
Ge, Y. F. 1431, 5412
Ge HuiBo 8443 Ge HuiBo 8443 Ge KouLin 3610 Ge Song 11770 Ge TaiMing 4356 Ge WanChuan 8716 Ge YongFu 1431, 5412 Gea, L. D. 4061 Gealy, D. 3664 Gebeyehu, G. 4413 Gebhardt, C. 1253, 1771, 6458, 10752, 13160 Gebhardt, J. S. 9371 Gebura, E. 2446 Geburek, T. 5047 Gecheff, K. 4450 Geda, A. K. 2766 Geehta, S. 8078 Geels, R. 5863 Geenen, G. J. J. 7296 Geest, J. van 1126 Geets, J. van 1126 Geetha, N. 4678, 8303 Gebeyehu, G. 4413 Geetha Bassi 7119
Geetha, N. 4678, 8303
Geetha, S. 6817, 9271
Geffen, F. 9607
Geffroy, V. 6936
Gehlhar, K. 4586
Geibel, M. 13281 Geigenberger, P. 12030 Geiger, H. H. 5527, 6726, 7744, 7959, 8609, 11750 Geisler, M. 11459 Geiszinger, A. 9982 Gelvin, S. B. 1302, 2281, 13437 Gemechu Keneni 3125 Gémesné-Juhasz, A. 7103 Gemici, Y. 12437 Gemmell, D. J. 3801 Gemmill, C. E. C. 11192 Génard, M. 12187 Genç, İ. 12736 Gendreau, E. 3396 Gendy, C. 1170 Generalova, G. V. 3470-3471 Genet, R. A. 1759, 10746 Geng, I. 12737 Genger, R. K. 11398, 12651 Génier, G. 8172, 8190 Genier, G. 516 Genoud, T. 11441 Genschik, P. 50 Gemechu Keneni 3125 Genschik, P. 50 Gent, M. P. N. 6618 Gentile, A. 10918 Gentinetta, E. 6761 Gentzbittel, L. 895, 4974, 7317, 12310 Genualdo, G. 679 George, J. K. 4183, 11335 George, J. P. 7171 George, L. 8519 George, L. A. 5796 George, M. L. C. 6832 George, R. A. T. 7643 Georgiev, G. 10651 Georgiev, S. 6027, 11045-11046, 11256 Georgiev, V. 6009 Georgieva, E. I. 5504 Georgieva, I. D. 11132 Georgieva, I. D. 11132

Gepstein, S. 7220 Gepts, P. 4672, 6936 Gerard, P. D. 1255

Gerasimenko, G. L. 336 Gerasimenko, T. V. 336

Gerasopoulos, D. 842

Gerats, A. 11874
Gerats, T. 5115, 7546, 11269
Gerbaud, A. 2350
Gerber, G. H. 8531
Gerber, S. 7472
Gercheva, P. 2988
Geren, H. 518
Gerhardt, K. E. 11157
Gerhardt, L. B. de A. 7737
Gerhardt, L. M. 1819
Geri, C. 3409, 7387
Gerlach, H. K. 8426
Germain, E. 864, 6065-6066
Germain, V. 3836, 3838
Gerrits, N. 11427
Gerritsma, W. 9806
Gertsis, A. C. 5525
Gertz, A. 9846
Geshi, N. 13356
Gessler, C. 3876, 10866
Gessler, C. 3876, 10866
Gessler, D. D. G. 10216, 12668
Getacheu, T. A. 698 Getacheu, T. A. 698 Gethi, M. 8003 Getint, M. 8003 Getinet, A. 6085 Geuns, J. M. C. 962 Geurts, R. 4659, 13124 Gevrek, M. N. 1561 Gezahegne Bogale 2572 Ghabrial, S. A. 3731-3732 Ghafari, A. 12264 Ghamari-Zare, A. 1631 Ghani, F. D. 4912 Ghareyazie, B. 385, 471 Gharib, A. A. 791 Ghassemi, F. 4633 Ghavle, A. R. 2613 Ghedini, R. 7362 Ghérardi, M. 5690, 6882, 8172 Gherity, S. 12 Gherity, S. 12 Ghesquière, A. 1605, 3660, 8133, 8139, 11816 Ghesquière, M. 2703, 6867 Ghetea, L. 5308 Gheyas, F. 8411 Gheysen, G. 454, 3411 Ghidiu, G. 7094, 8385 Ghimire, S. R. 463, 3788, 12293, 13226 Ghiselin, M. T. 124 Ghislain, M. 5805, 10764 Ghoneim, E. M. 8676 Ghoneim, E. M. 8676 Ghorade, R. B. 1542-1543, 1547, 2038, 5559, 6734, 8017 Ghorasani, S. G. 12886 Ghorbel, A. 839, 12235, 13290, 13295 Ghorpade, P. B. 175 Ghosh, B. 10129 Ghosh, B. K. 3665 Ghosh, D. K. 13192 Ghosh, J. 8460, 8593 Ghosh, P. K. 27, 8571 Ghosh, S. 8915 Ghosh, S. K. 2062 Ghoshal, K. K. 5085 Giambalvo, D. 5714 Giancipoli, G. 6586 Giancola, S. 5378 Gianello, R. D. 8163 Gianfagna, T. 13209 Gianfranceschi, G. L. 11979 Gianfranceschi, L. 10866 Giangrande, E. 6638 Gianinazzi, S. 625, 13126 Gianinazzi-Pearson, V. 625, Gianinazzi-Pearson, V. 5288, 13126 Giankos, P. 13280 Giannini, M. 2996 Gianoli, E. 223, 11679 Giauffret, C. 9170 Gibband, M. 4222 Gibbon, B. C. 2575, 11701, 12557 12557 Gibbon, D. 6111 Gibbs, A. J. 388, 4206 Gibbs, J. 8865 Gibbs, L. K. 2745 Gibbs, M. J. 4206 Gibby, M. 11323, 12507 Giberti, G. C. 9906 Gibson, C. E. 1453

Gibson, P. T. 597, 9447, 11957 Gibson, R. W. 13181 Gichner, T. 12387 Gichuru, E. K. 5002 Gidzińska, M. 5487 Giegé, P. 12622 Gielen, J. 454, 3388, 7711, 10563, 11432 Gielis, J. 6397, 7609, 7611 Gierl, A. 6697, 11704 Giertych, M. 6295, 11201 Gietl, C. 4787 Gigord, L. 13599 Gigot, C. 2340, 9136, 11107 Gijzen, M. 2794, 2806 Gil, P. 46 Gil, Z. 190, 2447, 2535, 2537-2538 2538
Gil-Ad, N. L. 2264, 10023
Gil-Mascarell, R. 13219
Gilad, A. 7073
Gilad, S. 7506
Gilbert, C. 6137
Gilbert, J. 10750
Gilbert, M. E. 13456
Gilbert, N. 3962
Gilchrist, K. 3435
Gileadi, O. 10387
Giles, B. E. 11249
Giles, J. 3947
Gilet, J. D. 7986, 7995
Gilgen, M. 40 Gilgen, M. 40 Gilissen, L. J. W. 10139 Gill, B. 4341 Gill, B. S. 1440, 1443, 2406, 2526, 3502, 3506, 4436, 4469, 5342, 7119, 9021, 9076, 9189, 10271, 11547, 9076, 9189, 10271, 11347, 11591 Gill, G. P. 3802, 4890, 4892, 13301, 13303 Gill, H. S. 723 Gill, J. S. 650 Gill, K. S. 7864 Gill, M. S. 2306, 8245 Gill, R. S. 981 Gill, S. P. S. 5872 Gill, S. S. 2297, 7119, 8286 Gillespie, L. J. 6857 Gillet, E. M. 4089, 8974 Gillet, F. 11109 Gilliam, C. H. 1071 Gilliam, J. 11736 Gilliand, L. U. 10157, 10170 Gilliland, T. J. 2688, 11877, 11879 Gillott, C. 8530 Gilmour, A. R. 1375 Gilmour, S. J. 89, 5258, 7734 Gilon, C. 6532 Gilot-Delhalle, J. 3272 Gilpin, B. J. 4654 Gilpin, M. J. 4449 Giménez-Abián, M. I. 1795, Giménez-Martín, G. 1795, 4726 Gingas, V. 2114 Ginkel, G. van 962 Ginkel, M. van 4413 Ginoux, G. 9623 Gintzburger, G. 531 Ginzberg, I. 9889 Gioia, C. di 7010 Giomo, A. 9808 Gion, J. M. 995 Giordani, E. 3020, 4921, 10913 Giordano, C. 7362 Giordano, I. 5757, 5804 Giordano, L. B. 5921 Giordano, R. 12212 Giorgetti, L. 5824 Giorgioni, M. E. 8762 Giorio, G. 3157 Giorni, E. 5388, 5451 Giovanessi, L. 3032 Giovannantonio, C. di 8362 Giovannini, A. 11247 Giovannini, T. 9853 Giovannoni, J. J. 2955, 5868, Gion, J. M. 995 Giovannoni, J. J. 2955, 5868,

Giovinazzo, G. 455, 2823, 3613 Giraldez, R. 2525, 5675 Girard, C. 4222, 11023 Giraudat, J. 76, 3392, 13629 Girbés, T. 4905 Giriraj, K. 2034 Giritch, A. 4768, 12091 Girod, P. A. 1221 Giroux, M. J. 1414, 10288 Gisbert, C. 13219 Gissel-Nielsen, G. 2503 Gissel-Nielsen, G. 2503 Gite, B. D. 1542-1543, 1547, 2038, 6734, 8017 Githure, C. W. 8476 Giudice, L. del 9025 Giudici, M. L. 2676 Giuliani, M. M. 11708 Giuliano, G. 889 Giulini, A. P. 10429 Giunchedi, L. 966 Giunta, F. 6590 Giustolin, T. A. 745 Given, N. K. 1080 Gjuric, R. 524 Gladis, T. 135, 1143, 7037 Glaser, W. 6881 Glass, C. 4167 Glassick, T. 11196, 13506 Glassick, T. V. 8715, 11198 Glassmoyer, K. 10919 Glaszmann, J. C. 6121, 12346 Glavin, T. L. 7280 Glaz, B. 3133-3134, 8591, 12353 Glazebrook, J. 1327, 6519. Giunta, F. 6590 Glazebrook, J. 1327, 6519, 11467 Glazier, D. 1023 Glazier, D. 1023 Glazova, N. M. 10880 Gleave, A. P. 9880, 13573 Gleba, Y. Y. 13444 Gleba, Yu. Yu. 3179 Gleeson, A. C. 1375 Glendinning, D. R. 4682 Gless, C. 7905, 7907 Gliddon, C. J. 6147 Gliddon, C. J. 6147 Glimelius, K. 946, 4948, 11017 Glitsø, L. V. 2663 Glössl, J. 3914, 8445, 8702, 11180, 12230 Glover, B. J. 11267 Glover, D. V. 2586 Glover, J. 4265, 12636 Glover, J. A. 11438 Głowacz, D. 5813 Głowacz, E. 11576 Głowacz, E. 11576
Głukhovtsev, V. V. 237, 2512
Głukhovtseva, N. I. 207
Głyan'ko, A. K. 2304
Głyn-Woods, C. 7185
Gmitter, F. G. 13316
Gmitter, F. G., Jr. 3069
Gnagne, M. 11163
Gniłka, P. 7895
Gnocchi, G. 513, 5687, 8183
Gnocchi, S. 9331
Goatley, J. M., Jr. 9322
Göbel, E. 1535
Goc, A. 3148
Göçmen, B. 11661 Göçmen, B. 11661 Godara, B. R. 9824 Godard, F. 1854 Goday, A. 6698 Godbey, L. C. 8681 Goddemeier, M. L. 5481 Goddijn, O. 8942 Goddijn, O. J. M. 3411, 11128 Godelle, B. 11002 Goderis, I. J. 5989, 12067 Godfrey, L. W. 10996 Godini, A. 3011, 10902, 10982 Godo, T. 11303 Godon, P. 5572 Godovikova, V. A. 5678 Godoy, J. A. 747 Godoy, R. 2849 Godt, D. E. 1823 Godt, M. J. W. 120, 7460, 12548 Godwin, H. W. 1658

Godwin, I. D. 3950, 10509, 12911, 13308, 13312, 13322, 13375-13376 13375-13376 Goecke, E. 1467 Goedhart, M. A. 7185 Goekjian, V. H. 590, 11933 Goel, R. K. 1608, 5624 Goel, S. 5148 Goerre, M. 1898, 8398 Goes, S. 10009 Goetghebeur, P. 7611 Goff, S. 10159 Goff, W. D. 865 Goffinet, B. 6882, 7746-7747, 7931, 11474 Goffman, F. D. 13360 Goffner, D. 6265 Goffreda, J. C. 1902 Gografia, J. C. 1902 Gogala, N. 9978 Gogas, D. 12708 Gogel, B. 1364 Goggin, D. E. 6964 Goggioli, V. 13567 Gogoi, R. N. 8034-8035 Gogor, R. 2914 Gogorcena, Y. 8444 Gogor, R. 2914 Gogorcena, Y. 8444 Goh, C. J. 7532 Goh, H. K. L. 13520 Goh ChongJin 7532, 12539 Gohil, R. N. 10115 Goi, M. 8763 Goicoechea, P. 11666 Goicoechea, P. 11666 Goikoetxea, P. 13498 Goins, E. W. 4700 Gois, M. R. B. 9611 Gojobori, T. 11388 Gojon, A. 5014, 6174, 11126 Gök, S. 13298 Gojon, A. 5014, 6174, 11126
Gök, S. 13298
Gökmen, S. 2584
Gölach, J. 1403
Golan, G. 10330
Golbeck, J. H. 1811
Gold, C. S. 3066
Goldbach, R. 1780, 2218, 6439
Goldbach, R. 1780, 2218, 6439
Goldbach, R. W. 5025
Goldberg, R. 7640
Goldberg, R. B. 3173, 3395, 10193, 13057
Goldenkova, I. V. 4019, 7391
Goldman, G. H. 5012
Goldman, I. L. 712, 2919
Goldman, S. L. 3590
Goldman, S. L. 3590
Goldman-Guez, T. 4705
Goldringer, I. 7652
Goldsbrough, P. 11751
Goldsbrough, P. 8. 1539, 5558
Goldschmidt, E. E. 1988
Goldstein, D. B. 12674
Goldstein, I. J. 4905
Golhar, S. R. 8677, 12420
Goli, A. E. 1752, 3364
Goliaris, A. H. 3188
Golińska, B. 10599
Goliński, P. 253
Gölles, R. 7209
Golmirzaie, A. 10764
Golmirzaie, A. M. 8876, 13627 Golmirzaie, A. 10764 Golmirzaie, A. M. 8876, 13627 Gololob, T. I. 12795 Gološin, B. 3956 Golovochenko, A. P. 207 Golstein, C. 4772 Golubovskaya, I. 4494 Golz, R. 9104 Gomathinayagam, P. 8087, Gombos, Z. 789 Gomer, R. H. 13624 Gomes, E. P. 8999-9000, 9004 Gomes, V. M. 5788 12015 Gomes e Gama, E. E. 7949, 10355 Gomez, A. 299 Gómez, I. H. de 9697 Gómez, L. A. 9476 Gómez, M. I. 2604, 6729 Gómez, P. 10815 Gómez, R. 9617 Gómez, S. 13566 Gómez-Aparisi, J. 7143, 8436,

Gómez del Campo, M. 4875 Gómez-Gómez, L. 11984 Gómez-Macpherson, H. 3454 Gómez-Pompa, A. 8631 Gómez-Sánchez, D. 4973, 11037, 12311 Gómez-Sánchez, M. 13036 Gómez-Sosa, E. 5718 Gommers, F. J. 1783, 8638 Gonçalves, A. E. 2965 Gonçalves, E. G. 1135 Gonçalves de Andrade, A. 8335 Gonçalves de Andrade, A. 833 Goncharenko, G. G. 6298 Goncharov, N. P. 2424, 3448, 4370, 6620, 11588 Goncharov, V. T. 7856 Gonda, K. 6182 Gong, D. Y. 6788 Gong, F. W. 9651 Gong, X. 7503, 10000 Gong, X. Q. 6819 Gong, Y. C. 5041 Gong, Y. M. 5027 Gong, Z. H. 3409 Gong, Z. X. 1905, 13020 Gong, Z. X. 1905, 13020 Gong, Z. Z. 909, 3994, 9227 Gong DeYing 6788 Gong FanWu 9651 Gong XueQian 6819 Gong Xun 7503, 10000 Gong YaMing 5027 Gong YouCai 5041 Gong ZhenHui 3409 Gong ZhenZhen 9227 Gong ZhenHui 3409 Gong ZhenZhen 9227 Gong ZhiZhong 909, 3994 Gong ZhongXu 1905 Gonnella, E. 6112 Gonsalves, C. 13327 Gonsalves, D. 6185, 11053, 13327 Gontar', È. M. 2211 Gonzaga Neto, L. 7242 Gonzáles, L. M. 460 Gonzales, M. B. 10612 Gonzales, R. A. 12400 Gonzales-de León, D. 13307 Gonzáles Idiarte, H. 5857 González, A. 494, 781, 11817 Gonzalez, A. 6808 González, A. E. 12048 González, A. G. 12371-12372 González, E. 838 González, F. 10050 Gonzalez, G. 10394 Gonzalez, H. 7939 González, J. 9724 González, J. L. 8596 González, L. M. 9282-9283, 13005 González, M. 8271, 13332 González, M. C. 5908, 6825 González, M. E. 12019, 12025, 12027, 12035 González, M. I. 3807 González, S. 5515 González, V. 4252, 5740 González-Benito, E. 8979 González-Benito, M. E. 8660 González-Candelas, L. 9621-González-Carranza, Z. H. 6448 González-de-León, D. 3589, 5549-5550, 7987, 11741, 12897, 12899 González J., E. 1018 González-Jaen, M. T. 6929 González-Jaen, M. T. 6929 González-Ledesma, M. 13036 González-Roa, M. C. 8473 González-Sánchez, M. 6689 Goo, E. D. 11315 Good, A. G. 3491, 3968 Goodell, K. 2916 Gooding, G. D. 8862 Gooding, M. J. 4379, 5180 Gooding, R. W. 1387-1389, 3533 Goodisman, M. A. D. 7748 Goodman, C. D. 11517 Goodman, H. 3388 Goodman, H. M. 42, 11420

Goodman, M. M. 1505-1506, 5542, 12862 Goodman, S. J. 3412 Goodnight, C. J. 127 Goodrich, J. 11434 Goodwin, P. 10865 Goormachtig, S. 2769, 5719-5720, 9350, 11921 Goosen, M. F. A. 6338 Goossens, A. 6927 Gopal, J. 1772, 2875, 5797, 12028, 12033, 13166 Gopal, K. 3727 Gopalakrishnan, B. 8658 Gopalan, A. 8037 Gopalan, M. 2967, 10833 Gopalan, S. 8959 Gopalan, S. 8959 Gopalaswamy, G. 10091 Gopalraj, M. 5457 Goplen, B. 8188 Gor, H. K. 8564 Góral, H. 7912, 12839-12840 Gorbanov, S. 11046 Gorbet, D. W. 3118, 3988, 6105, 8576, 13379 Gorber, D. W. 3118, 3966 6105, 8576, 13379 Gorbunova, V. 294, 3172 Gorbunova, V. Yu. 5309 Gordeeva, E. I. 2427 Gordei, S. I. 7861 Gordon, A. I. 1663 Gordei, S. I. 7861 Gordon, A. J. 1663 Gordon, D. 1458 Gordon, D. C. 1456-1457 Gordon, M. P. 1006, 12613 Gordon, N. Yu. 5236 Gordon, R. 8317 Gordon, R. J. 1764 Gordon, S. C. 6025 Gordon, W. B. 3578, 5411 Gordon-Kamm W. 5485 Gordon-Kamm, W. 5485 Gore, P. L. 11176 Gore, S. 11763 Gore, S. 11763 Górecka, K. 7040, 8352 Górecki, R. J. 2772 Goreta, S. 9756 Görg, R. 3532 Gorgé, J. L. 1719 Gorham, J. 1422, 1424, 5396 Goring, D. R. 4952, 7280 Görk, G. 12437 Görlach, J. 10159 Gormley, T. R. 11682 Gornicki, P. 4340-4341 Górny, A. G. 262 Gorovaya, T. K. 5831 Gorpinichenko, S. I. 2603, 5551 Görschen, E. 226, 7875 Goršič, J. 10019 Goršič, J. 10019 Górski, M. 2772 Goryachkovskaya, T. N. 3448 Gosal, S. S. 2393, 12421, 13467 Gosline, G. 10976 Goss, D. J. 11425 Gosselé, V. 1535 Gostimiskií, S. A. 11980 Gostimskii, S. A. 6942 Gostimskii, S. A. 6946 Goswami, M. 4570 Goswami, P. K. 6119, 6133, 12351 Goswami, R. K. 2914 Goth, R. W. 690, 4694, 4700, 7002 Goto, F. 10639 Goto, M. 3298 Goto, N. 10287 Goto, T. 12080 Goto-Yamamoto, N. 12228 Gotow, L. F. 4045 Gotsch, N. 4011 Gottardi, M. V. C. 7420 Gottardo, L. 1938, 2816, 4878, 4894 Gottschalk, T. E. 9841 Goud, J. V. 4975, 6965 Goud, P. P. 4520 Gouda, B. T. S. 5567 Goudet, J. 11249 Goudriaan, J. 3627 Goué-Mourier, M. C. 8708 Gouesnard, B. 9153 Gough, S. P. 7883

Goulart, B. L. 7179 Goulart, B. L. 7179
Goulas, C. K. 5525
Gould, F. 4229, 7683
Gould, J. 6200
Gould, J. 4661
Gould, S. J. 5296
Goulden, D. 4661
Goulter, K. C. 4940, 9898, 12312, 13363
Goumas, D. E. 8456
Gourmet, C. 1479, 2787
Govedarov, I. 5324, 10305
Govers, F. 12038
Goverse, A. 1783 Goverse, A. 1783 Govila, O. P. 11759-11760, 12919-12920 Govind, S. 8842 Govindarasu, R. 3126, 11054 Govindarsu, R. 12334 Govinden, N. 2545, 11044, 11052 Govoni, F. 5804 Govorova, G. F. 6024 Gowda, B. T. S. 11754, 11769 Gowda, C. L. L. 1732, 13621 Gowda, I. N. D. 3921 Gowda, J. 2035 Gowda, J. V. N. 2221 Gowda, M. B. 1750, 11769 Gowda, M. V. C. 6103, 7326, 7328, 7330, 11049, 12331 Gowda, P. H. R. 9614 Gowda, R. V. 8343 Gowen, S. R. 1983, 13314 Govoni, F. 5804 Gowen, S. R. 1983, 13314 Gözükirmiz, N. 6951, 6985 Gözükirmizi, N. 636 Gözükirmizi, N. 6951, 6985 Grabau, L. J. 581, 584-586 Grabham, K. J. 4824, 4845 Grabiński, J. 12828 Gračan, J. 4069 Grace, L. J. 8714 Gracia, M. P. 2615 Gracia, O. 13440 Gracza, P. 6988 Gradin, L. A. 2686 Gradziel, T. M. 10935, 10984 Graef, G. L. 2778-2779, 10643, 11958 Graeff, R. 4770 Graell, J. 803 Graf, B. 8417 Gräfe, S. 3169 Gräfin zu Münster, A. 7295 Grafius, E. J. 9539 Grafström, E. 12428 Grafton, K. 4647 Grafton, K. F. 2819 Graham, E. B. 1819 Graham, G. C. 853 Graham, G. I. 1489 Graham, H. 242 Graham, J. 1925, 4819, 4838, 6025 Graham, J. S. 6905 Graham, M. W. 13324 Graham, P. H. 604, 1690, 2801 Graham, R. D. 883-884 Grain Research and Develop Grain Research and Development Corporation 3441-3443, 7781-7783, 9007, 10262-10264, 10339-10340, 11537, 11539, 11914
Grakh, S. S. 177, 5370
Grama, A. 220, 5332
Gramatikova, M. 4457
Granada, E. G. de 6345
Granado, J. D. 1222
Granda, I. A. 10051 Granda, I. A. 10051 Grandbastien, M. A. 2108, 4024, 4040, 8916 Grandjean, O. 3396, 12628, 12631 Grando, M. F. 5373 Grando, M. S. 12227 Grando, S. 2506, 12801 Grané-Teruel, N. 4935, 9745 Granell, A. 6944 Graner, A. 4468, 5313, 6662, 6673, 12779 Granett, J. 3294

Granetti, B. 3339 Granger, A. R. 821 Granger, R. L. 1902 Graniti, A. 12255 Granot, D. 682, 10814 Grant, C. A. 9065 Grant, D. 9377 Grant, D. G. 9567 Grant, G. G. 4093 Grant, J. E. 11252 Grant, S. R. 60, 10014 Grant, W. F. 2761, 3700 Grant, W. R. 12924 Graovac, M. 10238 Grapin, J. 13307 Grappin, P. 11385 Gras, P. 6626 Gras, P. W. 188, 2451, 3495, 7830 Grashof-Bokdam, C. J. 6309 Grasseau, N. 8416 Grasser, K. D. 5237, 10364, 11391 Grassi, G. 5801 Grasso, G. 13305 Grattapaglia, D. 2155, 10761, 12049 Graue, A. 10111 Grauke, L. J. 6070, 7257-7258 Grausgruber, H. 5381 Graveland, A. 3482 Graves, J. A. M. 4281 Graves, J. B. 6243, 9927 Graves, W. L. 4574 Graves Gillaspie, A., Jr. 5968 Gravois, K. 3664 Gravois, K. A. 443, 3622, 6745, 6784, 6830, 6849, 9264, 11830 Gray, A. J. 7699 Gray, F. A. 8199, 13063 Gray, J. 283, 6725, 9162, 13629 Gray, J. C. 622, 3749, 4240, 6480, 10237 6480, 10237 Gray, L. 1722 Gray, L. E. 594, 9447 Gray, S. 11138 Gray, W. M. 8945, 12653 Graybosch, R. A. 2450, 3464, 4394, 7827, 11610 Grazianetti, S. 3033-3034 Grazzi, G. 5407 Greaves, B. L. 999 Grebenok, R. J. 936 Grebenok, R. J. 936 Grecu, C. 5308 Greef, J. M. 5672 Green, A. G. 11158 Green, C. C. 13452 Green, F. N. 1796, 5187 Green, G. 4644 Green, J. L. 4940 Green, J. M. 1735 Green, P. J. 46, 945, 4764 Green, P. S. 5159 Green, R. 10174 Green, S. M. 5859 Greene, A. E. 4206 Greene, C. W. 9645 Greene, E. A. 5683 Greene, T. W. 10435, 12874 Greenland, A. J. 9139, 12375 Greenplate, J. T. 6190 Greenway, C. 4870 Greenwood, J. 9149 Gregersen, P. L. 4462, 4464-4465, 10329 Gregerson, R. G. 530, 11898 Gregorčič, A. 6717 Gregorius, H. R. 10219 Gregory, P. 8876 Gregory, P. J. 7803 Gregová, E. 162, 7823, 9046 Greilhuber, J. 9934, 13141 Greiner, S. 4036, 7297 Greinwald, R. 6319 Grellet, F. 5226 Grelon, M. 12636 Grenko, M. M. 1137 Gressel, J. 4705 Gresshoff, P. M. 561, 1678, 2758, 4633, 5737, 7696 Gregerson, R. G. 530, 11898

Greulich, F. 8373 Greuter, W. 13061 Greve, H. de 4244 Greve, H. de 4244
Greve, L. C. 10828
Grevelding, C. 10144
Grewal, A. S. 7862, 11652
Grewal, H. S. 883-884
Grewal, M. S. 11698
Grewal, T. S. 11651
Grey-Wilson, C. 10032
Greyson, R. I. 10485
Gribanova, N. P. 11090
Gribanovskiĭ, A. P. 10881
Gribova, N. Ya. 6549
Grienenberger, J. M. 10242, 10265 Grienenberger, J. M. 10242, 10265
Griensven, L. J. L. D. van 1223-1224, 7619
Grierson, C. S. 5244
Grierson, D. 1824, 9606, 10817
Griesbach, E. 6420
Griesbach, R. J. 7552, 11277
Grieve, T. 1816
Grif, V. G. 1340
Griffen, S. 45
Griffey, C. A. 3473
Griffin, L. E. 2072
Griffin, T. 10656
Griffin, B. 2826, 5515
Griffith, M. 11630
Griffith, S. M. 2714
Griffiths, C. M. 284, 498
Griffiths, D. W. 684, 7044
Griffiths, D. W. 684, 7044
Griffiths, E. 4461 10265 Griffiths, E. 4461 Griffiths, W. 12601 Grifoni, F. 5407 Griga, M. 11983 Griga, M. 11983 Grignani, S. 8276 Grignola, F. E. 11473 Grignon, C. 9886 Grigoryev, S. 5042 Grijalba, P. 8258 Grill, D. 9982, 13514 Grill, E. 7726, 10192 Grilli Caiola, M. 12536 Grillo, S. 687, 1236 Grima-Pettenati, J. 5052, 6265, 7448, 12865 Grima-Pettenati, J. 5052, 6265, 7448, 12865 Grimanelli, D. 1537, 5549-5550 Grimaud, N. 9990 Grimes, H. D. 8248 Grimes, J. W. 8981 Grimm, B. 3169, 3175, 4022, 12204 Tildo 10747 Groenen, J. 12111 Groenen, J. T. M. 12936 Groenendael, J. M. van 111, R880
Groenendijk, J. 1464, 12111
Grof, B. 8220
Grof, C. P. L. 916
Grogan, J. 3729
Gröger, S. 3475, 5381
Groh, S. 11741, 12897
Grohmann, L. 10735, 11435
Groleau, Y. 1902
Gromko, M. H. 2366
Grønbæk, M. 5736
Gröning, B. 8367
Groom, Q. 5764
Groom, Q. J. 3405
Groose, R. W. 1693
Groot, S. P. C. 11191
Groot, T. 10829
Groppe, K. 3668

Groshkov, I. 7512 Grosjean, C. 534 Gross, K. C. 12103, 12259, Gross, W. 10317 Grosselindemann, E. 10692 Grosser, J. W. 6054 Grossi, C. 5096 Grossi, M. 245, 5388 Grossi, N. 4129-4130 Grosskopf, D. 5208 Grossman, A. R. 11452 Grossniklaus, U. 6492, 10201, 11437 Grosz, T. J. 2046 Grosz, T. J. 2046 Grote, E. M. 5558 Grote, K. 7724 Grotewold, E. 8899, 10365 Groth, D. E. 1565 Grotz, N. 11462 Grover, I. S. 12070 Groza, H. I. 4689 Grub, A. 8215 Gruber, A. 4868 Gruber, M. 8188 Gruber, R. 2493 Grubišić, D. 1092, 3269, 12058 Gruene, K. B. 1865 Grussem, W. 2948, 6703, 12090 12090 Grujić, V. 7836 Grula, J. 6246 Grum, M. 10977 Grumet, R. 777, 1888, 2979, Grundhöfer, H. 8457 Grundler, F. M. W. 2285, 3411 Grüneberg, W. J. 7653, 10111 Grüneberg-Seiler, M. 3963 Grüneberg-Seiler, M. 3963 Grunenberg, B. 6469 Grüner, R. 11131 Grunes, D. L. 203 Grunewald, J. 11217 Grüntzig, M. 1528, 2598 Grusea, A. 8138 Gruszecka, D. 7917, 7920, 10345, 12838 Grygorowicz, W. J. 9532, 10748 Gryka, J. 12836-12837 Gryka, J. 12836-12837 Gryka, J. 12836-12837 Grzebelus, D. 5817, 5833, 7015, 7631, 8338, 10771 Grzegorczyk, W. 10953 Grzelak, K. 7911 Grzesiak, S. 3706-3707 Grzesik, H. 7761, 7914, 10346, 12956 12856 Grzhelyak, N. V. 674 Gu, C. S. 5976 Gu, D. 9252 Gu, D. 9252 Gu, D. F. 1595, 9227 Gu, F. L. 405 Gu, H. P. 9357 Gu, H. Y. 6551 Gu, J. T. 211, 1406, 12594 Gu, J. Y 11021 Gu, L. J. 12263 Gu, M. H. 405, 2647, 5602, 10536 Gu, O. M. 9300 10536
Gu, Q. M. 9399
Gu, R. Y. 9210
Gu, S. L. 12974
Gu, S. Y. 8556, 8575
Gu, T. 10376
Gu, W. K. 10671
Gu, X. 333, 4383
Gu, X. S. 9891
Gu, X. Y. 5602, 11846
Gu, Y. Z. 4624
Gu, Y. 8438, 8813, 888 Gu, Y. 8438, 8813, 8881, 12207 Gu, Y. C. 12157 Gu, Z. J. 7504 Gu, Z. K. 9648 Gu ChunShan 5976 Gu DeFa 1595, 9227, 9252 Gu FuLin 405 Gu Fulin 403 Gu HePing 9357 Gu Hong Ya 6551 Gu Jian Tian 12594 Gu Jin Yan 11021

Gu JunTao 211, 1406

Gu LinJun 12263 Gu MingHong 405, 2647, 5602, 8050, 10536 Gu QiMin 9399 Gu RenYing 9210 Gu ShiLiang 12974 Gu ShuYuan 8556, 8575 Gu WeiKuan 10671 Gu XingYou 5602, 11846 Gu Xu 333, 4383 Gu XueSong 9891 Gu XuZhi 4624 Gu Yin 8438, 8813, 8881, 12207 Gu YingChun 12157 Gu ZhiJian 7504 Gu ZhiJian 7504 Gu ZhiKang 9648 Gualberto, J. M. 10242, 10265 Guan, C. 4484 Guan, C. H. 4079 Guan, C. Y. 7284, 8507-8508 Guan, H. 10437 Guan, H. X. 11779 Guan, H. X. 11779 Guan, J. 9022 Guan, J. Y. 5375 Guan, L. Q. 10456 Guan, S. J. 12179 Guan, X. L. 1085 Guan, Z. G. 10882 Guan, Z. Q. 11794 Guan ChangHui 4079 Guan ChunYun 6086, 7284, 8508 Guan HanPing 11692 Guan HeXin 11779 Guan Jian 9022 Guan JinYue 5375 Guan LingQiang 10456 Guan ShuJie 12179 Guan ZhaoGuo 10882 Guang, F. Z. 8688 Guang, F. Z. 8688 Guang FengZhi 8688 Guarino, L. 5, 26, 1013, 10099 Gubaidulin, M. I. 8282 Guberac, V. 7933 Guberić, V. 12731 Gubler, W. D. 3911-3912, 4882 Gucci, R. 8545, 12191 Gude, H. 11310 Gudesblat, G. 9583 Gudmestad, N. C. 9511 Gudmestad, N. C. 9511 Gudu, S. 3227 Gudžić, S. 7904 Guedes, A. R. 3123 Guedes-Lafargue, M. R. 10089 Guedes-Pinto, H. 11571, 11573, 11627 Gueguen, J. 5763 Guelemerov, S. 7396 Guen, J. le 9466 Guen, J. le 9466 Guénard, M. 755 Guenzi, A. C. 179 Guéra, A. 5436 Guerche, P. 9755, 12647 Guérif, J. 11022 Guérin, C. 13168 Guerinot, M. L. 11402, 11462 Guerra, J. 4876 Guerra, D. J. 688 Guerra, D. J. 688 Guerra, H. 3763 Guerra, M. 6049, 10971 Guerra, M. P. 7246 Guerrero, C. 5108 Guerrier, D. 3392 Guerriero, R. 3885, 10890 Guevara, C. L. 1790 Guevara, M. A. 7348 Guevara, P. 1531 Gueye, M. 1024 Gueljari, J. 3297 Guglieri, L. 3297 Guh, J. O. 10152, 11139 Guh JaOck 11139 Guha-Mukherjee, S. 6170, 8915 Gui, F. 12444 Gui Fu 12444 Guiard, J. 5192-5193 Guiderdoni, E. 6758, 6799, 11816 Guidi, F. P. 5546 Guidi, G. 3077 Guidi, L. 12454, 13495

Guidoni, S. 1955 Guihard, M. D. 8537 Guijarro Pérez, R. 3057 Guilford, P. 12154 Guilfoyle, T. J. 1285, 1298, 2789, 4620, 8952, 10154, 12604 Guillaud, J. 1864 Guillaumès, J. 7137 Guillemette, R. J. D. 11927-11928 Guillemont, H. 10952 Guilloux, M. le 5500 Guiltinan, M. J. 4012, 9636, 13426 Guimaräes, E. 9232 Guimarães, E. P. 353, 5627 Guimarães, M. B. 8547 Guimarães, M. B. 8547 Guimarães, P. E. O. 7982 Guindy, L. F. 12253 Guinet, I. 7986, 7995 Guingo, E. 1503, 5507, 9170 Guiot, C. 8885 Guirado, E. 8473 Guirao, A. 6606 Guis, M. 3855, 8393 Guitiérrez, J. C. 3191 Gul, R. 10467 Gulati, A. 13628 Gülbaba, A. G. 12468, 12479 Gülcan, R. 13272 Guldbrandtsen, B. 12674 Guldbrandtsen, B. 12674 Guler, S. 6494 Guleria, S. 5765 Gulevich, V. V. 3470 Gulli, M. 246 Gulya, T. J. 3973 Gumber, R. K. 640, 650, 2601, 6706, 10493, 12900, 13102, 13369 Güler, S. 6494 Gumedzoe, M. Y. D. 10717 Gunata, Y. Z. 3918 Güner, A. 11359 Gunjača, J. 7764 Gunn, B. V. 7345 Günther, T. 4476 Guo 13443 Guo, A. G. 2425, 12728 Guo, A. P. 5041 Guo, B. H. 5394 Guo, B. T. 3526, 10369 Guo, B. Z. 5536, 7956 Guo, E. N. 4534, 9210 Guo, F. L. 8740 Guo, G. N. 4793 Guo, G. Q. 8992 Guo, H. Q. 4241 Guo, H. Q. 4241 Guo, H. S. 2125 Guo, H. W. 4273, 7719 Guo, J. H. 3059 Guo, J. Y. 4801, 7018, 13288 Guo, L. B. 2643 Guo, L. C. 10893 Guo, P. 9444 Guo, P. G. 4547, 9247 Guo, P. G. 4541, 9247 Guo, Q. F. 7945 Guo, Q. Q. 7576, 10052, 10772 Guo, Q. S. 5137 Guo, R. Q. 503, 6687 Guo, S. D. 3205, 5030, 7808, 12424 Guo, S. W. 1333 Guo, S. X. 10090 Guo, W. M. 10893 Guo, W. W. 9710, 12251 Guo, X. P. 977 Guo, Y. 8091 Guo, Y. H. 10906 Guo, Y. L. 11159 Guo, Y. Q. 9634 Guo, Y. Y. 3205, 3637, 5613, 8076, 11823, 11833 Guo, Y. Z. 254 Guo, Z. B. 4630 Guo, Z. H. 8443 Guo AiGuan 12728 Guo AiGuan 2425 Guo, S. W. 1333 Guo AiGuang 2425 Guo AnPing 5041 Guo BaoTai 3526 Guo BeiHai 5394 Guo ErNan 4534, 9210

9440

Haltiwanger, B. M. 6442 Halvankar, G. B. 2795, 9435,

Guo FengLi 8740 Guo GuangQin 8992 Guo GuoNan 4793 Guo HongQing 4241 Guo HongWei 4273, 7719 Guo HuiShan 2125 Guo JianHui 3059 Guo JiYing 13288 Guo JunYing 4801 Guo LiChun 10893 Guo LongBiao 2643 Guo Pei 9444 Guo PeiGuo 4547, 9247 Guo QiaoSheng 5137 Guo QingFa 7945 Guo QingQuan 7576, 10052, 10772 Guo RongQing 503 Guo SanDui 3205, 5030, 12424 Guo ShaoDong 7808 Guo ShunXing 10090 Guo SunWei 1333 Guo WeiMing 10893 Guo WenWu 12251 Guo WinWu 9710 Guo XiaoPing 977 Guo Yan 8091 Guo YinYan 3637, 5613, 8076, 11823, 11833 Guo YouQing 9634 Guo YuanZhen 254 Guo YunLing 11159 Guo YuYuan 3205 Guo ZhenHuai 8443 Guo ZiBiao 4630 Gupta, A. 1724, 9286 Gupta, A. K. 11653 Gupta, A. S. 6711 Gupta, B. B. 10559 Gupta, B. K. 10339 Gupta, B. K. 5717 Gupta, C. G. 5945, 5948, 12124 Gupta, D. K. D. 11842 Gupta, D. N. 4680, 13380 Gupta, H. S. 357, 414, 11782, 12954 Gupta, J. C. 5619 Gupta, J. D. 11978, 13121 Gupta, K. P. 617 Gupta, K. R. 6807 Gupta, M. L. 12285, 12292 Gupta, M. M. 3316-3317, 13587 Gupta, M. M. 3316-3317, 13587 Gupta, O. P. 9270 Gupta, P. 1252 Gupta, P. D. 6804 Gupta, P. K. 1026, 2318, 5331, 5422, 9013, 10700, 12920 Gupta, P. N. 8842 Gupta, P. P. 2029, 2245 Gupta, R. 338, 3749, 6480 Gupta, R. B. 7829, 10270 Gupta, R. P. 10698 Gupta, S. 4562-4563, 4960 Gupta, S. C. 1517, 2626 Gupta, S. C. 1517, 2626 Gupta, S. K. 7818, 8495, 8524 Gupta, S. N. 10667 Gupta, S. R. 8287 Gupta, U. S. 7642 Gupta, V. 8527 Gupta, V. K. 2393 Gupta, V. P. 610, 627, 878, 881, 1698, 6949, 7288, 11608, 11970 Gupta, V. S. 11518, 11759-11760 11760
Gupta, Y. K. 11024-11025
Gupton, C. L. 1927, 3909, 4826, 7177
Gura, M. 7344, 7344
Guranowski, A. 5704
Guraya, H. S. 10768
Gurdev Singh 7862
Gürel, E. 3144
Gurkina, L. K. 7082
Gurley, W. B. 5304
Gurmail Singh 9573
Gurmit Singh 6956 Gurmit Singh 6956 Gurr, G. M. 8330 Gurr, S. J. 12802 Gurrieri, F. 3003 Gurs, S. D. 8586

Gurung, M. B. 6750

Gurung, R. B. 6750 Guruprasad, K. N. 9407 Gurvinder Singh 12292 Guseva, N. N. 7135 Gus'kov, A. V. 829 Gusmão, J. 7453 Gusmão, L. 10295 Gustafon, J. P. 1569 6 Gustafson, J. P. 1569, 6559, 11666 Gustafson, V. D. 4385 Gustafsson, M. 2019, 2027, 9110, 12796 Gustafsson, P. 72 Gustavsson, B. A. 7170 Gustowski, W. 2237 Gut, M. 10346, 11579 Gutensohn, M. 4499 Guteva, Y. 11869 Gutfinger, T. 3832 Gutiérrez, C. 9149 Gutiérrez, H. 9209 Gutiérrez, H. 9209 Gutiérrez, J. C. 1668, 3192 Gutiérrez-E., M. A. 847 Gutiérrez-Merino, C. 1211 Gutièrrez-Pesce, P. 8427 Gutiérrez-Rodríguez, M. 11731 Gutmański, I. 6154, 7025 Guttenberger, H. 9975 Gutterman, Y. 11274 Guttman, D. S. 11253 Guy, C. 9577 Gut, C. 9576 Guy, C. L. 9576 Guy, D. C. 11678, 12802 Guy, P. 526, 2737 Guy, S. O. 2400 Guye, A. 10928, 10937 Guyer, D. 10159 Guyer, D. 10159 Guzewska, J. 2237 Guzhov, Yu. L. 2841 Guzhva, D. I. 10363 Guzhva, D. V. 5491, 6724 Guzmán, C. A. 2167 Guzmán, G. 12580 Guzmán, Estrada, C. 7232 Guzzo, F. 3798, 8276, 10759 Gvozdanović-Varga, J. 10676 Gwaze, D. P. 7470, 11200 Gyanendra Singh 7289, 7944, 10725 Gysel, A. van 6472 Gysel, A. van 6472 Gyulai, G. 9958 Ha, K. Y. 9211 Ha, S. 9337 Ha, S. B. 504 Ha, Y. M. 7507 Ha, Y. W. 12730 Ha KiYong 9211 Ha YongWoong 12730 Ha YooMi 7507 Haag-Kerwer, A. 7297. Haag-Kerwer, A. 7297, 9791 Haak, M. I. 1445 Haake, V. 9524 Haan, T. G. 5552, 10510 Haaren, M. J. J. van 9584 Haas, G. 303 Haas, J. C. 6666 Haas, K. M. 5498 Habben, J. E. 3571 Habekuss, A. 6420 Haber, T. 12846 Haberlach, G. T. 9534 Habibuddin, H. 11852 Hable, W. E. 4503 Hachey, J. 1774, 12112 Hacker, J. B. 8116 Hackett, C. A. 1456, 8316, 11406, 12041, 13172 Hackett, G. 4176 Hackett, W. P. 2115 Haddioui, A. 527 Hadfield, K. A. 12134 Hadid, M. 12432 Hadiincová, V. 4582 Hadincova, V. 4582 Hadjichristodoulou, A. 3983 Hadkins, E. S. 6383 Hadley, P. 7368-7373, 7803 Hadonou, A. M. 2991 Hadri, A. E. 4659 Haecker, A. 7715 Haegman, M. 11432 Haffner, K. 4857

Hafley, J. L. 1671 Hagberg, P. 6673 Hagels, H. 477 Hagen, G. 2789, 4620, 12608 Hagen, M. J. 6891 Häger, K. P. 5080, 7481 Haggag, M. E. 181 Hagidimitriou, M. 5493 Hagimori, M. 13193 Hagio, T. 10283 Hagiwara, K. 11111
Hahalis, D. A. 577
Hahlbrock, K. 1206-1207, 2259, 7594, 7598, 7681, 10150
Hahm, Y. I. 1787
Hahm YoungII 1787
Hahn, F. M. 4245
Hahn, J. J. 5495
Hahn, M. G. 5743
Hahn, S. J. 12069
Hahn, S. K. 702
Hahn, V. 13369
Hahn Sanglung 12069
Hahne, G. 9802, 13366
Hai, Y. 149
Hai Yan 149
Haig, S. M. 7704 Hagiwara, K. 11111 Haig, S. M. 7704 Haigler, C. H. 6208 Hain, R. 5925, 6033 Haines, R. J. 7425 Hainzelin, E. 7942 Haisel, D. 5914 Hajdu, E. 3052 Haji, T. 4802 Haji, T. 4802
Hajirezaei, M. R. 4691, 12030
Hajšlová, J. 686
Hake, S. 281, 4763, 7940, 9164, 10431-10432, 10438
Haken, A. E. 6715-6716
Hakimi, S. M. 3792
Hakiza, J. J. 4511
Hakkert, H. J. C. 13402
Hakkert, J. C. 13184
Hakoda, N. 5125
Hakonen, T. 4707
Halac, I. N. de 7540
Halaswamy, B. H. 3615-3616 Halaswamy, B. H. 3615-3616 Halbert, S. 2479-2480 Halbert, S. E. 6665 Halčinová, B. 5923 Haldimann, P. 7950 Haldrup, A. 8908 Halevy, A. H. 11352 Haley, C. S. 1246, 12655 Haley, S. D. 1386, 9064, 12718 Halford, N. G. 3147, 5009, 9525, 10143 Halgerson, J. L. 529 Halila, H. 11926 Halila, H. 11926 Halim, S. 6738 Halimi, E. S. 5693-5694 Halkier, B. A. 4517 Halkude, I. S. 4677 Hall, A. E. 661, 664, 3768, 4672, 8297, 9498 Hall, B. D. 5916, 7509 Hall, D. 1481, 10352 Hall, J. 50, 8188 Hall, J. L. 4983, 13382 Hall, J. L. 2831, 2834 Hall, L. 12808-12810 Hall, L. 12808-12810 Hall, L. N. 11691 Hall, M. R. 6017 Hall, R. B. 1010 Hall, R. D. 8620, 13402 Hall, T. C. 4568, 7693, 8041, 10670 Hallard, D. 5136 Hallauer, A. R. 1482, 2550, 2579, 3548, 9129, 12861, 12880 1280 Halldén, C. 3145-3146, 6080 Hallick, R. B. 13122 Halliday, K. J. 3176 Halloran, G. M. 899 Halmer, P. 923 Halpin, C. 10436 Halsall, J. R. 10085 Halseth, D. E. 12020-12021, 13104 13104 Halteman, W. A. 3882

9440 Halward, T. 1058 Hamachi, Y. 5617-5618, 6813 Hamada, A. A. 7815 Hamada, M. 381 Hamada, S. 2336 Hamada, T. 2341 Hämäläinen, J. H. 9537, 10752 Hamann, H. 11287 Hamano, M. 12217 Hamano, M. 12217
Hamblin, A. M. 3582
Hamburger, A. J. 2610, 10504
Hamburger, D. 1664, 11917
Hamdi, A. 633, 10706
Hamdorf, B. 11196, 13506
Hamdorf, B. A. 11198
Hamel, F. 11637
Hamel, F. 3385
Hamer, J. E. 467
Hamer, M. J. 7709
Hamidah, M. 7536
Hamidah, S. 4912
Hamill, J. D. 8163 Hamill, J. D. 8163 Hamilton, A. 9606 Hamilton, A. J. 10817 Hamilton, C. M. 11408 Hamilton, D. A. 1345, 12382, 12873 Hamilton, G. 7094 Hamilton, G. C. 8385 Hamilton, R. I. 301, 1524, 1534, 3547, 3579, 5503, 7954, 7979 7954, 7979
Hamilton, W. D. O. 12602
Hamlyn, P. F. 3167
Hamm, P. B. 8323
Hammad, A. H. A. 2790-2791
Hammer, A. 520
Hammer, G. 12908
Hammer, G. L. 2612, 7938
Hammer, K. 6, 197, 1143-1144, 1189, 3430, 7037, 12597
Hammerschlag, F. A. 2988 Hammerschlag, F. A. 2988, 7159 Hammerschmidt, R. 1327 Hammerton, R. D. 10239 Hammett, K. 10028 Hammett, K. R. W. 5713, 8792 Hammond, E. G. 4982, 5733, 9431 Hammond, E. T. 8645 Hammond, F. 13542-13549 Hammond, H. D. 1238 Hammond, R. 4514 Hammond, R. B. 9460 Hammond-Kosack, K. E. 4772, 13222 13222
Hamon, B. 11969
Hamon, S. 897, 6158-6159, 7647, 8629, 9858, 9871, 12368, 13331, 13627
Hampton, J. G. 3688
Hamrick, J. L. 120, 992, 1035, 5073, 6891, 7460, 9930, 10046, 12457, 12548
Hamzah, S. 9931
Han, C. D. 9224 Han, C. D. 9224 Han, F. 259, 1454, 1461, 5440 Han, F. G. 1545 Han, F. P. 11564 Han, H. 12723 Han, H. 12/25 Han, J. N. 11261 Han, I. S. 4243 Han, J. 4797, 7295, 10974 Han, K. H. 1006, 3230, 4070 Han, K. J. 260 Han, K. S. 9428 Han, L. 8097 Han, M. L. 12077 Han, O. S. 11139 Han, S. S. 1613, 1615 Han, S. U. 11139 Han, S. Y. 4101 Han, T. F. 9403 Han, T. L. 7036 Han, Y. L. 8813 Han, Z. N. 2680 Han ChangDeok 9224

Han FangPu 11564 Han FuGuang 1545 Han HoNam 11261 Han Hu 12723 Han Jian 10974 Han Jun 4797 Han KyungHwan 1006, 3230, 4070 Han KyungSoo 9428 Han Liang 8097 Han MeiLi 12077 Han OkSoo 11139 Han SeongSook 1613, 1615 Han SungUk 11139 Han SuYing 4101 Han TaiLi 7036 Han TianFu 9403 Han YuLin 8813 Han ZhiNeng 2680 Han ZhiNeng 2680 Hanada, K. 3271 Hanada, T. 5749 Hanaki, N. 7708 Hanaoka, F. 12930 Hanaoka, K. 11011 Hance, T. 7964 Hance, 1, 7964
Hanchinal, R. R. 7888
Hancock, J. 12206
Hancock, J. F. 777, 832, 5274, 5975, 7179, 10941
Hancock, J. T. 6515
Hand, R. 13564 Handa, A. K. 1815, 7461, 10807 Handa, H. 10535 Handa, N. 1033 Handa, S. 11340 Handa, T. 9999 Handel, C. L. 2434, 3535, 5306, 5408, 10285 Handique, A. K. 2368, 5641 Handley, L. L. 1456-1458 Handrea, D. 1162 Handwerger, K. 11460 Handwerger, K. 11460 Hänel, F. 3169 Hanelt, P. 7034 Hang, A. 5439 Hang, A. N. 13105 Hang, S. C. 1850 Hang, Y. Q. 13075 Hang SangChan 1850 Hang YuQin 13075 Hanhart, C. J. 8948 Hani, J. 11390 Hanif-Khan, S. 7089 Hanif-Khan, S. 7089 Haniš, M. 1376, 4339 Hanišová, A. 1376, 4339 Hanke, C. 4959, 7295 Hanley-Bowdoin, L. 6703 Hanna, N. S. 145 Hanna, W. W. 1637, 1639, 2619-2621, 6743, 10515, 11764, 11767 Hannah, L. C. 7640, 10435, Hannan, R. M. 635 Hanneforth, U. 5384 Hanneman, R. E., Jr. 6990 Hans, F. 1780 Hänsch, R. 7766 Hansen, A. C. 5736 Hansen, A. L. 9846 Hansen, E. 5209 Hansen, E. R. 8275 Hansen, G. 2560 Hansen, J. 3911-3912, 4587, Hansen, J. K. 2180 Hansen, J. M. 3725 Hansen, K. 4854 Hansen, L. E. 3464 Hansen, L. N. 7042, 7274 Hansen, M. 3145, 6080 Hansen, M. S. T. 13624 Hansen, N. J. P. 10284 Hansen, S. B. 3677 Hanson, A. D. 1811 Hanson, D. 5932 Hanson, K. 2347, 8322 Hanson, L. 12550 Hanson, L. A. 3585 Hanson, M. A. 1506

Hanson, M. R. 1101, 2556, 11269 Hanson, P. M. 4771 Hanson, R. E. 11151 Hansson, M. 7883 Hanten, J. A. 10497 Hanudin 4771 Hanumanthappa, H. 7320 Hanus-Fajerska, E. 5931 Hanušová, R. 215, 1429, 6645, 7857, 7863, 10300 Hanzawa, H. 6499 Hanzawa, Y. 1315 Hanzlik, M. W. 697 Hao, G. 9425 Hao, X. R. 973 Hao Geng 9425 Hao XiuRen 973 Hapanowicz-Staniszewska, E. 2530
Hapase, R. S. 11059
Haq, T. A. 12022
Haque, I. 4604
Haque, M. A. 9289
Haque, M. F. 356, 667, 1562, 8288, 8300, 10280
Haque, M. M. 3991
Haque, M. S. 4731
Haque, S. Q. 8296
Hara, T. 4582, 12654
Hara-Nishimura, I. 6483, 8390, 10197 2530 10197
Harada, H. 8791, 10016
Harada, J. 3611, 7640
Harada, J. 3395, 10193
Harada, K. 4631, 10641, 12094
Harada, M. 4483, 13413
Harada, T. 430, 3638, 8217
Harada, Y. 2372
Harahap, Z. 1560
Harata, K. 1120
Harata, Y. 430, 3638
Harbaugh, B. K. 8797
Harberd, N. P. 3399, 4261, 12640
Harborne, J. B. 1113 10197 12640
Harborne, J. B. 1113
Harch, B. D. 209, 539, 2055
Harcourt, R. 2156
Harcourt, R. L. 12445
Hardegger, M. 7012
Harder, D. E. 1477
Harder, L. D. 118, 12682
Hardie, D. G. 10143 Hardie, D. G. 10143 Hardin, J. W. 5067 Hardin, R. T. 9796 Harding, J. 12524 Harding, K. 7, 5221 Harding, S. 8719 Harding, S. 8719
Harding, S. A. 13439
Hardman, L. L. 3722
Hardman, C. 13346
Hardner, C. M. 11176
Hardke, C. S. 7716
Hardwick, R. C. 11199
Hardy, O. 11975
Hare, D. 8839
Hare, P. D. 11378
Hare, R. A. 217
Hareland, G. A. 1416, 10250
Harer, P. N. 13110
Hareven, D. 3832
Harger, C. 11389
Hargrove, M. S. 5247
Hari Chand 2848, 3765, 5776 Hari Chand 2848, 3765, 5776-5777 Hari Singh 9780 Hariharan, M. 4179 Harikrishnan, K. N. 4179 Haring, M. 12111 Harini, M. S. 2036, 7307 Hariprasad, A. S. 11941 Harjeet Khanna 11783 Harjeet Khanna 11783 Harjit Singh 11651 Harkal, S. R. 8030 Harkati, B. 10245 Harkhill Agricultural Services Pty Ltd 10966 Harling, H. 2119 Harloff, H. 2094 Harmelen, M. J. van 11291, 11302

Harmey, M. A. 9939 Harmon, B. L. 3970 Harn, C. 10437, 11692 Harnischfeger, G. 13583 Haro, A. de 882, 7294, 8521, 11019 Haro-Bailón, A. de 10058 Haroun, S. A. 9625 Harper, F. A. 2215 Harper, J. 1631 Harper, J. E. 5734, 9441 Harper, J. F. 2339, 4241 Harrabi, M. 12006 Harrak, H. 4744 Harrington, C. A. 5061 Harrington, J. T. 6296 Harris, C. A. 2760 Harris, D. C. 4865 Harris, D. M. 4249 Harris, D. M. 4249
Harris, D. R. 12593, 13620
Harris, P. J. 2320
Harris, P. J. C. 7296
Harris, P. S. 5221
Harris, S. A. 1125, 2163, 2166, 3960, 7473, 13060
Harris, W. 1208
Harrison, C. J. 6943
Harrison, E. P. 12394
Harrison, G. 2524, 3427, 12247
Harrison, G. E. 2853, 3418
Harrison, H. D. 8777 Harrison, H. D. 8777 Harrison, J. 5444 Harrison, K. 3841, 4772, 13222 Harrison, M. J. 4597 Harrison, P. 12792 Harrison, R. E. 1925 Harrison, S. J. 1665, 4940 Harry, D. E. 13504 Harry, D. E. 13504 Harry, I. S. 6543 Hart, E. R. 1010 Hart, G. E. 1416, 5336, 6729, 9010, 11554, 11746 Harten, A. M. van 4681, 12590 Hartings, H. 246, 10368, 10440, 11520 11520 Hartl, D. L. 12691 Hartl, L. 5160, 10302 Hartman, B. 1894 Hartman, G. L. 2803, 2805, 10655, 13090 Hartmann, C. 13370, 13372 Hartmann, H. D. 12085 Hartmann, C. 13370, 13372
Hartmann, H. D. 12085
Hartmann, J. 7842
Hartmann, U. 5231
Hartmann, W. 7155
Hartnett, L. K. 951
Hartney, V. J. 994
Hartog, M. V. 10200
Hartung, W. 234
Hartutik 442
Hartweck, L. M. 1707, 1709
Haruki, K. 1059, 4105
Harushima, Y. 2653, 5582
Haruta, M. 9637
Harvell, K. P. 5953
Harvengt, L. 3789
Harvey, A. J. 6451
Harvey, C. F. 3802, 4890, 4892, 13301, 13303
Harvey, H. P. 3221
Harvey, T. L. 1442
Harvey, W. J. 10746
Harwood, J. 6444
Harwood, J. 6444
Harwood, J. L. 9488
Haryanto, T. A. D. 8833, 8836 Harwood, J. L. 9488
Haryanto, T. A. D. 8833, 8836
Hasan, M. A. 7237
Hase, T. 3550
Hasebe, M. 11322
Haseeb, A. 7593
Hasegawa, A. 8823
Hasegawa, I. 3816
Hasegawa, K. 3425, 3952, 8336
Hasegawa, M. 5585
Hasegawa, P. M. 958, 1789, 2309, 5152, 5552, 6357, 10510, 13434
Hasegawa, R. 1059, 4105 Hasegawa, R. 1059, 4105 Haselkorn, R. 4340-4341 Haseloff, J. 6504, 6513 Hasenkampf, C. A. 4150

Hasenstein, K. H. 6160 Hash, C. T. 1552, 4529 Hashem, E. K. 3826-3827 Hashimoto, G. 6349 Hashimoto, H. 372 Hashimoto, J. 9223 Hashimoto, M. 8823 Hashimoto, T. 6550, 9878, 13425 Hashizume, K. 8640, 12228 Haskell, D. 9577 Haslekås, C. 6503 Hassairi, A. 13173 Hassan, M. S. 3977 Hassan, M. W. A. 1697 Hassan-Hauser, C. 6983 Hassanein, A. M. 10737, 12026 Hassen, H. 514 Hassen, H. 514
Hassikou, K. 4565
Hassikou, R. 4565
Hasslacher, M. 11850
Hassoun, Q. 12882
Hastings, I. M. 12678
Hata, S. 3724, 5302, 5496
Hatakeyama, K. 3964, 7279, 12279 12279
Hatano, M. 5133
Hataya, T. 7003
Hatch, T. 13550
Hatchett, J. H. 1381, 1384, 1386, 1443, 12718
Hattemer, H. H. 1019, 6256
Hattenbach, A. 4690
Hattori, K. 404, 438, 1583, 4731, 8075, 8626, 12527
Hattori, M. 470 Hattori, M. 470 Hattori, T. 3560, 6392 Hatz, B. G. 229 Hatzack, F. 9485 Hatzfeld, Y. 9886 Hatzfeld, Y. 9886 Hatzixanthis, K. 3841 Hatzopoulos, P. 3406, 3915 Hauck, B. 498, 1630 Haughn, G. 2354 Haung, M. D. 10178 Haung MingDer 10178 Haunold, A. 2265 Hauptvogel, P. 8166, 8186, 11363 Hausbeck, M. K. 1072 Hausbeck, M. K. 1072 Hauschild, K. 5101 Hauschner, H. 1102, 6350 Hause, B. 226, 231, 7876, 8373, 12782
Hause, G. 875
Hauser, B. A. 9591, 11488
Hauser, E. D. 9911
Hauser, K. 4027
Hauser, T. P. 873
Häusler, R. E. 235, 8644
Haussmann, B. I. G. 11750
Haustein, D. 1920
Haute, A. van 5989
Havaux, M. 10322
Have, A. ten 7080
Havekes, F. W. J. 5913
Havel, J. 9771
Havens, K. 10597 12782 Haver, J. 97/1 Havers, K. 10597 Havey, M. J. 716, 1889, 4723, 5879, 12131 Havir, E. A. 12396 Havir, E. A. 12396
Havlíčková, H. 4438, 5418
Havránek, P. 4734
Haware, M. P. 4670, 12002
Hawbaker, M. S. 1505
Hawes, C. 13422
Hawes, M. C. 3750
Hawes, W. S. 2124
Hawkes, J. G. 5, 9531, 11367, 11370, 12695
Hawkesford, M. J. 1455
Hawkins, D. J. 7251
Hawkins, L. K. 13245
Hawkins, S. 7448
Hawlader, M. S. H. 710, 9553
Hayakawa, K. 192
Hayano-Saito, Y. 10575
Hayashi, H. 789, 4716, 8957, 10067 10067 Hayashi, M. 6521, 7105, 8390,

Hayashi, N. 5630 Hayashi, T. 1008, 2086, 4676, 5063, 6198, 6276, 10924 Hayashi, Y. 5140-5141 Hayashida, N. 6182 Hayashizaki, Y. 12623 Hayes, P. 4467 Hayes, P. M. 249, 1454, 4460, 5440, 5443, 6523 Hayirlioğlu-Ayaz, S. 4175 Hayman, D. 503 Haymes, K. M. 4862-4863, 6023 Haynes, K. G. 690, 4694, 7002 Haynes, K. G. 690, 4694, 7002 Hays, J. 5231 Hays, J. B. 4253, 6486 Hayward, M. D. 1641, 5460, 8124, 10596 Hayworth, D. A. 8980 Hazarika, G. N. 11815 Hazarika, M. H. 9593 Hazebroek, J. 10998 Hazel, C. B. 11931 Hazen, S. P. 186-187 Hazirezaei, M. 3185 Hazler, K. 4069 Hazra, S. 2056, 8568 He, B. Z. 9740 He, C. F. 3451 He, C. X. 6780, 11799 He, D. G. 9263 He, D. M. 5168 He, D. Z. 7735 He, D. Z. 7735 He, F. G. 6299 He, F. L. 13516 He, G. 2899 He, G. C. 9265 He, G. H. 441, 901, 3986, 10765 He, G. W. 5041 He, H. 12077 He, J. M. 1401, 5349, 902 He, H. 12077 He, J. M. 1401, 5349, 9023 He, J. X. 10072, 12753 He, K. 8001 He, K. M. 6840 He, L. L. 8595 He, L. R. 9022 He, L. X. 6311 He, L. Z. 10027 He, P. 3944, 6802, 8459 He P. C. 3054, 6034, 8458 He, P. 3944, 6802, 8459 He, P. C. 3054, 6034, 8458 He, Q. Y. 12505 He, S. A. 3228, 3331, 4755, 5137, 8438, 8881, 12207 He, S. L. 805, 12969 He, S. Y. 8959 He, T. H. 11250 He, X. C. 149 He, X. H. 1990 He, X. L. 6239, 7412 He, X. Y. 7873 He, X. Z. 4594 He, Y. Q. 6771 He, Y. W. 12077 He, Z. H. 1582, 1592, 2797, 4323, 5600, 7735, 7770, 10542, 10574, 12462 He BiZhu 9740 He ChaoXing 6780 He CongFen 3451 He DaoGen 9263 He DeZe 7735 He DongMei 5168 He FangLiang 13516 He FenGren 6299 He GuangChen 9265 He GuangWen 5041 He GuoHao 901, 10765 He Hong 12077 He JueMin 1401, 5349, 9023 He JunXian 12753 He KunMing 6840 He LiLian 8595 He LiRen 9022 He LiXia 6311 He LiZhen 10027 He Ping 3944, 6802 He PuChao 3054, 6034, 8458 He QiongYing 12505

He ShanAn 3228, 3331, 4755, 5137, 8438, 8881, 12207 He ShengYang 8959 He ShuiLin 12969 He SongLin 805 He TianHua 11250 He XianChang 149 He XianZhi 4594 He XiaoLan 6239, 7412 He XiaoYuan 7873 He XinHua 1990 He YaWen 12077 He ZhaoHeng 12462 He ZhengHui 7735 He ZhengHui 7735 He ZhiHong 2797 He ZhongHu 7770 He ZhuHua 1592, 5600 He ZuHua 1582, 10542, 10574 Heaf, D. 11349 Healy, S. 9149 Heath, I. B. 4952 Heath, M. C. 7680, 8298, 9499 Heath, S. C. 1334 Heatherly, L. G. 5726 Heatley, D. 8118 Heaton, J. H. 3539 Hebard, F. V. 866 Heberle-Bors, E. 126, 2102, Heberle-Bors, E. 126, 2102, Hebert, J. J. 13471 Hébert, Y. 1503, 2589, 5507, 9170 9170 Hebshi, E. A. 1827 Hecht, D. 5896 Hecht, M. 7524, 7524 Hecquet, J. F. 7129 Hedden, P. 2836, 11456 Hedge, M. 3078 Hedges, B. R. 13081-13082 Hedley, C. 10688 Hedley, C. L. 6943, 8279 Hedrick, P. W. 1034, 11478 Hedtke, B. 56 Heenan, P. B. 10001, 12503, Heenan, P. B. 10001, 12503, 12563 Heer, J. A. 13097 Heer, W. F. 1380-1382, 1392, 3098, 5411 3098, 5411 Heerden, F. R. van 11160 Heerse, P. 3790 Heese-Peck, A. 8634, 12606 Hefferon, K. L. 7004 Heflich, R. H. 10131 Hegde, L. 11328 Hegde, M. 5556 Hegde, S. 2035 Hegstad, J. M. 5741, 9368, 9414, 9418, 10633 9414, 9418, 10633 Heide, L. 8830 Heidenreich, S. C. 488 Heidmann, I. 7544 Heidstra, R. 2755, 4659 Heijbroek, W. 13403 Heijden, R. van der 5136 Heilman, P. E. 1007 Heim, U. 267 Heimbach, U. 7871 Heimer, Y. M. 4259 Heimovaara-Dijkstra, S. 9096 Hein, P. 8134 Hein, W. 1363 Heineke, D. 4690, 9521 Heineke, D. 4690, 9521 Heinemann, P. 3344 Heinen, J. 13460 Heinrich, N. B. 520 Heinzen, C. 2338 Heinz, E. 1291 Heiser, V. 10735, 11435 Heitefuss, R. 255, 13478 Heitholt, J. J. 2143, 12416 Heizmann, P. 134, 8347 Hel, P. K. 9208 Held, B. M. 289 Held, D. 10653 Helentjaris, T. 10377 Held, D. 10653 Helentjaris, T. 10377 Helgadóttir, Á. 8115, 8200 Helgeson, J. P. 9534 Hellbrügge, D. 12507 Hellenäs, K. E. 685 Heller, J. 2275, 10111 Heller, K. 11521

Hellier, B. C. 635 Hellín, E. 6337 Helliot, B. 7144-7145 Helliwell, C. A. 622 Hellmann, G. M. 4045 Hellmann, G. M. 4045
Hellmann, G. M. 4045
Hellmich, R. L. 4510
Hellwege, E. M. 2943, 10799
Hellwig, F. H. 11245
Hellyer, A. 12522
Helm, C. G. 9460
Helm, J. H. 2533
Helms, R. S. 11830
Helms, T. C. 1677, 3725, 10634, 11943
Helsper, J. P. F. G. 13103
Heltmanń-Tulok, M. 1168
Hema, M. V. 2945
Hemaprabha, G. 3999, 7347, 11065, 13397
Hemeng, O. B. 1967-1968
Hemenway, P. 6184
Hemery, F. 8321
Hemleben, V. 2103
Hemphill, J. K. 6201
Hénaut, A. 3384
Henderson, B. 8729 Henderson, B. 8729 Henderson, D. 12257 Henderson, J. 2124 Henderson, M. H. 3482 Henderson, S. 12908 Henderson, S. A. 8090 Henderson, T. A. 265 Henderson, W. R. 5967 Hendricks, D. R. 7488 Hendriks, G. 3397 Hendriks, H. 4181, 12561 Hendriks, R. J. J. 111, 8880 Hendrix, R. C. 10973 Heneen, W. K. 6079 Henequenera, C. E. Z. 7457 Heng-Moss, T. 8165 Hengel, A. J. van 10759 Henken, B. 4862 Henneberry, T. J. 6235 Hennig, J. 7393 Henningsen, K. W. 4453 Henderson, S. A. 8090 Henningsen, K. W. 4453 Hennion, B. 1930 Henny, R. J. 4171 Henry, A. M. 291 Henry, G. 2888 Henry, R. 7829 Henry, R. J. 853, 2320, 3357, 12312, 12704 Hensel, G. 940 Hensel, G. 940 Henshaw, G. G. 705, 1792 Henson, C. A. 12780 Henz, G. P. 12132 Henzell, R. G. 9188, 10509 Heo, K. O. 12069 Heo, Y. C. 9624 Heo KyungOk 12069 Heo YoonChan 9624 Hepler, P. K. 4176, 6358, 6489 Hepziba, S. J. 8026 Her, I. B. 9391 Her IlBum 9391 Herald, L. D. 1387-1389, 3533 Her IlBum 9391 Herald, L. D. 1387-1389, 3533 Heran, A. 3969 Herath, S. 7421 Herben, T. 4582 Herbers, K. 3185 Herbert, P. 714 Herbik, A. 4768 Herdt, R. 4229 Heredia Garcia, E. 5877 Heredia Zepeda, A. 5876-5877 Heritage Seeds Pty Ltd 9087 Herman, D. E. 4119, 6263 Herman, E. 11936 Herman, E. M. 12877 Hermann, H. 267 Hermann, M. 9555, 10111 Hermann, O. 9842, 13404 Hermoso, R. 1719 Herms, D. A. 13500 Hermuth, J. 2398 Hernalsteens, J. P. 4244 Hernández, C. M. 4303 Hernández, F. 8271 Hernández, G. 9476 Hernandez, J. A. 1854

Hernandez, J. C. 6707 Hernández, M. 1537, 8709 Hernandez, R. J. 10561 Hernández, Z. 8596 Hernández-Sotomayor, S. M. T. 12559 12539 Hernould, M. 946, 5010 Herpen, R. M. A. van 2932 Herralde, F. de 9747 Herrán, R. de la 11283 Herrera, G. 8605 Herrera, J. 1531 Herrera, L. 3929 Herrera, M. 13498 Herrera-Arrieta, Y. 9321 Herrera-Estrella, L. 480, 9583, 11499 Herrero, M. 9655 Herrero-Sánchez, I. 10869 Herrington, M. 4854 Herrman, T. J. 3484 Herrmann, R. G. 8358, 10009, 10060 Herschbach, C. 11185 Hershman, D. E. 1379 Herth, W. 4265 Herzog, M. 6479, 11455 Herzog, S. 11182 Hesemann, C. U. 1169, 4476 Hesemann, C. U. 1169, 4476 Heslop-Harrison, J. 3452 Heslop-Harrison, J. S. 273, 2524, 2853, 3418, 3427, 4304, 5242, 5493, 6050, 6157, 7355, 8917, 12247 Heslop-Harrison, J. S. P. 3383 Heslop-Harrison, Y. 3452 Hess, B. 7156 Hess, D. 613, 2437, 7819 Hess, D. C. 13446 Hess, D. E. 1554 Hess, J. R. 5376 Hess, J. R. 5376 Hess, W. J. 9947 Hess, W. R. 9104 Hessel, E. A. J. 4816 Hestmark, G. 6866 Heszky, L. E. 7844, 9958 Heta, H. 5450 Hetherington, A. M. 1308 Hettasch, H. 7635 Hettema Zonen Kweekbedrijf BV 9515 Heuchelin, S. A. 1010 Heuer, S. 10374, 10416 Heun, M. 2454 Heusden, A. W. van 4795, 12154
Heuvel, J. van den 1780, 7393
Hevesi, M. 4784
Hewitt, G. M. 39, 5056, 9945
Heyden, C. R. van der 1923
Heyer, A. 4691, 7755
Heyer, A. G. 2943, 10799
Heyl, A. 323, 5530
Heyting, C. 5913, 10388
Hibbs, M. S. 12506
Hibi, T. 4790
Hickey, K. D. 1910 12154 Hibi, T. 4790 Hickey, K. D. 1910 Hickey, M. J. 3262 Hickman, M. J. 10039 Hida, K. 3817, 10793, 13198 Hida, K. I. 4741 Hidaka, M. 8642, 9545 Hidayatur, Pahmon, 10467 Hidayat-ur-Rahman 10467 Hideo, K. 8723 Hides, D. H. 2695 Hides, D. H. 2695 Hiebert, E. 4043 Hiei, Y. 371 Hiemori, M. 8241 Hietaranta, T. 3902, 4858 Higashi, K. 10757 Higashi, S. 13108 Higashi, S. I. 11838 Higashi, T. 469 Higashi, T. 469 Higgins, T. J. V. 4608, 7378, 11511, 13120 Higgs, D. C. 31 Higgs, P. G. 12667 Highley, E. 11347 Higo, H. 5215, 11828 Higo, K. 5215, 11828

Higuchi, S. 10615
Higuera, A. 1736
Hiirsalmi, H. 3902
Hijmans, R. 10764
Hildebrand, D. F. 581, 3719
Hildebrand, G. L. 11043-11044, 11052, 13381
Hildenbrand, M. 1199
Hill, A. 3464, 10529
Hill, A. M. 4449, 6670
Hill, G. M. 2619
Hill, J. 2278, 12766
Hill, J. E. 2631-2632, 2634
Hill, J. L. 9354
Hill, J. P. 5404
Hill, J. R. 520
Hill, K. 13379 Higuchi, S. 10615 Hill, J. R. 520 Hill, K. 13379 Hill, K. D. 5048, 11177 Hill, R. D. 227 Hill, S. A. 13162 Hill, W. G. 12669 Hill, W. H. 1505 Hille, J. 9605, 12110 Hillebrand, H. 4262 Hillel, J. 1997, 13317 Hillenmeyer, H. 1212 Hillis, D. M. 1245 Hillman, J. R. 6462 Hillocks, R. J. 1704 Hilpert, B. 4499 Hilpus, I. 6339 Hilton, H. 11723 Hiltunen, R. 4097, 4194 Hilu, K. W. 133, 1643, 5566, 12574 Hill, K. W. 133, 1643, 5566, 12574
Himelblau, E. 1270
Himeno, M. 10024
Himmelspach, R. 3561
Hinata, K. 2018, 3964, 7279, 9571-9572, 12279
Hinckley, T. M. 1007
Hinderhofer, K. 5259, 10204
Hines, A. 4140
Hinkelmann, K. H. 9179
Hinnisdaels, S. 2210, 4138
Hinrichs, J. 5808
Hinrichsen, P. 9547
Hinton, H. 8714
Hintum, T. J. L. van 3814, 5191
Hintz, R. W. 902
Hinz, U. 4161
Hinz, U. G. 1221
Hioux, S. 8243
Hirabayashi, H. 474 Hirabayashi, H. 474 Hirabayashi, T. 10283 Hirabayashi, 1, 10283 Hirae, M. 1616 Hirai, A. 382, 384, 387, 402, 1290, 7028, 8991, 10534, 11784, 12940 Hirai, D. 9673 Hirai, M. 3817, 7063, 10010, 10012 Hiraide, A. 9637 Hiraiwa, N. 10197 Hiramatsu, M. 5612 Hirano, H. 2636, 12172 Hirano, K. 12232, 13417 Hirano, K. 12232, 13417
Hirano, M. 418
Hiraoka, N. 12555, 12562
Hirasawa, E. 8794
Hirasawa, H. 4544
Hirata, T. 2793, 5728
Hiratsuka, A. 707
Hiratsuka, S. 12170
Hirayama, M. 8033
Hirayama, T. 6488
Hirel, B. 742, 12100
Hiremath, I. G. 5560-5561
Hirimburegama, K. 3062
Hirner, B. 10171
Hirochika, H. 373, 5005, 10012
Hiroi, K. 11896
Hiromoto, D. M. 13100 Hirot, K. 11896 Hiromoto, D. M. 13100 Hirose, S. 4448 Hirose, T. 3164, 5596, 13418 Hirsch, A. M. 3691, 4891, 4897, 5688, 10612, 11905, 13057 Hirsch, C. M. 4902 Hirsch, P. 12750 Hirschberg, J. 7524

Hirschfeld, M. 65, 10187 Hirt, H. 6881 Hisada, S. 3067 Hisao, K. 13460 Hisatomi, Y. 1077, 3271 Hiscock, S. 3815 Hiscock, S. J. 13196 Hita, O. 3763 Hitchcock, D. 2031 Hitchin, E. 10688 Hitomi, A. 13231 Hitomi, K. 5228 Hittalmani, S. 1578 Hitz, B. 7640 Hiureas, G. 12707 Hjeltnes, S. H. 7149 Hjerdin, A. 3145-3146 Hlinková, E. 12398 Hlinkova, E. 9424 Hlinkova, E. 9424 Hlušek, J. 13163 Ho, C. K. 11175 Ho, C. L. 9157-9158 Ho, C. W. 13610 Ho, C. Y. 502 Ho, G. D. 7736 Ho, K. M. 1452, 5428, 11675 Ho, T. H. D. 13003 Ho, Y. W. 2049, 13310 Ho ChanLee 9157-9158 Ho ChinWen 13610 Ho GanDer 7736 Hoad, S. P. 4458 Hoai Nam Truong 6478 Hoan, N. T. 4546, 12960 Hoang, C. 6201 Hoang, H. D. 6 Hoang Chau 6201 Hoang HoDzun 6 Hobbie, L. 8945 Hobbie, L. J. 5252 Hobbie, L. J. 5252 Hobbs, A. A. 3305 Hobbs, H. A. 12128 Hoberg, E. 2286, 2294 Hocart, C. H. 4034, 7378 Hochholdinger, F. 10445-10447 Hochstrasser, M. 10163 Hockett, E. A. 1383-1384 Hockings, F. D. 13523 Hodge, R. 63 Hodges, M. 8732, 12385, 13493 Hodges, T. K. 389, 467, 13023 Hodgkin, T. 7658, 11371 Hodgskiss, P. D. 4068, 6292 Hodkinson, T. R. 5676, 6399 Hoecker, U. 4266 Hoeflich, V. A. 10100 Hoegemeyer, T. C. 2581 Hoeijmakers, J. H. J. 7559 Hoek, M. van der 2218 Hoekstra, R. 1757, 9508 Hoekstra, R. F. 8970 Hoeppner, M. A. 6492 Hoeren, F. U. 10158 Hoerster, G. 5485 Hoeschele, I. 11473 Hoeveler, A. 3325, 7588 Hofbauer, J. 8179 Hofer, J. M. I. 2831 Höfer, M. 7130 Hoffer, P. H. 1309 Hoffer, R. H. 6495 Hoffman, C. 13624 Hoffman, D. D. 10655 Hoffman, D. D. 10655 Hoffman, D. L. 2493 Hoffman, N. E. 3403 Hoffman, P. 6486 Hoffman, T. K. 2475 Hoffmann, B. 2739 Hoffmann, F. 9341, 9343 Hoffmann, F. 9341, 9343 Hoffmann-Benning, S. 952, 1765, 5019 Hoffmann-Sommergruber, K. 3424 3424 Hoffmann-Tsay, S. S. 9343 Hofig, A. 9577 Hofmeister, J. 6902 Höfte, H. 3396, 4265, 10147 Hogan, P. 5932 Högberg, K. A. 13511

Hoge, J. H. C. 3318, 4173, Hohlfeld, B. 12182 Hohn, B. 1277, 4023, 4492, 13188 Höhn, H. 8417 Hohn, T. 8635 Hoisie, S. 11389 Hoisington, D. 7987, 8919 Hoisington, D. A. 3589, 11741, 12897, 12899 Høj, P. B. 10948 Hokanson, K. 12206 Hokanson, S. C. 777, 1897, 5975 Holá, D. 5914
Holaday, A. S. 974, 6208
Holbrook, C. C. 3987, 6105
Holbrook, L. 4941
Holdsworth, M. J. 1475
Hole, D. J. 1394
Hole, U. B. 13541
Holefors, A. 13276
Holevas, C. D. 12707
Holford, P. 1923, 3886, 13330
Holguín V., J. 5574
Holkar, A. S. 5472
Holland, D. 1988, 6178, 7196
Holland, D. L. 10597
Holland, J. B. 261, 5542, 9389, 11477 Holá, D. 5914 Holland, N. 6178 Holland Select Research BV 6926 Hollenbach, B. 234 Hollick, J. B. 103 Hollick, J. B. 103 Hollingsworth, W. O. 9579 Hollington, P. A. 1424 Holló, R. 7199 Holloway, J. W. 9927 Hollowell, V. C. 7616 Hollricher, K. 1464 Hollung, K. 1449 Holm, F. T. 9511 Holm, F. A. 6091 Holm, Y. 4097, 4194 Holmberg, N. 6434 Holme, I. B. 4587 Holmes-Davis, R. 7692 Holmes-Davis, R. 7692 Holmes-Davis, R. 7692
Holms, T. 2976
Holms, T. 2976
Holmström, K. O. 959, 7390
Holopainen, J. K. 13510
Holopainen, T. 9942, 13491
Holsters, M. 2769, 5719-5720, 9350, 11921
Holt, C. A. 6179
Holt, K. 10436, 13213
Holtan, H. 12090
Holter, L. 1238
Holtorf, S. 5262
Holtzmeier, M. A. 11316
Holub, E. 1257, 5260, 10213
Holub, E. B. 1327, 6518, 8960
Holub, J. 7162, 10939, 11883
Holubář, J. 8191
Holuigue, L. 13157
Holý, A. 11108
Holzworth, L. K. 5664, 9315
Homma, S. 9637 Holms, T. 2976 Homma, S. 9637 Honarnejad, R. 9260, 11832, 12996, 13433 Honda, C. 13427 Honda, G. 8830 Honda, I. 5585 Honda, K. 1082 Hondred, D. 10376 Hondred, D. 10376 Honée, G. 13225 Hong, B. H. 12730 Hong, B. M. 4241 Hong, C. J. 4728 Hong, D. Y. 5093, 6819, 8815, 9986, 11259, 11770 Hong, E. H. 9365-9366 Hong, G. F. 367, 12931 Hong, G. H. 3809 Hong, G. N. 1313 Hong, J. C. 11933 Hong, J. S. 6253 Hong, K. H. 9624 Hong, L. F. 5587 Hong, M. 4269

Hong, M. M. 2105, 9269 Hong, S. B. 10816 Hong, S. H. 11447 Hong, S. H. 1144/ Hong, S. J. 12104 Hong, Y. K. 6402 Hong, Z. 5722 Hong BiMei 4241 Hong ByungHee 12730 Hong ChongJian 4728 Hong DeYuan 5093, 6819, 8815, 9986, 11259, 11770 Hong EunHi 9365-9366 Hong GilNam 1313 Hong GuoFan 367, 12931 Hong GyungHoon 3809 Hong JongChan 11933 Hong JuSheng 6253 Hong KueHyon 9624 Hong LiFang 5587 Hong MengMin 2105, 9269 Hong SeJin 12104 Hong SungHyun 11447 Hong Wang 12616 Hong YongKi 6402 Hong YongKi 6402 Hongo, A. 11920 Hongtrakul, V. 12304 Honkanen, I. 12040 Honkanen, J. 695 Honma, M. 922 Honrao, B. K. 4883 Hontelez, J. 1817, 5932, 13208 Hoo, K. Y. 13520 Hoo KuwanYee 13520 Hood, E. E. 12863, 12869-12870 Hood, J. V. 5072 Hood, W. M. 1865 Hooda, J. S. 5433, 5779 Hoof, A. van 945
Hoogenboom, G. 3740
Hooker, T. S. 9594
Hooley, R. 5248, 12705
Hooykaas, P. J. J. 12621
Hope, A. B. 4032
Hopkins, A. A. 3595
Hopkins, R. J. 7044
Höpli, H. U. 8417
Hopp, H. E. 4221, 9054
Hopping, M. E. 11252
Horciu, V. 3149-3151, 3154, 4003
Hore, D. K. 5609 Hoof, A. van 945 Horeta, V. 3149-3131, 315-4003

Hore, D. K. 5609

Horgan, G. W. 5825

Horgen, P. A. 1219, 3340, 4198-4199, 7619

Horgos, A. 754

Horiguchi, G. 10273

Horikawa, Y. 2559

Horimoto, M. 4548

Horio, T. 429

Horiuchi, S. 12228

Horkay, E. 3213

Horlock, C. M. 595

Horlock, F. 8729

Hormaza, J. I. 8493, 9749

Horman, P. 9928

Horn, M. 5347, 11650

Horn, R. 891

Horn, W. 1090

Hornbeck, J. M. 9917 Hornbeck, J. M. 9917 Hornby, P. 5871 Horner, T. 7788 Hornok, L. 8896, 11379
Horovitz, A. 11589-11590
Horry, J. P. 3354, 13307
Horsch, A. 4150
Horsley, R. D. 140, 1448
Horsman, K. 677
Horst, W. J. 320
Horstmann, C. 159, 940, 4610
Hörtensteiner, S. 6482
Hörtner, H. 6983
Horton, R. M. 5184
Horton, W. H. 1635
Hortynski, J. A. 12215
Horvais, R. 12278
Horvath, D. 8961 Hornok, L. 8896, 11379 Horvath, D. 8961 Horvath, D. M. 12407 Horváth, L. 8139 Hosaka, K. 6990, 12024

Hosamani, R. M. 6997 Hoser-Krauze, J. 8352 Hosfield, G. L. 5747-5748, 13105 Hoshi, Y. 7108, 12546 Hoshino, A. 2207 Hoshino, T. 192 Hoshino, Y. 6347, 13570 Hosken, S. E. 284 Hosmani, M. M. 5147 Hosokawa, D. 2356 Hosokawa, K. 6327 Hosoki, T. 1059, 1931, 4105, 4789 4789
Hospital, F. 4219, 5204, 7686
Hossain, F. 795
Hossain, K. G. 1571
Hossain, M. 795, 4756, 9587
Hossain, M. A. 2735, 36533654, 6883, 13146
Hossain, M. G. 8693
Hossain, M. G. 8693 Hossainzadeh, A. H. 1655 Hosseininejad, Z. 9919 Hotchkiss, J. R. 4509 Hotsonyame, G. K. 9038 Hotzel, H. 6727, 9182 Hou, A. F. 2933, 8346 Hou, F. 10853 Hou, G. B. 4535 Hou, G. B. 4535 Hou, L. 7894 Hou, X. D. 5554 Hou, X. L. 13194 Hou, Y. M. 7870 Hou AnFu 2933, 8346 Hou Feng 10853 Hou GenBao 4535 Hou XiLin 13194 Hou XuDong 5554 Hou YouMing 7870 Houari, A. 12775 Houben, A. 267, 3268 Houck, C. 8664 Houde, M. 836, 9061, 11637 Houde, M. 836, 9061, 1 Houérou, H. N. le 5644 Houghton, P. J. 13620 Houlné, G. 1842 Houlston, C. E. 12792 Houssin, S. F. 10381 Houston, D. R. 8706 Houterman, P. 1780 Houterman, P. 1780
Houwe, I. van den 6044, 9692
Houwelingen, A. van 5116
Hoveland, C. S. 1633
Hovmøller, M. S. 5446
Howad, W. 1538, 4521, 12907
Howard, C. M. 6021
Howard, D. J. 2158, 5270
Howard, J. A. 2324, 12863, 12860 12869-12870 Howard, L. R. 2955 Howard, R. J. 1774 Howarth, C. J. 3437 Howarth, D. G. 6015
Howden, R. 10201
Howe, C. J. 4240
Howe, G. T. 6269
Howell, S. H. 87, 1321, 10206, 10208, 13626
Howell, W. 822, 8428
Howes, N. 2410
Howes, N. K. 3481, 4326, 4395
Howie, J. H. 520
Howie, W. J. 2950
Howle, D. S. 2132-2133
Howles, P. A. 2116, 4048
Hoxha, M. 1507
Hoying, S. A. 7127
Hoyt, J. M. 1675, 7403
Hoza, D. 4896 Howarth, D. G. 6015 Hoza, D. 4896 Hraber, P. 11389 Hrček, L. 4873 Hristov, N. 7850, 9063 Hron, R. 7665 Hrotkó, K. 12183 Hrozinková, A. 2396 Hrubcová, M. 13494 Hudocova, Nr. 19494 Hryńczuk, B. 11636 Hsam, S. L. K. 266, 1433, 7861, 9119, 10302 Hsiao, C. H. 13239 Hsieh, J. S. 13077

Hsieh, K. L. 13077 Hsieh, L. S. 11211 Hsieh, R. M. 7564, 8819 Hsieh, S. Y. 9653 Hsieh, T. F. 55 Hsieh, W. L. 9137 Hsieh JawShu 13077 Hsieh KimLeong 13077 Hsieh SuYu 9653 Hsieh TzungFu 55 Hsieh TzungFu 55
Hsieh WenLing 9137
Hsing, Y. C. 13077
Hsiung, T. C. 3045-3046
Hsiung TungChuan 3045-3046
Hsu, F. H. 2691
Hsu, F. L. 3323, 5132
Hsu, H. M. 7564, 8819
Hsu, H. T. 9688, 9702, 9713 Hsu, M. 10185 Hsu, P. H. 6854 Hsu, S. F. 9732 Hsu, T. F. 13077 Hsu, W. 10191 Hsu, W. S. 13239 Hsu FengLin 3323, 5132 Hsu FuHsin 2691 Hsu HsinTszn 9713 Hsu HsinTszu 9688, 9702 Hsu PiHo 6854 Hsu ShowFong 9732 Hsu TzeFu 13077 Hsu TzeFü 13077
Hu, B. 8246
Hu, B. M. 3637, 5613, 8076, 11823, 11833
Hu, C. Y. 579, 12052
Hu, D. F. 5587
Hu, D. Y. 10930
Hu, F. G. 3599
Hu, F. Y. 433, 3607
Hu, G. 6646 Hu, G. 6646 Hu, G. B. 8465, 9738 Hu, G. G. 6560, 12762 Hu, G. S. 5541, 10004, 11739 Hu, G. W. 13026 Hu, G. Y. 5169 Hu, H. 3374, 3469, 3526, 6559 Hu, H. 33/4, 3469, 3526, 6 Hu, J. 12072 Hu, J. G. 1577 Hu, J. H. 6056 Hu, J. J. 10954 Hu, J. R. 12465 Hu, J. S. 6185 Hu, M. 6765, 9228, 11853 Hu, M. H. 3103 Hu, P. S. 1566, 11824 Hu, Q. 770, 7274 Hu, R. Y. 2657 Hu, S. L. 10289 Hu, S. W. 11583 Hu, S. Y. 5751, 6333, 8740 Hu, T. C. 5346 Hu, T. K. 9815 Hu, W. J. 11186 Hu, W. J. 11186 Hu, X. 12931 Hu, X. Q. 7224 Hu, X. S. 1336 Hu, Y. 2332, 11419, 13096 Hu, Y. L. 3000 Hu, Y. M. 7937 Hu, Y. M. 7937 Hu, Y. X. 1368, 3515 Hu, Y. Z. 4567, 9372 Hu, Z. A. 5738 Hu, Z. H. 2660, 6772, 7717 Hu, Z. M. 7909 Hu, Z. W. 13284 Hu, Z. Y. 11776, 12395 Hu BingMin 5613, 8076, 11833 Hu BingMing 3637, 11823 Hu Bo 8246 Hu ChingYeb 579 Hu ChingYeh 579 Hu DaoFen 5587 Hu Dong Yan 10930 Hu Feng Yi 433 Hu FenGyi 3599 Hu FengYi 3607 Hu GongShe 5541, 11739 Hu GuangGan 12762 Hu GuiBing 8465, 9738 Hu GuoSheng 10004 Hu GuoWen 13026 Hu GuoYuan 5169

Hu Han 3374, 3469, 3526 Hu JiaJin 10954 Hu JinGuo 1577 Hu JiRui 12465 Hu JunHua 6056 Hu MeiHua 3103 Hu MeiHua 3103 Hu Ming 6765, 9228, 11853 Hu PeiSong 1566, 11824 Hu Qia 770 Hu Qiong 7274 Hu RuYing 2657 Hu ShangLiang 10289 Hu ShengWu 11583 Hu ShiYi 5751, 6333, 8740 Hu TianCi 5346 Hu TzerKaun 9815 Hu WenJing 11186 Hu Xin 12931 Hu XinSheng 1336 Hu XiQing 7224 Hu YanMin 7937 Hu Yi 2332, 11419 Hu YouLi 3000 Hu YouLi 3000 Hu YunZhu 4567, 9372 Hu YuXin 1368, 3515 Hu ZanMin 7909, 11776 Hu ZhangHua 2660, 6772 Hu ZhenWu 13284 Hu Zhid Ng 13284 Hu ZhenWu 13284 Hu ZhiAng 5738 Hu ZhiYuan 12395 Hua, G. H. 9210 Hua, J. 11454, 12639, 12650 Hua, W. S. 8348 Hua, X. J. 1304 Hua, Z. H. 6759, 9231 Hua, Z. M. 7753 Hua GuoHuai 9210 Hua Jian 11454 Hua WangShu 8348 Hua XueJun 1304 Hua ZhiHua 6759, 9231 Hua ZhiMing 7753 Huai, H. Y. 12672 Huai HaiYing 12672 Huala, E. 4243
Huamán, Z. 8308, 10764
Huang, B. L. 9713
Huang, B. Q. 6356
Huang, B. R. 13037
Huang, B. Y. 149
Huang, B. Z. 4981
Huang, C. C. 10829
Huang, C. N. 10553
Huang, C. N. 10553
Huang, C. Q. 10004
Huang, D. 9072
Huang, D. A. 11770
Huang, D. I. 6759
Huang, D. J. 12407
Huang, D. N. 9231
Huang, D. Y. 3477-3478
Huang, F. H. 6286 Huala, E. 4243 Huang, F. H. 6286 Huang, F. S. 1566, 11824 Huang, H. 866, 10549, 12524 Huang, H. L. 1398, 7804, 11339 Huang, H. S. 11171 Huang, H. W. 12268 Huang, J. F. 4241 Huang, J. G. 441 Huang, J. H. 1825 Huang, J. K. 6970 Huang, J. P. 11317 Huang, J. P. 11317
Huang, J. Q. 982, 4555, 6239, 7412, 10785
Huang, J. W. 12050
Huang, L. C. 9713
Huang, L. X. 2645, 11796
Huang, M. B. 3455
Huang, M. J. 5894
Huang, M. J. 5894
Huang, N. 364, 385, 395, 406, 456, 1578, 1605, 2638, 3609, 3644, 3660, 5582, 6775, 8058, 9225, 10540
Huang, P. Z. 10325
Huang, Q. Y. 9503
Huang, R. H. 1953
Huang, S. 4393, 13316 Huang, S. 4393, 13316 Huang, S. G. 1020 Huang, S. H. 5623 Huang, S. L. 5039

Huang, S. Q. 2935 Huang, S. R. 3936 Huang, S. W. 12442, 12462 Huang, S. X. 5761 Huang, S. Z. 8813 Huang, T. C. 5348, 6602, 11574 Huang, T. L. 6056 Huang, W. G. 1956 Huang, W. H. 8829 Huang, W. G. 1956
Huang, W. H. 8829
Huang, W. P. 763
Huang, X. D. 3059
Huang, X. F. 12871
Huang, X. H. 9711
Huang, X. J. 12282
Huang, X. L. 7937, 11001
Huang, X. Q. 1433, 3382, 10064, 10302
Huang, X. X. 4799
Huang, Y. 5070
Huang, Y. F. 11730
Huang, Y. F. 11730
Huang, Y. F. 11730
Huang, Y. F. 11730
Huang, Y. F. 302
Huang, Y. F. 11730
Huang, Y. G. 3948, 10974
Huang, Y. Q. 3948, 10974
Huang, Y. W. 4540, 6003, 7018, 8055, 11795
Huang, Z. J. 3451
Huang, Z. J. 3451
Huang, Z. R. 5437, 9705
Huang, Z. X. 5979
Huang BaiQu 6356
Huang BaiQu 6356
Huang Bing Yan 149
Huang Bing Yan 149
Huang Bing Nan 13037 Huang BingYan 149 Huang BinRu 13037 Huang BoZhan 4981 Huang CaiCheng 10829 Huang ChangLing 2562, 9135 Huang ChengQian 10004 Huang ChunNong 10553 Huang DanIan 6759 Huang DaNian 9231 Huang DeAi 11770 Huang DongYin 3477-3478 Huang FaSong 1566, 11824 Huang HongWen 12268 Huang HsiouChen 3124 Huang HuaLiang 1398, 7804 Huang Huang 10549 Huang HuaSun 11171 Huang Hui 4269 Huang JiangQiu 10785 Huang JianGuo 441 Huang JianHua 1825 Huang JianKun 6970 Huang JianQing 4555 Huang JiaPing 11317 Huang JingFeng 4241 Huang JunQi 982, 6239, 7412 Huang LiChun 9713 Huang LiXing 2645, 11796 Huang MengJiao 5894 Huang MingBin 3455 Huang Ning 364, 3609, 5582, 8058 Huang PeiZhong 10325 Huang QingYuan 9503 Huang RenHuang 1953 Huang ShaoHua 5623 Huang ShaoWei 12442, 12462 Huang ShaoXing 5761 Huang ShuangLing 5039 Huang ShuRong 3936 Huang SuQing 2935 Huang SuZhen 8813 Huang TieCheng 5348, 6602, 11574 Huang TongLing 6056 Huang WeiDa 9399 Huang WeiPing 763 Huang WenHong 8829 Huang XiangHong 9711 Huang XiaoFang 12871 Huang XiaoJun 12282 Huang XiaoJun 12282 Huang XiaoQiu 3382 Huang XiaoXin 4799 Huang XiDong 3059 Huang XiLin 7937 Huang XingQi 10064 Huang XueLin 11001 Huang YanHong 7753, 9233 Huang YanWen 6003

Huang YeQian 3948, 10974 Huang YingFei 11730 Huang YingHua 12469 Huang YouSheng 5437 Huang YuBi 2302 Huang YuWen 4540, 8055, 11795, 12050 Huang ZhanJing 3451 Huang ZhenXiang 5979 Huang ZhiRen 5437 Huang ZiRan 9705 Huangpu, Z. S. 6030 Huangpu ZhongSi 6030 Hubach, J. 13169 Hubáčková, M. 8454 Hubbard, N. 7640 Hubbell, B. 2327 Hübel, A. 88 Huber, D. 8861 Huber, D. 8861 Huber, D. M. 10254 Huber, S. C. 3757, 11729 Hübner, P. 6700 Hübschmann, T. 4447 Hückelhoven, R. 6671 Huckett, B. I. 11118 Huckle, L. 12721 Hucl, P. 2441, 7831, 9083 Hudson, A. 11268 Hudson, J. B. 6402 Hudson, M. 3177, 12399 Hudson, S. A. 3388 Hueros, G. 9145 Huerta-Espino, J. 4431, 5357, 11655 11655 Huet, J. C. 5022 Huff, D. R. 9305 Huff, D. R. 9305 Huffman, R. L. 6238 Hufford, L. 5294 Hugger, H. 11740 Hughes, C. E. 13060 Hughes, D. E. 2359 Hughes, K. W. 1226, 4201 Hughes, M. A. 12781, 12792 Hughs, S. E. 6214 Huguenot, C. 10717 Hugues, M. 3006 Huguet, T. 533-534, 5690, 6882, 8172 Huh, G. H. 9546, 12051, 13434 Huh, H. W. 10054 Huh, M. K. 10054 Huh GyungHye 9546, 12051 Huh, M. K. 10054
Huh GyungHye 9546, 12051
Huh HongWook 10054
Huh ManKyu 10054
Hühn, M. 3366, 6527
Hui, D. F. 5489
Hui, H. 4269, 8838
Hui, Q. T. 12391
Hui, R. 12677
Hui, S. Z. 381
Hui DaFeng 5489
Hui Hong 8838
Hui QiaoTian 12391
Hui SunZhong 381 Hui Qiao Jian 12391 Hui SunZhong 381 Huie, E. B. 1676, 3709 Huigen, D. J. 2878, 5799, 10739, 10749 Huijser, C. 2350 Huijser, P. 10815 Hulanicka, D. 9535 Hulbert, S. 8381, 10487 Hulbert, S. H. 3584, 5540-5541 Hulbert, S. H. 3584, 5540-5541 Huldén, M. 7657 Hull, K. L. 11202 Hulluka, M. 4433 Hulupi, R. 9865 Human, C. F. 7228 Humara, J. M. 9964 Hummel, R. L. 834 Hummer, K. E. 4814, 7138 Humphreys, M. 1631 Humphreys, M. 0. 2695, 3675, 8148-8149 Humphreys, M. W. 1630, 3675, Humphreys, M. W. 1630, 3675, 5647 Hunault, G. 10068 Hundera, F. 10600 Hung, C. Y. 6514, 10182 Hung Chen Yi 6514, 10182 Hunger, R. M. 1427 Hungria, M. 8254, 11954 Hungria, M. 8254, 11954

Hunsucker, S. 2988 Hunt, A. G. 3715, 4224, 11978, 13121 13121 Hunt, E. D. 11365 Hunt, L. A. 4331, 9038 Hunt, M. D. 3408 Hunt, P. F. 2226 Hunt, S. 10612 Hunter, C. S. 7052 Hunter, M. M. 2255 Hunter, P. J. 2831 Huntley, R. 9149 Huntley, R. 9149 Huo, Y. 10930 Huo, Z. R. 7106 Huo Yi 10930 Huo ZhenRong 7106 Huoung, J. C. 9713 Huoung JueChen 9713 Hupfer, C. 6727, 9182 Hur, S. O. 9361-9362 Hur, Y. 2123 Hur SeungOh 9361-9362 Hureau, G. 12272 Hurley, R. H. 2705 Hurme, P. 12471 Hurry, V. 72 Hurst, G. D. 5287 Husain, S. M. 9405, 9408-9409, 9442 9442 Husain, T. 8586, 12508 Hussain, A. J. 12947, 12951 Hussain, M. A. 3777 Hussain, M. K. 2040, 12308 Hussain, S. S. 9921 Hussain, S. W. 541-542, 4605 Hussain, T. 2039, 7645 Hussain, A. 10740 Hussein, A. 10740 Hussein, M. H. 6971 Hussein, T. 1440 Husselstein, T. 11458, 13432 Hussendörfer, E. 9948 Hussey, M. A. 9203, 9317, 10503 Hussey, P. J. 9139, 11701 Hussey, R. S. 598, 2808, 3713, 3734 Hussien, T. 3502, 3506, 9076 Husson, H. P. 11903 Husson, P. 1654 Hutajulu, S. 6757 Hutchings, M. J. 3697 Hutchinson, M. J. 11233 Hüttel, B. 6463, 11998, 12004 Hutten, R. 1781, 9538 Huttinga, H. 1780 Hutten, R. 1781, 9538 Huttinga, H. 1780 Huttner, S. L. 5213 Hutton, M. 13249 Huttová, J. 4463, 12803 Huy, B. P. 3903 Huy BaoPhan 3903 Huyghe, C. 526, 553, 8173, 8187, 9327, 9329, 11904 Huynh, D. 10301 Hvoslef-Eide, A. K. 5049 Hwang, A. S. 9702 Hwang, H. G. 9212-9214 Hwang, H. J. 458 Hwang, H. S. 4785 Hwang, I. D. 4241 Hwang, I. H. 5222, 10211 Hwang, I. W. 12620 Hwang, I. Y. 8256 Hwang, I. Y. 8256 Hwang, J. H. 12153 Hwang, J. K. 13235 Hwang, J. W. 2173 Hwang, S. 11128 Hwang, S. C. 9700 Hwang, W. I. 5144 Hwang, Y. H. 9366, 13084 Hwang, Y. S. 4564 Hwang AShiang 9702 Hwang HeeSuk 4785 Hwang HongJin 458 Hwang HungGoo 9213-9214 Hwang HungGu 9212 Hwang IlDoo 4241 Hwang IngYu 8256 Hwang InHwan 5222, 10211 Hwang InhWan 12620 Hwang JeongHwan 12153

Hwang WenIng 5144 Hwang YoungHyun 9366, 13078 Hylen, G. 1048 Hylen, C. M. 11008 Hymowitz, T. 2805, 5732, 9355-9356, 9383-9384, 9437 9355-9356, 9383-9384, 9437 Hyodo, H. 13302 Hys, L. de 7388 Iacono, F. 3047, 3050, 5174 Iannotti, E. L. 12585 Iba, K. 2341, 3624, 4483, 10273 Ibáñez, J. 6929 Ibaraki, A. 13517 Ibaraki, Y. 699 Ibarra-Barrera, G. 13115 Ibrahim, A. 4411 Ibrahim, H. M. 8250 Ibrahim, H. M. 8250 Ibrahim, I. F. 7868 Ibrahim, K. K. 13595 Ibrahim, M. A. M. 8567 Ibrahim, R. K. 4228 Ibrahim, Y. M. 1710 Ichida, A. M. 2349 Ichihara, A. 8640 Ichii, M. 10547, 11834 Ichikawa, H. 1499 Ichikawa, S. 3307, 10221, 11483 Ichikawa, T. 4035 Ichimura, H. 2636 Ichimura, K. 4235 Ichinose, Y. 621, 631, 5759 Ichitani, K. 8065 Ida, S. 12937 Iddi, S. 4099 Ideta, O. 362, 6789 Ieki, H. 12173 Ieyley, D. M. 12359 Ichikawa, T. 4035 Ievlev, D. M. 12358 Igarashi, I. 7184 Igarashi, M. 7533 Igarashi, Y. 9267 Igartua, E. 2615 Iglesias, A. 1860 Iglesias, C. 2895, 9544 Iglesias, V. A. 941 Igloi, G. L. 5237 Igiot, G. L. 523/ Ignacimuthu, S. 567, 12935 Ignaczak, J. C. 11953 Ignatov, A. 13198 Ignatov, A. N. 2938 Ignatova, S. I. 2946 Ignjatović, D. 5486 Ignjatović, D. 5486 Ignjatović, D. 5486 Igrejas, G. 11571, 11573 Ihabi, M. 8414 Ihara, Y. 6198 Iida, D. 2917 Iida, K. 794 Iida, S. 372, 1077, 2207, 3271, 6349, 8084 Iida, T. 12211 Iida, Y. 393 Iijima, M. 3623, 3625, 3706-3707 3/07 Jino, M. 720, 2926 Jikeda, F. 848 Jikeda, H. 1084, 2214, 2419, 10005, 10013, 10024 Jikeda, I. 10010 Jikeda, K. 401 Jikeda, R. 469, 4544, 8876, 12984 Ikeda, T. M. 150 Ikegaya, F. 2542, 2554, 7941, 7960, 9132-9133 Ikehashi, H. 3618, 3626, 4549, 6839, 8100, 8818 Ikemiya, H. 6061 Ikiedugwu, F. E. O. 1967 Ikiedugwu, F. E. O. 1967 Ikoma, Y. 13302 Ikumi, K. 2733 Ilan, A. 7219, 13319 Ilarslan, H. 2971, 9406 Ilcheva, V. 11113 Ilgun, M. 13304 Ilgoutz, S. C. 5704 Ilić-Grubor, K. 7290, 12280 Ilie, E. 7191 Iliev, I. 10257, 10259-10260 Ilieva, A. 10611 Ilyushko, M. V. 7555

Imabayashi, S. 5617-5618, 6812-6813 Imai, R. 748, 5920 Imai, T. 7063 Imaishi, H. 12120 Imaizumi, N. 138, 5596, 7516 Imaizumi-Anraku, H. 562 Imamura, A. 7708 Imani, A. 12264, 13339 Imanishi, S. 1793, 4756, 8640, 9587, 10819 9587, 10819 Imaseki, H. 4038 Imbaby, I. A. 7869 Imbernon, M. 3338, 10089 Imolehin, E. D. 9217, 9219 Impiglia, A. 4398 Imsande, M. 9377 Imura, Y. 621 Inaba, A. 4760 Inagaki, A. 12993 Inagaki, M. 6614 Inagaki, M. N. 271, 4363 Inagaki, M. N. 271, 4363 Inagaki, Y. 1077, 2207 Inai, S. 5930, 12107 Inak, S. 3930, 12107 Inakuma, T. 10820 Inami, S. 4600, 11896 Inan, Ö. 6209 Indenko, I. F. 5995 India, Indian Society for Spices 10096
Indira, B. N. 4993
Indira, P. 2906
Indiresh, K. M. 7320
Industrial Crops and Products 5178 Infante, D. 7058 Infante, R. 3027, 4850 Infantino, A. 8362 Infantino, S. 6586, 6593 Informatore Agrario 7151, 9663-9664, 12568
Informatore Agrario Supplemento 9578, 10784
Ingale, B. V. 2962-2963, 4775-Ingale, B. V. 2962-2963, 4776 Ingle, M. 5993 Inglese, P. 860, 1232 Inglis, D. A. 2884, 7001 Ingram, D. S. 4215 Ingram, G. B. 11369 Ingram, G. C. 2220 Ingram, J. 2206, 4294 Ingvarsson, P. K. 11493 Injante Silva, P. H. 7953 Injante Silva, P. H. 7953 Innan, H. 57, 12679 Innes, D. J. 12467 Innes, R. W. 10653, 11471 Inokuchi, H. 3520 Inokuma, C. 6322, 7516 Inomata, N. 7275 Inoue, A. 6052 Inoue, E. 3180 Inoue, H. 10546 Inoue, H. 10546
Inoue, K. 4136, 6000, 12165
Inoue, M. 4025, 4539, 4805, 8409, 11821
Inoue, Y. 2542, 9133
Inouye, J. 419, 3716, 11843
Insarova, I. D. 3342
International Center for Agricultural Research in the Dry tural Research in the Dry Areas 1230, 5172, 12584, 13613 International Crops Research Institute for the Semi-Arid Tropics 1227, 2050-2053 International Institute of Tropical Agriculture 10092 International Maize and Wheat Improvement Center 13616 International Network for the Improvement of Banana and Plantain 2270 International Plant Genetic Resources Institute 1228, 10112, 11355, 13612 International Potato Center

12583, 13153

International Rubber Research and Development Board

International Society for Horti-cultural Science 4207-4208, 5173-5175, 7627-7628, 8863-8865, 11345, 11351-11352, 12589, 13622 Intrieri, C. 1941, 5174, 6026 Intrieri, M. C. 2121 Inui, H. 10755 Invernizzi, C. 6578 Inza, V. H. 12738 Inzé, D. 2335, 7298, 8176, 10215, 11472, 11732, 12699, 13436 Ioan, I. 10247-10248, 10282 Jordanov, V. 6162 Ipacs, I. 11899 Ipsen, A. 13515 Ipsen, H. 11211 Ipsilandis, C. 5508 Iqbal, M. 2351 Iqbal, N. 1423 Iqbal Singh 2430 Iratni, R. 4744 Irdani, T. 12384 Ireland, H. 984 Irifune, K. 8789 Irijimovich, V. 12341 Irijimovich, V. 12341 Iriki, N. 2465 Iriondo, J. M. 8979 Irish, E. E. 3563, 12883 Irish, V. F. 10140 Iritani, M. 13156 Irkaeva, N. M. 3910 Irkaeva, N. M. 3910 Irrgang, K. D. 10735 Irvine, J. E. 2075 Irwin, J. A. G. 3693, 8197, 9325, 13093 Irwin, S. V. 7022 Irzykowski, W. 9532, 10748 Isaac, P. G. 4215 Isaacs, R. 5965 Isaakidis, A. 6064 Isac, V. S. 4851 Isagi, Y. 3217, 12502 Isakov, Yu. N. 6283, 9935 Isaksson, J. 7733 Ise, K. 13002 Isebrands, J. G. 1007, 13496 Isebrands, J. G. 1007, 13496 Iseli-Gamboni, B. 11120 Iser, M. 7819 Ishibashi, N. 8104 Ishida, B. K. 5915 Ishida, B. K. 5915 Ishida, C. 6488 Ishida, I. 7006 Ishida, M. 2241 Ishida, N. 372 Ishige, T. 10755 Ishiguro, K. 5838, 9545 Ishiguro, Y. 10820 Ishihara, K. 138, 5598 Ishihara, Y. 6276 Ishii, H. 12173 Ishii, K. 1021 Ishii, T. 364, 2876, 4548, 6398 Ishikawa, K. 1120, 5946, 12121 Ishikawa, M. 780, 3410, 7738, 12525 Ishikawa, R. 430, 3638, 8217 Ishikawa, R. 430, 3638, 8217 Ishikawa, T. 4745, 7045 Ishimaru, K. 720, 1499, 8876 Ishimizu, T. 4798, 12169 Ishimoto, M. 3747, 10727 Ishin, A. G. 332 Ishita Ahuja 12292 Ishitani, M. 2355, 11464 Ishizaki, R. 8336 Ishiga, M. 618 Ishtiaq, M. 618 Isidrón, M. 1995, 6060, 72 9724-9726 Işık, F. 2171, 12470 Isik, K. 2172, 2174, 2190 Iskandar, H. M. 10207 Isla, R. 7899 Islam, A. 7146 Islam, A. K. M. R. 4416 Islam, A. S. 1571 Islam, B. N. 341 Islam, Z. 1571 Islam, Z. 1571 Isidrón, M. 1995, 6060, 7234, Islam-Faridi, M. N. 2604, 6729, 11746, 12082

Islamgulov, D. R. 11072 Islamov, A. R. 10420 Isleib, T. G. 3985 Ismael, F. M. 11044, 11052 Ismagilov, R. R. 11072 Ismail, A. A. 9058 Ismail, A. M. 664, 9498 Ismail, I. 1877 Ismail, I. I. 8273 Ismail, M. H. 4698 Ismail, N. H. 4698 Ismail, M. H. 4698 Isobe, M. 2233 Isogai, A. 2018, 3964, 9572 Ison, D. 12346 Israel, Israeli Fund for Advancement of Research on and Development of Pesticides Development of Pesticides 10095
Israeli, Y. 7218
Issakidis-Bourguet, E. 5553
Isshiki, M. 11801
Isshiki, S. 720, 775, 790, 2923, 2926, 12060, 12117
Istrate, M. 10874, 10889, 10896, 10901
Iswanto, A. 2097, 9874
Itadani, H. 381 Italy, Società Orticola Italiana 2272 Itamura, H. 4928 Itani, T. 1596 Itano, M. 4977 Ito, E. 2542, 2554, 7941, 7960, Ito, E. 2542, 2554, 7941, 7960, 9132-9133
Ito, H. 922, 7063
Ito, K. 3365, 6264, 7893
Ito, M. 631, 5134, 8828, 12930
Ito, M. F. 6916
Ito, N. 4789
Ito, T. 417, 13156
Ito, Y. 802, 2876, 6613
Itoh, H. 11580, 13428
Itoh, K. 372, 1369
Ittenbach, S. 3804
Ittu, G. 3493, 4414, 4424
Ittu, M. 4414, 4424
Iturriagagoitia-Bueno, T. 13277 Iturriagagoitia-Bueno, T. 13277 Iturritxa, E. 12036 Itzhaki, H. 5105, 7110, 9628, 9889 Iuchi, S. 12656 Iusem, N. D. 9583 Iuseili, N. D. 9383 Ivancic, A. 7023 Ivanishchev, V. V. 1324 Ivanoski, M. 9030 Ivanov, D. 5961-5962 Ivanov, P. 3111, 6092-6093, 7310 Ivanov, S. 5479, 10464 Ivanov, Zh. 9839 Ivanova, I. 3111, 5479 Ivanova, K. 9838 Ivanova, L. 7396 Ivanova, M. 10395 Ivanova, R. 11026 Ivanova, V. 6877 Ivanović, M. 5530 Ivaşcu, A. 10909, 10911 Īvashchenko, Ī. V. 3793 Ivashchenko, I. V. 3793 Ivens, B. 7453 Ivers, D. 5735 Iversen, C. 7035 Iversen, T. H. 879 Ivey, P. W. 1810 Iwabuchi, A. 381, 3965, 11014 Iwabuchi, M. 4343, 7786 Iwahori, S. 1893 Iwai, S. 5228, 13193 Iwai, T. 9041 Iwamasa M. 850 Iwamasa, M. 850 Iwamasa, M. 830 Iwamatsu, A. 7107 Iwamoto, M. 5215, 11828 Iwanaga, M. 683, 696, 8876 Iwanami, S. 922 Iwano, M. 9572 Iwanowska, A. 9781 Iwaro, A. D. 933-934, 4016, 8633 Iwasa, T. 5450 Iwasa, Y. 2372 Iwasaki, M. 10575 Iwasaki, S. 5585

Iwasaki, T. 2356, 11780, 12377, 13073 Iwase, M. 8828 Iwashita, F. 11920 Iwata, H. 12064 Iwata, H. 12064
Iwata, M. 1610
Iwata, N. 362, 401, 449, 6789, 6833, 8045, 8107, 10538
Iwatsubo, Y. 1926, 12202
Iwkiewicz, J. 2340
Iyengar, B. R. V. 3928
Iyer, K. R. K. 6193
Iyer, L. M. 7693
Iyer, M. 9875
Izawa, T. 372, 8059, 11801, 11856
Izhar, S. 1102, 4846, 7549 Izhar, S. 1102, 4846, 7549 Izhlar, S. 1702, 4846, 7349 Izquierdo, J. 5858 Izui, K. 3724, 5302, 5496 Izumi, K. 3672 Izumi, M. 12930 Izumi, Y. 3623, 3625 Izum, Y. 3623, 3623 Izzi, G. 6568 Jaag, T. 12085 Jaaska, V. 1661, 11893 Jabbar, A. 10308 Jabbo, N. F. 9169 Jabrowski, I. 1903 Jabs, T. 1206-1207, 13225 Jacas, J. A. 3943 Jachuck, P. J. 416, 12961 Jacinto, T. 8365 Jackin, A. 6180 Jäck, J. 5086 Jackes, B. R. 12348 Jacklin, A. W. 2715 Jackman, M. 9149 Jackson, B. E. 1057 Jackson, D. 10431 Jackson, D. M. 967 Jackson, D. S. 1518 Jackson, J. D. 10383, 10391-10392 Jackson, K. E. 9812 Jackson, M. T. 349, 6768, 8049, 9234, 9237, 9276 Jackson, S. A. 2526, 9189, 12938 Jacob, Y. 11284 Jacob-Cervantes, V. 6292 Jacob-Wilk, D. 1988 Jacobi, C. M. 11490 Jacobo, J. L. 8271 Jacobo, J. L. 8271
Jacobs, A. 8924
Jacobs, J. 1819
Jacobs, J. J. M. R. 2101
Jacobs, M. 4752, 10207, 12376
Jacobs, T. 219
Jacobs, T. V. 13485
Jacobsen, E. 677-678, 1781,
2224, 2878, 2893, 3295,
3790, 3971, 4681, 4688,
5799, 5863, 6981-6982, 9538,
10030, 10739, 10749, 12029,
12047, 13159
Jacobsen, S. E. 4572 Jacobsen, S. E. 4572 Jacobson, Y. 3829 Jacotã, A. 5308 Jacquemart, A. 6312 Jacquemart, A. L. 3907, 11230 Jacquemin, J. M. 1396, 9113 Jacquemond, M. 4206 Jacques, D. 9933 Jacquet, C. 5024, 11135 Jacquin-Dubreuil, A. 11109 Jacquot, J. P. 1719 Jacquot, M. 7647 Jadas-Hécart, J. 6867 Jadhav, A. S. 6853, 11867 Jadhav, S. B. 11059 Jaen, A. E. 9209 Jafar, R. 13593 Jagadeesh, B. N. 12302 Jagadeeshwar, R. 3727 Jagannath, D. P. 7309 Jagendorf, A. T. 5232 Jager, K. 7438 Jager, M. 11194 Jager, S. de 9149 Jaglan, R. S. 3327, 3465 Jaglo-Ottosen, K. R. 5258, 7734

Jagmeet Kaur 8286
Jagodziński, J. 12819
Jagoueix, S. 4560
Jagshoran 11623
Jagtap, D. R. 12417
Jagtap, K. B. 2922
Jagusiak, W. 9778
Jahier, J. 12769
Jahn-Deesbach, W. 5384
Jähne-Gärtner, A. 7905, 7907
Jahnke, A. 9520
Jahoor, A. 229, 4314
Jahufer, M. Z. Z. 539, 4602
Jai Dev 610, 1698, 11970
Jai Singh 981 Jai Singh 981 Jaideep Mathur 10145 Jaillard, B. 7951 Jaimini, S. N. 10743 Jain, A. K. 3598, 4466 Jain, B. P. 2904, 2912, 8471 Jain, K. C. 658-659, 1735, 1738, 6960, 8293 Jain, N. 5283 Jain, R. K. 6756, 6803, 6807 Jain, S. 6756 Jain, S. C. 7017 Jain, S. K. 3598, 4466 Jain, S. M. 6554, 8876, 10114 Jainick-Buckner, D. 9162 Jaisani, B. G. 2 Jaisani, P. 2063, 2067 Jaiswal, J. P. 2978 Jaiswal, P. 9191 Jaiwal, P. 12935 Jaiwal, P. K. 8912, 13147, 13628 Jaizme, M. del C. 13313 Jakab, G. 4206, 10751 Jakhar, M. L. 2243 Jakhmola, S. S. 5782 Jakkula, L. R. 2058 Jakobsen, H. B. 1064 Jakobsen, K. S. 1449 Jakobsen, K. S. 1449
Jakubowski, T. 10931
Jalali, B. L. 5775
Jalani, B. S. 3980
Jalikop, S. H. 7252
Jalil, S. A. 12791
Jahli-Marandi, R. 13300 Jalli, M. 7901, 12796 Jalouzot, R. 2197, 11969 Jamaux, I. 2041 James, A. 1631 James, A. R. 3675 James, B. R. 592 James, C. 8911, 11407 James, C. L. 1663 James, D. J. 2991, 8396 James, J. D. 12214 James, J. W. 98 James, M. G. 7928, 10472 James, P. E. 12638 James, R. R. 6261, 12440 James, R. V. 9534 James, S. 8934 James, R. V. 9334
James, S. 8934
James, S. 8934
James, S. H. 3305
Jameson, P. E. 8646
Jamieson, A. R. 4825
Jamilena, M. 10843, 11283
Jamriška, P. 11866
Jamwal, M. 7582
Jan, C. C. 3975, 4969, 12315
Jan, M. 12848
Jan ChaoChien 3975
Janardhanan, K. 4679
Jančić, B. 11093-11094
Janculoff, Y. 1154
Janda, T. 3438
Jandrositz, A. 11850
Jane, J. L. 10472
Janeiro, L. V. 6315, 8742
Janes, H. W. 13209
Jang, H. J. 5222, 10211, 12620
Jang, Y. S. 9364
Jang HyunJung 5222, 10211, 12620
Jang YoungSun 9364
Lyrick, L. 1002 Jang YoungSun 9364 Janick, J. 1902 Jänicke, R. U. 12658 Jank, L. 6735 Jankovsky, J. P. 10452

Jankulovski, D. 8392, 10811 Janoria, M. P. 11822, 12991 Janos, T. 12121 Janoušek, B. 10014 Jänsch, L. 12023 Janse, J. 9642, 12154 Jansen, G. 2529 Jansen, J. 4072, 6309, 7671, 8966 Jansen, R. 7358 Jansen, R. C. 938, 7700 Jansen, R. K. 4140, 10022 Jansens, S. 1535 Janska, H. 11971 Janska, H. 11971 Jansone, B. 2690 Janssen, B. J. 739, 2989, 4763, 13211, 13573 Janssen, E. M. 13159 Janssen, G. J. W. 1784, 1786 Janssen, R. 1781, 1784 Jansson, S. 236 Janusz, A. 4456 Jaouad, A. 3006 Japan, National Institute of Agrobiological Resources Agrobiological Resources 1229, 10094 Japan, National Institute of Genetics 11343 Jaquish, B. 9984 Jaquisil, B. 9364 Jaramillo, A. 9128 Jaramillo, J. L. 1719 Jardin, P. du 3789 Jarillo, J. A. 4276, 5257, 6505, 7720, 8900 Jarosch, B. 3532 Jarosz, A. M. 3746 Jarrah, M. 12737 Jarrell, D. C. 1079 Jarret, R. L. 2976, 5968, 6040, 6045 Jarvie, J. K. 12427 Jarvik, T. 11939 Jarvis, C. E. 6342, 6383 Jarvis, D. 11371 Jarvis, S. B. 1053, 4098 Jarzabek, B. 12837 Jasbir Singh 7605 Jashimuddin, M. 11190 Jasik, J. 11329
Jaskiewicz, B. 12849
Jassem, M. 6153, 7357
Jasso Mata, J. 7471
Jatisatienr, A. 1167
Jatisatienr, C. 1167
Jauhar, P. P. 1395, 2403, 12724
Jaumot, M. 13313
Javier, E. L. 9208
Javor, P. 5322, 10243, 1025510256, 12715
Javornik, B. 12071
Javouhey, M. 4834
Jay, M. 5096
Jay-Allemand, C. 13340 Jasik, J. 11329 Jay-Allemand, C. 13340 Jayabalan, N. 2057, 6104, 8569, 8577, 8850 Jayabaskaran, C. 5202, 5565, 5974 Jayapragasam, M. 1579 Jayaramaiah, H. 12302 Jayaraman, N. 6744, 8026 Jayarame Gowda 2035 Jayasekera, N. E. M. 7421 Jayashankar, S. 9718 Jayasree, T. 762 Jaylal Mahto 578 Jażdżewska, E. 4996 Jaziri, M. 8876 Jean, M. 13353 Jeandroz, S. 2162 Jeandroz, S. 2162 Jeanloz, E. 9991 Jebaraj, S. 8038 Jeddeloh, J. A. 10151 Jedel, P. E. 2533 Jedyński, S. 7788 Jeffcoat, R. 9172 Jefferies, R. A. 12802 Jefferson, P. A. 4061 Jeffries, S. P. 9115 Jekkel, Z. 9958

Jelaska, S. 9965, 11109 Jelenić, S. 9946, 9965, 9976 Jelenkovic, G. 759, 7094 Jelenkovic, G. L. 8385 Jeleńska, J. 2757 Jellen, E. N. 4469 Jeller, H. 1646 Jellovac, D. 7656 Jelovac, D. 7656 Jena, B. C. 919 Jena, K. K. 12953 Jena, K. K. 12933 Jenczewski, E. 516, 8190 Jenkins, C. L. D. 3281, 6862 Jenkins, G. I. 3737, 4486, 5231 Jenkins, J. 1011 Jenkins, J. 1011 Jenkins, J. N. 979, 4052 Jenkins, S. M. 5915 Jenks, J. W. 2709 Jennings, C. 10998 Jenny, C. 3064, 13307 Jenö, B. 1168 Jensen, A. B. 322, 6698 Jensen, C. S. 3219, 7443-7444 Jensen, E. O. 5736 Jensen, H. P. 256, 2469 Jensen, J. 2469 Jensen, J. S. 7438, 8719 Jensen, K. B. 1635, 6871 Jensen, P. J. 4223 Jensen, P. J. 4223
Jensen, R. G. 13430
Jensen, S. 5545
Jensen, S. G. 1529, 3586
Jensen, V. 7438
Jensen, W. A. 5280
Jeon, H. Y. 1872
Jeon Heung Yong 1872
Jeong, H. W. 1805, 4738
Jeong, S. S. 9302
Jeong, S. Y. 9224
Jeong HyeWook 1805, 4738
Jeong SheopShin 9302
Jeong Sun Yong 9224
Jepson, I. 12375 Jepson, I. 12375 Jerković, Z. 7904, 9005 Jermyn, W. A. 9481 Jérouville, B. 9895 Jerzmanowski, A. 2340 Jerzy, M. 7535, 7539 Jespersen, H. M. 43, 12627 Jesse, T. 5932 Jessen, H. 1678 Jessen, H. 1678 Jessop, A. C. 6698 Jessop, R. S. 11689 Jestrović, Z. 7836 Jeu, M. J. de 1109, 1338, 2224, 3295, 10030 Jevtić, R. 7904, 9005 Jevtić, S. 11351 Jewell, D. C. 3589, 7977, 7987, 12899 Jeyaprakash, P. 1541 Jezierski, A. 11559 Jha, B. N. 3643 Jha, D. K. 8288, 8300 Jha, K. P. 1558 Jha, P. B. 7816 Jha, P. B. 7816 Jhorar, B. S. 2245, 3328 Ji, C. 593, 11936 Ji, D. F. 2810, 3194, 9400 Ji, H. Q. 977, 7937 Ji, L. Y. 7937 Ji, W. Q. 11583 Ji Cheng 593, 11936 Ji DaoFan 3194 Ji DaoFan 3194 Ji DongFeng 2810, 9400 Ji HaoQin 977 Ji HongQiang 7937 Ji LiangYue 7937 Ji WanQuan 11583 Ji WanQuan 11583 Jia, C. 8824 Jia, C. Z. 3544 Jia, J. 4364, 5344, 10805 Jia, J. F. 5716, 8231, 8233 Jia, J. H. 3343, 12575 Jia, J. Z. 8153, 10511, 11884 Jia, K. L. 9633 Jia, L. R. 4506 Jia S. F. 5377 Jia, S. E. 5377 Jia, S. F. 7945 Jia, S. R. 3206, 6426, 9434 Jia, S. X. 7945 Jia, W. 4545

Jia, X. 5377 Jia, Y. J. 2238, 7489, 8509 Jia ChangZhu 3544 Jia Jian 10805 Jia JianHang 3343 Jia JianHua 12575 Jia JingFen 8231 Jia JiZeng 8153, 10511, 11884 Jia KeLi 9633 Jia KeLi 9633 Jia LiaoRan 4506 Jia ShiFeng 7945 Jia ShiRong 3206, 6426 Jia ShuangE 5377 Jia Wei 4545 Jia Xu 5377 Jia YongJiong 2238, 7489, 8509 Jiang, A. X. 158 Jiang, B. Z. 4534 Jiang, C. 3589, 11741, 12897, 12899 Jiang, C. J. 4227, 5489 Jiang, C. Z. 5228, 5240, 8955 Jiang, G. L. 2466, 2468 Jiang, G. M. 8010, 11884 Jiang, H. F. 4979 Jiang, J. 2526, 5342, 9189 Jiang, J. G. 11159 Jiang, J. H. 7486 Jiang, J. M. 13259 Jiang, K. F. 11810 Jiang, L. 11212 Jiang, L. 11212
Jiang, L. R. 724
Jiang, L. W. 1717
Jiang, M. L. 4634
Jiang, Q. 13288
Jiang, Q. H. 1598
Jiang, Q. Y. 2758
Jiang, S. H. 1604
Jiang, S. X. 7957
Jiang, S. Y. 7132
Jiang, Y. H. 9215
Jiang, Y. H. 9215
Jiang, Y. T. 10818 Jiang, Y. T. 10818 Jiang, Y. W. 770, 5891, 12140 Jiang, Y. W. 770, 1 Jiang, Y. X. 3205 Jiang, Z. M. 8491 Jiang, Z. W. 1953 Jiang Aixiang 158 Jiang BoZhang 4534 Jiang CaiZhong 5228 Jiang ChangJian 4227, 5489 Jiang ChunXiao 12414 Jiang GuanMin 8010, 11884 Jiang GuanMin 8010, 11884 Jiang GuoLiang 2466, 2468 Jiang HuiFang 4979 Jiang JiaHua 7486 Jiang JiMing 12938, 13259 Jiang JinGen 11159 Jiang KaiFeng 11810 Jiang Ling 11212 Jiang LiRong 724 Jiang LiRong 724
Jiang LiWen 1717 Jiang MuLan 4634 Jiang QinHua 1598 Jiang Quan 13288 Jiang QunYi 2758 Jiang ShiHong 1604 Jiang ShunYuan 7132 Jiang SiXia 7957 Jiang YiWei 770, 5891, 12140 Jiang YongXing 3205 Jiang YouQuan 4614 Jiang YouTiao 10818 Jiang ZaiMin 8491 Jiang ZhengWang 1953 Jiao, D. M. 9281 Jiao, G. L. 5030 Jiao DeMao 9281 Jiao GaiLi 5030 Jie, C. F. 9376 Jie, S. H. 4337 Jie ChuanFa 9376 Jie ShengHui 4337 Jillani, S. K. 13024 Jiménez, A. 5760 Jiménez, M. M. 6689 Jiménez-Díaz, R. M. 13140 Jin, D. M. 10369 Jin, D. Y. 10898 Jin, F. 6980 Jin, G. 4101

Jin, H. J. 6402 Jin, J. B. 10211, 12620 Jin, Y. 7903 Jin, Y. F. 10859 Jin, Z. Q. 9825 Jin DianYi 10898 Jin Fu 6980 Jin Gang 4101
Jin HyungJoo 6402
Jin JingBo 10211, 12620
Jin YongFeng 10859
Jin ZhiQiang 9825
Jindal, Y. 176
Jing, G. 1604
Jing, J. K. 3374, 3526, 6559
Jing, J. S. 11013
Jing, R. C. 2641
Jing, S. R. 5037
Jing Ge 1604
Jing JianKang 3374, 3526 Jin Gang 4101 Jing JianKang 3374, 3526 Jing JunSheng 11013 Jing RunChun 2641 Jing ShenRong 5037 Jinu Devi 12976 Jividen, G. 6221, 8682 Jo, J. K. 3089, 5021, 9546, 9792, 12051, 13349 Jo JinKi 3089, 5021, 9546, 9792, 12051, 13349 Joachimiak, A. 4591 Joachimiak, M. 4340 Joarder, O. I. 4904 Job, D. 1715 Jobin, M. 13324 Jobin, M. 13324 Jobin-Decor, M. P. 853 Jobst, J. 11181 Jocković, Đ. 7948, 11712 Jodari, F. 1565 Joel, A. J. 10506 Joel, D. M. 4705 Joeph M. 7356, 0846 Joersbo, M. 7356, 9846 Joffe-Garfias, A. E. 480 Jogloy, S. 2067 Johal, G. S. 283, 6725, 9162, 11739, 11882, 13629 Johannisson, A. 10736 Johannsen, W. 6529 Jóhannsson, M. H. 787, 3421, 13250 Johansen, B. 3137 Johansen, C. 1728, 12008 Johansson, C. 2738 Johansson, E. 6599 Johansson, H. 9035 Johansson, I. 8359 Johar Singh 12332 Johari, D. 6131 Johari, R. P. 3593 John, A. 5078 John, C. K. 7613 John, H. 12110 John, I. 289 John, M. E. 4054 John, R. P. 2240 John, S. A. 10724 John Tooby and Co Ltd 9993 Johnsen, K. H. 12474, 13501 Johnson, A. M. 543 Johnson, A. W. 967 Johnson, B. 1480, 3549, 12906 Johnson, B. E. 1481, 1518, 2581, 2608-2609, 9130, 10352 Johnson, B. J. 2205 Johnson, C. E. 3906 Johnson, C. W. 2631-2632, 2634 Johnson, D. A. 1635, 5663, 6654, 6868, 8323 Johnson, D. E. 4569 Johnson, D. L. 3098 Johnson, E. L. 4178 Johnson, G. I. 11347 Johnson, G. R. 7484, 11208 Johnson, J. 9445 Johnson, J. B. 7872 Johnson, J. C., Jr. 1516 Johnson, J. L. 5566 Johnson, J. T. 3189, 3200 Johnson, J. W. 1390, 1441, 2611, 5412 Johnson, J. 9445

Johnson, K. A. 86, 6542, 7538 Johnson, K. B. 2009 Johnson, L. A. S. 11177 Johnson, L. B. 8658 Johnson, L. D. 9328 Johnson, M. 10159 Johnson, M. A. T. 3304 Johnson, P. G. 1622-1623, 2726, 5651, 9320 Johnson, R. C. 13035 Johnson, S. 4656, 6474 Johnson, S. R. 10656 Johnson, S. 4656, 6474 Johnson, S. B. 10656 Johnson, S. C. 9416 Johnson, S. J. 1810 Johnson, S. L. 8743 Johnson, U. E. 13117 Johnson-Cicalese, J. 8165 Johnson-Cicalese, J. M. 2705 Johnson-Flanagan, A. 12290 Johnsson, A. 879 Johnsson, I. 10581 Johnston, G. R. 13155 Johnston, H. W. 5325, 9009 Johnston, M. 7374 Johnston, M. E. 8825 Johnston, M. E. 8825 Johnston, M. O. 12684 Johnston, R. H. 1384 Joksimović, J. 8533 Jolley, D. von 8267 Joly, H. I. 8968 Jomori, H. 4230 Jonak, C. 12631 Jonas-Straube, E. 6469 Jones, A. S. 4577 Jones, A. T. 9669 Jones, B. 2949, 3837 Jones, B. L. 1454, 5440, 7894, 10326 10326 Jones, C. A. 12932 Jones, C. G. 7057, 10015 Jones, C. J. 38 Jones, C. J. 38 Jones, D. A. 3841, 4772, 11008 Jones, D. L. 203, 9987 Jones, D. R. 1963 Jones, G. 6487 Jones, G. 6487 Jones, G. P. 2255 Jones, H. 9931 Jones, H. D. 1475 Jones, H. G. 741 Jones, J. B. 3840, 8380 Jones, J. D. G. 2359, 3841, 4772, 6169, 12090, 13222 Jones, J. E. 2134-2136, 13475 Jones, J. T. 12603 Jones, M. G. K. 12409, 12571, Jones, M. P. 4541, 4569, 6801, 8092
Jones, N. 1289
Jones, P. G. 606
Jones, P. L. 9488
Jones, R. A. C. 2744, 12409
Jones, R. B. 8729
Jones, R. L. 6658
Jones, R. M. 595, 8227
Jones, R. M. 595, 8227
Jones, R. M. 567, 1339, 5466
Jones, S. S. 2464, 4427; 11645
Jones, T. 7640
Jones, T. A. 5663, 9315
Jones, W. E. 12540
Jong, H. de 13165
Jong, J. H. de 5913, 6690, 13606 Jong, H. de 13165 Jong, J. H. de 5913, 6690, 7059, 11684 Jong, T. M. 9733 Jong TruMing 9733 Jonsson, H. 3086 Jönsson, H. A. 2697 Jönsson, R. 9110, 12796 Jonušytė R. 2754, 2830 Jonsson, R. 9110, 12/96 Jonušytė, R. 2754, 2830 Jood, S. 3705 Joosten, M. H. A. J. 7079 Joppa, L. R. 1416, 5378 Jordá, C. 4773, 5959 Jordan, A. P. 4092 Jordan, B. G. 1427 Jordan, B. R. 2839, 12614, 12638 12638 Jordan, D. R. 9188, 10509 Jordan, E. T. 3534, 4470 Jordan, M. 1173, 3074, 7239

Jordan, W. R. 11730 Jordana, X. 13157 Jordano, J. 3979, 7312 Jorge, I. C. 1131 Jørgensen, J. 5736 Jørgensen, J. H. 256, 2469, 5446 Jørgensen, J. R. 6575 Jørgensen, L. N. 5317 Jørgensen, P. M. 11193 Jorgensen, R. A. 1100, 5207, 6352 Jørgensen, R. B. 873-874 Jorquera, M. J. 5257 Jos, J. S. 2891, 2894 Josan, A. S. 142 Josè-Estanyol, M. 7935, 9155 Josefsson, L. G. 4251 Joseph, L. 8852 Joseph, L. 6852 Joseph, R. G. 10367 Joseph, T. 6781, 6836 Joseph, T. A. 5807 Joshee, N. 6822 Joshi, A. K. 167, 609, 3833, 7047 Joshi, A. S. 8727 Joshi, B. D. 10110 Joshi, C. P. 1426, 3382, 11394 Joshi, K. D. 347, 3602, 3647, 3656, 6750, 6810 Joshi, K. D. 341, 3602, 3641, 3656, 6750, 6810
Joshi, M. 7612
Joshi, M. S. 7613
Joshi, N. C. 7645
Joshi, O. P. 9422
Joshi, S. S. 7309
Joshi, V. R. 2840
Joshua, D. C. 8520, 9351
Jossi, W. 224
Jost, J. P. 3174
Jouan, B. 13168
Jouanin, L. 998, 3222, 4222, 5062, 7447, 11023, 11185, 12453, 13340
Joubert, F. J. 1966, 2096
Joudrier, P. 6606
Joudrier, P. 6606
Jouenne, T. 4876
Joufra, H. B. 7454
Jouke, T. 6182
Joung, H. 9518 Joung, H. 9518 Journon, M. F. 7931 Journet, E. P. 10613 Jouve, N. 4445 Jovanović, B. 5385, 9390, 10741 Joy, P. P. 13595 Joyard, J. 8930, 10682 Joyce, D. C. 11347 Joyce, P. A. 13398 Ju, H. J. 3640 Ju, Z. C. 4369 Ju, Z. C. 4369 Ju HoJong 3640 Ju ZhengChun 4369 Juang, R. H. 9500 Juang RongHuay 9500 Juárez, J. 846, 4910 Judd, W. S. 1122, 11316 Juenger, T. 4137 Jugović, Z. 5380 Jugovich, Z. 5380 Juhasz, G. A. 6930 Jui, P. 1452 Juliani, H. R. 6900 Juliani, H. R. 6900 Juliano, A. B. 9234, 9237, 9276 Juliano, B. O. 8086 Juliatti, F. C. 13182 Julier, J. L. 4759 Julier, B. 526, 8173, 8187, 9327, 9329, 11904 Jullien, F. 10069, 13598 Jullien, M. 2113, 13173 Jun, B. T. 9212-9214 Jun, D. 4540 Jun, H. P. 6905 Jun ByungTae 9212-9214 Jun Duan 4540 Jun HuangPu 6905 Jundulas, J. 10732-10733, Jung, C. 924, 2094, 4753, 5430, 6156-6157, 7050, 11382 Jung, C. S. 9482

Jung, H. G. 529, 3182, 5521 Jung, H. J. 2116, 9627 Jung, R. 3170, 8641 Jung, S. 10823 Jung ChanSik 9482 Jung Holung, 9627 Jung Chansik 9482 Jung HoJung 9627 Junghanns, W. 1189 Junghanns, W. R. 1432 Junttila, O. 1657, 4073 Juráček, L'. 8235 Jürgens, G. 7715 Jürgens, H. U. 247 Jurkevitch, E. 523 Just, D. 10922 Jutzi, S. C. 199 Juuti, T. 4389 Juvik, J. A. 9165 Jůzl, M. 13163 Jyostnamayee Biswal 6818 Jyothi, D. P. 4008 Jyoti Gaikwad 8449 Ka, J. O. 5026 Ka JongOk 5026 Kaan, F. 13368 Kaas, R. 2269 Kabbaj, A. 2032 Kabelia, A. 2032 Kabeerathumma, S. 3351 Kabelka, E. 1888, 2979 Kabić, D. 6144, 11073, 11093-11094 Kabir, G. 3456 Kabir, K. A. 2663 Kabir, M. A. 2668 Kač, M. 8858 Kachapur, M. D. 337 Kachman, S. D. 9130 Kacser, H. 12676 Kączkowski, J. 3540 Kaczmarek, J. 12822 Kaczmarek, Z. 7673, 7880-7881, 7885, 8009, 8871 Kaczorowska, K. 10321 Kaczorowski, G. 7025 Kade, M. 9026 Kadhem, A. K. 7868 Kadian, S. P. 2074, 11061, 12349 Kadir, G. 8540 Kachman, S. D. 9130 Kadir, G. 8540 Kadir, S. 4663 Kadlec, M. 9374 Kadłubiec, W. 12822 Kado, C. I. 12383, 13624 Kadokura, H. 9637 Kadokura, K. 4625, 11935 Kadowaki, K. 6767, 10535, 10924, 13258 10924, 13258
Kadyrzhanova, D. K. 7071
Kaeppler, H. 2409
Kaeppler, S. 2409
Kaeppler, S. M. 92, 1529, 2551, 3586, 5477, 5545
Kafka, M. 5488, 6531
Kafkas, S. 4830
Kaga, A. 10727
Kagami, Y. 8876
Kagan, I. 1327
Kage, T. 8814
Kageyama, P. Y. 11102 Kageyama, P. Y. 11102 Kahana, A. 13261 Kahane, R. 3812 Kahl, G. 5843, 6463, 11998, 12004 12004
Kahler, A. L. 4969
Kahlon, R. 2837
Kahn, F. 12591
Kahn, R. A. 4517
Kahng, H. Y. 10846
Kahng HyungYeel 10846
Kai, M. 2236
Kai, N. 2018
Kai, Y. 9496
Kaide, N. 12024 Kaide, N. 12024 Kailash Kumar 8029 Kailash Singh 7593 Kaimori, N. 8217 Kairallah, M. M. 3589 Kaiser, B. N. 10690, 13085 Kaiser, W. J. 635, 1730, 5770-5772, 11999-12000, 12005 Kaizuma, N. 9393, 10644 Kaji, H. 5335

Kaji, K. 5897 Kaji, R. 465 Kajita, S. 953 Kajita, T. 1670 Kajiwara, H. 12937 Kajiwara, H. 12937 Kajiya, H. 380, 5582 Kak, S. N. 5156, 6660 Kakar, M. S. 10481 Kakihara, F. 11232, 13195 Kakimoto, T. 71 Kako, S. 6362, 6365, 8820 Kakuta, H. 2559 Kakutani, T. 3398 Kala, R. 7662 Kalaimagal, T. 652 Kala, K. 7002 Kalaimagal, T. 652 Kalaimani, S. 8551 Kalaimani, T. 6132, 9828, 12352 Kalamani, A. 12921 Kalantidis, K. 63 Kałasa-Janowska, M. 11016 Kalashnik, N. 9969 Kalashnikova, N. V. 6989 Kalayci, M. 4318, 4373, 4415 Kalbin, G. 4658 Kaldenhoff, R. 64, 7724 Kaldorf, M. 9154 Kale, P. B. 2981 Kale, P. N. 2922, 4765-4766 Kalendar', R. N. 6655 Kalfa, H. I. 198 Kalia, M. 10558 Kalia, S. 6170, 8915 Kalia, V. 11734 Kalifa, K. 3761 Kalinina, S. 2502 Kalinina, S. I. 6876 Kalinova, M. G. 6089, 13361 Kalita, M. K. 13017 Kalita, U. C. 10566 Kallak, H. 6339 Kállay, E. 1919 Kalloo 13227 Kaló, P. 5684 Kaloshian, I. 5932, 13228 Kaloshan, R. 654-655 Kalpande, H. V. 1751, 8677, 12420 Kalra, A. 7603 Kaltchuk-Santos, E. 579 Kalton, R. R. 1626 Kalyani Deshpande 11763 Kamachi, S. 3862 Kamada, H. 8791, 10016, 10757 Kamada, T. 5170 Kamal, H. M. 8451 Kamalam, P. 2902 Kamaluddin, M. 11190 Kamanishi, Y. 12582 Kamanoi, M. 9018 Kamasani, U. 11774 Kamat, D. N. 12344 Kamaté, K. 6880 Kambod Singh 7593 Kamendra Singh 9421 Kamenetsky, R. 10782 Kamenická, A. 1063 Kameya, N. 4230 Kameya, T. 387, 4747, 4751, 6558, 7754, 8991, 11836 Kamijima, O. 2876, 4548, 12024 Kamiński, M. 12840 Kamishev, K. 5573 Kamiya, Y. 3754, 4479, 8944, 10179, 12640 Kamla Singh 10729 Kamler, F. 2033 Kamm, A. 3418 Kammen, A. van 1817, 2755, 2886, 4047, 4659, 7059, 10759, 13208 Kammerer, B. 4499 Kammholz, S. J. 1400 Kamo, K. 7558 Kamolrat, B. 1167 Kamoshita, A. 9197 Kamoun, S. 12038

Kamoun-Mehri, R. 7324

Kampen, M. van 11427 Kampfenkel, K. 10165

Author Index Kampfer, S. 12230 Kamps, T. L. 296 Kamstra, S. A. 3295 Kamunya, S. M. 4102 Kamynina, T. N. 6549 Kan, J. A. L. van 7080 Kan, L. Yu. 7602 Kana Talukdar 5865 Kana Talukdar 5865 Kanai, S. 12630 Kanakamany, M. T. 6781 Kanamadi, V. C. 7064 Kanapeckas, J. 2700 Kanashiro, M. 3960 Kanayama, Y. 10814 Kanazawa, A. 382, 402, 5728, 7028, 9373, 9436, 11938, 12940 Kanbe, M. 4600, 11896 Kanbe, M. 4600, 11896 Kandalkar, H. G. 8071, 13024 Kandalkar, V. S. 6095 Kandasamy, G. 8661 Kane, M. V. 581, 585-586 Kaneda, Y. 4631 Kanekatsu, M. 12079 Kaneko, H. 12094 Kaneko, S. 138 Kaneko, H. 12094
Kaneko, S. 138
Kaneko, Y. 2015, 2917, 7273
Kanellis, A. K. 778
Kanellis, A. K. 778
Kaneyoshi, J. 6047
Kang, B. C. 4778-4779
Kang, C. H. 7333
Kang, C. L. 5610
Kang, C. Y. 13350
Kang, D. J. 9428
Kang, G. Q. 10803
Kang, H. K. 11720
Kang, J. R. 9213
Kang, J. R. 9213
Kang, J. R. 9213
Kang, J. Y. 1856, 9224, 9627
Kang, L. Y. 9708
Kang, M. H. 10249 Kang, M. H. 10249 Kang, M. R. 12936 Kang, M. S. 5197, 11830, 12898 Kang, N. J. 9627 Kang, N. K. 3834 Kang, S. G. 5222, 10211, 12620 Kang, S. H. 6003 Kang, S. H. 0003 Kang, S. M. 3953 Kang, S. S. 7141 Kang, S. T. 9361-9362 Kang, S. Z. 3455 Kang, W. K. 2234 Kang, X. Y. 7445 Kang ByoungCheorl 4778-4779 Kang ChulHwan 7333 Kang ChunLing 5610 Kang DongJu 9428 Kang GaoQiang 10803 Kang HeeKyoung 11720 Kang InKyu 12259 Kang JongRae 9213 Kang Kwang Yoon 1856, 9627 Kang Kyu Young 9224 Kang LiangYi 6090 Kang LiYuan 9708 Kang MingHui 10249 Kang NamJun 9627 Kang NamKill 3834 Kang SamSeok 7141 Kang SeongMo 3953 Kang ShaoZhong 3455 Kang ShinGene 5222, 10211, 12620 Kang SuHong 6003 Kang SungTaek 9361-9362 Kang SungTaek 9361-9362 Kang WonKyung 2234 Kang XiangYang 7445 Kangasjärvi, J. 993, 2957, 9942 Kangire, A. 3066 Kania, T. 66 Kaniewski, W. K. 3792, 3797 Kaniuczak, Z. 2481 Kaniuga, Z. 11733 Kanju, E. 2893 Kannaiyan, S. 8228, 10091 Kannangara, C. G. 4453, 5434, 7883 Kanno, A. 387, 4747, 4751, 6558, 8991, 11836

Kanno, T. 13244 Kanno, Y. 6348, 7548 Kano-Murakami, Y. 2117, 9246, 13427 Kanowski, P. J. 1042, 7470, 11200
Kant, L. 10701
Kanta, U. 7981, 7998
Kantanka, O. S. 8092
Kantharajah, A. S. 1996, 13330
Kanti Rekha 7601
Kanungo, P. K. 450
Kanwar, J. S. 10066
Kanyand, M. 2899
Kanyuka, K. 1781
Kanzaki, S. 3955, 4926, 12260
Kao, C. F. 2564
Kao, T. H. 4144
Kao TehHui 4144 11200 Kao TehHui 4144 Kapanadze, B. I. 10968 Kapanadze, I. S. 10968 Kapaun, J. A. 9896 Kaper, J. M. 7084 Kapétanidis, I. 7586 Kapil, R. N. 1359 Kapila, J. 3373 Kapila, R. K. 5640, 7591, 7791 Kaplan, D. R. 2374 Kaplan, H. 11854
Kaplinsky, N. K. 10441
Kapoor, A. C. 3705
Kapoor, H. C. 2295
Kapoor, M. L. 5065
Kapoor, S. 2268, 6166
Kappas, A. 2500
Kappel, F. 3888, 7157, 7627
Kappel, W. 12863
Käppeli, O. 11393
Kapranov, P. 1664, 11917 Kaplan, H. 11854 Käppeli, O. 11393 Kapranov, P. 1664, 11917 Kapros, T. 4595 Kapulnik, Y. 3691, 5688, 9889 Kapur, M. L. 3101 Kapusta, G. 4515 Kar, M. 452 Kara, N. 2172, 2174, 2190 Kara, Ş. M. 2120, 12747 Karachi, M. 563 Karagezov, T. 2107 Karagöz, A. 11529, 11661 Karakousis, A. 6609, 9115 Karagöz, A. 11529, 11661 Karakousis, A. 6609, 9115 Karakurt, R. 7065 Karale, M. U. 3596 Karamaligas, H. 5525 Karamura, E. B. 3066 Karan, D. 12916 Karban, R. 9679 Karchi, H. 7389 Kardolus, J. P. 6995-6996, 10747 10747 Kareem, A. A. 8106 Kärenlampi, L. 9942, 13491 Kärenlampi, S. 9942 Karenlampi, S. 9942 Kärenlampi, S. O. 12201 Karger, A. 3475 Kari, A. G. 4461 Karibe, H. 2636 Karim, A. G. A. 7536 Karim, M. A. 4732 Karimi, M. 3411 Kariyaratharain, T. V. 82 Karinii, M. 3411 Karivaratharaju, T. V. 8228 Karjalainen, R. 11677 Kärkkäinen, K. 2331 Karlowski, W. M. 5289, 5703 Karlsson, B. 1047, 11206, 13511 13511
Karlsson, M. 8359
Karmakar, K. 8460
Karmakar, P. G. 9405, 94089409, 9422, 9442
Karmarkar, S. M. 7645
Karn, J. F. 1620
Karnosky, D. F. 1009, 13496
Karol, K. G. 11503 Karolini-Skaradzińska, Z. 190, 2447, 7895
Karousou, R. 4192, 11337
Karp, A. 38-39, 4071, 4215, 5064 Karpas, A. 11211 Karpinski, S. 5760

Karra Sreenivasu 7093 Karrer, E. E. 4564, 6179 Karrou, M. 10297, 11629, 11631 11631 Karsai, I. 249, 4396, 4406, 5443 Karshiev, T. O. 2577 Karst, F. 4252 Kartel, N. 5465 Kartel, N. A. 12817 Karthikeyan, A. 6099 Karthikeyan, C. 6828 Kartofel' i Ovoshchi 2386, 10734, 11506 10734, 11506
Karunanandaa, B. 4144
Karunasakera, K. B. 7421
Karwasra, S. S. 7768, 7778
Kasahara, K. 1077
Kasai, K. 5350, 11639
Kasamo, K. 7637
Kasarda, D. D. 4398, 4400
Kasha, K. J. 2024, 2494, 2496, 4306, 5346
Kashi, Y. 7740
Kashikar, M. 6787, 6835
Kashkush, H. 13317
Kashyap, N. P. 12770 Kashyap, N. P. 12770 Kaşka, N. 4830, 13283 Kasno, A. 8581 Kasomgo, K. 12926 Kasrawi, M. A. 753 Käss, E. 569, 4611 Kassies, W. 5863 Kasten, B. 13515 Kastirr, U. 9303 Kästner, B. 7113 Kasuga, M. 12657 Kasuga, S. 10587 Kasuga, T. 2806 Kasumova, F. Kh. G Kasno, A. 8581 Kasuga, T. 2806 Kasumova, F. Kh. G. 8425 Katagiri, T. 12656 Katal, B. 11096 Katalin, H. E. T. 7193 Katano, M. 7508 Kataoka, J. 4021 Kataoka, M. 8830 Kataria, R. 7817 Katayama, T. C. 426-428, Kataria, R. 7817
Katayama, T. C. 426-428, 11804-11805
Katayama, Y. 953
Katayose, Y. 6833
Kater, M. M. 7109
Kathiravan, K. 10078
Kathiria, K. B. 12116
Katinger, H. 7209
Katiyar, R. K. 7287, 13355
Katiyar, R. R. 12896
Katna, G. 6977
Kato, A. 453, 6708, 7943, 8390, 10404, 12642
Kato, C. 13326
Kato, H. 377, 631, 3628, 4805, 5585, 6776, 12984
Kato, K. 173, 6168, 6613, 9028, 9034, 12099, 12734
Kato, M. 4136, 11232, 11322, 11896, 13195
Kato, S. 7441, 9373
Kato, T. 1586, 1596, 8951
Kato, T. 1586, 1596, 8951
Kato, T. 1586, 1596, 8951
Kato, N. 12277, 13193
Katranis, N. 5525
Katsadonis, N. 5525
Katsiotis, A. 3418, 5493
Katsuta-Scki, M. 11797
Katsy, E. I. 2313
Kattach, G. 13030
Katupitiya, S. 3435
Katz, A. 8807 Katupitiya, S. 3435 Katz, A. 8807 Katz, F. 3079 Katz-Downie, D. S. 9540 Katz-Downie, D. S. 954 Katzir, I. 4189 Katzir, N. 13241 Kaučić, D. 6175, 9894 Kauffeldt, C. 13512 Kauffman, S. A. 12666 Kauffmann, S. 4644 Kaufman, D. 13317 Kaufman, L. S. 626 Kaufusi, P. 7022 Kaul, B. L. 7582

Kaul, S. 334 Kaundal, G. S. 6006 Kaundun, S. S. 3238 Kaur, A. 6956 Kaur, D. R. 1994 Kaur, J. 8286 Kaur, L. 5624 Kaur, N. 1950, 6063 Kaur, P. 12012 Kaur, R. 668 Kaur, S. 1123, 7093, 7288 Kausalya, K. G. 9200 Kaushik, R. P. 5619, 11792 Kaushik, S. K. 7817 Kauss, H. 7113 Kauth, S. 1169 Kauth, S. 1169
Kavanagh, T. A. 2127, 10750
Kawabata, A. 11827
Kawabe, A. 4713
Kawagoe, Y. 1268
Kawaguchi, M. 562
Kawahara, T. 5319, 5339, 6571, 11209, 12483
Kawai, M. 707
Kawai, T. 3260
Kawaide, H. 8944 Kawaide, H. 8944 Kawakami, N. 161, 10179, 10273, 11544 Kawakatsu, M. 2086 Kawalkar, T. G. 10726 Kawamata, S. 621 Kawamata, S. 621 Kawamukai, M. 58 Kawamura, O. 9341 Kawamura, Y. 6813, 8241 Kawanishi, F. 5133, 12562 Kawano, K. 9543 Kawano, S. 2372, 3181, 7441, 10072, 12380 Kawasaki, S. 228, 1612, 5633 Kawase, M. 386, 468, 1551, 4528 4528 4)26 Kawashima, S. 9999 Kawata, M. 3730 Kawaura, K. 3626 Kawchuk, L. M. 1774, 3796, 12112, 13165 Kawecki, T. J. 4289, 5286 Kay, A. M. 13455 Kay, S. 6496 Kay, S. A. 2112, 2347, 11441, 12637 Kaya, Z. 2171, 11359, 12435, 12587 Kaya, Z. 2171, 11359, 12435, 12587
Kayano, T. 4790, 12377
Kayastha, A. M. 11643
Kaye, C. 9577
Kayhan, S. 4371
Kays, S. J. 10768
Kazan, K. 9898, 12659, 13363
Kazankov, A. F. 276
Kazemi-Arbat, H. 13137
Kazmaier, M. 44, 7068
Kaźmierczak, K. 12552
Kbrustaleva, L. I. 4724
Kchouk, M. L. 153, 13290, 13295
Ke, W. 1606, 9215
Ke, Y. Q. 2673
Ke Wei 1606
Ke YuQin 2673
Kean, D. 5905
Keane, P. J. 549, 5701, 10620
Kearsey, M. J. 4988, 6524
Keathley, D. E. 3230
Keating, B. A. 1234
Kcdar, N. 9607-9608
Keddie, J. S. 12090
Kedo K. 5133 Keddie, J. S. 12090 Kedo, K. 5133 Kedrov-Zikhman, O. O. 5467 Kee, J. C. 9302 Kee JunChoi 9302 Kee JunChoi 9302 Keegstra, K. 8939 Keeling, P. L. 10437, 11692 Keen, C. L. 1553 Keen, N. 11936 Keen, N. T. 593 Keeping, M. G. 8606-8607 Keese, R. J. 11213 Keetman, U. 12404 Keever, G. J. 1071 Kefeli, V. I. 2118

Kegler, G. 1527 Kegler, H. 1527, 3368 Kehinde, J. K. 9217, 9219 Keim, D. L. 13452 Keim, K. R. 1683, 11949 Keim, P. 9150, 10653, 10660 Keinath, A. P. 4742 Keinonen-Mettälä, K. 7429 Keith, G. 12700 Keith, R. 1456 Keizer, L. C. P. 5151, 7670, 10824, 12386 Kelchner, S. A. 4197 Kelemu, S. 8224 Kell, S. 11912 Keller, B. 8920, 11545, 11967 Keller, B. 8920, 11545, 119 Keller, E. R. J. 1797, 3430, 5873, 7026 Keller, G. 4054 Keller, L. 8971 Keller, N. L. 12382 Keller, R. 1001 Keller, T. 6508 Keller, W. A. 1360, 4943 Keller, Y. 9893 Kellerhals, M. 801, 1898, 8398, Kellogg, E. A. 485, 2369, 7763, Kelly, A. F. 7643 Kelly, A. F. 7643 Kelly, A. J. 12519 Kelly, J. D. 3746, 4650, 5747-5748, 5753, 6931, 11963 Kelly, K. K. 11199 Kelly, L. M. 8795 Kelly, M. G. 5106 Kelman, W. M. 2760, 10624 Kemei, J. K. 9559 Kemp, H. 1899-1900, 1904, 10871 Kemp, J. A. 241 Kemp, J. D. 2590 Kempf, D. 5621 Kempin, S. A. 49 Kempken, F. 1538, 4521, 12907 Kempler, C. 6020 Kempuchetty, N. 9291 Kenaschuk, E. O. 3106, 6091, 12295 Kendall, H. W. 4229 Kende, H. 2667, 4560, 10681, 10685 Kendrick, R. E. 10808, 13212 Kenemi, G. 10358 Keneni, G. 3125 Keng SeeChow 12617 Kenkel, N. C. 4473 Kennedy, A. 6126 Kennedy, A. J. 6127 Kennedy, B. W. 2782 Kennedy, D. 5213 Kennedy, G. G. 697 Kennedy, I. R. 3435 Kennedy, I. R. 3435 Kennedy, R. S. 6014 Kent, R. 59 Kenty, M. M. 13091 Kenworthy, J. P. 1695 Kenworthy, W. J. 592, 1695 Keogh, R. G. 2694, 2746 Kephart, S. R. 11260, 13555 Keppel, H. 7131 Kerby, N. W. 4819, 4837 Kerckhoffs, D. M. F. J. 1119, 11306 11306 Kerckhoffs, L. H. J. 10808 Keresztes, Á. 1520 Keri, M. 886 Kerlan, M. C. 8173 Kermicle, J. 280 Kerns, M. R. 2596-2597 Kerr, R. J. 7424 Kerr, S. 11074 Kerr, S. P. 8623 Kerrigan, R. W. 1219, 3338, 3340, 4198-4199 Kerry, B. R. 6440 Kersten, M. A. S. H. 1223 Keršulienė, Z. 2750, 6889 Kertbundit, S. 4244 Kertész, C. 4322 Kertész, Z. 4322, 4387

Kertesz-Chaloupková, K. 1222 Kertesz-Chaloupková, K. 1222 Kertész-Dobos, É. 1147-1148 Kervella, J. 10932-10934, 12187 Kervinen, T. 11677 Kerwin, M. A. 7529 Keser, M. 4334, 11530 Kesercioğlu, T. 6387 Keshwal, R. L. 13596 Keskitalo, M. 11333 Kess, H. 11119 Kesseli, R. 8712 Kessler, W. 8126 Kesteloot, J. 11036 Kesteloot, J. 11036 Ketata, H. 4334 Ketema, S. 10106 Kettig, B. 13158 Kettmann, R. 7129 Kettunen, R. 4657 Keukeleire, P. de 5115 Keulemans, J. 5989, 7125 Keun, B. L. 9302 Keun BalLim 9302 Keutgen, N. 835 Keutgen, N. 835 Kevan, P. G. 1346 Key, C. A. 13465 Key, J. L. 590, 11933 Keyser, A. de 7711 Khabarov, S. N. 10942 Khabarov, Yu. I. 6007 Khadeeva, N. V. 5236 Khadeeva, N. V. 5236 Khader, K. M. A. 7330, 11049 Khaĭdarkulov, G. I. 3042 Khairallah, M. 7987, 9103 Khairallah, M. M. 11741, 12897, 12899 Khairwal, I. S. 2623, 4529 Khajuria, H. N. 5717 Khakim, A. 10359 Khakulova, G. G. 10879 Khalchitski, A. 4764 Khalfallah, N. 10245 Khalid Mahmood 10695 Khalid Mahmood 10695 Khalil, A. N. M. 7947 Khalilian, H. 7004 Khaliq, I. 2458 Khaliq, I. 2458 Khan, A. A. 12422 Khan, A. K. F. 8013, 8016, 8019, 10506, 11748 8019, 10506, 11748 Khan, A. Q. 2079 Khan, A. T. 5766 Khan, I. A. 6210 Khan, J. A. 1424 Khan, K. 3477-3478, 12721 Khan, M. A. 3503, 7026, 12791 Khan, M. F. 2618 Khan, M. G. 413, 1574 Khan, M. Q. 12284 Khan, M. W. 1731 Khan, N. A. 12115 Khan, S. H. 5951 Khan, Z. R. 7975 Khan, Z. R. 7975 Khaniki, G. B. 2223 Khanizadeh, S. 1902, 4792, 4836, 4840, 4848, 4855, 4868 Khanna, H. K. 9268 Khanna, K. R. 3315, 6382, 13586 Khanna, V. K. 274, 11142 Khanna, Y. P. 8495 Khanna-Chopra, R. 7677 Khanuja, S. P. S. 6953, 7593, 13600 Khar, A. 1804, 2242 Kharb, R. P. S. 1734 Khare, D. 4671 Khare, N. 1737, 4662 Kharkwal, M. C. 6553, 10710, 13135 Khashoggi, A. 944 Khatab, A. B. 7947 Khatri, R. K. 13596 Khattab, M. M. 12253 Khattra, A. S. 9573 Khattra, S. 6956 Khatypova, I. V. 10425 Khavkin, E. 11699 Khaw, C. H. 13373 Khawaja, H. I. T. 5712 Khayat, E. 7219-7220, 13319 Khehra, A. S. 6711

Kheiralla, K. A. 9058

Khlaif, H. 615 Khmyl, T. O. 12817 Khodzhaiova, L. T. 9533 Kholdorov, U. Kh. 10885 Kholina, A. B. 7555 Khorgade, P. W. 1542-1543, 8535 Khoshnoodi, J. 9519, 11431 Khotyleva, L. V. 4056 Khrapunov, S. N. 2924 Khristov, Yu. A. 3448 Khristova, G. 10361-10362, 10476 10476 10476
Khristova, Kh. 5972
Khristova, L. 9838
Khromenko, A. 2599
Khudiar, H. A. 9427
Khurana, A. L. 647, 4668
Khurana, P. 1367
Khush, G. S. 385, 394-395, 447, 471, 5582, 6783, 6816, 8051, 8082, 10577, 11849, 11857, 12975, 13018-13019
Khushwinder Singh 13467 Khushwinder Singh 13467 Khusnwinder Singn 13467 Khusnetdinova, T. G. 10500 Khvorostov, I. B. 12363 Khyad, P. R. 12017 Kianian, S. F. 12072 Kibblewhite, P. 1039 Kibblewhite, R. P. 1038 Kibite, S. 1469, 5456, 11683, 12807 12807 Kida, T. 11303 Kidou, S. 4538 Kidwell, M. G. 93 Kieber, J. 13629 Kieber, J. J. 11442, 11450 Kiecana, I. 253 Kieffer, R. 3482 Kieft, H. 12283 Kiehne, K. 12463 Kiel, C. 300 Kiełczewska, H. 7662 Kies, N. 515 Kieselbach, T. 11429 Kiêu, K. 12631 Kiewiet, B. 2298 Kiewiet, B. 2298 Kifle, S. 2094 Kihara, M. 7893 Kiihl, R. A. S. de 13100 Kiiskinen, M. 993 Kijne, J. W. 9096 Kik, C. 4724, 5861 Kikindonov, G. 9843-9844, 9847 9847 Kikindonov, Ts. 9845, 9847, Kikkert, J. R. 7208 Kikkert, J. R. 7208 Kikuchi, F. 7641 Kikuchi, N. 4790 Kikuchi, Y. 2236 Kikuti, H. 8721, 8724-8726 Kil'chevskiĭ, A. V. 7756 Kilchevsky, A. V. 7756 Kilen, T. C. 10652, 11959 Kilian, A. 259, 1461 Killan, A. 11521 Killan, A. 11521 Kim, B. C. 11447 Kim, B. D. 773, 4778-4779, 5026 5026 Kim, B. K. 9211 Kim, B. S. 4785, 9627 Kim, C. H. 9211, 11720 Kim, C. K. 1613-1614 Kim, C. S. 10152 Kim, C. Y. 8827, 8855, 9224 Kim, D. A. 260, 4957 Kim, D. H. 9428 Kim, D. A. 260, 4957 Kim, D. H. 9428 Kim, D. S. 1872 Kim, D. W. 1809, 11319 Kim, E. J. 4267 Kim, E. Y. 10152 Kim, G. I. 9569 Kim, G. T. 12633, 12645 Kim, H. 11128 Klin, H. S. 5333, 9363-9366 Kim, H. T. 1856, 9627 Kim, H. Y. 9212-9214, 9518 Kim, I. J. 9671, 10846 Kim, J. 9569 Kim, J. C. 3953, 5059

Kim, J. H. 458, 5579, 6402, 9518 Kim, J. K. 3834 Kim, J. S. 3690 Kim, J. T. 7333, 8583 Kim, J. W. 4180 Kim, J. Y. 12514 Kim, K. C. 10152 Kim, K. H. 3640, 9363-9364 Kim, K. H. 3640, 9363-9364 Kim, K. J. 8827, 8855, 12872 Kim, K. N. 12092 Kim, K. S. 4109, 8860 Kim, K. U. 12969 Kim, K. W. 4147 Kim, K. Y. 5021, 7141 Kim, M. 4236 Kim, M. J. 11139, 12512 Kim, M. S. 8874 Kim, M. W. 7449 Kim, N. S. 2408 Kim, S. C. 8529, 9212-9214, 9222 9222 Kim, S. D. 9363-9366, 9391 Kim, S. J. 773, 3823 Kim, S. K. 9428, 11744 Kim, S. T. 5228 Kim, S. Y. 55, 5144, 8855, 10758 10758
Kim, T. C. 4923-4924
Kim, T. S. 10454
Kim, W. H. 8255
Kim, W. S. 12515
Kim, W. T. 5579, 12379
Kim, W. Y. 8529
Kim, Y. D. 8081-8082, 13213 Kim, Y. G. 1850, 7021 Kim, Y. H. 1801, 1806, 8860, 8946, 9365-9366, 12512 8946, 9365-9366, 12512 Kim, Y. J. 5249, 9363 Kim, Y. K. 7100 Kim, Y. S. 5017, 6490, 9365-9366, 12379 Kim, Y. W. 5059, 10650, 13087 Kim, Z. S. 2173 Kim BoKyeong 9211 Kim Ryung Chul 11447 Kim ByungChul 11447 Kim ByungDong 4778-4779, 5026 Kim ByungSoo 4785, 9627 Kim ByungSoo 4785, 9627 Kim ChangHo 11720 Kim ChangKyu 1613-1614 Kim ChaYoung 9224 Kim ChilYong 8827, 8855 Kim ChongHo 9211 Kim DaeHo 9428 Kim DongHyun 7620 Kim DongSoon 1872 Kim DongWook 1809 Kim DooWook 1809 Kim GiIn 9569 Kim GyungTae 12633, 12645 Kim HagSin 9363-9364 Kim HoeTae 1856, 9627 Kim HongSig 9365-9366 Kim HoYeong 9212-9214 Kim InJung 9671, 10846 Kim JeongHa 6402 Kim JinHong 458 Kim JongCheol 3953 Kim JongKee 3834 Kim JongTae 7333, 8583 Kim Joo Young 12514 Kim June 9569 Kim JunHyun 5579 Kim KiJae 8827, 8855 Kim KilUng 12969 Kim KiSun 4109 Kim KiuWeon 4147 Kim KiYong 5021 Kim KiYoul 7141 Kim KwangHo 3640, 7620 Kim KyungHo 9363-9364 Kim KyungHo 9363-9364 Kim KyungJe 12872 Kim KyungNam 12092 Kim KyungSoo 8860 Kim-Lee, H. Y. 11261 Kim-Lee HeiYoung 11261 Kim MeeSook 8874 Kim MiJung 12512 Kim Myoleoung 11139 Kim MyoJeoung 11139 Kim MyongWon 7449

Kim SangTae 5228 Kim SangYeol 8855 Kim SeokDong 9365-9366, 9391 Kim SeYoung 5144 Kim ShinJe 3823 Kim SooDong 9363-9364 Kim SoonChul 9212-9214, 9222 Kim SooYoung 55, 10758 Kim SuKyeong 9428 Kim SunChang 8529 Kim WanSoon 12515 Kim WoeYeon 8529 Kim WookHan 8255 Kim WooTaek 5579, 12379 Kim YangSuk 12271 Kim YeonHee 1801, 1806 Kim YeonSup 12379 Kim YeungGwang 7021 Kim YongDuk 13213 Kim YongGyun 1850 Kim YongHo 9365-9366 Kim YongWook 10650, 13087 Kim YoungDoo 8081 Kim YoungHee 8946, 12512 Kim YoungHo 8860 Kim YoungSin 9363 Kim YoungKyu 7100 Kim YoungSoon 6490 Kim YounSung 5017 Kim YunSun 9365-9366 Kim YunSun 9365-9366 Kimbeng, C. A. 522, 11901 Kimchi, M. 851 Kimura, D. 1059, 4105 Kimura, I. 7003 Kimura, K. 11935 Kimura, M. 4077 Kimura, P. H. 12232 Kinacı, G. 4318, 4439 Kinacı, G. 4439 Kinacı, G. 4439 Kinacı, G. 4439 Kinaciyan, T. 12429 Kindiger, B. 328, 10415, 11717 Kindo, A. I. 4099 Kinet, J. M. 2670, 3642, 3649, 9280, 13001 King, C. A. 8255 King, D. 7740 King, G. J. 9642, 12154 King, I. 4341 King, I. P. 1422-1423, 3675, 5657 King, J. J. 4723 King, K. E. 3399 King, N. J. C. 7581 King, P. J. 1303 King, R. A. 9945 King, R. M. 6329 King, R. A. 9945
King, R. M. 6329
Kingshlin, M. 6957, 12011
Kingston-Smith, A. H. 2717
Kinlaw, C. S. 1041
Kinney, A. J. 2011, 10646
Kinoshita, I. 1021
Kinoshita, T. 400, 1684, 4543, 4548, 8108, 9337, 10197, 11950, 12097
Kinraide, T. B. 3489
Kinsman, E. A. 3671
Kintzios, S. E. 779, 12707
Kinugawa, K. 10080, 10084
Kinzel, H. 10233
Kiphart, D. 11389
Király, L. 7394
Király, Z. 8896, 11379
Kiran, A. K. 5438
Kirby, H. W. 1526
Kirby, J. S. 9812
Kirby, M. J. 13399-13400
Kirch, H. H. 4688
Kircher, S. 10067
Kircenkova, A. E. 7856 Kireenkova, A. E. 7856 Kiribuchi-Otobe, C. 7810 Kiribuchi-Otobe, C. 7810 Kırıcı, S. 12565 Kirik, V. 6500, 10196, 10199 Kirillova, N. V. 7585 Kirita, M. 7102 Kirk, H. G. 12039 Kirkland, M. 9172 Kirkpatrick, M. 5271 Kirkpatrick, T. L. 3202 Kirsch, C. 2259

Kirsch, F. 3789 Kirsch, T. 1717 Kirsch, T. 1717
Kirschner, M. 3393
Kirti, P. B. 12273, 13354
Kisaka, H. 6558, 6822, 7754
Kisaka, M. 6558
Kiser, J. 4052, 8664
Kisha, T. J. 575
Kishima, Y. 5112, 12097
Kishimoto, S. 10010
Kishitani, S. 3614, 11838
Kishor, C. 3328
Kishor, P. B. K. 2057, 6104
Kishiore, P. 2602, 5564
Kislinskiř, K. N. 10480
Kisnichan, V. I. 5537
Kiso, M. 10820 Kiso, M. 10820 Kiss, E. 9958 Kiss, G. B. 5684 Kiss, J. 9958 Kiss, J. Z. 9888 Kiss, J. 2. 9666 Kiss, P. 5684 Kisu, Y. 13248 Kita, F. 9337, 11920 Kitade, S. 4790 Kitagawa, K. 6000, 12165 Kitagawa, Y. 6822 Kitajima, A. 3952 Kitamura, K. 4631, 6913, 7441, 10641 Kitano, H. 10545 Kitashiba, H. 2012, 3614 Kitazaki, M. 3045-3046, 8448, Ritazaki, M. 3043-3046, 8448, 8452
Kitiki, A. 2246, 5773, 6387, 11372
Kitley, M. 2995
Kito, H. 12581-12582
Kito-Nakamura, K. 1793
Kiyomoto, R. K. 6618
Kiyosawa, S. 468
Kiyosue, T. 1323, 3367, 3830
Kjær, E. D. 2181, 6294
Kjærsgård, I. V. H. 43
Kjellbom, P. 8359, 11545
Kjellsson, G. 3356
Kjemtrup, S. 8636
Klaas, M. 9565, 13187
Klabouchová, A. 3676, 6863
Klaff, P. 2940, 9575
Klap, J. 3411
Klawan, D. 2454 8452 Klawan, D. 2454
Kleber-Janke, T. 3519
Kleczkowski, K. 1776
Kleczkowski, L. A. 5432
Klee, H. J. 8379, 12102, 13221
Klei, H. E. 2235
Klei, I. van der 4787
Kleijer, G. 2291
Klein, A. 9615
Klein, A. S. 9959
Klein, D. 2598, 2601, 3573, 5547, 12900
Klein, E. 3697
Klein, E. K. 11002
Klein, M. 1761
Klein, T. M. 5732, 11931
Klein-Lankhorst, R. M. 2094, Klawan, D. 2454 Klein-Lankhorst, R. M. 2094, Kleine, M. 2094, 5430, 6156-6157, 11382 Kleines, M. 5220 Kleines, M. 5220
Kleinhenz, M. D. 10656
Kleinhofs, A. 259, 1454, 1461, 2495, 5431, 7894, 11521, 11669, 12779
Kleinig, H. 889
Kleinschmit, J. 989, 13278
Klenyán, T. 12183, 12188
Klepper, B. 4374
Klessig, D. F. 1326, 2360, 4696, 6164-6165, 8649, 8895, 8958, 11467, 12402, 12410-12411, 13443
Klett, P. 4001
Klevchenya, E. M. 5196
Kleyn-Noordijk, Y. 7560
Klier, K. 893
Klimakhin, G. I. 8831 Klimakhin, G. I. 8831 Klimaszewska, K. 1050, 9936 Klimenko, V. P. 7203

Klimeš, L. 111
Klimešová, J. 111
Klimov, S. V. 1254
Klimyuk, V. 12090
Klinac, D. J. 4937
Kline, A. S. 1741
Kling, D. S. 2265
Kling, J. 11744
Kling, J. G. 8007, 12887
Klingenberg, J. P. 2726
Klingler, J. 5965
Klink, J. W. van 1208
Klis, D. A. 10188
Klochko, N. N. 10887
Klocke, E. 3379
Klock, J. de 13225
Kloos, D. 5116
Klooster, J. W. van't 7080
Klopfenstein, N. B. 1010, 1056, 8874 Klimeš, L. 111 8874 88/4
Kloppers, F. J. 1437
Kloppstech, K. 23, 244
Klosterboer, A. D. 12924
Klotz, K. L. 5008
Klu, G. Y. P. 4681
Klucas, R. V. 8295
Klueva, N. Y. 1426
Kmeel A. 1403 Kmecl, A. 1403 Kmetič, M. 6717 Kmetič, M. 6717
Knaap, E. van der 4560
Knap, H. T. 9394, 10638, 13097
Knapp, S. 6536, 8484, 13337
Knapp, S. J. 3993, 7342-7343, 9985, 12304, 12592
Knauer, N. J. 9968
Knauf, V. C. 1274, 8504
Knauft, D. A. 2058, 3118
Kneissl, M. L. 12092
Kneppers, T. 12110
Knežević, D. 5385, 7836, 7840
Knight, H. 2357
Knight, M. E. 10437
Knight, M. E. 10437
Knight, M. R. 2357, 13429
Knipe, W. J. 9323-9324
Knobel, H. A. 5369
Knoester, M. 7393
Knoetzel, J. 236
Knoll, K. A. 3820 Knoll, K. A. 3820 Knorr, B. 11225 Knorr, B. 11225 Knorr, L. 6262 Knotek, S. 8129 Knott, C. M. 601 Knott, D. R. 11533, 11648 Knott, S. A. 12655 Knowe, S. A. 1011 Knowles, P. F. 7788 Knowles, P. D. 4937 Knowles, V. L. 12395 Knowlton, S. 5732 Knox, J. S. 7530 Knox, M. R. 2831 Knox, R. E. 1377, 5326-5327, 10303-10304, 11542, 12761 Knudson, D. L. 10738 Knüpffer, H. 6 Knüpffer, H. 6 Knüpffer, H. 6 Knutson, C. A. 3576 Knyazev, M. S. 6343 Ko, C. H. 4485 Ko, J. K. 9211 Ko, K. 7126 Ko, K. 7126 Ko, K. D. 1872, 9624 Ko, M. K. 12513 Ko, M. S. 8860 Ko JacKwon 9211 Ko JongChel 8583 Ko JongChel 8583 Ko KwanDal 1872, 9624 Ko MiSuk 8860 Kobayashi, A. 6348, 7548 Kobayashi, H. 6325, 11416 Kobayashi, K. 304, 11232 Kobayashi, M. 2574, 5749, 6400, 7614, 12257, 12581 Kobayashi, N. 9999 Kobayashi, R. S. 12031 Kobayashi, S. 4136, 6048, 8482, 13627 Kobets, N. S. 4019

Kobiljski, B. 9040 Kobyłko, T. 5931 Kocábek, T. 6484 Koch, D. W. 13063 Koch, G. 4753 Koch, G. 4753
Koch, S. D. 13036
Kochba, M. 7517, 8764
Koche, V. 4110
Kochert, G. 11786, 13178
Kochetygov, G. V. 143
Kochhar, S. 346
Kochian, L. V. 87, 203, 1321, 3487, 10206, 10208
Kochieva, E. Z. 6984
Kochman, J. K. 2044, 12312
Kochs, G. 13088
Kociuba, W. 12835
Kock, M. B. de 7493
Kočová, M. 8395
Koczowska, I. 7918 Koczowska, I. 7918 Kodama, H. 2341, 4483, 5134, 8828, 10273 Kodýtek, K. 6304 Koebner, R. M. D. 2401, 7787, 11550 Koenig, R. 2126 Koerner, G. 1378 Koes, R. 5116, 6696, 8899, 11517 Koev, G. 3370 Koeva, R. 11869 Kofalvi, S. 4206 Kofer, W. 9892, 10009 Kofoid, K. D. 333 Koga, H. 10508 Koga, H. 10508 Koganezawa, H. 9480 Kogel, K. H. 3532, 6671 Koh, G. C. 7141 Koh, Y. C. 4162 Koh GabCheon 7141 Koh YongCheong 4162
Kohara, A. 76
Kohda, H. 1151, 12562
Kohel, R. J. 975, 6215
Kohjyouma, M. 1151, 12562
Köhler, A. 3087, 4947
Köhler, E. 12458
Köhler, W. 3087, 4947, 12085
Kohli, A. 5580, 5636, 6761, 6844, 11785
Kohli, M. M. 6619
Kohli, U. K. 11986
Kohlwein, S. D. 11850
Kohm, J. R. 8060
Kohmann, K. 7476
Kohmoto, K. 11348, 12159
Kohn, J. R. 122
Kohorn, B. D. 7735 Koh YongCheong 4162 Kohn, J. R. 122 Kohorn, B. D. 7735 Koike, K. 379 Koike, M. 6888 Koike, T. 7441 Koinuma, K. 2542, 2554, 7941, 7960, 9132-9133 Koiwa, H. 562, 2309, 6325, 13434 Koiwai, A. 4021 Koiwai, A. 4021 Koizumi, J. 2336 Kojić, M. 3269 Kojima, A. 5840 Kojima, H. 8640 Kojima, M. 3730 Kojima, S. 381 Kojima, T. 4342, 6607, 6616 Kok, R. 12047 Kokaeva, Z. G. 6946 Kokeny, B. 9358 Kokkini, S. 2258, 4192, 11336-11337 Kokko, H. 9942 Kokko, H. I. 12201 Koksel, H. 4371 Kokubu, T. 12053-12055 Kokubugata, G. 7487 Kokubugata, G. 7487 Kokubun, H. 6349 Kolak, I. 9395, 12685 Kolar, C. 6496 Kolar, J. S. 4 Kolasińska, I. 12818, 12821, 12824-12825, 12830 Kolattukudy, P. E. 5924 Kolb, F. L. 1479, 2475

Kolchinsky, A. 5737 Kole, C. 880, 3088 Kole, P. 3088 Kolev, K. 5324, 10246 Kolev, K. 5524, 10246 Kolev, K. D. 10286 Koleva, D. 5324 Kolkman, J. M. 11963 Kölle, K. 6500, 10196, 10199 Koller, O. C. 10969 Kölliker, R. 6856, 8147, 8152, 9301 Kollipara, K. P. 9437 Kollmorgen, J. F. 241 Kolmer, J. A. 2472, 3504, 4430, 7865 Kolo, A. A. 10718 Kolomiets, N. Ya. 2603, 10505 Kolomietz, T. M. 10572 Kolsch, R. 257 Kolte, S. J. 5892 Koltunow, A. M. 3395, 11507, 12389 Komae, K. 3453 Komaki, K. 9545 Komae, K. 3453
Komaki, K. 9545
Komamine, A. 5134, 8828
Komano, T. 10179
Komari, T. 371
Komarneni, R. R. 274
Komarnits'kiĭ, Ī. K. 7379
Komatsu, A. 3937
Komatsu, A. 3937
Komatsu, K. 2233, 9410-9411
Komatsu, S. 453, 2636
Komatsu, T. 10587
Komatsu, T. 10587
Komatsuda, T. 228, 1588
Kombrink, E. 3795
Komeda, Y. 1315, 12642
Komjanc, M. 10866
Komochi, S. 7092
Komor, E. 3998
Komori, S. 802, 5986
Komori, T. 4038
Komori, T. 4038
Komov, V. P. 7585
Konarev, A. V. 2716
Konate, G. 5634
Koncz-Kálmán, Z. 6469
Kondaninski, N. 10313
Kondić, A. 7849
Kondo, K. 7487, 12546
Kondo, M. 6483, 6521, 8390
Kondo, N. 3862, 13151
Kondo, T. 794, 11209
Kondo, Y. 11211
Kondorosi, A. 523, 1654, 2738
2740, 3690, 6880, 8195, Kondorosi, A. 523, 1654, 2738-2740, 3690, 6880, 8195, 11903, 13047 Kondorosi, E. 523, 2739, 6880 Kondorsoi, E. 2738 Kondrashov, A. S. 12670 Kondrat'eva, I. Yu. 10801 Kondratskaya, N. P. 7391 Kong, D. 11675 Kong, F. L. 9926 Kong, F. M. 13000 Kong, F. L. 9926 Kong, F. M. 13009 Kong, G. A. 2044, 12312 Kong, L. 9980 Kong, L. R. 1444 Kong, Q. N. 410 Kong, Q. Z. 2361 Kong, W. S. 8860 Kong, X. S. 13333 Kong FanLing 9926 Kong FanMing 13009 Kong LingRang 1444 Kong QingNi 410 Kong QingZhong 2361 Kong WonSik 7620, 8860 Kong WonSik 7620, 8860 Kong XiangSheng 13333 Koning, C. T. de 8204 Koninklijke Van Zanten BV 1104-1106, 1108, 7550 Konishi, S. 8059 Konnert, M. 4095 Kono, I. 6833 Kono, Y. 3623, 3625, 3706-3707 Kononowicz, A. K. 5552, 6357, 10510, 12101 Konovalov, A. A. 3448, 6620 Konrád, J. 4685

Konstantinov, K. 5486, 5509 Konstantinov, Yu. M. 10375 Konthur, Z. 12622 Kontturi, M. 6573 Konunov, I. K. 6320 Konzak, C. F. 2436, 4386 Koo, B. C. 10318 Koo BonCheol 10318 Koonce, L. 6230 Koop, H. U. 9892, 10009, 10060 10060 Koops, A. J. 13184, 13402 Koornneef, B. M. 1295 Koornneef, M. 77, 1817, 5251, 8931, 8948, 10184, 10200, 11446, 13208 Koot, A. 7514 Koot, A. 7514
Kopahnke, D. 6420, 12798
Kopertekh, L. G. 12754
Koppa, B. 841
Koppar, M. N. 13347
Koppman, J. A. 12490
Kopsell, D. A. 722
Kopsell, D. E. 5875
Kopycki, W. J. 8727
Kopytko, G. L. 3461
Korać, M. 3956
Koranne, K. D. 11149
Korba, J. 10884
Korban, S. S. 1902
Korbas, M. 12853
Kordes, W. 8747-8748, 8750, 8760 8760 Kordyum, E. L. 5273 Korhonen, M. 993 Korikanthimath, V. S. 5147, 8843 Korkut, K. Z. 12313-12314 Korkut, Z. K. 11814 Korla, B. N. 609, 7112 Kormelink, R. 5025 Kormuták, A. 4082 Kormuták, A. 9967, 9983 Kormutak, A. 12478 Korneichuk, N. S. 13053 Kornienko, A. V. 3141, 11086 Korol, A. 3530 Korol, A. B. 220, 6523 Korol, L. 2174, 2190 Korolev, A. L. 3748 Korošec, J. 4575 Korošec-Koruza, Z. 7189 Korosec-Koruza, Z. 7189 Korotaev, A. A. 5077 Korsi Dumenyo, C. 2899 Korte, L. L. 2778-2779 Kortekamp, A. 1948 Kortstee, A. 11427 Korzun, V. 2421, 4301, 4362, 4365, 4377, 5465, 9121, 10274, 10276, 11547, 11685-11686 11686 Korzun, V. N. 12817 Kosaka, S. 6392 Koschinsky, S. 4203 Kościelniak, J. 12840 Kościelniak, J. 12840 Kosemura, S. 3425, 8336 Koshelayev, V. V. 11364 Koshelyaev, V. V. 10420 Koshiba, T. 4479, 10179 Koshioka, M. 13428 Koshkin, E. I. 2841 Koshkin, V. A. 3457 Koshuchowa S. 10317 Koshuchowa, S. 10317 Koshy, K. C. 1216 Koshy, M. P. 6252 Kosichenko, N. E. 9935 Kosinková, P. 686 Kosinková, P. 686 Kositratana, W. 13020 Koski, V. 6278 Košner, J. 2416, 4380, 9032 Kössel, H. 230, 9143 Kossmann, J. 729, 1765, 4691, 7755, 9529, 10795, 13162 Kostak, S. 12178, 12267 Kostandi, S. F. 9181 Köster, U. 4036 Kostina, G. I. 10500 Kostishin, S. S. 2103 Kostishin, S. S. 2103 Kostka-Gościniak, D. 7025

Kostov, K. 10257, 10259-10260, 10310 Kostow, C. M. 5732 Kostyuk, A. N. 13 Kosugi, S. 2635 Koszegi, B. 2462 Kőszegi, B. 9020 Kothari, P. R. 1987 Kothari, S. L. 1556, 6806 Kotlińska, T. 5812, 5823 Kotobuki, K. 6000, 12165 Kotoda, N. 5986 Kotsias, D. 12252 Kotsonis, P. 8160 Kott, L. S. 2024, 3095, 11004 Kotzamanidis, S. 12330 Kouamé, B. 12317 Kouamé, C. N. 550, 4606 Kouassi, N. 6843 Koubová, J. 8612 Kouchi, H. 3723-3724, 5302, 6483 Koul, A. 3923 Koul, A. K. 12556 Kouman, K. 1980 Kousik, C. S. 4783 Koutnikova, H. 60 Koutsika-Sotiriou, M. 5508, 11690 Kouzarides, T. 9149 Kouzuma, Y. 4077 Kovac, K. 12651 Kovačev, L. 8614, 8618, 8621 Kovačević, J. 5423, 5442, 9085 Kovács, G. 1248, 5390, 5544, 11738 Kovács, I. 11899 Kovács, J. 1520, 12186 Kovacs, L. 3715 Kovacs, M. I. P. 3481, 4395, 11612 11612 Koval', S. F. 2423, 3440, 11588 Koval', V. S. 248, 2423, 2505 Kovalchuk, I. 13188 Kovalchuk, L. 13188 Koval'chuk, N. S. 11080 Kovalchuk, O. 13188 Kovalenko, E. D. 10572 Kovalenko, P. G. 7354 Kovalenko, P. G. 7354
Kovalenko, P. G. 7354
Kovaleva, A. A. 5629
Kovaleva, A. F. 3021
Kovalevskaya, V. A. 5629
Kovar, D. R. 11701
Kovařík, A. 11108, 13421
Kovatcheva, N. 1139
Kowalczyk, B. 5813, 7668
Kowalczyk, K. 2422, 7761, 7806, 7812, 10345, 11570
Kowalski, S. P. 12031, 13176
Kowata, M. 194, 10292
Kowles, R. V. 5498
Kowsalya, R. 8672
Kowyama, Y. 4549
Koyama, K. 3937
Koyama, M. 5198
Kozak, I. de 1654
Kozhevnikov, Yu. P. 6310 Kovalenko, P. G. 7354 Kozak, I. de 1654 Kozhevnikov, Yu. P. 6310 Kozhukhova, N. E. 2558, 10363 Kozić, Z. 5518 Koziel, M. G. 1240, 7963 Kozlova, A. Yu. 2471 Kozłowska-Ptaszyńska, Z. 2394 Kozma, P. 1951 Kozová, Z. 8196 Kozub, G. C. 379 3796 Kozuka, H. 6052 Kozumplik, V. 4508, 10370 Krabel, D. 11182 Kraemer, M. E. 10664 Kraepiel, Y. 3177 Kraft, J. M. 1730, 4661, 5758, 11999, 12005 Kraft, T. 3146 Krahulcová, A. 7162, 10939 Krahulec, F. 4582 Kraibat, A. A. 7868 Kraic, J. 162, 8186, 9046 Krajewski, P. 5548, 7879, 8009, Krajinski, F. 13126 Krake, L. R. 8382

Krakowski, L. 11389 Kralj, D. 8858 Kraljević-Balalić, M. 9027, 9063 Krall, J. 1386 Kramell, R. 7876, 8373 Kramer, E. 6699 Kramer, E. M. 10140 Kramer, H. 6896 Kramer, K. J. 8658 Kramina, T. E. 5707 Krane, D. E. 8710 Krans, J. V. 9322 Kranz, E. 1496, 3467, 6709, 9160, 10416-10417, 12277 Kraokaw, S. 671 Kraokaw, S. 6/1 Krapchev, B. 10471 Krapchev, B. V. 10812 Krapp, A. 11121, 11126 Krasnyanski, S. 10070 Krasova, N. G. 2992, 10863, 10876, 10880 Kraszewska, E. 1397 Krattiger, A. F. 1267 Kraus, I. 2509 Krause, A. 2857, 3772 Krause, K. P. 3185, 12375 Krausgrill, S. 4036 Krausz, P. 12924 Krausz, R. F. 4515 Kräuter-Canham, R. 9802 Kravchenko, L. V. 9491 Kravchenko, O. A. 10405, 10428
Kravchenko, V. A. 5831
Krebbers, E. 7640
Krebitz, M. 12429
Krebs, C. 8398, 8417
Krebs, S. L. 12509
Kreiberg, J. 7356
Kreike, M. M. 7302
Kreis, M. 28, 115
Kreitman, M. 8933
Krell, S. 10376
Kremer, A. 39, 995, 1000, 3218, 3236, 7472, 8698, 8705, 11180, 13509
Kremer, E. 13592 10428 Kremer, E. 13592 Krens, F. A. 5151 Krenz, D. C. 10240 Kreps, R. 2601, 5547 Kreps, R. C. 12900 Kresovich, S. 3966, 6077, 13178 Kretschmer, A. E., Jr. 1671, Kretschmer, J. M. 6609, 9115 Krewer, G. 10925 Kribii, R. 4252 Kridl, J. C. 7251 Krieg, D. R. 8682 Krieger, M. J. B. 8971 Kriseleit, D. 12095 Krishan Kumar 1734, 5628 Krishna, P. 6083, 13350 Krishna, T. G. 8559 Krishnaiah, K. 5569 Krishnamorthy, B. 1186, 4183 Krishnamorthy, A. H. 12973 Krishnamurthy, B. 6385 Krishnamurthy, K. S. 7590 Krishnamurthy, K. V. 646, 10715 10715 Krishnamurthy, R. 1182 Krishnan, R. 1185, 7583, 11328 Krishnaraj, S. 11233 Krishnasamy, S. 53 Krishnaveni, B. 12990 Kristek, A. 6143 Kristensen, M. M. H. 11205 Kristensen A. R. 7629 Kristiansen, K. 1064, 4146, 11285 11285 Křístková, E. 5969 Kristoffersen, P. 282, 4484 Krivov, N. V. 10390, 10449 Kriz, A. 9140 Krizek, D. T. 2229 Krober, O. A. 6903 Krochko, J. 2496

Krofta, K. 12572-12573 Krogstrup, P. 4587, 11205 Krolikowski, K. A. 74 Krolkiewicz, S. 8938 Kron, K. A. 1066, 8743 Kronenburg, B. C. M. van 11297 Kronenburg-van der Ven, B. C. E. 11296 Kronstad, W. E. 4317, 5179, Kronstad, W. E. 4317, 5179, 8867
Kroonenberg, P. M. 2055
Kropacova, M. 3759
Kropff, M. J. 3627, 9291
Krskov, J. 10811
Krsnik-Rasol, M. 11109
Krstanović, S. 9831
Kr'steva, A. 10313
Krstinić, A. 9953
Krueger, A. R. 13164
Kruft, V. 12023
Krüger, H. 1144, 1202
Kruger, N. J. 9163
Kruglova, N. N. 5309
Krul, W. R. 8558
Kruleva, M. 10471
Krumm, T. 8373
Krunić, V. 11093-11094
Krupinska, K. 230, 3519
Kruse, A. 9521
Kruse, E. 3169, 3175, 4022, 12404 8867 12404 Krusell, L. 6657 Krusteva, D. 11124 Krusteva, L. 10674, 10800 Kruszka, K. 10687 Krutovskii, K. V. 9985, 12480-12481 Krutwagen, R. W. H. H. 11128 Kruzhilin, I. P. 10360 Krylov, O. N. 5942 Krysiak, C. 1397 Krzakowa, M. 3239 Krzeczkowska, A. 7654 K"rzhin, Kh. 7599 Krzymańska, J. 2025 Krzymański, J. 9788, 10061-10062 10062
Krzymuski, J. 2383, 2689, 7654
Krzyżanowska, D. 7040, 8352
Krzyzanowski, F. C. 589
Kshetrapal 7645
Ku, M. S. B. 138
Kuan, C. C. 9500
Kuan ChengChun 9500
Kuan ChengChun 9500
Kuang, A. X. 11790
Kuang, B. F. 5979
Kuang, H. 9966
Kuang, H. C. 11810
Kuang, Y. H. 12350
Kuang AnXiu 11790
Kuang AnXiu 11790
Kuang BiFeng 5979 Kuang BiFeng 5979 Kuang HaoChi 11810 Kuang YanHua 12350 Kuate, J. 4916 Kubasek, W. L. 8941 Kubiak, K. 12760 Kubicka, H. 12820 Kubis, S. 3418 Kubis, S. E. 7355 Kubisiak, T. L. 866, 1045, 12268 Kubo, K. 7548 Kubo, K. I. 6348 Kubo, K. I. 6348 Kubo, N. 6767, 10535 Kubo, T. 371, 4038, 8613, 8876, 12170 Kubo, Y. 4760 Kuboki, Y. 5582, 11798 Kubota, F. 5839, 8334 Kubota, M. 10793 Kučera, L. 2445, 6627, 8341 Kučera, V. 8351, 9771 Kucharek, T. A. 8576 Kucharska, M. 10318, 10320-10321 10321 Kuchuk, N. 10060 Kuchuk, N. V. 5206 Kück, U. 5469 Küçük, S. A. 12176, 12178, 12267

Kůdela, V. 8798, 10884 Kuden, A. 8413 Küden, A. B. 11345, 13304 Kudenkov, M. I. 5982, 5984, 7194, 8488, 10957 Kudla, J. 13101 Kudła, M. 2518, 3094, 9776, Kudo, S. 13002 Kudryavtsev, N. V. 11078 Kuehl, R. O. 12677 Kuehnle, A. R. 11265, 12540, 13568 Kües, U. 1222 Kufa, T. 3159 Kuginuki, Y. 3817, 4741, 13183, 13198 Kugnuki, Y. 3817, 4741, 13183, 13198
Kuhlemeier, C. 947-948, 9887
Kuhlman, E. G. 4092
Kuhlmann, H. 476
Kuhlmann, T. C. 5234
Kuhlow, C. 11425
Kuhn, C. W. 1840
Kuhn, E. 12359
Kühn, H. 6662
Kuhn, R. 2352
Kühne, T. 11968
Kuiper, M. 880, 5482, 6706, 10371, 12936
Kuiper, M. T. R. 8931
Kuipers, A. G. J. 3295
Kuittinen, H. 67, 2331
Kuk, Y. I. 11139
Kuk YongIn 11139
Kukharenkova, O. V. 10731 Kukharenkova, O. V. 10731 Kukimura, H. 9545 Kukk, V. 2384 Kukreja, A. K. 6377, 7577 Kula, A. 4591 Kulaeva, O. N. 13052 Kulbida, M. P. 4352 Kuldip Singh 6611 Kuldip Singh 6611 Kulevanova, S. 13602 Kulidzhanov, G. V. 6028 Kuliev, R. A. 972 Kulik, G. A. 7353 Kulikauskas, A. 2520 Kulikauskas, R. 47 Kulkarni, A. R. 7645 Kulkarni, N. 6787, 6835, 6847 Kulkarni, R. N. 1210, 3330, 10074 10074 Kulkarni, R. S. 421, 2656, 2860, 3615-3616, 12017, 12964 Kulkarni, S. M. 12579 Kulkarni, V. M. 2624, 2921, Kulshreshtha, S. 928
Kulshreshtha, S. 928
Kulshrestha, V. P. 208
Kum, J. S. 260, 4957
Kumagai, M. H. 9893
Kumagai, T. 5838, 5841, 9545
Kumakov, V. A. 2418
Kumamaru, T. 417
Kumar, A. 1617, 2524, 3355, 3383, 3418, 3427, 3744, 4570, 5331, 5511-5512, 7299, 8512, 8522, 8536, 9013, 11070, 12449
Kumar, B. 2968
Kumar, B. M. D. 2860
Kumar, C. R. A. 8666
Kumar, C. S. 391
Kumar, D. 5511-5512, 6661, 8280, 9510 10963 8280, 9510 Kumar, D. P. 3078 Kumar, H. 324-325, 1950, 2905, 5887, 7973, 7976, 7992, 8506 Kumar, J. 1730, 11999, 12005, 13131-13134 13131-13134 Kumar, K. 1734, 5628, 7139, 8029, 11783 Kumar, M. 7645 Kumar, M. D. 12977 Kumar, M. U. 3848 Kumar, N. 12106 Kumar, N. K. K. 13233 Kumar, P. 1517, 2020, 2068-2069, 3099, 8513, 8516, 8523-8524, 8587

Kumar, P. A. 5780, 7093 Kumar, P. P. 3254, 7532 Kumar, P. S. 7252 Kumar, R. 334, 1017, 2428, 2904, 2912-2913, 5774, 6123, 8475, 12748, 12896 Kumar, R. L. R. 4975 Kumar, R. V. 412, 652, 1735, 6752, 6847, 10523, 10713, 12956, 12959 Kumar, S. 339, 578, 656, 910, 1210, 1833, 2650, 3658, 5405, 6742, 6952, 7577, 7593, 7603, 9493, 9495, 10055, 10700, 11148, 12109, 12554, 13588, 13600 Kumar, T. A. 12325 Kumar, T. A. 12325 Kumar, V. 920, 1832, 2082, 6953, 10704-10705 Kumar, V. A. 3355 Kumar, V. D. 12273, 13354 Kumarev, V. P. 3470 Kumari, B. D. R. 8849 Kumari, S. L. 6781, 6836, 8036, 12964 Kumazawa, S. 12060 Kumlehn, J. 3467 Kumpatla, S. P. 4568, 7693, Kumria, R. 7701 Kün, E. 11359 Kundel'chuk, O. P. 3179 Kundi, R. S. 8245 Kundu, C. 9220 Kundu, P. K. 1287 Kundu, F. K. 1287 Kundu, S. K. 2239 Kung, C. C. S 4660 Kung ChengChe 4660 Kunik, T. 7085 Kunimoto, M. 12581-12582 Kunitake, H. 12086 Kuniyuki, H. 6035 Kunnimalaiyaan, M. 939 Kunoh, H. 621 Kunowski, P. 190 Kunta, T. 1683 Kuntz, M. 5902, 5947, 9615 Kuntze, L. 2598, 10493 Kunz, C. 3168 Kunze, G. 940 Kunze, I. 940 Kunze, R. 6704 Kunowski, P. 190 Kunze, R. 6704 Kunzmann, A. 5794 Kuo, C. E. 11305 Kuo, C. G. 9500 Kuo, C. G. 9500 Kuo, H. J. W. 4754 Kuo, H. Y. 2786 Kuo, T. J. 7238 Kuo, T. T. 4490 Kuo, Y. C. 3634, 4557 Kuo, Y. K. 9712 Kuo, Y. K. 9712 Kuo HsiaoYing 2786 Kuo TiJung 7238 Kuo TsongTeh 4490 Kuo YihChuan 3634, 4557 Kuo YihChuan 3634, 4557 Kuo YinKang 9712 Küpfer, P. 8796, 10223 Kupicha, F. K. 9349 Kuramoto, N. 3247 Kuranouchi, T. 2086 Kuraś, M. 2340, 9781 Kurashige, M. 384, 11784 Kurata, H. 12383 Kurata, N. 12283 Kurata, K. 699 Kurata, N. 365, 2653, 4297, 5582, 6833 Kurata, T. 1311 Kurauchi, N. 4442, 4448, 4451 Kurdali, F. 3761 Kure, H. 7629 Kurek, I. 4366 Kurek, I. 4366 Kurepa, J. 10215, 11432 Kurihara, A. 8334 Kuriyama, H. 2353 Kurmi, R. C. 13359 Kuroda, E. 418 Kuroda, H. 5063, 6276, 6284 Kuroda, J. 4548 Kuroda, S. 12984 Kuroiwa, H. 1085, 10072

Kuroiwa, T. 1085, 9879, 10072, 12380 12380 Kuromori, T. 6488 Kuroshima, M. 1407, 9034 Kuroyanagi, M. 8043 Kurt, O. 6533 Kurth, J. 257, 5313 Kurup, G. T. 3351 Kuruvinashetti, M. S. 5556, 8021 8021 Kusaba, M. 9571, 10770 Kusaba, S. 2117, 9246, 13427 Kusaka, M. 11784 Kusano, T. 4483, 13413 Kuser, J. E. 4100, 7488 Kush, A. 12658 Kusharska, M. 1997 Kushiro, T. 13584 Kushnak, G. D. 1383-1385, 11618 Kushnir, S. 2335, 12699 Kusiak, C. 11136 Kusmenoglu, I. 5770-5771, 13128-13129 Kusnadi, A. 12863 Kusnadi, A. R. 2324, 12869-12870 Kusnetsov, V. V. 13052 Küster, H. 10668 Küster, H. 10668 Kusumegi, T. 13418 Kusumi, K. 3624, 10273 Kusumi, T. 7728 Kusutani, A. 9041, 9253 Kutchan, T. M. 2594, 5101, 7522, 11413 Kutcher, B. M. 4482 Kute, N. S. 3769, 4677 Kuti, J. O. 2154 Kutka F. J. 10351, 10465 Kuti, J. O. 2154
Kutka, F. J. 10351, 10465
Kuts, N. N. 10419
Kutsevich, L. I. 12719
Kutuzova, S. 5042
Kuusienė, S. 10594
Küüts, H. 2384
Kuvshinov, V. 8876
Kuwabara, T. 2465
Kuwashiro, R. 13108 Kuwashirov, 7. 3076
Kuwashiro, R. 13108
Kuwata, S. 4038
Kuzevski, J. 6144, 11073
Kuzma, J. 4770
Kuz'menko, V. N. 6002
Kuznetsova, V. V. 11127
Kuznetsova, N. V. 10360
Kuznetsova, T. N. 5792
Kuźniar, T. 5827
Kvarnheden, A. 6291
Kwist, L. P. 4719
Kwack, B. H. 4118, 11319
Kwack, Y. H. 9361-9362, 9482
Kwack BeyoungHwa 4118, Kwack BeyoungHwa 4118, Kwack BeyoungHwa 4118, 11319 Kwack YongHo 9361-9362, 9482 Kwak, D. Y. 9214 Kwak, J. M. 4267 Kwak, J. Myoung 12271 Kwak, S. S. 9546, 12051 Kwak, T. S. 440 Kwak DoYeon 9214 Kwak SangSoo 9546, 12051 Kwanyuen, P. 1688 Kwart, M. 10171 Kwiatkowski, J. 7916 Kwok, P. Y. 13624 Kwok PuiYan 13624 Kwok PuiYan 13624 Kwon, C. H. 260, 4957 Kwon, J. K. 5026 Kwon, S. I. 7100 Kwon, S. Y. 12051 Kwon, T. R. 7296 Kwon, Y. S. 13245 Kwon JinKyung 5026 Kwon Soonll 7100 Kwon SukYoon 12051 Kwon YoungSeok 1324: Kwon Suk Yoon 12051 Kwon YoungSeok 13245 Kwong, R. W. 10193 Ky, C. L. 9871 Kyesmu, P. M. 12688 Kyle, D. E. 8259, 9368, 9451-9452, 10632 Kyle, M. M. 772, 1841

Kynast, R. G. 267, 4449, 9021 Kyozuka, J. 2156, 8059 Kypriotakis, Z. 11289 Kyung, Y. J. 11319 Kyung YunJeong 11319 La Croix, I. 5127 La Mantia, T. 860 La Notte, E. 1924, 13377 La O., O. 1669 La Porta, G. 3981 La Porta, G. 3981 La Porta, N. 12118 La Rotonda, G. 4687 Laakso, I. 4194 Labarère, J. 7618, 10083 Labarta-Chávarri, R. 3216 Labat, J. N. 984 Labavitch, J. M. 4758, 7187, 10125, 10828 Labbé, T. 1000, 11180 Labbé, T. 1000, 11180 Labdi, M. 13139 Labokas, J. 11362 Labombarda, P. 13045 Labonne, G. 1918 LaBonte, D. R. 703 Laborde, J. A. 5877 Labrador, E. 637, 10707 LaBrie, S. T. 2358 Labrouhe, D. T. de 895, 7315, 12310 12310 Łabuda, S. 12732 Labuschagne, L. 4869 Labuschagne, M. T. 5369 Lacasa, A. 4773 Lacefield, E. C. 3719 Lachance, D. 1050 Lachenaud, P. 4010, 4015, 11101 Lachman, O. 3843 Lachowicz, K. J. 2255 Lacomme, C. 13624 Lacorte, C. 8558 Lacoudre, F. 4219 Lacroute, F. 10155 Lacroute, F. 10155
Ladha, J. K. 4209, 10561
Ladiges, P. Y. 5053, 8699
Ladizinsky, G. 4664, 10336
Ladogina, M. P. 240
LaDon Day, J. 3083
Ladygin, V. G. 11981
Laecke, K. van 6861, 8142
Lægaard, S. 10583
Lafarga, C. 3763
LaFayette, P. R. 590
Laferrière, J. E. 6318, 7510
Lafever, H. N. 1387-1389
Laffer, S. 6326
Lafiandra, D. 4398-4399, 11607
Lafitte, H. R. 317-318 Lafitte, H. R. 317-318 Laflamme, P. 11330 Lafleuriel, J. 10146, 11417 Lafoe, D. 293 Lagazio, C. 13567 Lagercrantz, U. 4948, 11017 Laghetti, G. 9001, 11966, 12597 Laghetti, G. 9001, 11966, 125 Laghi, M. 813 Lagoda, P. J. L. 1970, 3926, 6041, 12248, 13307 Lagoke, S. T. O. 11744 Lagrange, T. 728 Lagrimini, L. M. 2114, 7398, 13500 Lagrimini, M. 5008 Lagudah, E. S. 2486, 11158 Lahav, E. 1997, 8864, 13317 Lahmy, S. 4715 Lai, B. 8829 Lai, K. N. 2786 Lai, M. 6250 Lai, Z. X. 8487, 9740 Lai Been 8829 Lai KunNai 2786 Lai Van Lam 11162, 11166-11167 Lai ZhongXiong 8487, 9740 Laible, G. 943 Laidinen, G. F. 6876 Laikova, L. I. 11569 Laimer da Câmara Machado, M. 7209 Laing, M. D. 3583 Laing, W. A. 12136

Lairy, G. 8321 Laitat, E. 11906 Lajolo, F. M. 3927 Lake, A. W. H. 520 Lakkawar, V. 12919 Lakpale, N. 1737, 4662 Lakshmi, B. S. 2244 Lakshmi, K. A. 11762 Lakshmi, K. R. 2894, 10769 Lakshmi, M. 3225 Lakshmi, N. 5945, 5948, 12124 Lakshmi, T. V. R. 11762 Lakshmi, T. V. R. 11762 Lakshmikumaran, M. 3096 Lairy, G. 8321 Lakshmikumaran, M. 3096 Lal, B. B. 6032 Lal, G. S. 6094 Lal, M. N. 5893 Lal, O. P. 13338 Lal, P. 6755 Lal, P. 6755 Lal, R. 11581, 11608 Lal, R. K. 1140, 2262, 3316-3317, 3320, 3332, 5138, 7587, 13587, 13608 Lal, T. 1855, 2974, 5917 Lalanne, E. 2104, 4028, 11439 Lale, N. E. S. 10718 Laliberté, S. 5071 Lalić, A. 5423, 5442, 9085 Lallemand, J. 5869 Laloi M. 1761 Laloi, M. 1761 Laloue, M. 5243 Lam, E. 49, 1282, 3792, 9897 Lamadji, S. 7350 Lamadji, S. 7350 Lamarque, A. L. 2167 Lamattina, L. 10265 Lamaze, T. 3113 Lamb, C. 2116, 6508, 11468 Lamb, C. J. 943, 4048, 12510 Lamb, J. F. S. 9328 Lamb, P. F. 2479-2480 Lamb, R. L. 9823 Lamb, R. J. 9823 Lambé, P. 10229 Lambert, D. H. 4684, 10656 Lambert, G. M. 936 Lambert, J. D. 2614 Lambert, L. 11959 Lambert, P. 13368 Lambert, R. J. 9171 Lambert, S. M. 3679 Lambert, S. V. 13411 Lamberti, F. 4978 Lambeth, C. C. 1032 Lamboy, W. F. 1897, 8446, 10861 Lamikanra, O. 8459 Lamkey, K. R. 2550, 3548, 9129, 12861 Lammeren, A. A. M. van 2585, Lammeren, A. M. van 2893 Lammerink, J. P. 10746 Lammers, T. G. 3284, 3289 Lamotte-Guéry, F. de 6606 Lampasona, S. 13440 Lamppa, G. K. 13423 Lamppa, G. K. 13423 Lamseejan, S. 11948 Lan, L. F. 7337, 8509, 8589 Lan, Z. Q. 7340, 8505 Lan LeFu 8509, 8589 Lan ZeQu 7340, 8505 Lana, Â. M. Q. 9475 Lanaud, C. 1970, 3926, 6041, 9721, 12248, 13307 Lance, R. C. M. 1453, 9115 Lancelle, S. 6358 Land, S. 8921 Landau-Ellis, D. 5737 Landau-Ellis, D. 5737 Landau-Ellis, D. 5737 Landbeck, M. 5527 Landberg, K. 10190 Landbo, L. 874 Lande, R. 3360, 12663 Lande, S. S. 8535 Landi, L. 3903 Landi, P. 5530-5531, 11708 Landis, D. A. 326 Landi, P. 5530-5531, 11708 Landis, D. A. 326 Landoni, M. 10450 Landré, P. 998, 5054 Landry, B. 4728 Landry, B. S. 4840, 12072, 12072, 12278, 13353 Landry, L. G. 6486 Lane, G. E. 2694

Lane, L. A. 4602, 5696 Lane, R. 3036 Lane, R. P. 1840 Lang, C. E. 11618 Lang, G. 820, 822, 7157, 8428 Lang, G. A. 3906, 6008 Láng, L. 171, 213, 4396, 5392, 11527 Láng, F. 1520 11527
Lång, V. 3522, 10319
Lang, Y. Z. 9249, 11803
Lang YouZhong 9249, 11803
Langdale, J. A. 4486, 11691
Lange, B. M. 8853
Lange, C. E. 2434, 10285
Lange, D. A. 5211
Lange, T. 786, 12706
Lange, W. 929, 6156, 11091, 11344 Langebartels, C. 2957, 6033, Langenberg, W. 13155
Langenberg, W. G. 966
Langenkämper, G. 7211, 12242
Langer, I. 1447, 10323
Langridge, P. 503, 2407, 6609, 6687, 9115, 11617
Langridge, U. 6687
Langridge, W. H. R. 3786
Langrová, M. 1447
Langsdorf, A. 12085
Langseth, W. 4311
Lanham, P. G. 10940
Lannér, C. 12287
Lanning, S. P. 5334, 11618
Lannoye, R. 1519 13436 Lanning, S. P. 5334, 11618 Lannoye, R. 1519 Lans, A. M. van der 11294 Lansac, M. 12196 Lant, V. T. T. 3772 Lanteri, S. 4781, 7482 Lanza, M. A. 5755 Lapeyrie, F. 13124 Lapidot, M. 1848, 3843 Lapierre, A. 1493 Lapierre, C. 5052 Lapikova, V. P. 10572 Łapiński, M. 2527 Lapinskienė, J. 2887 Lapitan, N. L. V. 9012, 10738, 11659 11659 Lapke, C. 13578 Laplaze, L. 4232 Laponkina, I. F. 214 Lapointe, G. 8639 Laporte, M. M. 3831 Laporte, P. 10037 Laporte, V. 11081 Laprevotte, I. 3384 Laprevotte, I. 3384 Lara, F. M. 1548, 5546, 5756, 6251 Lara, P. 6653 Lara, R. P. 4413 Lara, S. P. 3071 Larchenko, E. A. 5520 Lardon, A. 2210, 4138 Lark, K. G. 10631, 11939 Lark, N. G. 10051, 11959 Larkcom, J. 5903 Larkin, J. C. 10188 Larkin, P. D. 12932 Larkin, P. J. 10367 Larkin, R. M. 1298, 10154 Larkins, B. A. 1487, 3571, 7640, 7640, 7640, 10478 Laroche, A. 4436, 5389, 10304, 11640 Larqué-Saavedra, A. 4411, 11731 Larrigaudière, C. 803 Larrigaudiere, C. 803 Larsen, A. B. 6293 Larsen, E. 4243 Larsen, J. 7979 Larsen, K. 5708, 5736 Larsen, K. D. 3911 Larsen, P. B. 87, 1321, 10206, 10208 Larson, S. R. 11668 Larsson, C. 8359 Larsson, C. T. 9519, 11431 Larsson, H. 9519, 11431 Larsson, S. 9835 Lartaud, M. 2153, 11170

LaRue, T. A. 629 Larzul, C. 1 Lasa, J. M. 2615 Lascoux, M. 2366, 6271, 7472, 11476 Laser, B. 5469 Lashbrook, C. C. 5916, 12102 Lashermes, P. 932, 4999, 7319, 8629, 9858, 9863, 12369, 13331 Lashin, A. F. 8676 Lashomb, J. 7094 Lashomb, J. H. 8385 Laskowska, D. 7380 Lassaga, S. L. 13202 Lassan, T. 6416 Lassen, P. 5707 Lasserre, E. (1854, 3857 Lasserre, E. 1854, 3857
Last, R. L. 6486, 12646
László-Bencsik, Á. 1147-1148
Latché, A. 2949, 3837, 3855, 8393, 10817
Lateana, V. 12208
Lateef, S. S. 1732
Laten, H. M. 11937
Laterrot, H. 1831, 7081
Lateur, M. 9630
Latha, P. 7262
Latha, R. 8845
Lather, V. S. 642, 644
Latif, M. A. 3653
Latigo, G. V. 2154
Latorre, B. A. 8415 Latorre, B. A. 8415 Latorre, K. A. 4249 Latta, R. G. 1033, 4084, 6530 Lattoo, S. K. 4184 Lau, T. C. 3233 Lau TakCheung 3233 Lauber, U. 9948 Laubichler, M. D. 12676 Laublin, G. 2879 Laudański, Z. 7911 Laudencia-Chingcuanco, D. 10432 Laudert, D. 12624 Lauenstein, G. 1782 Lauer, F. I. 9526 Laufs, P. 12631 Laugé, R. 7079 Laughann, J. R. 4495 Lauranson-Broyer, J. 3239 Laurens, F. 796-797, 1895, 8408, 9632, 9642, 10868, 12154 Laurent, P. 12110 Laurent, V. 7664 Lauri, P. E. 8408 Laurie, D. A. 136, 457, 4309, Laurie, D. A. 136, 457, 430! 5313, 11591, 11785
Lauvergeat, V. 7448
Laux, T. 80, 7715
Lavania, U. C. 7695
Lavanya, C. 6774, 6821
Lavender, P. 9149
Lavi, U. 1997, 8864, 13317
Lavia, G. I. 12324
Lavialle, O. 3028, 4829 Lavialle, O. 3028, 4829 Lavigne, C. 3668, 11002, 13599 Lavin, M. 2767 Lavinder Kaur 5624 Laviolette, F. A. 6903 Lavisse, P. 8828 Lavithis, M. 11438 Lavranos, J. J. 4166 Lavy, T. 3664 Law, C. C. 1422 Law, C. N. 1402, 5360, 10274, 10276 Law, J. R. 7787, 8623, 11550 Law, M. D. 965 Lawande, K. E. 2840 Lawes, G. S. 3873 Lawlor, H. J. 13138 Lawrence, A. 1967 Lawrence, E. B. 4695 Lawrence, F. J. 826, 10938 Lawrence, G. 4057 Lawrence, G. W. 2908 Lawrence, M. J. 112-113, 4988, 9206-9207, 9245, 9256 Lawrence, P. 232 Lawson, E. C. 3797 Lawson, W. 13324 Lawson, W. R. 12312 Lawton, M. 1259 Lax, A. R. 5536, 7956 Laxminarayan Hegde 11328 Laxminarayan Hegde 11328 Lay, C. 4963 Lay, W. 3888 Layne, R. E. C. 3891 Layssac, M. 6158 Layton, M. B. 6234 Layzell, D. B. 1689, 10612 Laza, R. C. 12975 Lazăr, C. 3460, 3543 Lazar, M. D. 3444, 5454, 10253 Lazarenko, L. M. 2924 Lazarevich, S. V. 5345, 6612, 11603 Lazardver, S. V. 3343, 601.

11603

Lazarides, M. 510

Lázaro, J. J. 1719

Lázaro, L. 12738

Lazarova, G. I. 10808

Lazić, B. 11351

Lazić-Jančić, V. 323, 5530

Lazo, G. R. 6215

Lazreg, A. 11417

Lazzari, L. B. 2775, 9359

Lazzaroni, N. 11520

Lazzeri, P. 182

Lazzeri, P. A. 4302, 6626

Le, B. V. 1170

Le, H. 4348, 12727

Le, H. Q. 7830, 10293

Le, V. Q. 3789

Le Buanec, B. 10, 2300 11603 Le Buanec, B. 10, 2300 Le Corff, J. 12534 Le Corre, V. 2159, 3218, 8705 Le Gia Trung Phuc 11166-11167 Le Guen, J. 9466 Le Guilloux, M. 5500 Le Hanh 10241, 12727 Le Gultioux, M. 5500
Le Hanh 10241, 12727
Le Hong Thianh 11136
Le Houérou, H. N. 5644
Le Lézec, M. 796-797, 799, 1895, 9632
Le Maréchal, P. 5553
Le Mau Tuy 11166-11167
Le Nard, M. 11287
Le Ray, M. 4071
Le Rü, B. 5837
Le Thi Anh Hong 5303
Le Thi Chau Dung 5594
Le VanQuy 3789
Lea, D. 7345
Lea, P. J. 235, 2684
Leach, C. R. 3268
Leach, J. E. 3652
Leader, D. J. 286, 12867
Leadley, E. 2252
Leah, R. 11676
Leal, E. C. 11041
Leaman, M. 11074 Leat, E. C. 11041 Leaman, M. 11074 Leaño, C. 12988 Leath, S. 1473, 3473, 6683, 7858, 10301, 12759 Leaver, C. J. 1553 Lebeda, A. 5923, 5969, 10825, 13238 Lebedinskaya, S. O. 2841 Lebedinskaya, S. O. 2841 Lebel-Hardenack, S. 60 Leblanc, O. 1641, 5549-5550 Lebot, V. 9507 Lebreton, C. 323, 457, 5530 Lebreton, P. 3238-3239 Lebrun, P. 9807 Lechowicz, M. J. 1036 Leorun, P. 9807 Lechowicz, M. J. 1036 Leckband, G. 10946 Leckie, F. 3743, 11512 Lecomte, B. 9473 Lecomte, P. 796-797, 1895, Jecoup, H. 19, 783, 3859, 11135 Lecouls, A. C. 4804, 10936 Ledbetter, C. A. 817 Lederman, I. E. 7240-7241, 7247 Ledger, S. 10067 Ledger, S. E. 1080 Ledig, F. T. 6292, 12436, 13501

Ledó, H. D. 4784 Lee, B. M. 3564-3566, 13461 Lee, C. B. 458 Lee, C. H. 458, 1310, 5006, 12513 Lee, C. H. K. 12891 Lee, C. J. 140 Lee, D. 2343, 4254 Lee, D. J. 12348 Lee, E. 13213 Lee, E. A. 7967, 10373 Lee, F. M. van der 1266, 3411 Lee, F. N. 3622, 6745, 6834, 6837-6838 Lee, G. I. 69 Lee, H. B. 9151 Lee, H. C. 4770 Lee, H. E. 12515 Lee, H. C. 4770
Lee, H. E. 12515
Lee, H. J. 10823, 11139, 11464
Lee, H. S. 1175, 3089, 4118, 4144, 5017, 9546, 9792, 10650, 12051, 13086, 13349
Lee, H. S. 13087
Lee, H. W. 9902, 11720
Lee, H. W. 9902, 11720
Lee, H. Y. 5006
Lee, I. 12648, 13629
Lee, I. J. 8015, 12969
Lee, I. S. 9151
Lee, J. Z711, 6662, 11826
Lee, J. A. 13463
Lee, J. D. 13084
Lee, J. E. 231, 12779
Lee, J. F. 11281
Lee, J. H. 88, 2409, 4358, 10643, 12872
Lee, J. J. 9364
Lee, J. M. 3852, 12135
Lee, J. S. 2088, 4118, 12515
Lee, J. Y. 389
Lee, K. J. 1465
Lee, K. M. 3779
Lee, K. S. 1603, 4908, 8081, 9211, 13006
Lee, K. Y. 2950, 9213
Lee, M. 261, 1533, 7650, 8913
Lee, M. H. 2007, 4779, 5006, 12872
Lee, M. M. 12379
Lee, M. M. 12379
Lee, M. M. 12379
Lee, M. S. 1712 Lee, M. H. 2007, 47/9, 5006, 12872
Lee, M. M. 12379
Lee, M. S. 1712
Lee, M. S. Y. 2380
Lee, S. 2955
Lee, S. B. 7270, 11138
Lee, S. H. 9224, 9365-9366, 10650, 12379, 13086
Lee, S. I. 9224
Lee, S. J. 773, 5441
Lee, S. K. 3809, 9212, 9482, 11934, 12104
Lee, S. P. 7021, 8827, 8855
Lee, S. S. 1801, 1805-1806, 4738, 9569
Lee, S. W. 2007, 2173, 7021
Lee, S. Y. 1310, 5577, 8529, 9211
Lee, T. van der 1464, 12111 9211 Lee, T. van der 1464, 12111 Lee, W. C. 7215 Lee, W. S. 6701 Lee, Y. H. 8925, 9365-9366 Lee, Y. O. 4747, 4751 Lee, Y. R. J. 590 Lee ByungHyun 12377 Lee ChinBum 458 Lee ChoonHwan 458, 1310 Lee GyuIn 69 Lee HaengSoon 1175, 9546, 12051 Lee HeeBong 9151 Lee HeeJae 11139 Lee HoJoung 11464 Lee HonCheung 4770 Lee HongSuk 10650, 13086-13087 Lee HoSun 4118 Lee HoSun 4118 Lee HyeEun 12515 Lee HyoShin 3089, 9792, 13349 Lee HyoWon 11720 Lee HyunSook 4144, 5017 Lee HyunWoo 9902 Lee InJung 8015, 12969 Lee InSup 9151

Lee JaeKil 9211, 13010 Lee JaeSeon 2088 Lee JaiHeon 2409, 12872 Lee JeongHee 88 Lee JeongSik 12515 Lee JongSuk 4118 Lee JongSuk 4118 Lee JungJoon 9364 Lee JungMyung 3852, 12135 Lee KangMoon 3779 Lee KangSoo 13006 Lee KeeYeong 9213 Lee KuiJae 1465 Lee KyuSeong 1603, 8081, 9211 Lee MoonSoon 1712 Lee MunHwan 4779 Lee MyeongMin 12379 Lee MyoungHoon 12872 Lee SangHyoung 9224 Lee SangYeb 1310 Lee SangYeol 5577, 8529 Lee SeongPhil 7021, 8827, Lee SeongPhil 7021, 8827, 8855 Lee SeonYong 9211 Lee SeungBum 7270, 11138 Lee SeungKoo 3809, 12104 Lee Sooln 9224 Lee SooKwan 9212 Lee SooSeong 1801, 1805-1806, 4738, 9569 Lee SukHa 9365-9366, 10650, 13086 Lee SuKwan 9482 Lee SungKyu 11934 Lee SungWoo 7021 Lee SunHi 12379 Lee WonChu 7215 Lee YeongHo 9365-9366 Lee YongHun 8925 Lee YoungOk 4751 Leebens-Mack, J. 9346 Leech, M. 5636, 6761, 6844, 11785 Leedge-Plegt, L. M. van der 11296 11296 Leegood, R. C. 235, 2684 Leemans, J. 1351 Leenakumari, S. 12967 Leenher, L. de 8989 Lees, A. K. 6999, 12037 Leeuwen, W. M. van 1966, 2096 Lefebvre, V. 3854, 5943, 5947 Lefèvre, F. 3220, 4087, 8708 Lefort, F. 8703 Lefort, M. 5192-5193, 8884 Legacion, D. M. 8005 Legard, D. E. 6022 Legave, J. M. 3001, 4891, 4902 Legavre, T. 6758, 9862, 13520 Legé, K. E. 13453 Legendre, B. L. 2075, 2077, 13394 Legge, W. G. 5448, 12800 13394 Legge, W. G. 5448, 12800 Leggett, J. M. 6636 Legionnet, A. 3220 Legnaté, H. 11161, 11163 Legocki, A. B. 137, 2757, 5703 Legorburu, F. J. 12036 Legrand, E. 3113 Legrand, M. 5018 Lehman, J. S. 1929, 7182 Lehman, V. G. 2705, 9314 Lehmann, E. E. 3687 Lehmann, J. 483-484, 495-496, 545, 8126, 8151, 9295 545, 8126, 8151, 9295 Lehmann, L. C. 9110 Lehmann, M. R. 3687 Lehmann, W. 11373 Lehmann, W. 1771 Lehrer, S. B. 6466 Lei, B. J. 8688, 13075 Lei, C. L. 2677 Lei, H. D. 6056 Lei, H. T. 4350 Lei, J. J. 4812, 8443, 10943, 11001 Lei, S. P. 11796 Lei, S. P. 11796 Lei, X. M. 451 Lei, Z. Y. 9638

Lei BoJun 8688, 13075 Lei CaiLin 2677 Lei HeTian 4350 Lei HuiDe 6056 Lei JiaJun 4812, 8443, 10943 Lei JianJun 11001 Lei JianJun 11001
Lei JieCheng 2645, 11796
Lei JieCheng 2645, 11796
Lei ShangPing 11796
Lei XiaoMao 451
Lei ZhenYa 9638
Leibbrandt, A. 10085
Leins, P. 5279, 5886
Leipert, R. B. 6706
Leis, M. 12149
Leisle, D. 1409, 3461, 3481
Leisner, S. M. 91
Leister, D. 1771, 5313
Leistrumaité, A. 2488
Leitch, I. J. 2370, 3306, 11314
Leite, A. 4571, 11428
Leite, C. E. P. 10483
Leite, G. L. D. 1837
Leithold, B. 7845 Leithold, B. 7845 Leitz, R. A. 10655 Leiva G., S. 10980 Leja, M. 5829 Leja, M. 5829 Lejay, L. 5014, 6174 Lekh Raj 2020, 8513, 9780 Lekhraj 2455 Leksono, B. 7345 Lelièvre, F. 1628 Lelièvre, J. M. 3837 Lelis Morello, C. de 11728 Lelley, T. 574, 3475, 5381, 13247 Lelli, L. 3235 Lelu, M. A. 1050 Lema, G. 5627 Lemaire, J. M. 9623 Lema, G. 5627
Lemaire, J. M. 9623
Lemaire-Chamley, M. 5553
Lemaux, P. G. 6665, 8366
Lembke, K. 3963
Lemcke, K. 6181, 13438
Lemežienė, N. 2700
Lemežis, E. 2713, 3352
Lemieux, B. 12609
Lemke, B. G. 3702, 8229
Lemmi, G. 13054
Lemmon, B. E. 1121
Lemos, L. 7434
Lendini, M. 6590, 9047
Lenets, A. A. 7391
Leng, M. 5013
Leng, P. 4928
Leng Mei 5013
Lenka, D. 673, 2824, 8266
Lenné, J. M. 11964
Lennon, K. A. 6489
Lennys, M. 1740
Lenoir, A. 3962
Lent J. W. M. van 5025 Lennon, K. A. 6469
Lennys, M. 1740
Lenoir, A. 3962
Lent, J. W. M. van 5025
Lentini, Z. 6800
Lenton, J. R. 9031
Lentzsch, P. 3751
Lenz, F. 835
Lenzi, A. 12301
León, H. de 5515, 9128
León, J. 3407, 4695, 10203
León, O. 3058, 6043, 7697
Leon, P. 11400
Léon-Kloosterziel, K. M. 5251
Leonard, B. R. 2134-2136, 6237, 6243, 7415, 9927
Leonard, J. M. 7342-7343
Leonardi, S. 7482
Leone, A. 687, 1236
Leong, T. 13328
Leonhardt, W. 841 Leong, T. 13328 Leonhardt, W. 841 Leopold, I. 7070 Leou, C. S. 7568 Leou ChongSheng 7568 Lepiniec, L. 11385 Leplé, J. C. 7447 Lepri, O. 11680 Lerbs-Mache, S. 4744 Lerer, A. 7219 LeRet, M. 8339 Lermontova, I. 3175 Lermontova, I. 3175 Lerner, H. R. 10507 Leroy, P. 9103, 10275, 11543

Leroy, T. 4998, 8627, 9859,
9862
Lers, A. 4764, 7222 Lersten, N. R. 576
Lesch, A. J. G. 5347
Lesch, A. J. G. 5347 Lescure, B. 3391 Lescure, N. 5689 Lesemann, D. E. 5873 Leslie, C. A. 6069
Lescure, N. 3089 Lesemann, D. E. 5873
Leslie, C. A. 6069
Lesnick, M. L. 11697
Lespinasse, J. M. 8408 Lespinasse, V. 10868
Lesnick, M. L. 11697 Lesnick, M. L. 11697 Lespinasse, J. M. 8408 Lespinasse, Y. 10868 Lessard, P. 28
Lesser, W. 5181, 8876 Lessire, R. 6087
Lessire R 6087
Lessnick A 4035
Lester, D. R. 620 Lester, R. N. 2964, 5802 Leszczyńska, D. 2514-2515 Létal, J. 7932, 9374
Lester, R. N. 2964, 5802 Leszczyńska D 2514-2515
Létal, J. 7932, 9374
Letchamo, W. 2232 Letchworth, M. B. 9171 Letham, D. L. D. 9770 Letham, D. S. 4033-4034, 7378 Leto, C. 2249
Letham, D. L. D. 9770
Letham, D. S. 4033-4034, 7378
Leto, C. 2249 Letourmy, P. 4001
Leu, M. H. 9712-9713
Leu MingHsiung 9712
Leu MinHsiung 9713
Leu MinHsiung 9/13 Leube, M. P. 10192 Leung, H. 12713 Leung, J. 2739, 3392 Leur, J. A. G. van 12801 Leustek, T. 1317, 4245 Leuven, F. van 713, 3925, 4905 Lev-Yadun, S. 9024 Leva, A. R. 1960
Leung, J. 2739, 3392
Leur, J. A. G. van 12801
Leuven, F. van 713, 3925, 4905
Lev-Yadun, S. 9024
Leva, A. R. 1960
Lévesque, C. A. 11470
Levgerova, N. S. 2994, 10879
Lev-Yadun, S. 9024 Leva, A. R. 1960 Levchenko, S. V. 6002 Lévesque, C. A. 11470 Levgerova, N. S. 2994, 10879 Levi, A. 6313, 12215 Levi M. 8276
Levi, M. 8276 Levi-Nissim, A. 10781
Leviatov, S. 9608
Levin, D. A. 5106, 6526
T C N/ 10050
Levi-Nissim, A. 10781 Leviatov, S. 9608 Levin, D. A. 5106, 6526 Levin, G. M. 10858 Levin I. A. 2323
Levin, G. M. 10858 Levin, J. A. 2323 Levin, J. Z. 10189
Levin, G. M. 10858 Levin, J. A. 2323 Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952
Levin, J. A. 2323 Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levings, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levings, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levings, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levings, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levings, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levings, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew R. R. 4952
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levings, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew R. R. 4952
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewandowski, D. J. 8466, 8468
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewandowski, D. J. 8466, 8468
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, C. 3671 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. 9115, 9334 Lewis, J. 9115, 9334 Lewis, J. 634437
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, C. 3671 Lewis, J. 9115, 9334 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 1282 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. 9115, 9334 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, C. 3671 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. 9115, 9334 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, C. 3671 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. 9115, 9334 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702 Ley, E. 6167
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, C. 3671 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. 9115, 9334 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702 Ley, E. 6167
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, C. 3671 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. 9115, 9334 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702 Ley, E. 6167
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, C. 3671 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. 9115, 9334 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702 Ley, E. 6167
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, D. H. 6351 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702 Ley, E. 6167 Leymarie, J. 1654 Leyser, O. 4274, 7727, 8940 Leyva, A. 943, 5190, 8928 Leyva, N. 8060 Lézec, M. le 796-797, 799,
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, D. H. 6351 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702 Ley, E. 6167 Leymarie, J. 1654 Leyser, O. 4274, 7727, 8940 Leyva, A. 943, 5190, 8928 Leyva, N. 8060 Lézec, M. le 796-797, 799,
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, D. H. 6351 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702 Ley, E. 6167 Leymarie, J. 1654 Leyser, O. 4274, 7727, 8940 Leyva, A. 943, 5190, 8928 Leyva, N. 8060 Lézec, M. le 796-797, 799,
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, D. H. 6351 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702 Ley, E. 6167 Leymarie, J. 1654 Leyser, O. 4274, 7727, 8940 Leyva, A. 943, 5190, 8928 Leyva, N. 8060 Lézec, M. le 796-797, 799,
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levings, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. 9115, 9334 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702 Ley, E. 6167 Leymarie, J. 1654 Leyser, O. 4274, 7727, 8940 Leyva, A. 943, 5190, 8928 Leyva, N. 8060 Lézec, M. le 796-797, 799, 1895, 9632 Lhaloui, S. 12775 Li, A. G. 5028 Li, A. H. 10027 Li, A. J. 4522 Li, A. L. 8674
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levings, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. 9115, 9334 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702 Ley, E. 6167 Leymarie, J. 1654 Leyser, O. 4274, 7727, 8940 Leyva, A. 943, 5190, 8928 Leyva, N. 8060 Lézec, M. le 796-797, 799, 1895, 9632 Lhaloui, S. 12775 Li, A. G. 5028 Li, A. H. 10027 Li, A. J. 4522 Li, A. L. 8674
Levin, J. Z. 10189 Levina, N. N. 4952 Levine, E. B. 4695 Levine, M. M. 9522 Levines, C. S. 11735 Levites, E. V. 6150 Levy, A. 3829, 10330 Levy, A. A. 287, 294, 3172, 4361, 10387 Levy, D. 4692 Levy, L. 1918 Levyatuv, S. 3829 Lew, R. R. 4952 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, A. 2182 Lewandowski, D. J. 8466, 8468 Lewellen, R. T. 2092, 3156 Lewers, K. S. 9380, 9389, 10640, 13081-13082 Lewinsohn, E. 4189 Lewinsohn, E. 4189 Lewis, D. H. 6351 Lewis, D. H. 6351 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, J. G. 4437 Lewis, S. A. 3714 Lewontin, R. C. 2301, 6424 Lewthwaite, S. L. 1759, 4711 Lexer, C. 8702 Ley, E. 6167 Leymarie, J. 1654 Leyser, O. 4274, 7727, 8940 Leyva, A. 943, 5190, 8928 Leyva, N. 8060 Lézec, M. le 796-797, 799,

T : D T 0000
Li, B. L. 2389 Li, B. L 6269 Li, B. X. 1891 Li, B. Y. 5359 Li, B. Z. 9640 Li, C. 12987 Li, C. C. 9266 Li, C. F. 3434 Li, C. H. 431 Li, C. L. 3375, 7132 Li, C. M. 12174 Li, C. P. 1487 Li, C. Q. 12073
LI, B. L. 0209
LI, D. A. 1091 I: D V 5250
Li, B. 7. 9640
Li C 12987
Li C. C. 9266
Li. C. F. 3434
Li, C. H. 431
Li, C. L. 3375, 7132
Li, C. M. 12174
Li, C. P. 1487
Li, C. Q. 12073 Li, C. Ŷ. 156, 4981, 5630-5631, 11568, 12239 Li, C. Z. 10499
Li, C. Y. 156, 4981, 5630-5631,
11568, 12239
Li, C. Z. 10499
Li, C. Z. 10499 Li, D. 7797 Li, D. B. 1582, 1592, 5600, 10531, 10542, 10574 Li, D. K. 1914 Li, D. P. 7621 Li, D. Z. 10691 Li, D. Z. 5163, 6393-6394,
Li, D. B. 1582, 1592, 5000,
10551, 10542, 10574
LI, D. R. 1914 Li, D. P. 7621
Li, D. Y. 10501
Li D Z 5163 6393-6394
10805
Li. F. 4911
Li, F. S. 8595
Li, F. Y. 4949, 13269
Li, G. B. 2066
Li, G. C. 4920, 4927
Li, G. D. 3131
10805 Li, F. 4911 Li, F. S. 8595 Li, F. Y. 4949, 13269 Li, G. B. 2066 Li, G. C. 4920, 4927 Li, G. D. 3131 Li, G. F. 7693, 10670 Li, G. G. 12077 Li, G. Q. 2682 Li, G. T. 5575 Li, G. X. 1866 Li, G. Y. 726, 5039 Li, H. 4063, 8073, 8103, 10283, 11552, 12549
Li, G. G. 12077
Li, G. Q. 2682
Li, G. T. 55/5
Ll, G. A. 1800 T: C V 724 5020
LI, U. 1. 720, 3039
11552, 12549
Li H B 405 1575 2414 2644
Li, H. B. 405, 1575, 2414, 2644 Li, H. F. 10929
Li. H. J. 724, 8832
Li, H. M. 1838, 5937
Li, H. P. 3446
Li, H. Q. 7018
Li, H. S. 4551, 10541
Li, J. 543, 1595, 4797, 7511,
Li, H. F. 10929 Li, H. J. 724, 8832 Li, H. M. 1838, 5937 Li, H. P. 3446 Li, H. Q. 7018 Li, H. S. 4551, 10541 Li, J. 543, 1595, 4797, 7511, 8073, 8932, 9252, 10434, 10473
Li, J. F. 3195, 10806
Li, J. G. 13266 Li, J. H. 9959, 12444 Li, J. J. 6311, 11221
Li, J. 11. 9939, 12444 Li, I I 6311 11221
Li, J. K. 13098
Li, J. L. 4617, 11564
Li, J. M. 1318, 2353, 5589.
Li, J. M. 1318, 2353, 5589, 7056
Li, J. N. 3093, 8510
Li, J. S. 2570, 2586
L1, J. W. /111
Li, J. W. 7111 Li, J. X. 2566, 3621, 4542
Li, J. W. 7111 Li, J. X. 2566, 3621, 4542 Li, J. Y. 4555, 7841
Li, J. W. 7111 Li, J. X. 2566, 3621, 4542 Li, J. Y. 4555, 7841 Li, K. 8961
7056 Li, J. N. 3093, 8510 Li, J. S. 2570, 2586 Li, J. W. 7111 Li, J. X. 2566, 3621, 4542 Li, J. Y. 4555, 7841 Li, K. 8961 Li, L. 13624
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. Q. 4547, 9247
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. Q. 4547, 9247
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. Q. 4547, 9247
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. Q. 4547, 9247
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. Q. 4547, 9247
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. Q. 4547, 9247
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570 Li, Q. Q. 11555-11556 Li, O. S. 4224, 11978
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570 Li, Q. Q. 11555-11556 Li, O. S. 4224, 11978
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570 Li, Q. G. 11555-11556 Li, Q. Q. 11555-11556 Li, Q. S. 4224, 11978 Li, Q. W. 12347 Li, R. B. 6795 Li, R. G. 3966, 5844
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570 Li, Q. G. 11555-11556 Li, Q. Q. 11555-11556 Li, Q. S. 4224, 11978 Li, Q. W. 12347 Li, R. B. 6795 Li, R. G. 3966, 5844
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570 Li, Q. G. 11555-11556 Li, Q. Q. 11555-11556 Li, Q. S. 4224, 11978 Li, Q. W. 12347 Li, R. B. 6795 Li, R. G. 3966, 5844
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. G. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570 Li, Q. Q. 11555-11556 Li, Q. Q. 211555-11556 Li, Q. W. 12347 Li, R. B. 6795 Li, R. G. 3966, 5844 Li, R. H. 6771, 11787 Li, R. J. 12464 Li, R. J. 12464 Li, R. M. 12898
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. G. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570 Li, Q. Q. 11555-11556 Li, Q. Q. 211555-11556 Li, Q. W. 12347 Li, R. B. 6795 Li, R. G. 3966, 5844 Li, R. H. 6771, 11787 Li, R. J. 12464 Li, R. J. 12464 Li, R. M. 12898
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. G. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570 Li, Q. Q. 11555-11556 Li, Q. Q. 211555-11556 Li, Q. W. 12347 Li, R. B. 6795 Li, R. G. 3966, 5844 Li, R. H. 6771, 11787 Li, R. J. 12464 Li, R. J. 12464 Li, R. M. 12898
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. G. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570 Li, Q. Q. 11555-11556 Li, Q. Q. 211555-11556 Li, Q. W. 12347 Li, R. B. 6795 Li, R. G. 3966, 5844 Li, R. H. 6771, 11787 Li, R. J. 12464 Li, R. J. 12464 Li, R. M. 12898
Li, L. C. 2562, 6759, 7486, 7909, 9135 Li, L. F. 9252 Li, L. H. 4793, 6561 Li, L. J. 11848 Li, L. Y. 3343 Li, M. 971, 6189 Li, M. Q. 4547, 9247 Li, M. R. 410 Li, M. X. 13284 Li, M. Y. 8353 Li, P. 410, 5581 Li, Q. 4799, 9883 Li, Q. B. 9576-9577 Li, Q. F. 9570 Li, Q. G. 11555-11556 Li, Q. Q. 11555-11556 Li, Q. S. 4224, 11978 Li, Q. W. 12347 Li, R. B. 6795 Li, R. G. 3966, 5844

```
Li, S. D. 5904
Li, S. G. 3092, 6090, 8643
Li, S. H. 3936, 6004, 7148
Li, S. J. 5030, 12284
Li, S. K. 298, 4493, 11703
Li, S. L. 9570
Li, S. M. 11642
Li, S. P. 1368, 3515
Li, S. W. 727
Li, T. 3934, 9227
Li, T. Q. 102, 2363
Li, T. R. 8329
Li, W. 2811, 4915, 12931,
    13079
Li, W. H. 3233, 9549
Li, W. L. 9316
Li, W. M. 2675, 4377
Li, W. X. 6633, 10289, 11582
Li, W. Z. 3526
Li, X. 8050, 8508, 9281, 10212,
    10749
Li, X. B. 5340
Li, X. C. 13075
Li, X. F. 6840, 8505
Li, X. G. 4796, 9444
Li, X. H. 472, 1575, 3621,
4542, 4627, 4755, 6771,
8238, 9401, 9420, 10073,
11945, 12945, 13462
Li, X. L. 3878, 5601, 8246,
    12598
Li, X. M. 503, 1606, 9660,
    11886
Li, X. P. 5394
Li, X. Q. 3948, 6561
Li, X. W. 7607
Li, X. X. 5844
Li, X. Y. 6286, 7365, 10458
Li, Y. 384, 3293, 5688, 6418,
9883, 10499, 10511, 10930,
11858, 12156, 12443
Li, Y. F. 5249, 6356
Li, Y. G. 10415, 11717
Li, Y. H. 12077
Li, Y. L. 10842
Li, Y. M. 9360
Li, Y. M. 9360

Li, Y. S. 3455

Li, Y. Z. 6108

Li, Z. 388, 6079, 13020, 13118

Li, Z. C. 5591, 8555, 9233

Li, Z. D. 2151

Li, Z. H. 1590, 10386
Li, Z. H. 1390, 10380

Li, Z. J. 4012

Li, Z. K. 397, 1585, 8340

Li, Z. L. 6300, 6335, 9667

Li, Z. S. 55, 6482, 7718, 7841

Li, Z. W. 9022

Li, Z. Y. 4634, 8465, 12710
Li, Z. Z. 2440
Li AiGuo 5028
Li AiHua 10027
Li AiJun 4522
Li AiLian 8674
Li BaiJun 9649
Li BaiLian 6269
Li BaiLin 2389
Li BaoJian 6765, 9228, 11266,
    11853
Li BaoJu 13269
Li BaoYun 5359
Li Bin 12505
Li BingZhi 9640
Li Bo 12654
Li BuXun 1891
Li ChangYu 12239
Li ChaoLuan 7132
Li ChengChang 9266
Li ChengQiong 12073
Li ChengYun 5630-5631
Li ChinFung 3434
Li ChongYang 4981
Li Chuan You 156, 11568
Li ChunHai 431
Li ChunLi 3375
Li ChunMin 12174
Li Chunivin 12174
Li ChunPing 1487
Li CuiZhen 10499
Li DeBao 1582, 1592, 5600,
10531, 10542, 10574
Li DengKuo 1914
Li DeYing 10591
```

Li DeZe 10805 Li DeZhu 6393-6394 Li Dong 7797 Li DongPing 7621 Li Feng 4911 Li FengYang 4949 Li FengYun 13269 Li FuSheng 8595 Li GaoChao 4920, 4927 Li GengGuang 12077 Li GenYi 726 Li GenYuan 5039 Li GuiBao 2066 Li GuiQuan 2682 Li GuoDong 3131 Li GuoFu 7693, 10670 Li GuoTai 5575 Li GuXiang 1866 Li HaoBin 2414 Li HeBiao 405 Li HePing 3446 Li HeSheng 4551, 10541 Li HongJian 8832 Li Hua 8103 Li HuaiJun 724 Li HueiMei 1838, 5937 Li Hui 8073 Li HuiFen 10929 Li Jia 8932 Li JiaJue 6311, 11221 Li JiaNa 8510 Li Jiang 4797 Li JianGuo 13266 Li JianHua 9959 Li JianMing 1318, 2353 Li JianSheng 2570, 2586 Li JianYue 4555 Li JiaWang 7111 Li Jie 7511 Li JieKuen 13098 Li JiLin 4617, 11564 Li JiMing 5589 Li Jing 8073 Li JingFu 10806 Li JingXiong 2566 Li JinHua 12444 Li JiYun 7841 Li Jun 1595, 9252 Li JunFang 3195 Li JunMing 7056 Li LanCheng 2562 Li LianCheng 9135 Li LiangCai 6759, 7909 Li LiJia 11848 Li LinFeng 9252 Li Ling 13624 Li LingChu 7486 Li LinHong 4793 Li LiYun 3343 Li MeiRu 410 Li Miao 971 Li MingQi 4547, 9247 Li MingXian 13284 Li MingYuan 8353 Li Ping 410, 5581 Li Qi 9883 Li Qiang 4799 Li QinBao 9577 Li QingFang 9570 Li QingQi 11555-11556 Li QingShun 4224, 11978, 13121 Li RenHua 11787 Li RongBai 6795 Li RongQian 5885 Li RongWei 4551 Li RuGang 3966, 5844 Li RuiJun 12464 Li RuMing 12898 Li RunZhi 12392 Li ShaoHua 6004, 7148 Li ShaoKun 298, 4493, 11703 Li ShengGuo 3092, 6090, 8643 Li ShiChi 3932 Li ShiJun 12284 Li ShiMing 11642

Li ShuDe 5904 Li ShuJun 5030 Li ShuLin 9570

Li SuHua 3936 Li SuoPing 1368, 3515

Li SuWen 727 Li Tao 3934, 9227 Li TianQuan 102, 2363 Li TianRan 8329 Li WangLong 9316 Li Wei 2811, 4915, 13079 Li WeiMing 2675 Li Wen 12931 Li WenHsiung 3233 Li WenXiong 6633, 10289, 11582 Li WenZe 3526 Li Xia 9281 Li XianBi 5340 Li XianFang 6840 Li XiangHua 8238, 9420 Li XianGhua 9444 Li XiangHua 11945 Li XiangHui 472, 8657, 13462 Li XiaoLin 5601 Li XiaoMei 11886 Li XiaoQiou 3948 Li XiaoYan 7365 Li XiCheng 13075 Li XiLiang 8246 Li XiMing 1606 Li Xim 8050, 10212 Li XingHui 10073 Li XingPu 5394 Li XinHai 4627, 9401 Li XinHua 4755 XinMin 503, 9660 Li Li XiouGen 4796 Li XiWen 7607 XiXiang 5844 Li XueLin 3878, 12598 Li XueYing 10458 XuFeng 8505 Xun 8508 Yan 10930 YanFang 6356 Li YanHua 12077 Li Yao 11858 Li Yi 3293, 9883 Li YiZhi 6108 Yu 6418, 10499, 10511 Li Li Yu 6418, 1049 Li Yue 12443 Li YuLing 10842 Li YuMen 9360 Li Yun 12156 Li YuShan 3455 Li ZaiLong 9667 Li ZeSheng 6482 Li ZhaoHui 10386 Li ZhengChao 8555 Li ZhengLi 6300, 6335 Li ZhengWei 9022 Li ZhenSheng 7841 Li ZhiKang 397, 1585 Li ZhiYong 8465 Li ZhiYu 4634 Li ZhongKui 8340 Li ZhongSen 55, 7718 Li ZhongYi 6604, 12710 Li ZiChao 5591, 9233 Li ZongDao 2151 Li ZongDao 2151 Li ZongZhi 2440 Liang, C. G. 9240 Liang, C. Y. 4540, 7018, 8055, 9239, 11795, 11808, 12050 Liang, F. 2339 Liang, G. H. 333, 4383 Liang, G. H. 5987 Liang, G. L. 5987
Liang, G. L. 5987
Liang, H. 1643, 5377
Liang, H. G. 1398, 12753
Liang, H. P. 133
Liang, J. H. 1261
Liang, J. K. 11808
Liang, K. Q. 6778, 11793
Liang, N. 6840
Liang, S. P. 8350, 13101
Liang, T. B. 7804
Liang, W. 1822, 12234
Liang, W. 1822, 12234
Liang, X. H. 5554
Liang, X. Y. 2066, 12613
Liang, Y. 4629
Liang, Y. Y. 1587, 2648
Liang, Z. L. 4629
Liang, Z. Q. 435, 7820, 11820

Liang ChengYe 4540, 8055, 9239-9240, 11795, 11808, 12050 Liang Feng 2339 Liang GuoLu 5987 Liang HongPing 133 Liang HouGuo 1398, 12753 Liang Hui 5377 Liang JiHong 1261 Liang JinKun 11808 Liang Keqing 6778 Liang KeQing 11793 Liang Ning 6840 Liang Shiping 8350 Liang ShiPing 8350 Liang ShuPing 13101 Liang TieBing 7804 Liang Wu 12234 Liang XiaoHong 5554 Liang XiaoYou 12613 Liang XiuYin 2066 Liang YaoMao 11770 Liang Ying 4629 Liang Yifyuan 1587, 2648
Liang Yifyuan 1587, 2648
Liang ZhenLing 4629
Liang ZhuQing 11820
Liao, A. J. 4550, 6814
Liao, C. H. 8829
Liao, F. M. 1557, 9218
Liao, H. 11976
Liao, J. S. 3000
Liao, L. J. 437, 9265
Liao, P. C. 1811
Liao, S. H. 11702
Liao, Y. C. 3446
Liao, Y. M. 5167
Liao AiJun 4550, 6814
Liao ChunHeng 8829
Liao FuMing 1557, 9218
Liao Hong 11976
Liao JingSi 3000
Liao Lanlie 437, 9265
Liao PaoChi 1811
Liao ShuHua 11702 Liang YiYuan 1587, 2648 Liao ShuHua 11702 Liao XingHua 13002 Liao XinHua 6794 Liao XinHua 6794 Liao YingMing 5167 Liao YuCai 3446, 13442 Liaubet, L. 10213 Liaud, M. F. 9487 Libal-Weksler, Y. 7110 Libbey, C. 4663 Licardo, O. 4771 Lichtenstein, C. P. 944 Libbey, C. 4663
Licardo, O. 4771
Lichtenstein, C. P. 944
Lidansky, T. 5307
Liddell, C. M. 13236
Liede, S. 1136
Liehe, A. 1188
Lienge, B. 12926
Liengsiri, C. 9956
Lienhard, S. 7013
Liersch, J. 10061-10062
Lieten, F. 5175
Lieutier, F. 2178
Lievens, S. 5720, 9350, 11921
Liew, E. C. Y. 3693
Liew, K. W. 1977
Liew ChyeFong 12539
Lifschitz, E. 3832
Lightfoot, D. 9445
Lightfoot, D. 9445
Lightfoot, D. A. 9375, 9447
Ligoxigakis, E. K. 1831
Liharska, T. S932
Liharska, T. B. 1817, 1835
Lii, C. Y. 3434
Lii ChengYi 3434
Lijegren, S. J. 7707
Lilien-Kipnis, H. 10781, 11352
Lilius, G. 11106
Liligeren, S. J. 49 Lilien-Kipnis, H. 10781 Lilius, G. 11106 Liljegren, S. J. 49 Lill, R. 1909 Lilley, C. E. R. 10437 Lilley, C. J. 1265 Lim, C. C. 12509 Lim, C. E. 4174 Lim, E. K. 11802 Lim, H. T. 1175 Lim, L. 6486, 10173 Lim, J. 6486, 10173 Lim, J. H. 10211, 12620 Lim, K. B. 2920 Lim, M. G. 8478

Lim, S. H. 260, 2889, 4957, 5131 Lim, S. J. 9212-9214 Lim, S. M. 8256 Lim, T. K. 10979, 10981 Lim, Y. P. 9518 Lim ChaeEun 4174 Lim ChaeBun 41/4
Lim EngKiat 11802
Lim HakTae 1175
Lim JeongHwa 10211, 12620
Lim KeunBal 2920
Lim SangJong 9212-9214
Lim SawHoon 2889, 12539
Lima, A. A. F. 8383
Lima, D. de 8072
Lima, E. F. 6107, 9918, 12333
Lima, G. S. de A. 3858
Lima, M. F. 12132
Lima, S. M. F. de 3123
Lima, V. M. de 7737
Lima e Silva, P. S. 2582
Lima Filho, J. M. P. 7242
Limbore, A. R. 2038, 8535
Limin, A. 9061
Limin, A. E. 5312 Lim EngKiat 11802 Limin, A. E. 5312 Limongelli, F. 6065, 6068 Limsila, A. 9543 Limsila, J. 9543 Lin, A. L. 3880 Lin, B. N. 12238 Lin, B. N. 12238 Lin, B. R. 5623 Lin, B. Y. 2564, 2934, 10382, 10412-10414 Lin, C. H. 8357 Lin, C. J. 9713 Lin, C. P. 8829 Lin, C. S. 10077 Lin, C. T. 4273, 7238, 7719 Lin, C. Y. 4660, 9500 Lin, D. 10974 Lin, D. G. 11770 Lin, D. X. 410 Lin, D. X. 410 Lin, F. 1545, 6364 Lin, F. T. 9712 Lin, F. Y. 2797 Lin, G. Y. 749, 1830, 9601 Lin, G. Z. 9239 Lin, H. 4621, 6029, 6840, 8058 Lin, H. 4621, 6029, 6840, 8058
Lin, H. R. 8691
Lin, H. S. 2224, 10030
Lin, H. X. 1578, 10542, 10562
Lin, J. 1689
Lin, J. F. 3136, 8600, 9825
Lin, J. X. 2802
Lin, J. Y. 13270
Lin, J. Z. 1088
Lin, K. 5152
Lin, K. C. 10338
Lin, K. C. 10338
Lin, K. R. 3574
Lin, L. L. 10969
Lin, M. J. 12153
Lin, M. T. 7238
Lin, M. T. 7238
Lin, P. L. 3472
Lin, P. Y. 193
Lin, Q. 8932 Lin, P. 1. 193 Lin, Q. 8932 Lin, Q. H. 2648 Lin, Q. Y. 6189 Lin, S. F. 5735 Lin, S. Y. 1588, 5582, 10550, 11798 11798 Lin, T. P. 1020, 12485, 12488 Lin, W. X. 1587, 2648, 12969 Lin, X. G. 6031 Lin, Y. 10182 Lin, Y. C. 7365 Lin, Y. H. 2633 Lin, Y. K. 2835 Lin, Y. O. 8592 Lin, Y. K. 2833 Lin, Y. Q. 8592 Lin, Y. S. 7564, 8819 Lin, Y. X. 3135 Lin, Y. Z. 10569 Lin, T. Z. 10369 Lin, Z. F. 9239 Lin, Z. J. 4337 Lin, Z. S. 9078 Lin AoLuan 3880 Lin BiRun 5623 Lin BiYing 2934 Lin BoNian 12238 Lin ChenTao 4273, 7719

Lin ChiaPo 8829 Lin ChiHui 8357 Lin ChingYu 9500 Lin ChiTsai 7238 Lin ChungJo 9713 Lin ChuYung 4660 Lin DaoXuan 410 Lin Deng 10974 Lin DenGhao 11770 Lin FanTswen 9712 Lin Fen 6364 Lin Feng 1545 Lin Feng 1545 Lin Feng Ying 2797 Lin GuiZhu 9239 Lin Hong 4621, 6029, 6840 Lin Hong Xuan 8058, 10542, 10562 Lin HsuehShih 10030 Lin HuaRu 8691 Lin JianXing 2802 Lin JingZhong 1088 Lin JunFang 3136, 8600, 9825 Lin JungYaw 13270 Lin MingTse 7238 Lin Oiying 6189 Lin QiYing 6189 Lin Quin 8932 Lin QunHui 2648 Lin RongHwa 3124 Lin ShaoYang 5582 Lin ShunFu 5735 Lin WenXiong 1587, 2648, 12969
Lin XingGui 6031
Lin XiuZhen 5601
Lin YaKang 2835 Lin Yan and 2835 Lin Yan 10182 Lin YanQuan 8592 Lin YiXin 3135 Lin YiZi 10569 Lin YongCheng 7365 Lin YuHe 2633 Lin ZhiFang 9239 Lin ZhiShan 9078 Lin ZuoJi 4337 Linacero, R. 38, 4244 Linares, E. 3901 Lind, J. L. 4027 Linde-Laursen, I. 8993 Lindegaard, K. N. 6270 Lindeloof, C. P. J. van de 4816-4817, 4866 4817, 4866
Lindeman, W. 9538
Lindén, A. 11333
Linder, C. R. 7305
Linder, H. P. 13039
Lindgren, D. 1331, 4061, 5076, 6254, 12434, 13488
Lindgren, P. B. 2310
Lindhauer, M. G. 1417
Lindhout, P. 6659, 10331, 10829, 12029
Lindner, R. 494, 1625, 10479, 11875
Lindsey, K. 2346, 3411, 7733 Lindsey, K. 2346, 3411, 7733 Lindstrom, O. 512 Lindsey, K. 2346, 411, 7732
Lindstrom, O. 512
Lindvall, E. 2686, 3334
Line, R. F. 12713
Linfield, C. A. 11292-11293
Ling, C. 10788
Ling, H. Q. 4055, 12095
Ling, J. Q. 1592, 5600
Ling, J. T. 850
Ling, K. S. 6185
Ling, R. 9876
Ling, X. Y. 11779
Ling, Z. 4984
Ling, Z. 4984
Ling, Z. Z. 2677
Ling Chao 10788
Ling HongQing 4055
Ling JianQun 1592, 5600
Ling JingTian 850
Ling Xin Yuan 11779
Ling Zheng 4984
Ling ZhongZhuan 2677
Ling Zhong Zhuan 2677 Ling ZhongZhuan 2677 Lingaraj Sahoo 8912 Linhares, W. I. 8999-9000 Linington, S. H. 12595 Link, G. 4962 Link, W. 13102 Linke, D. 6494 Linkert, G. L. 10250

Linna, M. M. 3902, 4858 Linscombe, S. 445 Linscombe, S. D. 1565, 6849 Linskens, H. F. 6100 Linstead, P. 6513 Lintel Hekkert, B. te 6518 Linthorst, H. J. M. 7393 Lintig, J. von 390, 889 Linz, A. 12804 Liò, P. 2121 Lionakis, S. M. 842, 4901, 72 Lionakis, S. M. 842, 4901, 7233 Liotenberg, S. 10179 Liou, H. X. 8055 Liou, J. J. 11305 Liou, P. C. 13239 Liou HongXian 8055 Liović, I. 6143 Lipe, M. 11115 Lipe, Q. 2254 Lipe, Q. 2254 Lipman, D. J. 11386 Lippi, F. 9331 Lippok, B. 4172 Lipps, P. E. 4511 Lipsky, A. K. 7196 Lira, R. 13237 Lis-Balchin, M. 2198 Lisa, L. 3759 Lisch, D. 93, 10379 Liscum, E. 4243 Lisicka, E. 2025 Lisitsky, I. 2940 Lisovoy, M. P. 1430 Lisovscaia, T. P. 2952 Lisowa, H. 8412 Lissarrague, J. R. 4875 Lister, C. 7712, 8931 Liston, A. 5069, 5698, 7467, Litière, K. 2101 Litière, K. 2101 Litkovskaya, N. P. 2427, 3448 Litonova, G. N. 11127 Littlejohn, G. M. 7493-7494, 7635, 11271, 11295 Littvay, T. 9946 Litvak, S. 4366, 5010 Litvinenko, A. P. 11079 Litvinenko, N. A. 4321 Litz, R. E. 8472, 8478, 9718, 10973 Liu, A. G. 7958
Liu, A. M. 1575, 2644
Liu, B. 6760, 7453, 11546
Liu, B. H. 7807, 9943, 11567
Liu, B. J. 12073
Liu, B. S. 1589
Liu, C. B. 8491
Liu, C. J. 3701, 4526, 4612, 8223, 8225
Liu, C. L. 10138
Liu, C. M. 12101
Liu, C. Q. 4351
Liu, C. S. 11013
Liu, C. Y. 6905, 8340
Liu, C. Y. 6905, 8340
Liu, D. 5239, 10164 10973 Liu, D. 5239, 10164 Liu, D. C. 3511, 4353, 5340, Liu, D. C. 3511, 4353, 5340, 11563, 11593 Liu, D. H. 10073 Liu, D. J. 2406, 5649, 7793, 7860, 8074, 9316 Liu, F. 724, 10553, 13026 Liu, F. M. 6229, 10458 Liu, F. Q. 4313, 5315 Liu, F. Z. 1928 Liu, G. D. 5603, 7841 Liu, G. F. 1584, 5595, 5626, 9251 Liu, G. H. 5575, 10898 Liu, G. H. 5575, 10898 Liu, G. J. 3608, 11858, 12231 Liu, G. L. 5603, 13286 Liu, G. Q. 8675 Liu, G. R. 211 Liu, G. S. 4803 Liu, G. T. 5359, 7834, 11574 Liu, G. Z. 3343, 7820 Liu, H. 1085, 4597, 5636, 8419, 11680 Liu, H. H. 1853 Liu, H. L. 6079, 7282 Liu, H. R. 13284

Liu, H. S. 4930 Liu, H. T. 4801 Liu, H. X. 410, 4540, 7018, 11795 11795 Liu, J. 9254, 11789 Liu, J. F. 5610 Liu, J. H. 6076, 12126 Liu, J. J. 5761 Liu, J. J. 10240 Liu, J. L. 2570, 3196, 9922, 10463, 11143 Liu, J. M. 13098 Liu, J. P. 5587, 10210, 11469 Liu, J. P. 5587, 10210, 11465 Liu, J. Q. 2472, 3504, 7865 Liu, J. R. 5017 Liu, J. S. 1878, 5977, 10855, Liu, J. S. 1878, 5977, 10855, 13262, 13265 Liu, J. W. 613, 7377 Liu, J. Y. 7860 Liu, K. D. 1575, 2644, 12945 Liu, K. J. 4794, 13194 Liu, L. 5008, 9751 Liu, L. C. 10792 Liu, L. D. 8834 Liu, L. H. 288, 12934 Liu, L. J. 12157 Liu, L. R. 5394 Liu, L. Y. 9653 Liu, M. J. 7797 Liu, M. J. 7797 Liu, M. X. 5924 Liu, P. Y. 11001 Liu, Q. 8419, 10403, 10418 Liu, Q. B. 10552 Liu, Q. C. 10766 Liu, Q. R. 4290, 6901 Liu, Q. X. 8838 Liu, R. 12504 Liu, R. Z. 5029 Liu, S. 9082, 9140, 10354 Liu, R. Z. 5029 Liu, S. 9082, 9140, 10354 Liu, S. B. 11555 Liu, S. C. 6561 Liu, S. E. 4806 Liu, S. F. 8127 Liu, S. G. 2071 Liu, S. H. 2415, 11642 Liu, S. L. 5037 Liu, S. R. 5366 Liu, S. W. 8691 Liu, S. X. 168 Liu, S. Y. 2028, 7870, 8528 Liu, T. T. Y. 2114, 5008 Liu, W. 10804 Liu, W. D. 12716 Liu, W. H. 4617 Liu, W. J. 5041 Liu, W. Q. 11099 Liu, W. Z. 4311 Liu, X. B. 6633 Liu, X. C. 403, 11788 Liu, X. D. 3619 Liu, X. F. 3515 Liu, X. H. 2303, 12931 Liu, X. L. 973, 5349, 5751, 9023, 10893 Liu, S. W. 8691 Liu, X. L. 9/3, 5349, 5/51, 9023, 10893
Liu, X. M. 4426, 9634, 10552
Liu, X. Q. 12167
Liu, X. X. 6003
Liu, X. Z. 2562, 9135
Liu, Y. 6079, 8459, 8688, 9618, 10354, 10434, 10473, 10877, 11702 11702 Liu, Y. D. 2360, 4696, 8958 Liu, Y. F. 3610, 4158 Liu, Y. H. 1480, 1853 Liu, Y. J. 13284 Liu, Y. L. 3092, 6090, 8246, 8643 8643 Liu, Y. M. 2933, 8346, 12074 Liu, Y. X. 9941 Liu, Y. Y. 2124 Liu, Y. Z. 410, 10898 Liu, Z. 5219 Liu, Z. B. 4620 Liu, Z. B. 4620 Liu, Z. G. 978 Liu, Z. H. 7580 Liu, Z. J. 13075 Liu, Z. M. 4534 Liu, Z. P. 2633 Liu, Z. S. 2975, 7284 Liu, Z. T. 2796 Liu, Z. W. 3779

Liu, Z. Y. 3451, 5348, 6602, 9986 Liu AiGuo 7958 Liu Bao 4361 Liu BaoJing 12073 Liu BaoLan 8657 Liu BaoShen 1589 Liu Bin 6760 Liu BingHua 7807 Liu BingQuan 5587 Liu ChangQing 4351 Liu ChaoBin 8491 Liu ChaoBin 8491 Liu ChengYun 8340 Liu ChuangShe 11013 Liu ChunLin 10138 Liu ChunMing 12101 Liu ChunXiang 12464 Liu DaJun 5649, 7793, 7860, 9316 Liu DeHua 10073 Liu DeJin 8074 Liu DengCai 3511, 4353, 5340, 11563, 11593 Liu Dong 5239, 10164 Liu FaMin 6229 Liu Fan 724 Liu Fang 13026 Liu FaQuan 4313, 5315 Liu Feng 10553 Liu FengMing 10458 Liu FengZhi 1928 Liu GengLing 5603 Liu GuangJie 11858 Liu GuangTian 5359, 7834, 11574 Liu GueiShen 4803 Liu GuiFu 1584, 5595, 5626, 9251 Liu GuiLin 13286 Liu GuiRu 211 Liu GuoDong 5603, 7841 Liu GuoHua 5575, 10898 Liu GuoJian 3608 Liu GuoQiang 8675 Liu GuoZhen 3343 Liu HaiHe 1853 Liu HaiRong 13284 Liu HaiSang 4930 Liu HongXian 410, 4540, 11795 Liu HouLi 7282 Liu Hua 8419 Liu Hui Tao 4801 Liu JangRyol 5017 Liu JianFeng 5610 Liu JianHua 12126 Liu JianPing 5587 Liu JianWei 613, 7377 Liu JiLin 2570 Liu JinHao 6076 Liu JinLan 3196, 9922, 11143 Liu Jinmei 13098 Liu JinSheng 13262, 13265 Liu JinYuan 7860 Liu JiPing 10210, 11465 Liu Jun 9254, 11789 Liu JunJun 5761 Liu KeJun 4794, 13194 Liu Lan 5008 Liu LeCheng 10792 Liu LianRu 5394 Liu LiHua 12934 Liu LiJun 12157 Liu LinDe 8834 Liu Liu 9751 Liu LiYu 9653 Liu ManXi 5924 Liu MeiJie 7797 Liu MengJun 12153 Liu PeiYing 11001 Liu QingBo 10552 Liu QingChang 10766 Liu QiXin 8838 Liu Quan 8419 Liu QuanRu 4290, 6901 Liu Rao 12504 Liu RenZhong 5029 Liu ShaoLin 5037 Liu ShaoLyon 7870 Liu ShaoYou 7870 Liu ShengXiang 168 Liu ShengYi 2028, 8528 Liu ShiFan 8127

Liu ShiGui 2071 Liu ShuBing 11555 Liu ShuE 4806 Liu ShuRen 5366 Liu SiHeng 2415, 11642 Liu SiHeng 2413, 1 Liu SuWen 8691 Liu TingTing 5008 Liu WanDai 12716 Liu Wei 10804 Liu WeiHua 4617 Liu WeiJie 5041 Liu WeiQiu 11099 Liu WeiZhong 4311 Liu XiangDong 3619, 8053 Liu XiangLu 973 Liu XianMing 9634, 10552 Liu XiaoBing 6633 Liu XiaoHui 12931 Liu XiaoQin 12167 Liu XiaoXiang 6003 Liu XiaoXiang 6003 Liu XingHui 2303 Liu XingLiang 5751 Liu XinZhi 2562, 9135 Liu XioaFeng 3515 Liu XiongLun 5349, 9023 Liu XuanMing 4426, 6086 Liu XueLan 10893 Liu Yan 8688, 10877, 11702 Liu YangFa 3610 Liu YangFa 3610 Liu YanJie 13284 Liu YanZhuo 410 Liu YiDong 2360, 4696, 8958 Liu Yong 9618 Liu YouLiang 8246 Liu YuFu 4158 Liu YuLe 3092, 6090, 8643 Liu YuMei 2933, 8346, 12074 Liu YunHui 1853 Liu YunZhong 10898 Liu YuXi 9941 Liu ZhanBin 4620 Liu ZhanGuo 978 Liu ZhaoHui 7580 Liu ZhaoJun 13075 Liu ZhaoPing 2633 Liu ZhengMei 4534 Liu ZhengYu 9986 Liu ZhiXian 7945 Liu ZhiYi 3451 Liu ZhiYong 5348, 6602 Liu ZhongSong 7284 Liu ZhongTang 2796 Liu ZhouWen 3779 Liu ZongHua 7937 Liu ZunShan 2975 Liua, P. 5620 Liub, C. M. 9738 Liub ChengMing 9738 Liuni, C. S. 9677 Liutkevičius, G. 2397 Livingston, N. J. 7731 Livne, B. 5007 Livneh, O. 9607 Liwanag, E. A. 471 LJ van der Meer BV 7496, 7498 1498 Ljubešić, N. 3308, 6986 Llaca, V. 8039, 11694 Llácer, G. 8429, 10892, 10910 Llamas, F. 8161 Llanas, E. 9540 Llanas, E. 9540 Llewellyn, D. 968 Llewellyn, D. J. 994, 5247, 9898, 12445 Llorente, F. 1037 Lloyd, J. C. 12394 Lloyd, J. R. 8279 Lo, H. C. 3232 Lo, K. D. 2691 Lo, R. 10193 Lo, S. F. 9266 Lo, Y. S. 2859 Lo HannChung 3232 Lo HannChung 3232 Lo KuoDuhng 2691 Lo Re, L. 6642 Lo ShuFung 9266 Lo YihShan 2859 Loader, C. 1255 Loana Trust 3861 Lobanova, L. 9885 Lobas, M. G. 2283

Lobin, W. 3804 Löbler, M. 231, 6662, 12779 Lobo, M. 10977 Lobo, P. R. 12460 Lobo, R. 1736 Lobo, R. 1/36 Lobréaux, S. 4498 LoCascio, J. C. 6506 Locci, A. 6590, 9047 Lockhart, B. E. L. 12612 Locy, R. D. 1789 Lodge, J. 6184 Lodhi, G. P. 1755, 3328, 5786, 12016 12016 Lodhi, M. A. 1940 Lodhi, S. 6177 Loeppert, R. H. 547 Loeschcke, V. 12674, 12674 Löffler, H. J. M. 4151, 5121, 7557, 7561, 10034, 11291-11292, 11294, 11300, 11302 11292, 11294, 11300, 11302 Logan, A. E. 7565 Logemann, E. 7598 Logvinov, V. A. 11077, 12357 Logvinova, A. P. 11077 Loh, Y. T 9604 Loh, Y. T. 13220 Loh, Y. T. 13220 Loh ChiangShiong 12539 Loh YingTsu 9604, 13220 Löhde, J. 9102 Lohia, R. S. 3320, 12729 Lohithaswa, H. C. 12113 Lohithaswa, H. S. 2860 Lohithaswa, H. S. 2860 Lohmann, M. 12100 Lohuis, M. ten 5114 Loi, A. 5658 Loi, N. 7154 Lokhanov, V. G. 2956 Loknathan, T. R. 13385 Lőkös-Tóth, K. 2438, 7844 Lolle, S. J. 74, 10191 Lomaniec, E. 4764, 7222 Lomax, T. L. 10813 Lombardini, L. 8545 Lombardo, G. M. 6586, 658 Lomax, I. L. 10813 Lombardini, L. 8545 Lombardo, G. M. 6586, 6589 Lombardo, N. 3116 Lommel, S. A. 6683 Lomonossoff, G. P. 10128 Lomović, S. 7805 Lonc, W. 11578, 11597 Londesborough, J. 959 Londoño, X. 6400 Long, C. L. 12549 Long, D. H. 6838 Long, D. L. 1441, 4315 Long, J. H. 1381, 1392, 4260 Long, J. J. 2683 Long, L. 820 Long, R. A. 5747 Long, R. C. 3163 Long, Y. Q. 9705 Long, Y. Y. 8816 Long YaYi 8816 Long YaYi 8816 Long YouQing 9705 Long YouQing 9705 Longly, B. 9473 Lönn, M. 11889 Lonsdale, D. M. 6451 Loo, E. N. van 8145 Loo, J. 12474 Looi, K. C. 2889 Looi, L. K. C. 5131 Looi KwokChang 2889 Lookeren Campagne, M. M. van 875, 4026, 5863, 7109, 9563, 11309 Lookhart, G. L. 1408, 7824, 9051 Loon, L. C. van 7393 Loopstra, C. A. 8715 Loose, M. de 6397, 6861, 7491, 8142 Lopes, R. 8072 Lopes, U. 8861

Lopes, U. V. 3161 Lopes Cardoso, M. I. 3318, 5136 Lopes-da-Fonseca, L. 8440 Lopez, F. 7298 López, H. 9547 López, J. 1668, 9232 Lopez, J. 1820, 5930, 12107, 13207 13207 López, M. 9964 López, M. A. 9166 López, M. A. G. 9723 Lopez, M. T. 9238, 12962 López, R. 5514, 5516, 9282 López Anido, F. 2941 López Anido, F. S. 13205 López-Braña, I. 10309 López-Brána, I. 10309 López-Díaz, I. 8278 López Frasca, A. 5860 López-Díaz, I. 8278
López Frasca, A. 5860
López González, G. 12343
López-Medina, J. 4835
López-Montero, R. 4835
Lopez-Peralta, C. 5843
Lopez-Reynoso, J. de J. 12880
López-Salinas, E. 1701
López-Salinas, E. 1701
López-Solanilla, E. 6691
López-Tamames, E. 3918
López Torres, J. 6038
López-Udias, S. 7606
Lopez-Udyton, J. 8861
López-Valenzuela, J. A. 6059
Lorang, J. M. 10337 Lorang, J. M. 10337 Lorbeer, J. W. 1799 Lorberth, R. 9529 Lorbiecke, R. 1572 Lord, E. M. 6358, 6489 Lorenz, G. 3202 Lorenzen, J. H. 7009, 9511 Lorenzini, G. 204, 12454, 12405 13495 Lorenzo, G. de 3743, 11512 Loreti, F. 1960, 10916, 12145 Loreto, F. 8648 Lorieux, M. 1605, 3660 Lorković, Z. 9946 Lörz, H. 3467, 4345, 6709, 7905, 7907, 9160, 10374, 10417, 10946, 12277 Lörz, J. 10416 Los, D. A. 16, 789 Los, W. 5285 Losada, E. 1504 LoSchiavo, F. 3798 13495 Loschiavo, F. 3798 Loskutov, I. G. 12806 Losonsky, G. 9522 Lossow, A. 6469 Lotan, T. 10193 Lottspeich, F. 4787, 13088 Lotz, L. A. P. 13592 Lou, X. Z. 6418 Lou XiZhi 6418 Louarn, J. 6158-6159, 9871, Louarn, J. 6158-6159, 9871, 12368
Loučka, Z. 8612
Lough, T. 2099
Loughin, T. M. 3484
Loulakakis, K. A. 1939, 1942
Loupassaki, M. H. 4901
Lourenção, A. L. 5745
Louwars, N. P. 6429
Louwers, J. 12764
Louzada, E. S., Jr 13316
Lovati, F. 3033-3034
Lovato, A. 552
Lovato, M. B. 5711
Love, J. 12518
Love, K. 3388
Love, S. L. 4689, 9530
Lovegrove, A. 12705
Lovett, J. V. 5696
Loveys, B. 13213
Lovins, K. 2959
Low, C. 1039
Lowe, K. 5485
Lowe, W. J. 8862
Løwenstein, H. 11211
Lowrey, T. 1058 12368 Løwenstein, H. 11211 Lowrey, T. 1058

Loxou, B. K. 7233 Loy, B. 13252-13253 Loyter, A. 6532 Lozano, J. 475 Lozano, R. 10815, 10843 Lozanov, I. 10674 Lozoya-Gloria, E. 6448 Lu, B. R. 6773, 6819, 9234, 9237, 9277 Lu, C. 6779, 11376 Lu, C. A. 11802 Lu, C. F. 2646, 6802 Lu, C. H. 8688, 13075 Lu, C. Y. 555 Lu, D. 8722 Lu, D. H. 5591 Lu, D. Y. 8340 Lu, F. Z. 8684 Lu, G. 5890, 10856 Lu, H. 42 Lu, H. 42 Lu, H. R. 2657 Lu, H. S. 9157-9158 Lu, H. Z. 7489 Lu, J. 1578, 1606, 2831, 4535, 8058, 8459, 10542, 11794 Lu, J. C. 9640 Lu, J. F. 10536, 12974 Lu, J. L. 11535 Lu, J. L. 11333 Lu, J. M. 8246 Lu, J. X. 211 Lu, J. Y. 1883 Lu, L. X. 279 Lu, M. Z. 7466, 9961 Lu, P. X. 8861 Lu, P. Z. 7714, 12521 Lu, Q. 1322 Lu, Q. Y. 3206 Lu, R. J. 1825 Lu, S. J. 8674 Lu, S. Y. 2439-2440, 10765-10766, 13180 Lu, S. Z. 7106, 10853 Lu, T. G. 3377 Lu, W. P. 12239 Lu, W. Q. 10658 Lu, W. Z. 10299 Lu, X. G. 431 Lu, X. R. 978 Lu, X. S. 4598 Lu, X. Z. 3195 Lu, Y. 406, 8688 Lu, Y. G. 408, 3619, 8053, 11846 10766, 13180 11846 Lu, Y. L. 9998 Lu, Y. M. 2661 Lu, Y. P. 6482, 6778, 11793 Lu, Y. S. 4801 Lu, Y. X. 10000 Lu, Z. C. 12179 Lu, Z. G. 883 Lu, Z. M. 8673 Lu, Z. Q. 8097 Lu, Z. Q. 8097 Lu, Z. X. 10917, 10919, 12197 Lu BaoRong 6773, 6819, 9234, 9237 9237 Lu ChaoFu 2646, 6802 Lu Cheng 11376 Lu ChinYi 555 Lu ChuanGen 6779 Lu ChungAn 11802 Lu CuiHua 8688, 13075 Lu DaYan 8340 Lu DiHui 5591 Lu Dong 8722 Lu FengZhen 8684 Lu Gang 5890, 10856 Lu HaoRan 2657 Lu Huang 42 Lu HuiZong 7489 Lu HungShung 9157-9158 Lu Jia'An 4535 Lu JiaLong 11535 Lu JiaLong 11535 Lu JianChao 9640 Lu JianXiang 211 Lu JingMei 8246 Lu JinYin 1883 Lu JuFei 10536, 12974 Lu Jun 1606, 8058, 10542 Lu LiXing 279 Lu MengZhu 7466, 9961 Lu PengXin 8861

Lu PengZhe 7714, 12521 Lu Qin 1322 Lu QunYan 3206 Lu RiuJu 1825 Lu ShaoYuan 2439-2440 Lu ShuangJun 8674 Lu ShuYun 10765-10766, 13180 Lu ShuZhen 7106, 10853 Lu TieGang 3377 Lu WeiZhong 10299 Lu WenPeng 12239 Lu WenQing 10658 Lu XingGui 431 Lu XingZhe 3195 Lu XinShi 4598 Lu XiuRu 978 Lu YanPeng 6778, 11793 Lu YaoShuang 4801 Lu YiMei 2661 Lu YongGen 408, 3619, 8053, 11846 11846 Lu YuanLin 9998 Lu YuanXue 10000 Lu Yun 8688 Lu YuPing 6482 Lu ZhenMin 8673 Lu ZhenXiang 12197 Lu ZhiCheng 12179 Lu ZhiQiang 8097 Lu ZhongGu 883 Luan, S. 4268, 7385, 10175, 11392 Luan, X. Y. 2796, 4624, 4638 Luan Sheng 11392 Luan Xiao Yan 2796, 4624, 4638 4638 Lübberstedt, T. 3573, 5506, 7959, 10493 Luby, J. J. 832, 1897, 4826 Luc-Cayol, F. 2208 Luca, V. de 1150, 11330 Lucansky, T. W. 1122 Lucar Nominees Pty Ltd 9715 Lucaroni, B. 3263, 4131 Lucas H. 4040 Lucas, H. 4040 Lucas, J. A. 7513, 12510 Lucas, J. M. 8325, 13168 Lucas, W. J. 5207 Lucchese, C. 552 Lucchi, P. 1933, 3026, 3029, 4818, 12212, 12222 Lucchin, M. 5898 Lucero, V. 8861 Lucia, R. 679 Luck, E. 5391 Luck, J. 4057 Luckett, D. J. 9092 Lucas, H. 4040 Luckett, D. J. 9092 Łuckiewicz, T. 9820 Luckner, M. 7578 Luckow, M. 2768 Lucretti, S. 487 Lüdders, P. 1996 Luders, L. 10979 Ludevid, M. D. 3391 Ludwig, M. 2563, 3282, 13560 Lue, W. L. 4260 Lue WeiLing 4260 Luerssen, H. 10196 Lugaro, G. 11979 Lugli, S. 6011 Lugwig-Müller, J. 5262 Luckett, D. J. 9092 Lugwig-Müller, J. 5262 Lührs, R. 3963
Lührs, R. 3963
Lühs, W. 4959, 7268, 7293, 7295, 11020
Lui, Z. H. 7937
Luikart, G. 12660 Luk, S. 1678 Lukaszewicz, M. 9895 Lukaszewicz, M. 9895 Lukaszewski, A. J. 155, 271, 2411, 11870 Lukens, L. 11501 Lukina, L. A. 10425 Lukipudis, S. 5425, 7417, 10313, 11105 Luksa, S. 2753 Lullfitz, G. 8739 Lullier, Pellerin, V. 6606 Lullien-Pellerin, V. 6606 Lumaret, R. 560, 10622-10623, Lumen, B. O. de 10240

Luminis Pty Ltd 2813, 10339-10340 Lumpkin, T. A. 7053 Lumpkin, T. A. 7053 Luna, R. 747 Lund, B. 7657 Lund, C. P. 11888 Lund, L. 13211 Lund, S. T. 2115, 8379 Lundberg, S. 11493 Lundborg, T. 8956 Lundheim, R. 10958 Lundheim, R. 10958 Lundqvist, A. 7884 Lundqvist, E. 11249 Lundqvist, U. 7884 Luneva, N. N. 7153 Lunghusen, M. 8788 Luo, A. 2671, 3644 Luo, A. C. 1604 Luo, C. X. 5630-5631 Luo, F. H. 7937 Luo, G. T. 9360 Luo, G. X. 3944 Luo, H. 9465 Luo, H. B. 9023 Luo, H. R., 1866 Luo, J. 1566, 10004 Luo, J. N. 7116 Luo, J. P. 5716, 8233 Luo, K. 7340 Luo, L. 6760 Luo, L. J. 2643 Luo, M. C. 1424, 5378, 5421, 10269 Luo, R. Z. 700 Luo, P. 2071, 7337, 7340, 8505, 8509, 8589, 9768 Luo, Q. 2238 Luo, R. B. 1590 Luo, R. T. 9235 Luo, S. B. 7116 Luo, X. B. 7075 Luo, Y. 3874, 4636 Luo, Y. B. 11259 Luo, Y. K. 444 Luo, Y. P. 12263 Luo, Y. W. 6030, 8010, 8012 Luo, Y. Y. 6333, 8643 Luo, Z. M. 4550, 6814 Luo, Z. W. 104, 6528 Luo AnCheng 1604 Luo ChaoXi 5630-5631 Luo FuHe 7937 Luo GengTong 9360 Luo GuanXing 3944 Luo HeRong 1866 Luo HongBin 9023 Luo JianNing 7116 Luo Ju 1566 Luo Jun 10004 Luo Ke 7340 Luo LiJun 2643 Luo Lin 6760 Luo MeiZhong 700 Luo MingCheng 5421, 10269 Luo Peng 2071, 6090, 7340, 8505, 8509, 8589, 9768 Luo Qing 2238 Luo RongTing 1573, 9235 Luo ShaoBo 7116 Luo XiaoBo 7075 Luo YaoWu 6030, 8010, 8012 Luo YiBo 11259 Luo Ying 4636 Luo YongPing 12263 Luo YuKun 444 Luo YuYing 6333, 8643 Luo ZeMin 4550, 6814 Luo ZeWei 104 Luong Minh Chau 6846 Luong Thi Phuong 6846 Lupeř, A. Yu. 5403 Lupo, R. 9900 Lupo, R. 9900 Lupotto, E. 246, 5524, 10372 Luppi, J. P. 73 Lupwayi, N. Z. 4604 Luque, A. E. 12720 Lúquez, J. 1512 Luquez, J. 9432 Lurie, S. 12108 Lüscher, A. 3669 Lüscher, A. 3669 Lüscher, M. 7052

Luschnig, C. 5224, 11430 Lush, W. M. 4029, 7384 Luth, D. 847 Luthar, Z. 7011 Luthra, O. P. 221, 1411, 2428, Luthra, O. P. 221, 1411, 2 11598, 11649 Luthra, Y. P. 5786 Lüthy, J. 6700, 13074 Lutova, L. A. 9491, 9533 Lüttge, U. 8824 Lütticke, S. 4345 Lutts, S. 9280 Luu, D. T. 134, 8347 Luu DoanTrung 8347 Luu Ngoc Trinh 5594 Lux, A. 3557 Lux, H. 5873, 7037 Luyindula, N. 4604 Luz, E. D. M. N. 3161 Luzzi, B. M. 598, 2808, 3734, 13076 Lyakh, V. A. 6089, 13361 Lyashov, P. I. 2603 Lycett, G. W. 7057 Lydiate, D. 10198 Lydiate, D. J. 880, 3090, 12270 Lynch, D. R. 1774, 3796, 12112 Lynch, M. 3415, 12664, 12675, 12881 Lynch, T. J. 11420 Lynch, T. J. 11420 Lyne, R. K. 9051 Lyngkjær, M. F. 9108 Lynn, J. R. 9642, 12154 Lynrah, P. G. 13594 Lyon, B. G. 445, 9275 Lyon, G. D. 931 Lyon, J. 11422 Lyons, J. 1422 Lyon, J. 11422 Lyons-Johnson, D. 1371 Lyra Netto, A. M. C. de 8383 Lyrene, P. M. 6018, 7150, 8441 Lysák, M. A. 6044 Lysikov, V. N. 10398, 10405, 10407, 10449 Lyudvina, N. A. 2293 Lyznik, A. 11972 Ma, B. K. 2993 Ma, C. 4490 Ma, C. H. 13009 Ma, C. P. 4070 Ma, C. Z. 6081 Ma, D. H. 7106, 10853 Ma, D. W. 1853 Ma, G. 3733 Ma, H. 1438, 2332, 3419, 11419, 11445 Lyudvina, N. A. 2293 11419, 11445 Ma, H. P. 4049, 10396 Ma, H. X. 12213 Ma, J. H. 10325 Ma, J. S. 4290 Ma, J. X. 3228 Ma, L. Y. 2641 Ma, M. 9633 Ma, P. F. 411 Ma, P. Y. 3936 Ma, Q. H. 7378 Ma, R. R. 3610 Ma, S. H. 10870 Ma, T. H. 11324 Ma, W. B. 9226 Ma, W. S. 3451, 12728 Ma, W. S. 3451, 12728
Ma, X. L. 9639
Ma, Y. 2203, 12099
Ma, Y. H. 10898
Ma, Y. K. 9750
Ma, Y. Q. 5375
Ma, Y. X. 13518
Ma, Y. Z. 3376
Ma, Z. C. 5600
Ma, Z. Q. 9012, 11659
Ma, Z. Y. 978
Ma BaoKun 2903 Ma BaoKun 2993 Ma CaiPing 4070 Ma ChaoZhi 6081 Ma Chia 4490 Ma ChunHong 13009 Ma DeHua 7106, 10853 Ma DeWei 1853 Ma HeiPing 4049 Ma Hong 2332, 3419, 4269, 11419, 11445 Ma HongXiang 12213

Ma JianXia 3228 Ma JinShuang 4290 Ma JunHu 10325 Ma LaiYun 2641 Ma Ma 7378 Ma Ming 9633 Ma PeiYi 3936 Ma PinFu 411 Ma QingHu 7378 Ma RongRong 3610 Ma ShuHuai 10870 Ma TeHsiu 11324 Ma WenBin 9226 Ma WenShi 3451, 12728 Ma XiangLian 9639 Ma Yan 2203 Ma YaQin 5375 Ma YiXiou 13518 Ma YouZhi 3376, 10267 Ma YuanKao 9750 Ma YunHui 10898 Ma ZhengQiang 9012 Ma ZhiYing 978 Ma ZiChao 5600 Maaroufi, H. 1158 Maas, C. 10145 Maas, J. L. 833, 3909, 4826, 4864, 12198-12200 Maass, B. L. 8219 Maass, H. I. 3811, 5873 Maatougui, M. E. H. 13139 Mabagala, R. B. 614 Mabberley, D. J. 3258, 4914, 10972 10972 Mabeau, S. 9568 Mabesa, L. B. 706 Mable, B. K. 1245 Macadré, C. 10146 McAlister, F. M. 6862 McAllister, T. 8188 McArthur, E. D. 4283 Macas, J. 4244 Macatangay, M. 6773 Macatangay, M. 6773 Macaulay, M. 229, 2498 McAuslane, H. J. 7089, 8685 Macaya, G. 6924 MacCabe, A. P. 10429 McCabe, D. 4054 McCabe, D. 4054 McCabe, P. F. 3800 McCaffrey, J. P. 3970 McCaig, B. C. 2382 McCaig, T. N. 1377, 4395, 5327, 11542 McCall, M. H. 4294, 8496 McCall, M. H. 4294, 8496 McCallum, J. 624 McCallum, J. A. 4654, 4723 McCandless, L. 4919 McCann, M. C. 5104 McCanna, I. J. 7159 McCarter, S. M. 1840 McCarter, S. M. 1840 McCarter, S. M. 1840 McCarthy, L. 1796 McCartney, D. 8188 McCarty, D. R. 3560, 5505 McCarty, J. C. 4052 McCarty, J. C., Jr. 979 McCaskill, D. 8853, 11412 McCaslin, M. H. 9323-9324 McCauley, D. E. 123, 7527 McCauley, G. N. 12924 McChesney, J. D. 4148, 8727 Macchiavelli, R. E. 703 McClean, P. E. 13111 McClung, A. M. 445, 1564, 12982 McClure, B. A. 5011, 9884 McClurg, S. G. 7318 McComb, J. 8739 McComb, J. A. 12571 McConchie, C. 13346 McConn, M. 12641 McCormac, A. C. 4300 McCormac, D. J. 2683 McCormick, S. 47, 2951, 8368 McCormick, S. P. 1785 McCouch, S. 415, 7758 McCouch, S. R. 364, 376, 3617, 3660, 5597, 9232, 12709, 12026 12936 McCourt, P. 8953, 10186 McCown, B. H. 7173, 7175 McCracken, A. R. 6272

McCubbin, A. 1349 McCullagh, S. 8623 McCullough, A. J. 1485, 2833 McCullough, A. J. 1485, 2833 McCullough, D. G. 6289 McCullough, R. B. 1032 McCully, M. 3694 McCuner-Zierath, C. 10168 McCurdy, D. W. 4236 McCutchan, B. G. 1233 McDade, L. A. 10049 McDaniel, L. A. 10049 McDaniel, C. N. 951 McDaniel, J. K. 489 McDaniel, M. E. 1468, 3444, 5454, 10253 McDaniel, N. R. 865 McDaniel, R. G. 6222 McDevitt, R. 3389 MacDonald, A. C. 4066 McDonald, D. 2061 McDonald, G. K. 8263 McDonald, M. B. 2193, 3358, 4626 McDonald, M. B., Jr. 10003 McDonald, M. W. 7345 Macdonald, S. E. 11187-11188 Macdonald, S. E. 11187-11188
McDonald-Stephens, J. L. 3491
McDonough, C. M. 6732
Macdowell, F. 1689
Macduff, J. 498
Macduff, J. H. 4581, 8146, 8202, 13048-13049
Macâdo Vieira, R. de 12333
McElroy, A. R. 583, 11873
McElroy, D. 6604
Macer, D. R. J. 8876
McFadden, H. 11152
McFarlane, I. J. 502
McFeeters, R. 8411
McFerson, J. R. 1897, 3966, McFerson, J. R. 1897, 3966, 10861 McGarry, R. 7142 McGavin, W. J. 9669 McGeachy, K. D. 9901 McGee, J. D. 467 McGeoch, M. A. 8476 McGill, N. G. 6136 McGlasson, W. B. 3886 McGough, H. N. 11273 McGowen, R. E., Jr. 3189, 3200, 3204, 6218, 11150 McGowran, M. 11387 McGranahan, G. H. 6069, 9749 McGranahan, G. H. 6069, 97
McGranahan, M. 1012
McGrath, J. M. 4204, 9534
McGrath, R. B. 5253
McGregor, M. J. 1896
McGuire, S. 6565
McGurl, B. 8365
Macháčková, I. 2118, 7386
Machado, H. 11753
Machado, M. 10969
Machado, M. A. 10967
Machado, M. F. P. S. 1131-1132, 1134
Machado, M. O. 354
Machado, P. V. 8440 Machado, P. V. 8440 Machado, R. 482 McHale, R. 7211 Mache, R. 728, 5249 McHenry, L. 13426 Macherel, D. 9486 Machida, C. 2336 Machida, Y. 2336, 8828, 13417 Machii, H. 10283 Machon, N. 3218 Machray, G. 4838 McHugh, S. G. 12395 McHughen, A. 6091 Maciejewska, U. 1776 Macik-Niewiadomy, G. 2927 Macino, G. 3381 McIntosh, L. 22 McIntosh, R. A. 3501, 4419, 5336, 11554, 12815 McIntyre, C. L. 3138, 9188, 10509 McIntyre, S. 8120 Maciorowski, R. 12827, 12857 McIver, J. 3694 McIvor, J. G. 8120

McJannet, C. L. 5662 Mack, A. 5234 Mäck, G. 9554 Mäck, G. 9554
Mackay, A. D. 2711
McKay, H. M. 5074
Mackay, I. J. 12355
MacKay, J. J. 11401
Mackay, P. 4274
Mackay, S. 7545
Mackay, W. A. 10621
McKeand, S. E. 1029
McKenzie, D. B. 5705
MacKenzie, K. E. 4811
McKenzie, K. S. 445, 2631-2632, 2634 2632, 2634 McKenzie, M. J. 8646 McKenzie, R. I. H. 5326 Mackenzie, S. 11400 Mackenzie, S. A. 11971-11972 MacKenzie-Hose, A. K. 13123 McKeown, A. 13155 McKeown, B. 630 Mackerness, S. A. H. 2839, 12614, 12638 MacKerron, D. K. L. 12802 McKersie, B. D. 5692, 11902 McKey, D. 12246 McKhann, H. I. 523 McKibbin, R. S. 5009 Mackie, J. M. 8197 Mackiewicz, H. O. 8394, 13260 Mackiewicz-Karolczak, D. Mackiewicz-Karolczak, D.
10342
Mackill, D. J. 451, 3617, 10543
Mackinder, B. A. 1023
Mackinlay, A. G. 502
McKinlay, R. G. 7044
McKinney, E. C. 10157, 10162
McKnight, T. D. 7698
McKone, M. J. 11888
Maćkowiak, A. 13167
Maćkowiak, M. 9773, 11016
Maćkowiak, W. 7921, 9777, 12834, 12850, 12854
MacKown, C. T. 581
Maclagan, J. L. 3968
McLaren, N. W. 1546, 4525
McLean, K. 3427
McLean, N. L. 2759
McLean, S. D. 2548-2549
McLellan, T. 6401 10342 McLellan, T. 6401 Macleod, J. 4294 McLeod, J. G. 1377, 5327, 5468, 11542 MacLeod, L. C. 1453 McLeod, M. 11389 McMahon, M. B. 11929 McMaugh, S. J. 502 MacMillan, J. 2574 McMillan, R. T., Jr. 3071 McMinn, T. A. 6745 McMullen, M. 3551 McMullen, M. D. 327, 7967, 9185, 10373 McMullen, M. S. 1470-1472, 3536-3537
McNab, A. 5179, 8867
McNabh, H. S., Jr. 1010
Macnair, M. R. 117, 1097, 2215, 2217, 11263
MacNamara, N. 4714
McNamara, S. 1070
McNeil, D. L. 867, 2845, 4449, 4937, 8283, 10991
McNeilage, M. A. 4893, 9680
McNellis, T. W. 8961
McNichol, J. W. 13172
McNicol, J. W. 232, 7321, 8316, 11406, 12041
McNicol, R. J. 931, 4819, 4837-4838, 6025, 9868
McPhee, D. 12474 McMullen, M. S. 1470-1472, McPhee, D. 12474 McPheron, B. A. 3288 McPherson, M. J. 1265, 3167, 6473, 6520 McQuade, C. 11422 McQualter, R. B. 13398 MacRae, E. 7211 McRae, F. 870 McRae, K. B. 5705 Macrì, T. 3981

MacRitchie, F. 7829 McRoberts, N. 2031 McSteen, P. C. M. 10438 MacTavish, H. S. 4195 McVetty, P. B. E. 886, 1347, 12269 McVey, D. V. 1384-1386, 4315, 10250, 12718 McVittie, J. 2688 McWilliams, E. L. 3667 Madaghiele, A. 13505 Madakadze, I. C. 11755, 11873 Madal, N. 9504 Madala, N. 9504 Madalageri, B. B. 6997, 7064 Madalageri, M. B. 6997 Madamba, R. 1746 Madan, S. 1415, 3466, 12748 Madan, V. K. 6123 Maddaloni, M. 4041, 5524 Maddaloni, M. 4041, 5524
Madden, J. L. 4063
Madden, L. V. 7136
Maddock, S. 10365
Maddock, S. 10365
Maddox, J. 11736
Maddox, V. L. 9322
Madej, L. 12824, 12830
Madera-Torres, P. 2610, 10504
Madhusudan, T. 6835
Maddusudan, T. 6835 Madhusudan Dey 8915 Madinelli, C. 6010 Madkour, M. A. 6456 Madrap, I. A. 4971 Madsen, J. 10015 Madsen, O. M. 5826 Madsen, S. 10959 Madueño, F. 2354, 5257 Madur, D. 10934 Mae, T. 4210 Maeda, H. 4548 Maehara, T. 379 Maekawa, M. 9337, 11828 Maes, M. 1911 Maës, O. 4876 Maes, O. 2879 Maes, T. 5115 Maeshima, M. 9502 Maestra, B. 11562 Maestrelli, A. 3032 Maestri, E. 38, 246 Maestrini, C. 2030 Maeting, I. 940 Maeting, I. 940 Maffia, L. A. 8701 Magalhaes, J. R. 12884 Magalhães, P. de 1163, 1184 Magalhães Júnior, A. M. de 354 Magallanes-Cedeno, L. J. 6200 Magaraggia, F. 455, 3613 Magdalita, P. M. 3950, 13322-13323 Magdar, D. 7220 Maggini, F. 13107 Maggio, A. 958, 1789, 13434 Maggioni, L. 9294 Maggiore, T. 2588 Magill, C. 1788, 3585 Magill, C. W. 3564-3566, 3574, 12043 Magill, J. M. 1788, 12043 Magini, M. 315, 9002 Magioli, C. 9613 Magnani, S. 12223 Magnanini, E. 12148 Magnavaca, R. 9174, 10355 Magnus, V. 6986 Magoshi, J. 3890 Magpantay, G. 9225 Magrath, R. 2021 Magro, F. 8169 Magud, Z. 6143 Maguire, T. L. 1060, 2194 Magure, F. L. 1000, 2194 Mahabaleshwar Hedge 3078 Mahadevappa, M. 12964, 12967 Mahadevu, P. 9614 Mahajan, C. R. 434 Mahajan, R. K. 3865, 6972, 10726, 13385 10726, 13385 Mahajan, S. K. 8964 Mahajan, V. 6711, 7944, 11726 Mahal, G. S. 7862 Mahal, M. S. 6437 Mahalakshmi, A. 1367 Mahalakshmi, V. 4376, 12909

Mahalingam, L. 8080 Mahalingam, R. 10638, 13097 Mahalovich, M. F. 990 Mahama, A. A. 9379 Mahamane, M. C. 4569 Mahani, M. C. 398 Mahapatra, K. C. 12994 Mahapatra, S. S. 919 Maharudrappa, K. 7320 Mahendra Kumar 7645 Mahendru, A. 12949, 12955 Maheshwar, H. 8021 Maheshwar Hedge 8021 Maheshwar Hegde 5556 Maheshwari, J. J. 8232 Mahgoub, H. A. 3859 Mahhou, A. 3889 Mahjoub, M. el 7000 Mahler-Slasky, Y. 6998 Mahmood, A. 1423 Mahmood, N. 12749 Mahmoodzadeh, S. 6892 Mahmoodzadeh, S. 6892 Mahmoud, E. S. E. 6338 Mahmoud, J. N. 9131 Mahon, J. D. 5769 Mahrouz, M. 3006 Mahto, J. 578 Mahto, J. L. 656, 669 Mahto, R. N. 656, 669, 8300 Mahy, G. 6312, 11230 Maia, I. G. 11428 Maia, I. G. S. 13590 Maia, J. G. S. 13590 Maia, N. B. 1142 Maia de Souza, R. 6064 Maich, R. H. 12744 Maida, S. 5170 Maier, C. G. A. 6037 Mailer, R. 869 Mailer, R. J. 6084 Mailler, B. M. 2814 Mailler, M. K. 2814 Maillet, D. S. 10411 Maillet, D. S. 10411
Maillet, F. 10561
Main, J. L. 8333
Maine, M. J. de 1762, 12037
Maines, F. 3047
Maiss, E. 7396
Maistraphy D. L. 2471 Maistrenko, O. I. 3471 Maisuryan, A. N. 698 Maiti, M. K. 53 Maiti, R. K. 769 Maity, S. 2499, 3127 Maiwald, F. 8992 Majak, W. 8188 Majeed, A. H. 6694, 9131, 9169 Majerus, M. 2725 Majerus, M. E. 5664, 9315 Majewska-Sawka, A. 4996 Maji, A. T. 9217, 9219 Majidi, E. 588 Majidi, E. S. 12264 Majidi-Heravan, E. 11638 Majnik, J. de 10367 Major, Á. 2960 Major, J. E. 12474 Major Singh 7289 Major Singh 7289
Majumdar, A. 11937
Majumder, N. D. 5569
Mak, C. 13310
Mak, P. Y. A. 78
Mak PiuYing, A. 78
Makar, M. 9757
Makar, P. V. 8539
Makara 9208 Makara 9208 Makaroff, C. A. 53, 61, 7016 Makarov, K. A. 11364 Makarova, G. A. 165-166 Makarova, R. V. 2118 Mäkelä, P. 6677 Mäkelä, P. 6677 Makhniova, S. 9973 Makhuvha, N. 1159 Makino, T. 4448 Makinson, R. O. 5094-5095 Makita, A. 7610 Makker, J. 9149 Makri, O. 12707 Maksel, D. 5704 Makus, D. J. 5099 Malá, J. 13494 Malacrinò, P. 8276 Malacrinò, P. 8276 Malakhova, L. A. 5864

Malakhova, N. M. 5629 Malamy, J. E. 1300, 2344 Malaviya, D. R. 8201 Malavolta, V. M. A. 2672 Malavolta Júnior, V. A. 2672 Mal'cev, I. I. 8886 Malcevschi, A. 38, 246 Malcolm, D. C. 12433 Maldonado, E. 13479 Maldonado-Mendoza, I. E. 1166, 3390 Maled, B. G. 7888 Malek, B. von 6321 Malek, M. A. 13131-13134 Malepszy, S. 7108, 8394, 13260, 13264 Malešević, M. 5380, 9005, Maleshevich, M. 5380
Maletskaya, E. I. 925, 6150
Maletskir, S. I. 925, 4004, 6150, 6537, 12363
Malhi, N. S. 2306, 11698
Malhó, R. 12518
Malhotra, M. 11581
Malhotra, O. P. 4
Malhotra, P. S. 1777, 1729 Malhotra, R. S. 1727, 1729 Malienko, V. A. 7359 Maliepaard, C. 7663, 8966, 9642, 12154 Maliga, P. 937, 5004, 6173, 6547, 10385, 12986, 13419 Malik, B. P. S. 5779 Malik, I. A. 9492 Malik, K. A. 4209, 6230, 8679 Malik, S. K. 5780 Malik, S. S. 8051 Maliński, E. 9527 Malki, F. E. 12376 Mallavarapu, G. R. 1210 Malleshi, N. G. 4388 Mallet, J. 13337 Mallick, S. C. 3661 Mallik, S. 9220 Mallikarjun, H. 337 Mallikarjuna, N. 638, 5781 Mallikarjunappa, R. S. 12244 Mallory-Smith, C. A. 12722 Malmberg, R. L. 3404, 6454 Malmström, S. 5882 Malmström, S. 5882
Malnoë, P. 4206, 10751
Malone, M. T. 3002
Maloney, K. 7120
Maloney, T. S. 3720
Maloo, S. R. 201, 6736
Malossini, U. 3049, 7190
Malpica, J. M. 8928
Maltoni, M. L. 12223
Maluf, W. R. 10831
Maluszyńska, E. 7911, 12830
Maluszyńska, E. 7911, 12830
Maluszyńska, K. 4452, 10320
Malvar, R. A. 277, 1502, 2546, 9178, 11743, 12901
Malyshev, N. V. 9491
Malyshev, S. 5465, 11685
Malyshev, S. V. 12817
Mamadrizokhonov, A. A. 6320 Mamadrizokhonov, A. A. 6320 Mamanova, L. B. 1330 Mamedov, J. 11660 Mameli, L. 6590, 6642, 9047 Mamluk, O. F. 4425 Mamoun, M. 10089, 13611 Mamta Chandna 6898 Mamta Goswami 4570 Mamta Jamwal 7582 Mamta Shrivastava 9407 Man, H. J. 9616 Man, W. Q. 4624 Man HyunJo 9616 Man WeiQun 4624 Manabe, Y. 361 Manapure, P. 8301 Mancao, S. 13018 Mancha, M. 894 Mancinelli, L. 11979 Mancuso, S. 7200 Mandakini Nayak 3658 Mandal, A. 959, 7733 Mandal, A. B. 5611, 11039, 12316 Mandal, A. K. 7646

Mandal, B. B. 2870, 6544 Mandal, B. K. 9220 Mandal, N. 4562, 9506 Mandal, R. 13486 Mandal, S. M. A. 6848, 13142 Mandal, S. R. 13000 Mandaokar, A. 7093 Mandarino, J. M. G. 589 Mandé, S. 6801 Mande, S. 4541 Mandel, M. A. 6493 Mandel, N. L. 11208 Mandelbaum, C. 1643
Mandokhot, A. M. 3864
Mandokhot, A. M. 3864
Mandolino, G. 7360
Manera, F. 10380
Manera, G. A. 12744
Manev, M. 4402
Manfredi, E. 1
Manfredi, P. 12152
Manga, B. 4916
Manga, V. 4531
Manga, V. K. 6737
Mangal, M. J. 6128
Manganaris, A. G. 9642, 12154
Mangat, B. K. 2388, 11761
Mangat, G. S. 348, 8994
Mangin, B. 6882, 7664, 7747, 7931 Mandelbaum, C. 1643 Mangolin, C. A. 1131-1132, 1134 1134
Mangotra, R. 12556
Mangova, M. 5324
Mangush, P. A. 5555, 12910
Mani, R. 12929
Mani, S. C. 6811, 12977, 13008
Mani, V. P. 1691, 1724
Manicacci, D. 5153
Manich, A. 6314
Manifesto, M. M. 9054
Manigbas, N. L. 456
Manigopa, Chakraborty, 8300 Manigopa Chakraborty 8300 Manivannan, N. 5789 Manivel, P. 6958, 8564, 12010 Manjarrez-Sandoval, P. 1682 Manju Malhotra 11581 Manjula, M. S. 7326 Manjula, S. 6381 Manjunath, S. 12891 Manjunatha, A. 12017 Man'ko, A. E. 6155 Mańkowska, A. 10345 Mann, A. J. 6964 Mann, D. 13293 Mann, D. E. 13293 Mann, J. D. 10746 Mann, V. 7524 Manna, F. 9025 Manna, S. 9048 Mannelöf, M. 5003 Manju Malhotra 11581 Mannerlöf, M. 5003 Manners, J. M. 1665, 4940, 9898, 12659, 13363 Mannikeri, I. M. 7064 Manninen, A. M. 13510 Manninen, O. 9099 Manninen, O. 9099
Manninen, O. M. 2519
Manninen, K. 4847, 4907, 12219
Manning, K. 6609, 9115
Manninger, K. 12765
Mannini, F. 6026
Mannonen, L. 4307
Mano, S. 7105
Mano, Y. 2516, 4459, 12794
Manoharan, K. 6766
Manoharan, M. 4780, 7406, 10836 10836 Manoharan, M. L. 11068 Manoharan, V. 8551, 8585 Manoir, J. du 4838 Manolopoulou, H. 4898-4899 Manos, C. 12707 Manos, P. S. 1022 Mansfield, J. 10979 Manshardt, R. M. 4939, 13321 Manson, D. G. 1080, 7531 Manson, D. C. 1080, 7331 Mansour, A. N. 753 Mansour, M. H. 3203 Mansour, N. S. 5905 Mansour, S. H. 8249-8250 Mansur, E. 8558, 9613

Mansur, L. M. 10631 Mant, A. 7725, 11429 Mantell, S. 11329 Mantell, S. 11329 Mantell, S. H. 1642 Manthe, C. S. 6728 Manthey, F. A. 140 Mantia, T. la 860 Mäntylä, E. 959, 7733 Manuel, W. W. 8031, 8070, 8080 Manville, J. F. 13517 Manzanero, S. 6689 Manzella, S. 8397 Manzella, S. 8397
Manzhong, L. 12989
Mao, B. Z. 12284
Mao, G. F. 3610
Mao, Q. J. 8716
Mao, S. H. 2677
Mao, X. 12392
Mao, Z. W. 5587
Mao BiZhen 12284 Mao GenFu 3610 Mao QiuJuan 8716 Mao ShiHong 2677 Mao Xue 12392 Mao ZheWu 5587 Maquet, A. 1702, 11965 Marais, A. S. 9122 Marais, E. M. 5109-5110 Marais, G. F. 9122, 11650, 12768 12/68
Maraite, H. 3655, 6894
Marandu, E. F. 9866
Marangoni, B. 12171
Maranhão, E. A. A. de 5856
Marano, M. R. 7395
Marassi, J. J. 12928
Marc-Martin, S. 13414
Marcano, R. V. B. 3845
Marcallón, O. N. 9523 Marcellán, O. N. 9523 Marcellos, H. 8265 Marchant, A. 4247 Marchant, R. 5097, 7513, 12510 Marchall, P. 1014
Marchall, P. 1014
Marchenko, A. N. 11980
Marchesi, E. 6349
Marchetti, M. A. 1564, 12924
Marchfelder, A. 5794, 6940
Marchoux, G. 12127
Marchylo, B. A. 4395
Marciniak, H. 7910
Marciniak, K. 11605, 11688, 12845, 12851
Marcińska, I. 11687
Marcker, K. 6156
Marcker, K. A. 2094, 5736
Marco, Y. 10213
Marcolin, P. 9358
Marçon, A. 1529, 3586
Marcos, J. 4206
Marcos, J. F. 4044, 4221
Marcos Filho, J. 4626, 6915 Marchelli, P. 1014 Marcos Filho, J. 4626, 6915 Marcotrigiano, M. 1366, 1822 Marcucci, G. 4334 Marcum, K. B. 9314, 11895, 13032 13032 Marcus, J. P. 4940 Marczewski, W. 7005 Mardamshin, A. G. 8274, 8282 Maréchal, E. 4770 Maréchal, P. le 5553 Maréchal-Drouard, L. 4644, 5793, 6940 Maredia K. M. 7684, 8877 5793, 6940 Maredia, K. M. 7684, 8877 Marek, L. F. 2785 Marekar, R. V. 4552 Mares, D. 5379, 11583, 11583 Margaix, C. 3943 Margina, A. 1139, 7599 Margis-Pinheiro, M. 7737 Margueritte, E. 9730 Mariam, A. L. 398 Mariani, B. M. 10291 Mariani, C. 4144, 5012 Mariani, G. 6568 Mariani, P. 3798 Mariath, J. E. 579 Mariath, J. E. de A. 9911 Mariaty, J. B. 5220 Marié, S. 7933, 11601, 12731, 12742

Marienfeld, J. R. 6477 Mařik, P. 1446 Marín, A. 7456 Marin, C. 11716 Marín, M. 1740 Marinangeli, P. 5122 Marinescu, A. 890 Marinescu, I. 3972 Marinescu, I. 39/2
Maringoni, A. C. 5754, 13113
Marini, A. 2977
Marini, F. 13441
Marini, R. P. 10872-10873
Marinković, I. 7840
Marinković, R. 9801 Marinkovik, Lj. 11596 Marino, G. 1962, 13627 Marino, N. 3030 Marinova, D. 10611 Marinova, E. 4457 Marins, M. 5012 Marion, D. 6629 Marion-Poll, A. 3178, 10179 Mariotti, P. 3898 Mariottini, P. 10380 Marita, J. M. 4470 Marita, J. M. 4470 Marjanovic-Jeromela, A. 7268 Markham, K. R. 7531, 13525 Markocic, M. 4820, 12209 Markose, B. L. 10840 Marković, Ž. 8364, 10821 Marks, B. P. 3636, 4556 Marks, M. D. 10182, 10188 Markwei, C. M. 629 Marla, S. 11196, 13506 Marla, S. S. 11198 Marlies and Hanno Baetche von Gartnerei 7495 Marmey, P. 11816 Marmiroli, N. 38, 246, 6638 Marocco, A. 5898 Marotta, A. 3580 Marpeau, A. M. 9971 Marquard, R. 476, 1190, 1200 Marque, C. 12393 Marques, C. M. 9943 Marques Júnior, O. G. 9471 Márquez, J. 10582 Marquez, S. 6167, 13430 Márquez-Guzmán, J. 8975 Márquez-Ortíz, J. J. 9328 Márquez-Sánchez, F. 6705, 7922 Marquier, M. J. 11284 Marquinez, R. 12036 Marquis, C. 1278 Marra, M. 2327 Marraccini, P. 9861 Marrakchi, M. 527, 13334 Marriott, H. 2767 Marriott, N. 3266 Marrocco, R. 13107 Mars, M. 13334 Marsal, J. I. 4835 Marshall, A. H. 497, 8202, 10618 Marshall, B. 1925 Marshall, D. E. 5954 Marshall, D. L. 7338 Marshall, D. S. 3444, 3502, 5454, 10253 Marshall, G. 2031, 3666 Marshall, G. 2031, 3666 Marshall, H. 8715 Marshall, J. S. 3276, 3280 Marshall, S. L. 3699 Martelli, S. 6593, 11966 Martens, M. H. 7208 Martens, R. J. 5334 Marthe, F. 1205, 2261 Martienssen, R. 1510, 13629 Martienssen, R. A. 7705 Martín, A. 11522 Martin, B. 3860, 13422 Martin, B. E. 7425 Martín, C. 8979 Martín, C. 8979 Martin, C. 7543, 7545, 8279, 11267 Martin, C. E. 4270 Martin, C. E. 4270 Martin, D. L. 10595 Martín, D. M. 10119 Martin, D. N. 2836 Martin, F. 13493

Martin, G. B. 9604, 13220 Martin, G. E. M. 1720 Martín, J. 10776 Martin, J. 783 Martin, J. M. 5334 Martín, J. P. 9675 Martin, K. P. 4179 Martín, L. M. 11522 Martin, M. 13164
Martín, M. J. 12371-12372
Martin, M. W. 9526
Martin, P. H. 5702
Martin, R. A. 5428, 11675
Martin, R. J. 3708, 3710-3711
Martin, R. R. 3796
Martin, S. K. S. 573
Martin, T. 2113
Martin, T. J. 1380-1382, 1392, 1442 Martin, M. 13164 1442 1442 Martin-Canadell, A. 4951 Martín-Carratalá, M. L. 4935 Martín-Closas, L. 6992 Martin-Laurent, F. 625, 13126 Martín Martín, A. 1329 Martín-Sanchez, J. A. 10309 Martinant, J. P. 6625 Martinčić, J. 7933, 11601, 12731 12731 Martinell, B. 4054 Martinelli, J. A. 4839, 12149 Martinelli, J. A. 5464 Martínez, B. 5909, 7077 Martínez, C. P. 6800, 9209, 9232 Martínez, G. 9128 Martínez, I. 5058 Martínez, J. 1995, 6060, 9725-9726 Martinez, J. 1010 Martínez, J. H. E. 6663 Martinez, J. P. 5744 Martinez, L. D. 7540 Martinez, L. E. 5874 Martinez, M. C. 2443 Martínez, O. 6059, 8271 Martínez, V. 9508 Martinez-Abarca, F. 2755 Martínez-Calvo, J. 8429, 10892, 10910 Martínez-Carrera, D. 10081 Martínez de Toda, F. 1936, 12229 Martínez-Férez, I. M. 285, 2565, 9147, 10388 Martínez-Ferrer, G. 5960 Martinez-García, J. F. 7543 Martínez-Herrera, D. 1329 Martínez-Izquierdo, J. A. 3554, 11781, 12894 Martínez-Laborde, J. B. 13388 Martínez-Mena, A. 8975 Martínez-Reyna, J. M. 12918 Martínez-Reyna, J. M. 12918 Martínez-Solano, J. R. 6337 Martínez-Zapater, J. M. 2354, 4276, 5257, 6470, 10815, 12229 Martini, N. 871 Martiniello, P. 8193 Martinoia, E. 6482, 6517 Martinovski, D. 8392, 10778, 10811 Martinovski, G. 10778, 10811 Martins, A. L. M. 7420, 8474 Martins, C. S. 2583 Martins, J. F. 354 Martins, O. M. 8430 Martins, P. S. 5711 Martins-Corder, M. P. 4064, 12446 Martinussen, I. 4073 Martirani, L. 561 Marton, C. L. 5528 Marton, C. L. 5528 Marton, H. A. 2833 Márton, L. 7722 Mártonfi, P. 6391 Martura, T. 3689 Marturano, F. 12738 Marty, C. 2949, 3837 Marty, F. 8345 Marty-Mazars, D. 8345 Martyn, L. 5834

Martyniak, J. 2689 Martyniuk, S. 2539 Martynková, R. 6627 Martynov, S. 1372 Martynov, S. P. 3458, 4328 Martz, F. 5018 Martz, F. 5018
Marubashi, W. 3180
Marum, P. 8139, 9294
Maruthi, V. 12309
Maruyama, E. 1021
Maruyama, K. 5585
Marvin, H. J. P. 6855, 8145
Marwat, K. B. 10467
Mary, R. J. 8849-8850
Marzachì, C. 4781
Marzouk, J. A. 10333-10334 Marzouk, I. A. 10333-10334 Más, P. 9623 Masaki, H. 8642 Masaryková, M. 4474 Masaryková, M. 4474
Mascarenhas, H. A. A. 6916
Mascarenhas, J. P. 1345, 12873
Mascarenhas. A. F. 7613
Maschinski, J. 1015, 1238
Masci, S. 2444, 4398, 4400
Mascia, P. 290
Mascia, P. N. 11719
Mashino, Y. 953
Maskhina, O. S. 9951
Mashudi 442. Mashudi 442
Masi, L. de 8492
Masiero, S. 7109
Mashowski, J. 7853, 7920
Masmoudi, K. 13173
Masojć, P. 2527, 7913
Mason, G. 13051
Mason, H. S. 9522, 12022
Mason, K. M. 10617
Masona, M. V. 7019
Masoud, S. A. 2116
Massai, R. 10916, 12145, 12191
Massardo, D. R. 9025
Masselot, M. 11194
Masseron, A. 1907, 8399, 12155 Mashudi 442 12155 Massey, L. K. 9930 Masson, J. 2099 Masson, J. E. 1303, 2337 Masson, J. E. 1303, 2337 Massonié, G. 10937 Massoudi-Nejad, A. 12745 Mastebroek, H. D. 6855 Mastellone, F. 3034 Masters-Moore, D. 3568 Mastro, G. de 2251 Mastromauro, F. 1937 Mastromei, G. 12384 Mastuti, R. 3825, 12526, 13562 Masuda, K. 4539, 8409 Masuda, M. 4762, 12099 Masuda, M. 4762, 12099 Masuda, S. 2733 Masuda, T. 802, 5998, 6000, 7107, 8244, 12165 Masuda, Y. 2236 Masuta, C. 4021 Masutani, T. 2086 Matallana, M. C. 1973 Matano, T. 1618 Mateeva, A. 4743 Mateo, G. 6388, 7606 Mateo, G. 6388, 7606 Matern, U. 4135 Mateso, B. 12926 Mateton, L. 531 Matevski, V. 13602 Máthé, I. 1181 Mather, D. E. 306, 3547, 5503, 12800 12800
Mathern, J. 281, 4763
Matheron, M. E. 3987
Mathesius, U. 3694, 8211
Mathew, J. 2263
Mathew, P. A. 3070, 7229
Mathew, S. K. 2263
Mathews, A. 968
Mathews, C. 8550
Mathews, H. 8442
Mathez, J. 8835
Mathias, R. J. 4956 Mathias, R. J. 4956 Mathieu, C. 4028 Mathur, D. S. 13136 Mathur, J. 6469, 11421 Mathur, M. L. 5791

Mathur, R. 5791 Mathur, R. K. 8564, 12885 Matias, D. 1590 Matiello, R. R. 5462, 11681 Matkovics, B. 11553 Matolweni, L. O. 6401 Matos, A. 4059 Matos, A. P. de 9689-9690, 9729, 10960 9/29, 10960 Matotan, S. 2561 Matoušek, J. 5161 Matsebera, A. G. 6142 Matsu-ura, M. 10587 Matsubara, S. 9550-9551, 9616, 12059 12059 12059
Matsubayashi, Y. 7051
Matsuda, H. 58
Matsuda, N. 2018, 10153
Matsuda, T. 3611
Matsuda, Y. 10826-10827
Matsue, Y. 3630, 5612, 5617-5618, 11825
Matsuil, H. 022 Matsui, H. 922 Matsui, K. 11303 Matsui, K. 11303 Matsui, M. 3425, 10808, 11426 Matsui, S. 7637 Matsui, T. 9585 Matsuki, R. 6327, 11780 Matsukura, C. 3524 Matsumoto, A. 4756 Matsumoto, H. 4210 Matsumoto, K. 5140-5141 Matsumoto, K. 5140-5141 Matsumoto, K. 3140-5141 Matsumoto, M. N. 9458 Matsumoto, R. 3938, 6046 Matsumoto, S. 3875, 8409 Matsumoto, T. 379, 1220, 3341, 6357, 8047, 13434 Matsumura, T. 3550, 3611, 10615 10615 Matsunaga, H. 752, 7090, Matsunaga, H. 752, 7090, 13156
Matsuo, T. 7641
Matsuoka, K. 1793
Matsuoka, M. 138, 1499, 2117, 3139, 5302, 5749, 7265, 9246, 9496, 13428
Matsuoka, Y. 6608, 6631
Matsushita, Y. 2234
Matsuura, S. 709, 12062, 12064, 13258 Matsuzawa, Y. 2015, 2917 Matsuzoe, N. 4728 Matta, A. 1846 Matta, N. K. 6898 Mattanovich, D. 10775 Mattei, B. 3743, 11512 Mattern, P. J. 2450 Matthes, L. A. F. 8809 Matthes, M. 38 Mattheys, B. F. 9371 Matthess, M. 38 Matthews, B. F. 9371, 13097 Matthews, C. R. 3115 Matthews, J. F. 3115 Matthews, J. L. 4515 Matthews, P. D. 1590 Matthews, P. R. 3522, 12710 Matthys-Rochon, E. 1495, 13508 13598 Mattiesch, L. 10002 Mattiuz, B. H. 7242 Mattivi, F. 1937, 7190 Matton, D. P. 2879 Mattsson, M. 235 Matuszczak, M. 9765, 9769 Matuszczak, M. 9765, 9769 Matuz, J. 4322, 4409, 11606 Matveeva, N. P. 955, 2109 Matvienko, I. I. 3457 Mátyás, C. 2160, 6281, 6412 Matyášek, R. 13421 Matziris, D. 4088, 12466 Matzir, F. 159, 11566 Matzke, A. J. M. 941, 5210 Matzke, M. 941 Matzke, M. 941 Matzke, M. A. 5210 Matzke-Hajek, G. 3904 Mauch, F. 1403, 13012 Maucher, H. P. 12782 Maués, M. M. 11489 Mauffette, Y. 536, 11906 Mauri, P. V. 7439-7440 Maurice, S. 10046

Mauricio, R. 2362, 4277 Mauries, M. 2737 Mauro, A. O. 8247 Mauro, M. L. 935 Mauro, S. 1519 Maury, S. 5018 Maurya, D. M. 5588, 6826, 8064, 10698 Mauvais, C. J. 5732 Mavrishcheva, E. B. 5374.
Mawardi, S. 9865
Maxim, J. O. 11210
Maximova, S. 4012
Maximova, S. N. 9636
Maxted, N. 5, 551, 10580, 11367, 11912, 11989
Maxwell, B. D. 2714
May, B. P. 3569, 4489
May, G. D. 4906
May, K. W. 2489, 5427, 11675
May, M. J. 11472
May, O. L. 2130, 2132-2133, 6194, 7414
May-Pat, F. 4058
Maya, M. M. 1791, 13178
Maya Lozano, J. B. 8004 Mavrishcheva, E. B. 5374 Maya Lozano, J. B. 8004 Mayak, S. 13319 Mayer, M. S. 1730, 11999, 12005 Mayer, W. 6983 Mayfield, S. P. 1273 Mayland, H. F. 500, 3677 Mayo, A. 4909 Mayo, S. J. 3313 Maystrenko, O. I. 9036, 11569 Mazaheri, D. 11638 Mazareri, D. 11038 Mazars, C. 6498 Mazepin, M. G. 3141 Mazer, S. J. 8973 Mazhani, L. 6728 Mazier, M. 3823 Mazlumov, A. J. 3144 Mazlumov, A. L. 3142 Maznevska, S. 11596 Mazoti, L. B. 2569 Mazur, W. 9757 Mazurek, H. 11615 Mazurek, J. 11621, 12849 Mazurkiewicz, B. 11523, 11579 Mazurkiewicz, L. 12834 Mazza, G. 3106 Mazza, L. 6581, 9044 Mazzani, E. 10118 Mazzara, M. 4850, 12214 Mazzella, C. 511 Mazzieri, G. 6583, 6597 Mazzinelli, G. 305, 2588, 2591, 7925 Mazzocchetti, A. 6585 Mazzoncini, M. 6582 Mazzucato, A. 487, 8180, 11874 Mbaga, S. H. 12669 Mdarhri-Alaoui, M. 6623 Mead, R. 12355 Meagher, R. B. 10157, 10162, 10170 Meagher, R. L., Jr. 980 Meagher, T. R. 4100 Meares, C. 10689 Meatherall, G. 5429, 5455 Mebrahtu, T. 10664 Mechelen, J. R. van 239 Mechelen, J. van 12784 Méchin, V. 11722 Mechnik, B. 7506 Medan, D. 6538 Medberry, S. L. 5457 Medeiros, M. C. 9000, 9004 Medenwaldt, R. 10225 Medenwaldt, R. 10225 Medhi, B. N. 8034-8035 Medina, E. B. 473 Medina, J. 10529 Medina, J. J. 4835 Medina, M. I. 7069 Medina, P. F. 6915 Medina-Escobar, N. 4844, 12218 Medina Filho, H. P. 6051, 10970 Medina-Suárez, R. 4907 Medrado, M. J. S. 10100

Medrano, L. J. 12650 Medvedeva, T. V. 674 Meehl, J. 11115 Meek, L. 1281 Meeks-Wagner, D. R. 10190 Meeley, R. B. 6725, 9164 Meena, B. 11653 Meena Bansal 11653 Meenakshi Munshi 8922 Meer, I. M. van der 13184, 13402 Meer, Q. P. van der 5848 Meera, I. 452 Meera, I. 452 Meeuse, A. D. J. 9548 Mehan, V. K. 2060 Mehandzhiev, A. 10683 Mehetre, S. S. 434, 1681, 3193, 12417 12417 Mehigh, R. 12863 Mehla, A. S. 2074, 3140, 11061, 12349 Mehla, B. S. 644 Mehla, I. S. 642, 4559 Mehlenbacher, S. A. 2009, 13342 13342 Mehra-Chaudhary, R. 11010 Mehra-Palta, A. 10009 Mehra Zehra 13588 Mehri, H. 7324 Mehta, B. 1411 Mehta, B. 1411
Mehta, N. 8527, 9417
Mehta, P. K. 10693, 13127
Mehta, S. L. 3593, 8523
Mehta, Y. R. 3497, 6228
Mehtre, S. P. 8539
Mei, B. 3667
Mei, C. 10459
Mei, H. W. 2643
Mei, J. F. 9240
Mei, M. T. 408
Mei, Q. M. 5590
Mei, X. Y. 8491
Mei HanWei 2643
Mei JianFeng 9240 Mei JianFeng 9240 Mei ManTong 408 Mei QiMing 5590 Mei XiuYing 8491 Meier, I. 8367 Meier-Dinkel, A. 13278 Meijer, A. H. 3318, 4173 Meijer, B. 11297 Meijer, E. A. 10200 Meijer, H. 11301 Meijer-Dekens, F. 10829 Meilland International 11236, 11242 Meinel, A. 2432 Meinke, D. W. 7730, 12632 Meins, F., Jr. 3168, 12405 Meisel, L. 1282 Meissner, R. 3829 Meixner, M. 6892, 7579, 10665 Mejàre, M. 11106 Mekbib, F. 1642, 1699 Mekhandzhiev, A. 10683 Meksem, K. 9375, 9445 Melakeberhan, H. 13229 11242 Melakeberhan, H. 13229 Melamed, S. 3829 Melanson, D. 3568 Melati, M. R. 10025 Melchers, L. S. 3743 Melchinger, A. 7987 Melchinger, A. E. 2598, 2601, 3573, 3589, 5506, 5547, 6706, 7959, 10493, 11741, 12897, 12899-12900, 13102, 13369 13369
Melchior, G. H. 989
Melderis, A. 6870
Meléndez-Ackerman, E. 6331
Meler, K. 7246
Melero-Vara, J. M. 12315
Melgar, J. C. 3729
Meliande, S. 6629
Melillo, M. T. 9620
Melkonian, M. V. 13291
Mellish, D. 9009
Mello, S. C. M. de 2958, 5921 Mello, S. C. M. de 2958, 5921-Mello Prado, R. de 11725 Melo, L. C. 2826

Melo, M. B. 2858 Melo, N. F. de 7250 Melo, P. E. de 1773 Melo, P. E. de 1773 Melo Filho, R. de M. 6741 Melo-Oliveira, R. 10173 Meloche, F. 7954 Melotto, M. 4650 Melouk, H. A. 3122, 9812 Melovski, L. 4069 Melton, R. E. 11381 Meltzer, H. L. 5091 Melz, G. 247, 5391, 9121, 11685 11685 Melzer, M. 3185 Melzer, S. 66 Melzer, S. 66 Membery, S. 11229 Membré, N. 52 Memelink, J. 3318, 5136 Men, U. B. 13024 Menary, R. C. 4195 Menchey, E. K. 12403 Mendel, G. 620 Mendel, R. R. 7685, 7766 Mendel-Hartvig, J. 1486 Mendes Neto, F. P. 2147 Mendes-Pereira, E. 2026 Mendham, N. 11158 Mendoza, A. 10047 Mendoza, A. 10047 Mendoza, C. 8102 Mendoza, H. A. 689 Mendoza, I. 958 Mendoza, M. 9590 Mendoza-García, M. 4167 Menéndez, C. M. 4672 Menezes, D. 5856 Menezes, E. A. 2854 Menezes, J. T. de 5856 Menezes, M. 3774-3775, 3858, 6741
Meng, C. G. 2606
Meng, E. 6562
Meng, J. L. 7291
Meng, L. 11575
Meng, Q. J. 4799
Meng, Q. Y. 1905
Meng, X. X. 2798
Meng, Y. E. 9639
Meng ChunGang 2606
Meng Linling 7291 Meng JinLing 7291 Meng Ling 11575 Meng QingJie 4799
Meng QingJie 4799
Meng QingYan 1905
Meng XiangXun 2798
Meng YueE 9639
Mengesha, M. H. 10513, 12902
Mengi, N. 7603
Mengiste, T. 1299
Mengoni, A. 12384
Menguito, C. A. 471
Menguzzato, E. 455
Menković, N. 12058
Menon, M. V. 9273
Menon, U. V. 9273
Menon, U. 151, 6621
Menossi, M. 11781
Menozzi, P. 1045 Meng QingJie 4799 Menozzi, P. 1045 Mentaberry, A. 6184 Mentaberry, A. N. 13440 Menten, J. O. M. 3726, 13089 Mentewab, A. 5343, 11572 Mentewab, A. B. 11603 Menz, M. A. 1482 Menzies, A. 8856 Menzies, M. I. 12459 Menzies, M. I. 12459 Mercado, A. 13157 Mercado, J. A. 3850 Mercado-Ruaro, P. 6928 Mercer, C. F. 4605, 4607 Mercier, J. C. 755 Mercuri, A. 3297, 8812 Merdinoglu, D. 11081 Meredith, C. P. 7197 Meredith, M. R. 3675, 5657 Meredith, W. R., Jr. 2143, 12416 12416 Merezhko, A. F. 3457, 4327, 11360 Merforth, N. 13216 Mergaert, P. 5720 Mergeai, G. 6206, 12413 Mergoum, M. 271, 5404 Merida, A. 7545

Meriggi, P. 11098 Merkle, S. A. 9957 Merlis, D. T. 10039 Merrett, M. J. 3692 Merrick, L. C. 2976 Merritt, H. 1485 Merritt, J. L. 3786 Mersinkov, N. 4457 Mert, F. 1327 Merters, D. R. 5521 Mertens, D. R. 5521 Mertens, M. 2196, 2202, 7491 Merwe, L. L. van der 855 Merwe, P. J. A. van der 8580 Mes, J. 12111 Mes, T. H. M. 9565 Mesbah, L. 12110 Mesbah, M. 929, 2087 Mescht, A. van der 5034 Mesfin Tadesse 3997 Meshi, T. 4343, 7786 Meshram, L. D. 1843, 8677, 12420 Meshram, S. M. 2846 Meskiene, I. 6881 Mesnildrey, L. 9730 Messéan, A. 3102, 6075 Messeguer, R. 8894 Messerli, M. 6856 Messia, M. C. Messiaen, B. 9722 Messian, C. M. 5869 Messing, J. 295, 5212, 8039, 8913, 11694 8913, 11694
Messmore, N. A. 7530
Mesterházy, A. 4322
Mestre, P. F. 852, 4917
Mestres, J. 6925
Mestries, E. 895, 7317, 12310
Mészáros, K. 5443
Métais, I. 11969
Metakovsky, E. V. 2442, 5355
Metcalfe, T. 12613
Metia, S. R. 4007
Metlina, G. V. 10505
Métraux, J. P. 9093, 9288
Mett, V. 8646
Mettananda, K. A. 3810 Mettananda, K. A. 3810 Mettler, I. 7989 Metwally, E. I. 9625-9626 Metz, P. L. J. 3971, 10139, 12610 Metzner, K. 1920 Meulen-Muisers, J. J. M. van der 11304 Meulenbroek, E. J. 4816-4817, 4866 4866 Meurer, J. 10144 Meve, U. 1136 Mew, T. W. 11849 Mewes, H. W. 11390 Mexia, J. T. 10295 Meya, G. 742, 12100 Meyer, C. 5014 Meyer, F. 11277 Meyer, H. 13578 Meyer, H. M. 159 Meyer, J. R. 7176 Meyer, K. 2343, 11461 Meyer, N. L. 2280 Meyer, P. 5114, 13424 Meyer, R. 40 Meyer, R. C. 8316, 11406, 12041, 13160, 13172 Meyer, W. A. 9304 Meyer, W. A. 9304
Meyer-Gauen, G. 11405
Meyerhof, P. A. 9592
Meyermans, H. 7447
Meyerowitz, E. M. 4258, 5295, 6476, 10189, 11451, 11454, 12639, 12650
Meyers, B. C. 3823, 12082
Meyers, N. 13346
Meynié, S. 3112
Mezei, S. 8614, 8621
Mezencev, N. 11816
Mezni, M. 514
Mezni, M. 514
Mezni, M. Y. 532, 4574
Mezzetti, B. 3903, 12212, 12214, 12220
Mglinets, A. V. 4004, 11083 Mglinets, A. V. 4004, 11083 Mhameed, S. 1997, 13317

Mhaske, V. B. 2056, 8568 Mhatre, M. 4877, 11495 Mhiri, C. 4040 Mi, G. H. 11582 Mi, X. C. 4545 Mi GuoHua 11582 Mi XiangCheng 4545 Mia, M. F. U. 8566 Miah, M. R. U. 341 Miah, N. M. 2668 Mian, M. A. K. 710, 9553 Mian, M. A. R. 6910, 9419, 13091 Miao, H. R. 8555 Miao, M. H. 7095 Miao, P. S. 3948, 10974 Miao, R. W. 9215 Miao, Y. 5890 Miao HuaRong 8555 Miao MeiHua 7095 Miao PingSheng 3948, 10974 Miao Ying 5890 Miazga, D. 2422, 7761, 7806, 11570 Mićanović, D. 7840 Michael, A. J. 5459 Michael, M. 4034 Michaels, S. D. 8910 Michaels, T. E. 2828, 5750 Michaelson-Yeates, T. P. T. 3695, 8202, 10618, 13048-13049 13049 Michalakis, Y. 9478 Michalek, W. 5430 Michalet-Doreau, B. 9170 Michalik, B. 5817, 5832-5833, 7015, 7033, 7631, 10771 Michalík, I. 7823 Michalová, A. 13027 Michalowski, C. B. 4170 Michalowski, S. 941, 8367 Michaud, R. 9334 Michaux-Ferrière, N. 11170 Michel, C. A. 5464 Michel, V. V. 8136 Michelesi, J. C. 796-797, 1895, 9632 Micheli, L. de 3047, 3913 Michelmore, R. W. 3823, 5895, 12082 Michelson, I. 7086 Michelson, I. 7086 Michels, A. 13603 Michiels, B. 7453 Michiels, F. 1351 Mičieta, K. 4641, 9972 Mickelson, H. 5514, 5516 Micol, J. L. 8935 Miczyński, K. 5931 Midland, S. L. 593, 11936 Midoh, N. 1610 Mielczarek, M. 5736 Miele, S. 4129-4130 Mielke, M. R. 11186 Miera, L. E. S. de 10673 Miersch, O. 7876, 8373 Mies, D. 7989 Miesak, B. 10185 Mieslerová, B. 10825 Migdal, M. 12647 Migge, A. 742, 12100 Miginiac-Maslow, M. 5553 Miglani, G. S. 8878 Miglia, K. J. 4283 Mignotte, C. 44 Mignouna, H. D. 7020 Migo, T. R. 9291 Miguel, M. de 10220 Miguens, F. C. 68 Miguez, M. 3957 Mihai, T. 10468-10469 Mihai, T. 10468-10469 Mihaljčević, M. 2042 Mihara, T. 9878 Mihm, J. 7987 Mihm, J. A. 3589, 7977-7978, 7980, 7985, 7992, 8004, 8868, 12899 Mihov, M. 10683, 10696 Mii, M. 1120, 1945, 3260, 6347, 7329, 7485, 11303, 13570 13570 Mijatović, M. 5958, 10841

Mikami, K. 7786, 12656
Mikami, T. 5112, 5728, 7441, 8613, 9373, 11075-11076
Mikell, J. 4148
Mikhaïlov, V. 9838, 9840
Mikhaïlova, E. I. 6690, 11684
Mikheev, A. N. 13
Mikhkel'man, V. A. 10312
Mikhov, M. 5768, 10683, 10696, 10699
Mikhova, S. 5768, 10257, 10259, 10699
Miki, B. L. 12395
Mikkelsen, J. D. 9841
Miklas, P. N. 1706, 2827, 6931, 6933-6934, 13105, 13114, 13117 Miklashevichs, E. 949 Miklić, V. 8533 Mikołajczyk, K. 554, 9765, Mikolajsky, ik. 354, 5765, 11915
Mikolášková, J. 8194
Mikulski, W. 10341-10342
Milach, S. C. K. 1474, 3535, 5306, 5463, 6681, 9118
Milani, N. 13296
Milanov, E. 4808
Milbourne, D. 8316, 11406, 12041, 13160, 13172
Milczarski, P. 2527
Miles, J. W. 1675, 8220
Miles, M. 4513
Miletić, R. 3956
Milev, G. 10677
Milewski, G. 7921, 12834
Milholland, R. D. 4867, 7176
Milić, M. 11093-11094
Milioni, D. 3406 11915 Milioni, D. 3406 Millar, A. J. 2112, 2347, 8901, 11441, 13629 Miller, A. 4030 Miller, A. B. 6703 Miller, A. R. 5934 Miller, F. 6274 Miller, F. R. 2610-2611, 10504 Miller, H. I. 5213 Miller, H. I. 5213
Miller, J. D. 1470-1472, 20722073, 2075, 3133-3134, 4513,
12347, 12353
Miller, J. E. 2694, 2706, 2746
Miller, J. F. 3973-3974, 4969
Miller, J. S. 8323
Miller, J. T. 6996, 9189, 12938
Miller, M. 5485, 7717
Miller, M. E. 10844
Miller, P. 13249
Miller, P. 13249
Miller, P. A. 13450
Miller, P. R. 5706
Miller, R. E. 12516
Miller, R. E. 12516
Miller, S. A. 3822, 3840, 10839
Miller, S. S. 530, 11898
Miller, T. 399, 1399
Miller, T. E. 1422-1423, 5344, 5360 5360 Miller, W. A. 3370 Millgate, A. 3282 Millhollon, R. W. 2083 Milligan, B. G. 105, 109, 1081, Milligan, S. B. 13228 Mills, D. 7344 Mills, R. R. 12545 Milner, J. J. 3409, 7387, 11433 Milo, J. 9607-9608 Milošević, M. 10238 Milovanović, M. 5380 Milovanovich, M. 5380 Milutinović, M. 10926 Mimoto, M. 8954 Mims, C. W. 5743 Min, D. H. 4957 Min, H. S. 1613 Min, J. H. 7449 Min, K. 1787 Min, P. 8556 Min, S. 8058 Min, S. K. 403, 2652, 9230, 10555 Min HongSik 1613 Min JiHong 7449 Min Kwon 1787

Min Ping 8556 Min ShaoKai 2652, 8058, 9230 Minal Mhatre 4877, 11495 Minami, M. 4343, 4544, 8113 Minami, T. 2015 Minamikawa, T. 377, 3628 Minamitani, Y. 3298 Minar, P. S. 8630 Minati Singh 12290 Minato, A. 13289 Mindt, G. 8494 Minella, E. 2517 Minelli, M. 6574, 7769 Miney, I. 6005 Ming, D. X. 2302 Ming, L. W. 42 Ming, X. T. 6551 Ming, Z. X. 9638 Ming DaoXu 2302 Ming LiWang 42 Ming XiaoTian 6551 Ming ZhongXian 9638 Ming Zhong Xian 9638 Mingeot, D. 1396 Minguzzi, A. 10915 Minhas, P. P. S. 6006 Mink, G. 822, 8428 Mink, M. 11123 Minobe, Y. 2653 Minocha, J. L. 2875, 12033, 13166 13166 Minocha, S. C. 12044 Minohara, L. 8247 Minoia, C. 4296, 6576, 6578, 6642, 6685 Minoo Divakaran 8848 Minor, H. C. 3098, 10654 Minot, J. C. 4800, 4804, 13285 Minuti, E. 12105 Minuto, A. 5111 Minuto, G. 5111 Mione, T. 10980 Miquel, M. 12644 Mir, G. N. 8069 Miralles, D. J. 170 Miralles, D. J. 170 Miranda, A. 4413, 4431 Miranda, G. V. 4648, 8361 Miranda, L. E. C. de 10402 Miranda, L. T. de 10402 Miranda, M. 848 Miranda, M. A. C. 5745 Miranda, P. 3774-3775 Miranda Filho, J. B. 2583, 5497 Miranda Filho, J. B. de 5185 Miranda Santos, M. de 2301, 6424 6424 6424 Miravalles, M. T. 11595 Miravé, J. P. 3490 Mircovich, C. 6075 Mireau, H. 12607 Mirecki, R. M. 2229 Mirkov, T. E. 3163, 3747 Miron, D. 48, 7389 Miron, D. 46, 7309 Miroshnichenco, G. P. 2103 Mirza, J. I. 2351, 6512 Mirza, M. A. 9923 Mirza, S. H. 3977 Mirzakhidov, B. D. 3042 Misal, M. B. 8030 Misawa, K. 12679 Miséra, S. 76, 6500, 10196, 10199 Misharin, S. I. 141 Mishchenko, V. N. 11077 Mishenko, V. N. 12357 Mishiba, K. 5946, 7485 Mishra, A. 3992 Mishra, B. 6823 Mishra, B. K. 13142 Mishra, C. B. P. 13486 Mishra, C. D. 13022 Mishra, D. 8294 Mishra, D. 8294 Mishra, D. K. 11809 Mishra, D. S. 13025 Mishra, H. N. 5980 Mishra, H. O. 2262 Mishra, H. O. 2262 Mishra, K. K. 10807 Mishra, L. K. 10577 Mishra, M. 11813 Mishra, M. K. 3158, 4008 Mishra, N. C. 8294 Mishra, P. K. 6793

Mishra, R. 9290 Mishra, R. 9290 Mishra, R. K. 9490 Mishra, R. S. 5980 Mishra, S. B. 8029 Mishra, S. C. 2081 Mishra, S. K. 2837, 4110, 11584 Mishra, S. N. 308, 5785, 5980 Mishra, V. 2255 Mishra, Y. 216 Mišić, P. D. 10907 Mišić, T. 7771, 7850, 9005-9006 9006
Misik, S. 7199, 10951
Miśkiewicz, E. 11733
Misonne, J. F. 9842
Misoo, S. 2876, 12024
Misra, A. N. 452
Misra, H. O. 1140, 3316-3317, 3320, 3332, 5138, 7587, 13587, 13608
Misra, J. B. 8570
Misra, M. 452
Misra, R. L. 13574
Misra, R. S. 2915
Misra, S. 2185
Misra, S. R. 6123
Misteli, B. 11850
Mistrets, S. I. 5474, 9161
Mita, G. 6638
Mitchell, A. D. 4200, 5142
Mitchell, A. G. 4270
Mitchell, A. G. 4270
Mitchell, D. 5240
Mitchell, D. L. 8955
Mitchell, J. 6224, 8687
Mitchell, J. 6224, 8687 Misik, S. 7199, 10951 Mitchell, J. 6224, 8687 Mitchell, J. H. 8090 Mitchell, J. P. 1711 Mitchell, J. R. 9598 Mitchell, K. A. 13525 Mitchell, R. J. 3129-3130, 7338, Mitchell, S. 6124 Mitchell, S. E. 3969 Mitchell-Olds, T. 8526, 10183 Mitev, P. 10361-10362, 10476 Mitev, S. 10361-10362, 10476 Mitev, S. 10361-10362, 10476 Mithen, R. 2021 Mithen, R. 2021 Mitiku, D. 11600, 12767 Mitiouchkina, T. Yu. 7523 Mitra, A. 966 Mitra, R. K. 8520 Mitrofanova, O. P. 3459 Mitrofanova, O. P. 3459 Mitrović, M. 4831 Mitsuhara, I. 7392, 11129 Mitsui, T. 1369 Mittal, R. K. 12888, 13112 Mittal, U. K. 5624, 6712 Mitteau, M. 5192-5193, 8884 Mittelmann, A. 1428 Mittelmann, A. 1428 Mitter, N. 12659 Mitter, V. 4533 Mittler, R. 8650 Mitton, J. B. 1033, 4084 Mitykó, J. 7098-7099 Miura, H. 1407, 5382, 6613, 9034, 10278, 10287, 12217, Miura, K. 468
Miura, S. 12657
Mix-Wagner, G. 3784, 6993
Miyagi, T. 6166
Miyahara, K. 5584, 8084
Miyajima, I. 1062
Miyake, H. 3825, 12526, 13562
Miyake, Y. 161
Miyamoto, J. 13108
Miyamoto, M. 1612, 5633, 8033
Miyao, M. 11780, 12377
Miyashige, T. 5749
Miyashita, N. T. 57, 195, 4713, 9549
Miyata, M. 3425, 8336 12734 9549 Miyata, M. 3425, 8336 Miyata, S. 382 Miyazaki, C. 372 Miyazaki, M. 12080 Miyazaki, S. 775, 790, 7637, 11388, 12060, 12117 Miyazaki, T. 2923 Miyazawa, H. 12930

Miyazawa, Y. 3181, 9879, ... 12380
Mizen, S. 1663
Mizianty, M. 6859, 6870, 6899
Mizoguchi, T. 90, 4235
Mizrahi, E. 7344
Mizrahi, Y. 3886, 12341
Mizukami, H. 794, 1151, 12562
Mizukami, Y. 4600, 11871, 11896, 12581-12582
Mizuno, H. 10283
Mizuno, T. 7708
Mizusawa, H. 13258
Mizutani, A. 3624
Mizutani, M. 8926
Mladenov, N. 5385, 7771, 7850, 7896, 9005-9006, 9063, 10327
Mladenović-Drinić, S. 5486 12380 Mladenović-Drinić, S. 5486 Mlinar, R. 2490, 5321, 10243, 10255
Mlynárová, L. 938, 7375, 12386
Mmbaga, M. T. 12001
M\*ngova, M. 5324
Mnzava, N. A. 10105
Mo, B. T. 8127
Mo, H. 7478
Mo, H. D. 5489, 12992
Mo BenTian 8127
Mo, HujDong 5489, 12992 Mo BenTian 8127
Mo HuiDong 5489, 12992
Mobambo, K. N. 1976
Mochalova, O. V. 9656
Mochioka, R. 12228
Mochizuki, H. 7092
Mochizuki, N. 2542, 6485, 9133
Mochizuki, T. 423, 4852, 7183, 11843 11843 Mock, H. P. 3175, 4022, 12404 Möckel, F. E. 11595 Mockler, T. 7719 Mockler, T. C. 4273 Moda, I. 4343 Modarres, A. M. 301, 5503 Modi, G. 12322 Moeder, W. 13436 Moellenbeck, D. J. 7993 Moellenbeck, D. J. 7993 Moenne, A. 13157 Moermans, R. 1911 Moffatt, B. A. 5243 Moffatt, J. M. 1392 Møgelsvang, S. 4454 Mogensen, H. L. 9150 Mogg, R. J. 6147 Moghaddam, M. 13137 Mohamed, F. M. 9589 Mohamed, I. S. 4001 Mohamed, L. 10117 Mohamed, L. 10117 Mohamed, M. 6129-6130 Mohamed, M. 6129-6130 Mohamed, M. E. S. 751 Mohamed, M. F. 8269, 8375 Mohamed, Y. F. 1859 Mohammad, F. 12949, 12955 Mohammad Salehi, M. S. 11832 Mohammad-Salehi, M. S. 12996 Mohammed, A. I. S. 12756 Mohammed, L. S. 9169 Mohammed, S. 7645 Mohan, 5560-5561 Mohan, B. R. 3370 Mohan, M. 1617 Mohan, M. L. 10715 Mohan, N. 4649, 8272 Mohan, N. K. 7245 Mohan, R. 7283 Mohanssundaram, K. 8031, Mohammad Salehi, M. S. 11832 Mohanasundaram, K. 8031, 8037, 8228 Mohandas, C. 2871 Mohanraj, D. 9829, 11069 Mohanty, S. 2228, 6374, 7571, 10045 Mohanty, S. K. 6973 Mohapatra, A. K. B. 1851 Mohapatra, B. K. 6974 Mohapatra, B. K. 6974 Mohapatra, N. K. 13015 Mohapatra, P. M. 6786, 8089 Mohapatra, S. M. 7223 Mohapatra, T. 12273 Mohinder Singh 12332 Mohini Joshi 7612 Mohiuddin, A. K. M. 4788 Mohler, V. 4314

Möhlmann, T. 10165 Mohr, S. 5469 Moieni, A. 2438, 4434, 11565 Moing, A. 10922, 10928 Moir, A. 5704 Moisa, F. 9336 Moisan, L. J. 6451 Moisander, J. 4854 Moisander, J. 4854 Moisyadi, S. 13410 Moja, S. 10069, 13598 Mojonnier, L. 13561 Mojtahedi, H. 4774 Molaredi, H. 4774 Mok, I. G. 2897 Mokate, A. S. 11812 Mokhtari, S. 12772 Mol, J. 5116, 8899, 11517 Mol, J. N. M. 6696 Mol, R. 1495 Mol, K. 1495 Molchan, I. M. 14 Molchan, O. V. 13429 Moldenhauer, K. A. 445, 3622 Moldenhauer, K. A. K. 3664, 6745, 6830, 6849 Molero, J. 12523 Moletti, M. 2676 Molina, A. 252, 10679 Molina, J. 4059 Molina, M. C. del 11718 Molina, M. del C. 10491 Molina, M. del C. 10 Molina, R. V. 3856 Molino, L. 7208 Molle, E. 744 Møller, B. L. 4517 Møller, J. 1064 Möller, M. 1094 Møller, M. G. 4453 Møller, S. G. 6473 Möllers, C. 4959, 11 Möllers, C. 4959, 11245 Mollet, M. 3224 Molnár, G. 10145 Molnar, S. 2408 Moloney, M. 4941 Moloney, M. M. 4944, 6076 Molthoff, J. 1780 Momchilova, P. 5452, 10361-10362, 10476
Momčilović, I. 1092, 3269
Momčilović, V. 7896, 10327
Momonoki, T. 5749
Momotaz, A. 13195
Monastra, F. 3004, 3075, 6065, 6068, 6071-6072, 10982
Moncousin, C. 8987
Mondal, A. B. 2429
Mondal, A. H. 3653-3654
Mondal, T. K. 1287
Mondal, T. K. 1287 10362, 10476 Mondolot-Cosson, L. 7315 Monéger, F. 2210
Monet, R. 4891, 4902, 10922, 10928, 10937, 12589
Monetti, A. 7190
Monetti, A. 7190
Money, T. A. 6610
Monforte, A. J. 750
Monga, P. K. 1950
Monger, W. A. 3147
Monina, N. A. 10500
Moniz, A. C. 1235
Monk, R. L. 3592
Monks, D. W. 697
Monma, E. 10587
Monma, S. 752, 3365, 7090, 7092 Monéger, F. 2210 7092 Monna, L. 380 Monneveux, P. 15, 1451, 4310, 4417, 9103 Monod, H. 8532 Monod, N. 7428 Monotti, M. 3978, 6584, 12903 Monroy, A. F. 6887, 7732 Montagnon, C. 4998, 8627, 9859 9839 Montagu, M. van 68, 454, 1304, 1488, 2101, 2335, 2769, 3373, 3388, 3411, 3641, 4740, 5115, 5719-5720, 6455, 6472, 6699, 6927, 7447, 7453, 7546, 7711, 8176, 8924, 9350, 9474, 9949,

10215, 10563, 11432, 11472, 11732, 11835, 11921, 12699,

13436

Montalván, R. 599, 10537 Montalvo, A. M. 4068 Montaña, J. de la 3957 Montanaro, L. 12700 Montane, M. H. 244 Monte, J. V. 4308 Monteiro, A. A. 8440 Monteiro, A. J. A. 11034 Monteleone, P. 3885 Montes, M. J. 10309 Montesinos, C. 13219 Monteux-Caillet, R. 10908 Monteverde-Penso, E. J. 13386 Montice No. 12152
Monti, M. M. 12152
Monti, M. 6591, 6642, 9044
Monticelli, S. 7121, 7188
Monties, B. 6455, 7447, 10436
Montoya, C. A. 2827, 13114
Montoya, V. A. 2827, 13114 Montoya, C. A. 2827, 1311 Monzavi-Karbassi, B. 4019 Mood, J. 5150 Moody, D. B. 5426 Mooleedhar, V. 4010 Moon, B. Y. 789 Moon, C. S. 9391 Moon, H. P. 12969 Moon, P. A. 10973 Moon, W. 3809 Moon, Y. H. 11139 Moon, ChangSik 9391 Moon ChangSik 9391 Moon HuhnPal 12969 Moon Won 3809 Moon YoungHo 11139 Moon YoungHo 11139 Moons, A. 454, 3641, 11835 Moór, A. 10234 Moor Wagner, C. 5306 Moore, G. 399, 1399, 2395, 4297, 6610, 9019, 12697 Moore, G. A. 847, 3896 Moore, J. M. 10201, 11437 Moore, J. M. 10201, 11437 Moore, J. N. 3023 Moore, R. J. 9306 Moore, P. 13328 Moore, P. 13328 Moore, P. D. 13179 Moore, P. H. 912, 916, 3998 Moore, P. P. 834 Moore, P. P. 834
Moore, S. H. 2134-2136, 6248
Moorthy, B. T. S. 12999
Moorthy, K. N. 8037, 8228
Moorthy, P. N. K. 13233
Moose, S. P. 9142
Moquet, F. 10089, 13611
Mora-Urpí, J. 10109
Moraes, C. F. de 10516-10517
Moraes, R. M. A. de 5730
Moraes-Cerdeira, R. M. 4148
Moraes-Eermandes, M. J. B. de Moraes-Fernandes, M. I. B. de 3505, 5373 Moraghan, J. T. 4647 Moragoda, L. 289 Morais, O. P. de 10551 Morais, R. A. 5788 Morais, R. A. 5788 Morais-Cecílio, L. 5466 Moralejo, M. 7432 Morales, F. J. 11977 Morales, E. 2147 Morales, P. A. 5966 Morales-V., M. R. 769 Morales Valles, P. A. 1863 Moran, G. F. 1012, 2157, 13492, 13497 Moran, J. F. 8295 Moran, S. 2352 Moran, Palma, P. 12298 Moran, S. 2352 Moran-Palma, P. 12298 Morandi, M. A. B. 5755 Morandini, P. 5225 Morando, A. 4880 Morante, N. 2895 Moraru, I. 3468, 3494 Morata, M. M. 6603 Morawala-Patell, V. 10265 Morawala-Patell, V. 10265 Morcillo, F. 13372 Morden, C. W. 6015 Mordhorst, A. P. 4284, 10200 Mordkovich, Ya. B. 7689 More, D. C. 12141 Moré, M. I. 1279 Moré, O. 12025 More, T. A. 1857 Moreau, L. 4219 Moreau, M. 6498 Moreau, M. 6498

Moreau, P. 7081 Moreira, A. M. 5730 Moreira, J. C. S. 8999, 9004 Moreira, J. de A. N. 3197, 9809, 9915, 9918, 9924-9925, 12333 Moreira, M. A. 1705, 2784, 5383, 5755, 9479 Moreira, M. C. P. Q. D. G. 10967 10967 Morel, J. B. 4040 Morell, M. 2483 Morell, M. K. 3480 Morelli, G. 12625 Moreno, H. 5480 Moreno, O. J. 12898 Moreno, O. J. 12898 Moreno, S. 8444, 9675 Moreno, V. 784, 9621-9622, 10822, 13219 Moreno-R. A. M. 353 Moreno-B., A. M. 353 Moreno-González, J. 1504, 8892 Moreno-Sevilla, B. 1386, 12718 Moresco, E. R. 3190 Moretti, A. 1831 Moretti, C. 4523, 8018, 9198 Moretti, F. 935 Moretti, F. 935 Moretto, K. C. K. 7076 Morey, K. J. 13024 Morgan, C. L. 9015, 11008 Morgan, E. R. 11252 Morgan, G. 1630-1631 Morgan, M. T. 119, 4286, 5278, 10224 Morgan, P. W. 8015, 11730 Morgan, R. 6332, 10619 Morgan, R. N. 6743 Morgan, R. N. 6745 Morgan, T. D. 8658 Morgan, W. G. 3675, 5657 Morgan-Richards, M. 6384 Morgante, M. 39, 3242, 5898, 7477, 10370, 11204 Morgounov, A. 4334 Morgounov, A. 4334 Morgounov, A. I. 4378 Morgut, G. 2816 Mori, E. S. 12446 Mori, H. 922, 4548, 4676 Mori, K. 8108, 12086 Mori, N. 195-196, 5350, 11639 Mori, S. 4210 Mori, Y. 173 Moriguchi, T. 196, 848, 3067 Morikami, A. 1793 Morikami, A. 1793 Morikawa, H. 1283, 8789 Morikawa, T. 9118 Morillo, F. 5480 Morillo, F. E. 3845 Morimoto, S. 10080 Morin, G. 9466 Morino, K. 11801 Moriondo, G. 3051 Morishima, A. 12866 Morishima, H. 425, 8060 Morishita, M. 4852, 7183, 13244 Morison, J. I. L. 7803 Morita, A. 8043 Morita, M. 1712, 9267 Morita, N. 3479 Morita, O. 6392 Moritz, C. 1245 Moritz, R. L. 6672 Moritz, T. 4073 Moriyama, H. 4539 Moriyama, M. 2465 Moriyama, Y. 12576 Morjane, H. 12006 Morley-Jones, R. 7941 Morran, J. D. 7475 Moro, G. L. 3571 Moro, J. 1251, 7874 Morohashi, Y. 8372 Morosi, L. 11395 Morosi, L. 11395 Morot-Gaudry, J. F. 5014 Morozik, G. V. 5403 Morozov, S. Y. 695 Morozov, S. Yu. 12040 Morpurgo, R. 13305 Morrill, W. L. 1383 Morris, A. P. 5216 Morris, B. 6475

Morris, B. A. M. 2989, 7382, 9880, 13573 Morris, C. F. 1414, 10288 Morris, D. R. 1658 Morris, D. R. 1658 Morris, J. B. 1672 Morris, J. W. 42 Morris, K. E. 3289 Morris, P. 608, 1099, 5646, 8218, 13629 Morris, P. C. 3392 Morris, R. 7640 Morris, S. W. 10487 Morris, T. J. 1568 Morrison, D. E. 6232 Morrison, D. E. 6232 Morrison, F. 7157 Morrison, I. N. 4473 Morrison, L. A. 11620, 12746 Morrison, R. J. 5326 Morrot, G. 4222 Morrow, K. J. 1426 Morrow, S. L. 290 Morse, D. 2879 Morse, S. 4714, 6111 Morshedi, A. R. 3449, 7795-7796, 11557 Morshidi, M. 13325 Morton, B. R. 2323, 2382 Morton, N. E. 6922 Morton, R. L. 13120 Morton, S. 4455 Moś, M. 2536, 12842 Mos, M. 2536, 12842 Mosaad, M. G. 4376 Moscatello, S. 8648 Moscheni, E. 906 Moscone, E. A. 941 Moseĭko, N. A. 4039 Moseley, M. A. 11387 Moser, H. S. 261, 6212 Moser, L. 3018-3019, 8424, 12146 Moser, R. 7209 Moses, M. S. 748, 5920 Moshe, D. 13585 Moshonas, M. G. 8470 Mosimann, E. 483, 9295 Mösinger, E. 9093 Mosjidis, J. A. 4601, 13050 Mosquera, M. V. 838 Moss, J. P. 638, 2061, 10714, 11052 Mossa, J. S. 8837 Mossa, J. S. 8637 Mosseler, A. 12467 Mossi, L. 12788 Mössmer, M. 2280 Mostafa, M. A. 7869 Mostafa, M. S. A. 10501 Mostafa, R. A. A. 8479 Mostafapous, K. 4905 Mota, W. F. da 1837 Mota-Bravo, L. 8631 Motes, M. R. 4214 Motov, V. M. 5899 Motovilin, A. A. 5632 Motoyoshi, F. 1294, 7087, 12626
Motsnyĭ, I. I. 2405, 4352
Mott, D. 3903
Mott, D. W. 6232
Mott, K. A. 8645
Motto, M. 305, 1514, 2588, 4041, 4477, 5482, 5524, 7640, 10368, 10370-10371, 10401, 10440, 10474, 11520
Motzo, R. 6590
Mou, T. M. 431
Mou TongMin 431
Moulalis, D. 10990
Mould, R. M. 4240
Moulia, B. 2175
Moullet, O. 2486 12626 Moullet, O. 2486 Mount, D. W. 1116 Mounts, T. L. 4958 Moura, A. B. 11034 Moura Barros, L. de 9754 Mouradov, A. 8715, 11196, 11198, 13506 Mouras, A. 946, 2210, 5010 Mourgues, F. 7137, 7140, 7682, 10878 Mourrain, P. 2315 Moursy, H. A. 8480-8481

Moury, B. 5943, 12127 Mousset, C. 6867 Moussian, B. 7715 Moustafa, S. A. 9625-9626 Moustafa, Y. 12456 Moutinho, A. 12518 Moutschen, J. 3272 Mouzeyar, S. 895, 7317 Mouzouris, M. 3983 Moyano, E. 7543, 12218 Moyer, J. W. 7542 Mozingo, R. W. 3985, 11048 Mozo, T. 10166 Mozoub, M. 1590 Mozzetti, C. 1846 Mphangwe, N. I. K. 2095, 13409 Mpletsos, E. 5525 Mponda, O. K. K. 6111 M'Ribu, K. 1643 Mrkáčková, J. 8454 Mroginski, L. 9803, 9913 Mroginski, L. 9803, 9913 Mrówczyński, M. 9797 M'sallem, M. 7324 Mtsuzawa, Y. 7273 Mu, J. H. 11418 Mu, L. Q. 12444 Mu, X. J. 6036, 7753, 12243 Mu-Forster, C. 10437 Mu JingHong 11418 Mu LuQin 12444 Mu XiJin 6036, 7753 Mubarack, H. M. 9826 Muchhal, U. S. 2329, 12101 Muchow, R. C. 9197 Muckensturm, B. 1199 Muckensturm, B. 1199 Mudefar 13393 Mudge, J. 1695, 5211, 5744 Mudgett, M. B. 8961 Múdry, P. 8235 Muehlbauer, F. J. 632, 635, 1730, 5758, 5770-5772, 6955, 11999, 12005, 13128-13129 Mueller, D. S. 10655 Mueller, J. D. 3714 Mueller, L. A. 4161 Mueller, W. 12125 Mueller Sulgrove, S. 6369, Mueler Stigrove, S. 6369, 6372-6373 Mueller-Warrant, G. W. 2714 Muench, D. G. 7640 Muganu, M. 7212 Mugasha, A. G. 4099 Mugiono 9216 Mugnon 9216 Mugnai, L. 6013 Mugnozza, G. T. S. 8160 Mugwira, L. M. 4604 Muhammad, S. N. 12308 Muhammad, T. 10308 Muhammad Ayaz 10989 Muhammad Riaz-ul-Haque Muhammad Tufail 10695 Muhitch, M. J. 7927, 10433 Muhs, H. J. 989 Muirhead, C. A. 2365, 3360 Muis, A. 13018 Mujeeb-Kazi, A. 271, 3462, 4363 Mujica-Sanchez, A. 6851 Mukai, Y. 381, 2483, 4446, 10270, 12483 Mukane, M. A. 2850 Mukatira, U. T. 13326 Muker, H. S. 348, 9241 Mukha, D. V. 3748 Mukhariee A. 2906 Mukherjee, A. 2906 Mukherjee, A. K. 4566, 8300, 13013-13015 Mukherjee, B. B. 4563, 8095 Mukherjee, B. B. 4563, 8095 Mukherjee, B. K. 11742 Mukherjee, S. C. 8565 Mukherjee, S. K. 3992 Mukhopadhyay, S. 2232, 4163 Mulas, M. 862, 969-970, 9686 Mulatu, K. 2567 Mulay, G. P. 11518 Mulcahy, D. L. 1086, 2209, 6100 Mulder, A. 4703-4704 Muleo, R. 1960, 8427

Naik, V. N. 7645

Mulge, R. 5147, 8843
Mulla, R. M. 7645
Müller, G. 7845
Müller, G. W. 9704
Müller, H. G. 1255
Müller, H. M. 253
Müller, J. 6471, 10087
Müller, M. 9882, 12173
Muller, M. 13514
Müller, M. 13514
Müller, S. 1223-1224
Müller-Röber, B. 1761, 4690, 7687, 8315, 9521
Müller-Starck, G. 7481
Mulligan, B. J. 63, 11433
Mulligan, R. M. 4482
Mullin, B. C. 3423, 4079
Mullin, J. 5389
Mullin, T. J. 1331, 13488
Mullineaux, P. M. 1716, 5760
Mullinix, B. G. 2008, 9311
Mullins, K. V. 994
Multani, D. S. 6725 Mulge, R. 5147, 8843 Multani, D. S. 6725 Mulu Ayele 505 Mulu Ayele 505 Mumba, L. E. 4645 Munaut, F. 6894 Munch, J. C. 4203 Mundel, C. 1078 Mundell, R. E. 2748 Mundstock, C. M. 3535 Mundstock, E. 579-580 Mundy, J. 322, 5223 Muni Ram 7577, 7593 Munic, A. 8581 Muni Ram 7577, 7593 Munip, A. 8581 Munjal, S. V. 2613 Munkvold, G. P. 4510 Muñoz, C. 9547 Muñoz, F. J. 637, 10707 Muñoz, J. 11019 Muñoz, J. A. 13047 Muñoz, J. L. 7953 Muñoz-Blanco, J. 4844, 12218 Muñoz Garmendia, F. 3290, 9646, 12343 9646, 12343 9040, 12343 Muñoz-Organero, G. 3920 Muñoz-Valenzuela, S. 2064 Munro, S. L. A. 11116 Munshi, A. D. 13125 Munshi, M. 8922 Müntz, K. 3170, 4610, 8641, 11346 Munyenyembe, M. P. 3783 Munyikwa, T. R. I. 12047 Munzur, M. 518 Mur, L. A. J. 3187 Murai, K. 157, 4347, 4367-4368, 7789, 11544 Murai, M. 3247, 12483 Murai, N. 375, 4554 Murai, R. 4347 Murakami, K. 9550-9551, 9616, 12059 Murakami, N. 13156 Murakami, S. 3165 Murakami, T. 776 Murakami, Y. 5759, 11014, 13183 13183 Muraleedharan, P. 7262 Muralidharan, V. 8037, 8302 Muralikrishna, G. 4388 Muranty, H. 11474 Muraoka, T. 6916 Murariu, M. 9134 Murariu, M. 9134 Murashige, T. 9713 Murata, K. 6000, 12165, 13151 Murata, M. 1294, 3952, 7087, 9542, 9637, 12626 Murata, N. 789, 4733, 7029, 7728, 8957, 11838 Murata, T. 418 Murata, T. 418 Muratova, E. N. 6279-6280, 9962, 9970 Muravenko, O. V. 8831 Muraya, L. S. 9950 Murayama, S. 12065 Murdoch, C. L. 9309 Murelli, C. 245 Murfet, I. C. 623, 3756, 8277 Murfett, J. 2789, 5011, 9884 Muriithi, L. M. 4524 Murillo, M. 1317

Murillo, O. 1019 Murín, A. 6376 Murín, G. 4641, 9972 Murnaghan, J. 5692 Muro, A. di 956, 961 Muro, A. di 956, 961 Murofushi, N. 5585 Muromtsev, G. S. 2317 Murphy, A. M. 12614 Murphy, C. F. 1473 Murphy, C. L. 5664 Murphy, D. J. 4950, 8978, 11487 11487
Murphy, G. 3388
Murphy, G. P. 3399
Murphy, J. 2959
Murphy, J. A. 2709
Murphy, J. B. 4048, 7413
Murphy, J. F. 3853
Murphy, J. P. 1473, 3473, 6683, 7858, 10301, 12862
Murphy, J. W. 3262
Murphy, L. 11196, 13506
Murphy, L. C. 11198
Murr, D. 11233
Murray, B. 10028 Murray, B. 10028 Murray, B. G. 5081, 5713, 7382, 8792 Murray, F. R. 6604, 9898 Murray, J. A. H. 9149, 12615 Murray, J. J. 10593 Murray, J. W. 5087, 7502, 8730, 12492 Murray, T. D. 2464, 4427, 11645 11645 Murrell, J. C. 2157 Murrell, Z. E. 5067 Murri, G. 12212, 12220 Murthy, A. K. 4529 Murthy, B. N. S. 3921, 8841 Murthy, G. R. 2899 Murthy, J. S. V. S. 9929 Murthy, K. R. K. 360, 6751 Murthy, P. S. S. 360, 6751, 8032 8032 Murthy, R. A. K. 3615-3616 Murthy, S. V. K. 3928 Murthy, T. V. N. 2945 Murty, B. R. 10518 Murty, K. S. 8063, 11806 Murty, P. S. S. 6809 Murugan, E. 8289, 8291 Muruganajendran, C. 652 Murugarajendran, C. 652 Murugesan, S. 8289, 8291 Musa, G. L. C. 2064 Musa, G. L. C. 2064
Musa Mohamed 6129-6130
Muschak, M. 1765
Muschietti, J. 8368
Musetti, L. 758
Musgrave, M. E. 5397, 11790
Mushonga, J. 2275
Musial, J. M. 3701
Musich, V. N. 206
Musirchuk, K. A. 4019
Musket, T. 3551
Musket, T. A. 327, 9185
Musmeci, S. 7010, 12042
Muśnicki, C. 9804
Mussa, A. 2815 Mussa, A. 2815 Mustapić, Z. 6073 Mustățea, P. 3493, 4414 Muster, G. 4484 Mustilli, A. C. 1271 Mustyatsa, S. I. 2543, 5474, 9161, 10349 9161, 10349
Muszyński, S. 6911
Mutambel, H. S. N. 10229
Muthukrishnan, S. 8098, 8658
Muthukumar, S. A. 4589
Muthuswamy, P. 8666
Mutschler, M. A. 7062
Muza, F. R. 2626
Mwang'Ombe, A. W. 1704
Myburg, A. A. 5420, 10311
Myburg, H. 7473
Mycock, D. J. 854
Mydlilová, J. 8611
Myers, A. M. 1501, 7928, 9159, 10472
Myers, G. 6237 Myers, G. 6237 Myers, G. O. 6220, 6248 Myers, J. E. 13249

Myers, J. M. 10780 Myers, J. R. 3740, 13104 Myers, J. R. 3740, 13104 Myers, O., Jr. 597 Myers, P. N. 4038 Myl'nikov, N. M. 5629 Mylona, P. V. 10378 Mynett, K. 1117, 11299 Mysore, K. S. 1555 Mythili, P. K. 4531 Myton, K. 5052 Myton, K. E. 12393 Mytton, L. R. 8146 Mytton, L. R. 8146 Mytong, K. Y. 458 Mytong KwonYoung 458 Na, S. Y. 1872 Na SeungYong 1872 Na Seung Yong 18/2 Nabialkowska, D. 4456 Nabors, M. W. 4561 Nachit, M. 1420 Nachit, M. M. 4310, 4335, 4398, 4417, 7802, 9039, 12775 12775
Nachmias, A. 10507
Nacry, P. 6498, 10160
Nadaaf, S. K. 9695
Nadaf, H. L. 8560-8561
Nadaf, S. K. 1710
Nadarajan, N. 2659, 5608, 5789, 8061, 8289, 8291-8292
Naderi M. 5016, 5023 8061, 8289, 8291-8292 Naderi, M. 5016, 5023 Nadgauda, R. S. 7612-7613 Nadtochaev, N. F. 10356 Nadziak, J. 2470 Naess, S. K. 4810 Næsted, H. 5223 Nagai, M. 721 Nagaike, H. 3300 Nagaki, K. 4446, 11885 Nagamine, T. 3453 Nagamura, Y. 363, 2636, 2653, 5582 Nagano, K. 9989 Nagano, K. 9989 Nagano, M. 8110 Nagao, R. T. 590, 11933 Nagaoka, T. 4342 Nagara, M. 6000, 12165 Nagaraj, G. 13390 Nagaraja, T. E. 421 Nagarajan, P. 8026 Nagarajan, R. 4991 Nagarajan, K. 4991 Nagarajan, S. 4332 Nagaraju, V. 10011 Nagasaka, K. 1049 Nagasaki, H. 381 Nagasaki, H. 381 Nagasako, T. 1059, 4105 Nagasawa, N. 10545 Nagasawa, R. 2728, 11894 Nagata, A. 10084 Nagata, N. 1085, 2086 Nagata, T. 12380, 13431 Nagata, Y. 12576 Nagatani, A. 1292, 6485, 11441 Nagatani, N. 10366 Nagato, Y. 7762, 10545 Nagatomi, S. 6061, 6334 Nagaya, S. 6168 Nagayama, A. 7006 Nagayama, A. 7006 Nagda, A. K. 1517 Nagesh, M. 1772 Nagi, H. P. S. 10558 Nagi, H. P. S. 10558
Nagl, N. 8614
Nagl, W. 567
Nagpal, A. 12070
Nagy, B. 8185
Nagy, E. 9180
Nagy, E. S. 3286
Nagy, F. 6496, 10145
Nagy, G. 10009
Nagy, I. 6988
Nagy, P. D. 4206
Nahon, S. 3843
Nahusona, J. 7345
Naidin, C. 9173, 9336
Naidu, N. V. 11057-11058
Naidu, R. A. 13381
Naik, B. J. 7262
Naik, I. 5560-5561 Naik, B. J. 7202 Naik, I. 5560-5561 Naik, P. S. 6994, 12032 Naik, R. M. 2850 Naik, S. I. 8560-8561 Naik, T. C. P. 10059

Nair, A. 8111 Nair, G. M. 3321, 6381 Nair, K. N. 7645 Nair, M. K. 898 Nair, N. G. 2911 Nair, P. G. 2909 Nair, P. K. K. 7645 Nair, S. 1617, 10684 Nair, S. G. 2894 Nairn, C. J. 8466, 8468 Naithani, S. 6267 Naito, H. 5630 Naito, K. 12502 Naito, S. 1290, 3410, 7738 Naitou, S. 10657 Naitou, S. 10657 Najčevska, C. 11596 Nakagahra, M. 350 Nakagawa, H. 5749, 6348, 9223 Nakagawa, K. 12024 Nakagawa, T. 58 Nakagoshi, N. 12502 Nakahara, K. 7003 Nakaho, K. 1834 Nakai, H. 12930 Nakai, R. 5133 Nakai, T. 4676 Nakai, Y. 6168 Nakai, M. 13073 Nakajima, A. 13073 Nakajima, I. 8482 Nakajima, M. 3816, 11801 Nakajima, R. 392 Nakajima, S. 1151, 5228 Nakajima, T. 10657 Nakajima, Y. 12046 Nakamoto, T. 7028 Nakamura, A. 7708 Nakamura, C. 195-196, 5350, 11639 Nakamura, H. 7902 Nakamura, I. 228, 4230 Nakamura, K. 1583, 1793, 4741, 8640 Nakamura, K. T. 9588 Nakamura, M. 9988-9989 Nakamura, M. 9980-9999 Nakamura, N. 6483, 12060 Nakamura, R. 3611 Nakamura, S. 5557, 5633, 6186, 8020, 10657 8020, 10657
Nakamura, T. 192, 9253
Nakamura, Y. 6048, 8482
Nakanishi, T. 4720, 4798
Nakanishi, Y. 9502
Nakano, A. 10153, 12378
Nakano, H. 5749
Nakano, M. 449, 1945, 2086
Nakano, T. 372, 3165
Nakashima, K. 1323, 27412743, 3367, 10587, 11907
Nakashima, M. 13417
Nakashima, M. 13417
Nakashima, T. 12086
Nakano, B. 48430
Nakata, N. 10267, 11549 Nakata, N. 10267, 11549 Nakata, S. 12094 Nakatani, M. 5840, 6052 Nakatani, M. 5840, 6052 Nakatsuka, A. 4760 Nakawuka, C. K. 3776 Nakayama, H. 11758 Nakayama, K. 5839 Nakayama, M. 8244 Nakayama, S. 7278 Nakayashiki, T. 3520 Nakazaki, T. 233, 273, 1118, 3626, 4549, 8818 Nakazono, M. 387, 1290, 8991 Nakazumi, H. 6858 Nakiboğlu, M. 6387 Nakiboğlu, M. 6387 Nakiboğlu, M. 6387 Nakkoul, H. 9039 Nali, C. 12454, 13495 Nalini, P. V. 10993 Nalini Mallikarjuna 5781 Nallathambi, P. 9829 Nam, H. G. 69, 1310, 8946, Nam, H. G. 69, 1510, 8 11447 Nam, J. S. 1302 Nam, K. H. 10017 Nam, M. H. 9221-9222 Nam, N. H. 12008 Nam, S. H. 2013, 4778

Nam, Y. W. 3170, 8641 Nam HongGil 69, 1310, 8946, 11447, 12271 Nam JaeSung 1302 Nam JaeSung 1302 Nam KyoungHee 10017 Nam MinHee 9221-9222 Nam SangHyeon 2013 Nam SeokHyeon 4778 Nam YoungWoo 3170, 8641 Namai, H. 9292, 12946 Namba, T. 2233 Nambara E. 1200 Nambara, E. 1290 Namboodiri, R. 8232 Namera, A. 1151 Namken, L. N. 2131, 2146, 5036, 6225, 6231 Namkoong, G. 1027, 3414, 6252, 6260, 7649, 11481 6252, 6260, 7649, 11481 Namli, O. 3961 Namrata Asthana 9193-9194 Nams, V. O. 10217 Nanayakkara, N. P. D. 4148 Nanbu, K. 6888 Nance, W. L. 1045 Nanda, B. B. 1299 Nanda, G. S. 6437, 6624, 7862, 8994, 10279, 11652 Nanda, P. 2867 Nanda, P. R. 2866 Nanda, S. N. 662 Nandan Mehta 9417 Nandanwar, R. S. 1843 Nandi, A. 673, 2824, 8266 Nandi, O. I. 10231 Nandi, S. 456, 2638, 10540 Nandihalli, B. S. 7115 Nandini, A. V. 5713 Nandini, P. V. 446 Nandita Pathania 4428 Nanson, A. 985, 9933 Naoki, Y. 10826 Nap, J. P. 938, 7375, 10139, 12386, 12610 Napi, D. 12430 Napier, J. A. 7822 Nandan Mehta 9417 Napi, D. 12430 Napier, J. A. 7822 Napis, S. 4788 Napola, J. 13614 Napoli, C. A. 7547 Naqvi, A. A. 7593, 7603, 13588, 13605 Naqvi, S. M. S. 9902 Narang, R. A. 6494 Naranjo, C. A. 2568-2569, 6707, 10394, 10408-10410, 10466 10466 Naranjo, T. 11562 Narasimhulu, S. B. 1302, 11443 Narayan, R. K. J. 3193 Narayan Behera 6433 Narayanan, K. K. 391, 12952 Narayanasamy, P. 13199 Narayanasamypillai Jayabalan Narayanaswamy, M. 8846 Narciso, J. O. 438 Nard, M. le 11287 Nard, M. le 11287 Naredo, E. B. 9237, 9276 Naredo, M. E. B. 6773, 9234 Narendra, B. 6847 Nariakawa, T. 7092 Nariman, M. A. E. N. 814 Narintaraporn, K. 9543 Narintaraporn, P. 9543 Narita, J. O. 738 Narkhede, B. N. 4976, 12913-12915 12915
Narkiewicz, M. 8394, 13260
Narkiewicz-Jodko, M. 2538
Narkunaraja, S. 5565
Narro, L. 1521, 9177
Narrol, M. H. 5495
Naruhashi, N. 1926, 12202
Narusaka, Y. 11416
Narvel, J. M. 13083
Narwal, N. K. 5370
Narzary, B. D. 2914
Nasar, S. K. T. 2905
Nascimento, J. L. do 9811
Nascimento, J. L. do 3927
Nash, N. 4154 12915 Nash, N. 4154 Nashaat, N. I. 3969

Našinec, I. 6863 Našinec, V. 3676, 6863, 11983 Nasir, M. 1726, 3762, 13130 Naskar, S. K. 2903 Nason, J. D. 2916, 12457 Nasr, S. M. 11961 Nasrallah, J. 5911 Nasrallah, J. B. 4739, 9770, 11012 Nasrallah, M. E. 11012 Nass, H. G. 5325, 9009 Nass, L. L. 5501 Nassar, M. A. 13471 Nassar, N. M. A. 2890, 10761, 12049 Nast, G. 4690, 8315 Năstase, M. 9832 Nastasić, A. 7948 Nastasić, A. S. 8131 Nasuda, S. 2528, 9021, 9189, 10271 Natali, L. 10401 Natarajan, M. 3126, 11054 Natarajan, S. 6132 Natarajan, U. S. 6134, 12949, 12955 12955 Nater, M. 2338 Nath, J. C. 7245 Nath, P. 2128, 2639, 4519, 6133, 9191 Nath, V. 7458 Natori, S. 7392 Natori, S. 7392 Natura, G. 6919 Natwick, E. T. 6235-6236 Nault, J. R. 13517 Naumova, T. N. 11566 Nautiyal, P. C. 11047 Nava, A. 13332 Navacchi, O. 9677 Navale, P. A. 2625, 13110 Navarre, D. A. 10337 Navarrete M. H. 4726, 102 Navarrete, M. H. 4726, 10220 Navarro, A. 110, 846, 4910 Navarro, C. 4909, 8709, 9646 Navarro, F. 9617 Navarro, L. 846, 852, 1999, 4910, 4913, 4917 Navarro, R. A. 1473, 10301 Naveen Chandra 2029, 8513 Navi, S. S. 1554, 3597 Navinder Saini 1804, 2242 Navinder Saini 1804, 22 Navrátilová, B. 4734 Navushchanov, S. 5424 Navushtanov, S. 5424 Nawar, A. A. 7947 Nawar, M. T. 13471 Nawata, E. 9600 Nawrot, D. 2025 Nayak, M. 3658 Nayak, N. 919 Nayak, N. R. 1124 Nayak, P. 4566, 13013-13015 Nayak, R. L. 13000 Nayak, S. 11282 Nayar, N. P. 7645 Nayar, N. K. 6781, 6836 Nayerma, J. 5950 Nayyar, V. K. 6641 Nazari, K. 4432 Nazeem, P. A. 8852 Nazeem, P. A. 8852 Nazzaro, R. 6368 N'cho, Y. P. 9807 Ndiaye, M. 3768 Ndong, C. 836 Ndoye, I. 1024 Ndzana, X. 7027, 8306 Neal, J. J. 758 Neale, A. D. 8163 Neale, D. B. 1041, 12441, 12463, 13504 Neale, D. B. 1041, 12441, 12463, 13504
Nebykov, M. V. 7359
Nechiporenko, N. N. 5678
Nedělník, J. 8179, 10610, 11497
Nedev, T. 10471, 12303
Nedoshan, H. M. 9919 Nee, M. 2966 Needham, P. D. 9880 Neelam, A. 4983, 13382 Neelima Sinha 13211 Neema, C. 9478 Neena 6082

Neeta Dwivedi 7283 Nefedov, A. V. 206 Neff, J. D. 8929 Neff, M. M. 8929 Neff, W. E. 4958 Nègre, S. 9029 Negreiros, G. de F. 2849 Negrel, J. 12393 Negri, P. 807, 12148, 12214 Negri, V. 5680, 5695, 6963, 8139, 13054 8139, 13054
Negrini, G. 8622
Negritto, M. A. 8135
Negrutiu, I. 2210, 4138
Nehls, P. 6920-6921
Nehru, S. D. 2035
Nei, M. 12674
Neigel, J. E. 5263
Neikov, S. 10848
Neill, S. J. 6515
Neilson, H. F. 9579
Nejad, S. A. H. 1731
Nejidat, A. 4259
Nejnskaia, V. 12629
Nekrošas, S. 2700, 2707
Nelles, E. M. 11611
Nelson, A. 6062 Nelson, A. 6062 Nelson, A. D. 12531 Nelson, B. D. 1677, 3725, 10634 Nelson, C. D. 866 Nelson, D. E. 4170, 6167, 11326, 13624 Nelson, E. C. 1069 Nelson, G. 3167 Nelson, J. C. 1818, 3507, 5415 Nelson, K. 7730 Nelson, L. A. 1386, 2617, 12718 Nelson, L. R. 3444, 5454, 6860, 10253 Nelson, M. 8663 Nelson, R. 5805, 8102, 9460 Nelson, R. L. 1679, 2787, 2803, 6903, 8259, 9354, 13096 Nelson, S. J. 13382 Nelson, T. 10451-10452, 11444 Nematzadeh, G. A. 12929 Nembrini, L. 1514 Nemcova, M. 3759 Németh, É. 1161, 1195, 1201 Nemomissa, S. 5143, 12529 Nemoto, H. 11852 Nemoto, K. 8059, 8113 Nemoto, N. 8033 Nemoto, T. 1670 Nemouchi, G. 5943 Nenadovic Mratinic, E. 12184 Nenakhov, V. P. 6549 Nencetti, V. 3009, 6013, 10897 Nene, Y. L. 1735 Nennstiel D. 1206. Nennstiel, D. 1206 Nenz, E. 2734 Nepomuceno, A. L. 6207, 6223 Nepper, J. P. 12039 Nerd, A. 12341 Nergiz, C. 3887 Nerkar, Y. S. 4971, 8030 Nervo, G. 1847 Nes, A. 4833 Nesbitt, K. A. 996 Nesbitt, M. 7837 Nesbitt, M. L. 865 Nesi, N. 11385 Nest, N. 11385 Nešković, M. 1092, 3269 Nešović, K. 11094 Nessa, D. 3977 Nessler, C. L. 1166, 3390 Nestares, G. 9803 Nester, E. W. 1276, 12613 Nesvadba, V. 3335, 12572-12573 Netherlands, Centre for Plant Breeding and Reproduction Research 11341-11342 Netherlands, Stichting voor Plantenveredeling 7123 Neto, G. C. 4571 Neto, J. A. Z. 10774 Neto, J. F. B. 5470, 11681

Neto, J. S. 10774 Neto, S. A. 6748, 10527 Netsvetaev, V. P. 6655 Nettancourt, D. de 116 Neu, K. A. 9957 Neubauer, M. 2235 Neuhaus, G. 36, 5912 Neuhaus, H. 13526 Neuhaus, H. I. 13526 Neuhaus, J. M. 11120, 13414 Neuhaus, J. M. 11120, 13414 Neumann, G. M. 12137 Neumann, K. H. 3799 Neumann, P. 2308 Neumyakin, I. V. 4030 Neumann, P. 2308 Neumyvakin, L. V. 4039 Neupane, K. R. 13326, 13410 Neutelings, G. 52 Neuweiler, R. 4815 Neven, L. 9577 Neves, L. J. 8558 Neves, P. C. F. 6749, 11771 Neveu, M. 10878 Nevo, E. 173, 220, 1456, 1458, 3530, 5332, 6523, 6654, 6677, 9028, 12712 New Zealand, Horticulture and Food Research Institute of Food Research Institute of New Zealand Ltd 8420 New Zealand Ltd 8420 New Zealand, New Zealand Institute for Crop and Food Research 9483-9484 New Zealand, New Zealand Institute for Crop and Food Research Ltd 6939 New Zealand, Pastoral Agricul-ture Research Institute Ltd. 540 Newall, W. C. 8435 Newbigin, E. 8370, 9588 Newbury, H. J. 5880, 9852, 11989 Newcombe, G. 2161, 8707 Newell, C. 8739 Newell, C. A. 12602 Newman, C. W. 242 Newman, J. 5013 Newman, J. D. 3715 Newman, R. K. 242 Newton, A. C. 8709, 9106, 11678, 12802 Newton, G. L. 1516 Newton, R. J. 1788, 3166, 3667, 4091, 12043 4091, 12043 Neykov, S. 3849, 10848, 13257 Neyt, P. 7711 Ng, K. Y. 3577 Ng, N. Q. 1752, 13627 Ng, P. K. W. 187, 2452, 10290 Ng, S. K. 13373 Ng, S. Y. C. 13627 Ng, T. J. 13242 Ngai, N. 2832 Ngalani, J. 1965, 1969 Ngalani, J. A. 9698 Ngalle, H. B. 4646 Ngon, M. 6843 N'Guessan, A. 1980 Nguyen, D. Q. 10470 Nguyen, H. T. 1426, 1602 Nguyen, L. V. 8636 Nguyen, T. T. 8275 Nguyen Duy Can 5557, 8011, 8020, 8833 Nguyen Gia Quoc 5572 Nguyen Huu Hong 5593 Nguyen-Quoc, B. 3789 Nguyen Thanh Thuy 5572 Nhan Phan Thien 3483 Ni, D. A. 12401 Ni, H. X. 11657 Ni, H. X. 11657 Ni, J. J. 1604, 3610 Ni, L. J. 355 Ni, W. C. 982, 3205, 12424 Ni, W. T. 2116, 3182 Ni, X. Y. 2302 Ni, X. Z. 3509 Ni, Y. Y. 6328 Ni, Z. F. 6602 Ni, Z. F. 6602 Ni DiAn 12401 Ni HanXiang 11657 Ni JianJiang 3610

Ni JunJian 1604 Ni LinJuan 355 Ni WanChao 982, 3205, 12424 Ni WeiTing 2116, 3182 Ni XinZhi 3509 Ni XiYu 2302 Ni YueYuan 6328 Ni ZhongFu 6602
Nian, H. 2796
Nian Hai 2796
Nian Hai 2796
Nichetti, E. 4471
Nichita, L. 9134
Nicholl, D. B. G. 4201
Nicholls, D. 10018
Nichols, M. A. 9579
Nichols, P. G. H. 8204
Nicholson, L. 4156
Nicholson, M. S. 1225
Nick, P. 3561
Nickell, A. D. 594, 3728, 4635
Nickell, C. D. 594, 3728, 4635
5741, 8259, 9367-9369, 9414, 9418, 9441, 9451-9452, 10632-10633, 10655, 10663 Ni ZhongFu 6602 9418, 9441, 9451-9452, 10632-10633, 10655, 10663 Nickerson, G. B. 2265 Nickle, T. C. 12632 Nickrent, D. L. 11932 Nicol, D. 2478 Nicol, H. I. 7565 Nicolás, C. 1003, 5060 Nicolas, D. 7647, 11163 Nicolas, E. 6442 Nicolas, E. 6442 Nicolás, G. 1003, 5060 Nicolas, M. E. 12751-12752 Nicolas, O. 4045, 13512 Nicolas, P. 895, 4974, 7317, 12310 Nicolas, R. 9623 Nicolas, Y. 6625 Nicolini, C. 4213 Nicolini, G. 7190 Nicolini, G. 7190
Nicolini, L. 6461
Nicolini, S. 7188
Nicoll, B. C. 12477
Nicolle, D. 12447
Nicolson, L. 7567
Nicot, C. 5444
Nicotra, A. 1924, 3018-3019, 8424, 12146
Nicotra, A. B. 4185
Nidhi Arora 7041
Nie, F. 4029
Nie, L. 4420
Nie, L. O. 10805 Nie, L. Q. 10805 Nie, X. W. 6359 Nie, Y. C. 3196 Nie Li 4420 Nie LiQin 10805 Nie XiuWan 6359 Nie YiChun 3196 Nieddu, G. 857, 860 Niederhauser, C. 40 Niedz, R. P. 8470 Niedzielski, M. 6859 Nielsen, B. J. 5314 Nielsen, B. L. 939, 2325, 4497 Nielsen, E. 732 Nielsen, H. L. 4517 Nielsen, H. L. 4517 Nielsen, J. 5326 Nielsen, J. E. 9841 Nielsen, K. 5736 Nielsen, K. K. 9841 Nielsen, K. M. 8808, 10020 Nielsen, M. H. 10222 Nielsen, M. T. 3162, 6183, 11133 11133 11133 Nielsen, N. C. 1686, 3170, 7640, 8641 Nielsen, N. E. 3523 Nielsen, P. E. 4719 Nielsen, P. S. 2495 Nielsen, R. 21 Nielsen, T. H. 11121 Nielson, D. C. 5663, 9315 Nielson, K. 4051 Niemann, M. 5816 Niemeyer, H. M. 223, 11679 Nienhuis, J. 6996, 9470, 11415 Nieto-Taladriz, M. T. 1413, 2443, 11609, 12743

Nietsche, S. 13116 Nieuwhof, M. 10824 Nieves, N. 7234, 8596, 9724 Niewiadomy, A. 2927 Nigam, S. N. 903, 2054, 2060-2061, 3983-3984, 6101, 11043-11044, 11052 Niikura, S. 709, 12062, 12064 Niino, T. 3890 Niizeki, M. 430, 3638, 8217 Niino, T. 3890 Niizeki, M. 430, 3638, 8217 Nijkamp, H. J. J. 9584, 9605 Nijkamp, J. 12110 Nijs, A. P. M. den 4862-4863, 12154 Nikam, T. D. 3995, 8690 Niki, T. 11129 Nikkapen T. 2182 Nikkanen, T. 2182 Niklas, A. 4996 Niklas, K. J. 3353 Niknejad, M. 11599 Niknejad, M. 11599 Nikolaeva, L. 1165 Nikolaeva, V. 7396 Nikolaevskaya, T. S. 5661 Nikolaevskaya, T. V. 6549 Nikolaevskaya, T. V. 6549 Nikolačhuk, V. I. 559 Nikolač, D. 6144, 9676, 10926 Nikolić, P. 11073 Nikolić, Z. 8617, 8619 Nikolić, Z. 10238 Nikolov, Z. 12863 Nikolov, Z. L. 2324, 12869-12870 Nikolova, L. 5452, 12297 Nikolov, Z. L. 2324, 1286912870
Nikolova, L. 5452, 12297
Nikolova, V. 6092-6093, 12297
Nikolovski, M. 9030
Nikolovski, S. 8392
Nikonorov, Y. M. 9011
Nikova, V. 11124
Niks, R. 7886
Niks, R. E. 10331, 10829
Nilsen, G. 2755
Nilsen, J. 4073
Nilsson, N. O. 3145, 6080
Nilsson, N. O. 3145, 6080
Nilsson, O. 1312, 10174, 12648
Nilsson, S. 12428
Nin, S. 810
Nina, R. 6933
Ning, W. 11448
Ning, Y. T. 9685
Ning, Y. X. 9685
Ning, Y. X. 9685
Ning YuTing 9685
Ning YuTing 9685
Ninno, G. de 4296
Ninno, G. de 4296
Ninno, G. de 4296
Ninno, G. de 4296
Ninno, G. de 4296
Ninno, G. de 4296 Ninno, G. de 4296 Ninno, M. de 6593 Ninomiya, S. 2792, 9292 Ninotty A. 6065 Nipah, J. O. 8092 Nipoti, P. 12212 Nirala, R. B. P. 7816 Nirmaljit Kaur 1950, 6063 Nishida, H. 10546 Nishida, H. 10546
Nishihama, R. 8828, 13417
Nishihara, M. 1283, 8789
Nishihara, T. 5140-5141
Nishih, A. 4500
Nishikubo, N. 953
Nishimoto, K. 1059, 4105
Nishimura, H. 4025
Nishimura, H. 4025
Nishimura, M. 3624, 6483, 6521, 7105, 8390, 10197
Nishimura, M. T. 2359
Nishimura, M. 4631, 7063
Nishimura, Y. 3672
Nishino, T. 7092, 8084, 9571, 10770
Nishioka, J. 9551, 12059 Nishioka, J. 9551, 12059 Nishiuchi, T. 2341 Nishiyama, Y. 10682, 12623 Nishizawa, N. 11441 Nishizawa, S. 8789 Nishizawa, S. 8/89 Nishizawa, T. 10277 Nishizawa, Y. 4790 Nissanka, S. P. 6720 Nissilä, E. 2519 Nistor, G. H. 9916 Nistor, T. 9916 Nita, Z. 11524 Niu, X. 5152, 6357

Niu, Y. C. 7867 Niu, Y. S. 13341 Niu, Y. X. 6715 Niu YaSheng 13341 Niu YongChun 7867 Niwa, M. 1581, 3180 Niwa, Y. 11416 Niwata, E. 780 Nixon, P. J. 6173 Niyogi, K. K. 11452 Niza, T. J. R. 6836 Nizigiyimana, A. 3650 Niza, T. J. R. 6836 Nizigiyimana, A. 3650 Njiti, V. N. 9447, 11957 Njuguna, C. K. 7363 Nkemka, P. N. 7803 Nkeng, M. N. 9698 No, E. G. 3667 Noa, M. 11900 Noaman, M. M. 10328 Noaman, M. M. 10328 Noble, C. L. 3670 Nóbrega, F. 1002, 12448 Noctor, G. 5062 Noda, K. 161, 4342 Noda, Y. 10287 Nodari, R. O. 4650, 7246 Noe, J. P. 6105 Noel, G. R. 2803, 9367, 10663 Noga, G. 13170 Noguchi, A. 3816 Noguchi, A. 3816 Noguchi, T. 2353 Noguchi, Y. 4852, 7183 Noguchi, Y. 4852, 64 11845 Noh, E. R. 5059 Noh, T. H. 13010 Noh TaeHwan 13010 Noin, M. 5054 Noirot, M. 897, 6158-6159, 9871, 13627 Noiton, D. A. 3873 Nokoe, S. 8462 Noli, E. 225, 2492, 7898 Noll, J. S. 4395 Noma, K. 392 Noma, K. 392 Noma, M. 4021 Nomura, K. 4539, 4802, 8409 Nomura, T. 10827 Nong, V. H. 4610, 4625, 11935 Nonomura, K. I. 8045 Noov, B. 12773 Nørbæk, R. 7553 Nordal, I. 6866 Nordal, I. 6866 Nordborg, M. 100, 105, 7742 Nordstrom, H. 5744 Norel, A. van 1784 Norelli, J. L. 7126 Nørgaard, J. V. 11205 Norioka, S. 4798, 12169 Noris, E. 3842 Normah, M. N. 398, 849, 4912 Norman, C. 3322 Norman, D. 9279 Norman, D. J. 4171 Norman, D. J. 4171 Norman, H. A. 4178 Norman, M. T. 6346 Norman, R. J. 6745 Normanly, J. 2348 Norris, R. A. 11356-11357 Northrop, F. 12643 Norton, J. D. 13245 Norton, M. A. 827 Nosaka, K. 12271 Nösberger, J. 3669, 6856, 8147, 8152, 9301 Nose. A. 8101, 8104, 11851 Nose, A. 8101, 8104, 11851 Nosov, A. V. 7794 Nossa, E. 6800 Nosser, M. A. 8273 Notario, T. 6675 Notario, T. 6675 Notarnicola, L. 4573 Nothnagel, T. 1177, 5820 Notte, E. la 1924, 13377 Notteghem, J. L. 1605, 3660 Nottingham, S. 4854 Noubissie Tchiagam, J. B. 4646 Noupadja, P. 9698 Nourizadeh, S. 12639 Novais, R. F. de 587 Novak, J. 1156, 1198, 2250 Novak, K. 3759 Nováková, M. 10691

Novara, L. 12432 Novaro, P. 6567, 10291 Novaro, P. 6567, 10291 Novembre, G. 6628, 9045 Nover, L. 3393, 5304 Novita, N. 8573 Novoselov, S. N. 10348 Novoselova, L. V. 1651 Novoselović, D. 5372 Novozhilova, O. A. 2702 Novy, R. G. 9511 Nowak, E. 5833, 7033, 7526 Nowak, J. 2759 Nowak, K. 9767 Nowakowska, J. 7814 Nowak, K. 9767 Nowakowska, J. 7814 Nowakowski, M. 7025 Nowell, D. C. 3583 Nowicki, B. 11644 Nowicki, B. 11644 Noworolnik, K. 2514-2515 Noy-Meir, I. 11589 Noyer, J. L. 1970, 3926, 6041, 9721, 12248 Noyer, J.-L. 13307 Noyes, R. D. 11498 Nozaki, K. 2542, 2554, 9132-Nozaki, K. 2542, 2554, 9132-9133 Nozu, Y. 9480 Nsarellah, N. 12775 Nshubemuki, L. 4099 Ntare, B. R. 3982 Ntiamoah, C. 3105 Nualsri, C. 9342, 13056 Nuccio, M. L. 55 Nuessly, G. N. 1484 Nuez, F. 863, 1821, 1860, 3856, 4773, 4931, 5959, 6693, 6925, 10830, 12114 Nugent, P. E. 1862 Nugent, P. E. 1862 Nugrahaeni, N. 8581 Nugroho, S. 6757 Nuland, D. S. 8267 Numata, S. 10005 Numerova, O. M. 4354 Nunomura, O. 5946, 12121 Nurhaimi-Haris 13371 Nurmukhammedov, A. K. 12366 Nürnberger, T. 1206 Nurzyńska-Wierdak, R. 4729-4730 Nuss, L. 11512 Nussaume, L. 942 Nussbaum, S. 8215 Nussbaumer, P. 7586 Nutkins, M. A. E. 8623 Nuzhat Farooqui 4570 Nwanze, K. F. 9200 Nwilene, F. E. 9200 Nwilene, F. E. 9200 Nwogu, A. N. 1967 Nyange, N. E. 931, 9866, 9868 Nybe, E. V. 8852 Nybom, H. 4809 Nyczepir, A. P. 8418, 8435 Nye, G. J. 1811 Nyéki, J. 3881, 12186, 12193 Nygaard, V. 6503 Nyirenda, H. E. 2095, 13409 Nyman, M. 2877, 10736 Nyochembeng, L. 8306 Nyquist, W. E. 11480 Nyanbaeva, K. N. 2473 Oakeley, E. J. 3174 Oakley, S. R. 13457 Oancia, T. 8503 Oard, J. H. 1570 Oba, S. 11862 Obaid, H. 835 Obaidi, M. 9130 Nwilene, F. E. 9200 Obaidi, M. 9130 Obara-Okeyo, P. 6362, 6365, 8820 Obata, S. 6488 Obaton, M. 531 Obendorf, R. L. 1509, 3556 Oberforster, M. 5381 Obermayer, R. 13141 Obermeier, C. 2126 Oberschall, A. 11899 Obert, B. 12398 Obilana, A. B. 6728, 11750 Oboh, B. O. 12319 8820 Oboňová, J. 8421 Obradović, A. 10926

Obradović, S. 6144, 11073, 11093-11094 11093-11094
O'Brien, C. M. 13323
O'Brien, I. E. W. 4888, 5081, 5713, 7382
O'Brien, J. M. 11888
O'Brien, K. 1391, 1393, 2400
O'Brien, L. 5379
Obst, A. 3498
Obst, N. R. 13093
Obukhova, L. V. 3470-3471
Ocampo, B. 4669
Occhiograsso, G. 9677 Occhiogrosso, G. 9677 Ochai, H. 12211 Ochiai, H. 12061 Ochoa, C. M. 8309 Ochoa, J. 12764 Ochoa, O. E. 3823
Ochoa-Alejo, N. 1989, 9706
Ochoa-Burgos, F. 2064
Ochodzki, P. 9789
Ocitti-P'Obwoya, C. 702
Ockendon, D. 9571
O'Connell, A. 5052
O'Connell, M. A. 9602
Ocumpaugh, W. R. 547
Odahara, K. 5612
Ødegaard, E. 879
Odeigah, P. G. C. 13144
Odenbach, W. 5469
Odoardi, M. 5700, 8189, 12788
O'Donnell, C. 11682
O'Donnell, P. J. 8378
O'Donohue, M. J. 5022 Ochoa, O. E. 3823 O'Donnell, P. J. 8378
O'Donohue, M. J. 5022
O'Donoughue, L. S. 261, 4303
Odubiyi, S. I. 8007
Oecking, C. 12374
Oeda, K. 4708, 12046
Oeller, P. W. 4243
Oelmüller, R. 13052
Oen, L. H. 8387
Oertel, U. 1528
Oettler, G. 5469 Oettler, G. 5469 Oeveren, J. C. van 10824, 11304 Ogarkova, O. A. 5236 Ogas, J. 5246 Ogas, J. 5246
Ogašanović, D. 10914
Ogata, N. 2086
Ogata, T. 3630, 5612, 11825
Ogawa, K. 13302
Ogawa, M. 417
Ogawa, R. 780
Ogawa, T. 465, 474, 2674, 7006, 7265, 8241
Ogawa, Y. 263-264
Ogbuinya, P. O. 6969
Oghiakhe, S. 10719
Ogihara, Y. 157, 794, 4342, 4347, 6607, 6616, 11544
Ogilvie, I. S. 8752
Ogle, D. G. 5663
Oglesby, J. 10767 Oglesby, J. 10767 Ognyanik, L. G. 10419 Ogoshi, A. 13151 O'Grady, K. 590 Ogunwale, R. O. 1979 Ogunwale, R. O. 1979 Ogunwenmo, K. O. 12056 Oguri, H. 9878 Oğuz, B. 6387 Oh, B. G. 440, 9212-9214 Oh, B. J. 12513 Oh, J. H. 1614-1615, 1809 Oh, M. H. 6906 Oh, M. K. 7333, 8583 Oh, S. A. 69, 1310, 8946 Oh, S. D. 7226 Oh, S. H. 4174 Oh, S. H. 41/4 Oh, S. K. 9018 Oh, Y. J. 9212-9214, 9361-9364, 9482 Oh, Y. S. 7333, 8583 Oh ByeongGeun 9212-9214 Oh JeungHaing 1614-1615, 1809 Oh ManHo 6906 Oh MyungKyu 7333, 8583 Oh SangHun 4174 Oh SeaKwan 9018 Oh SungAeong 69, 1310, 8946

Oh YoungJin 9363-9364 Oh YounSeop 8583 Oh YounSup 7333 Oh YunJin 9212-9214, 9361-9362, 9482 Ohara, M. 5728 Ohashi, H. 1662, 1670, 2773 Ohashi, Y. 776, 2635, 7392, 11129 Ohba, H. 2214 Ohba, K. 1021, 1055, 3247, 8726, 11183, 12483 Ohbayashi, H. 7063 Ohgawara, T. 6048 Ohkawa, H. 10755, 12120 Ohkawa, Y. 7265, 10755 Ohkuma, T. 8483 Ohl. L. 10665 Ohl, L. 10665 Onl, L. 10665 Ohl, S. A. 1266, 2285, 3411 Ohlrogge, J. B. 1301, 9785 Ohlsson, B. A. 4658 Ohlsson, I. 6852 Öhlund, R. 6673, 12611 Ohm, H. W. 2476-2477, 5453, 10254 Ohm, J. B. 3485, 7826 Ohme-Takagi, M. 13435 Ohmido, N. 400, 3612, 3618, Ohmido, N. 400, 3612, 36 7278, 9587, 11871 Ohmiya, A. 10924 Ohmori, T. 7087 Ohnishi, O. 11859-11860, 11863-11864 Ohnishi, T. 372 Ohnoutková, L. 11672 Ohri, D. 7034 Ohsako, T. 11863 Ohsawa, R. 4280, 9292 Ohsako, T. 11863 Ohsawa, R. 4280, 9292 Ohshima, K. 7738, 10682 Ohshima, M. 776, 7392 Ohsugi, R. 1499, 5596 Ohsumi, Y. 6483 Ohta, D. 8926, 11457, 12630 Ohta, H. 6052, 7107, 8244 Ohta, I. 381 Ohta, I. 381 Ohta, K. 1059, 1931, 4105, 4789 4'89 Ohta, N. 10682 Ohta, T. 12666 Ohtake, N. 1692 Ohtani, N. 1931 Ohtani, Y. 5046 Ohto, C. 6488 Ohto, M. A. 10193 Ohtsubo, E. 392-393, 3618 Ohtsubo, H. 392-393, 3618 Ohtsubo, N. 7786, 11129 Ohuchi, S. 3890 Ohwaki, Y. 671 Ohwi, J. 1926 Ohya, C. 11827 Ohya, C. 11827 Ohyama, A. 7063 Ohyama, T. 1692 Oikawa, Y. 6325, 6327 Oikeh, S. O. 12887 Oinam, G. S. 6806 Oishi, K. K. 4503 Oja, T. 11890, 11893 Ojima, K. 7279 Ojo, A. A. 9259 Ok, S. H. 12501 OK, S. H. 12501 Ok SeungHan 12501 Oka, S. 228, 1588 Okada, K. 58, 2345, 3520 Okada, T. 11011 Okada, Y. 7006, 12170 Okagaki, R. J. 4488, 11801 Okagami, N. 707 Okamori, T. 4928 Okamoto, G. 12232 Okamoto, H. 1292 Okamoto, K. 8033 Okamoto, M. 7392 Okamura, M. 8876, 11209 Okanami, M. 4343 Okawara, R. 6322 Okazaki, M. 6182 O'Keefe, S. F. 2058 O'Kennedy, M. M. 10384 Okey, E. N. 2098

Oki, S. 333 Okie, W. R. 1892, 3883, 8418, 8435, 10923, 11354 8435, 10923, 11334 Okimura, M. 7184 Okinaka, Y. 593, 11936 Okita, T. W. 7640 Okkels, F. T. 7356, 8908 Okocha, P. I. 1600, 8096 Okogun, J. A. 3721 Okoii, B. E. 1972 Okoro, E. 1967 Okoro, J. 1967 Okoro, J. U. 8463 Okoruwa, A. E. 12887 Okpul, T. 7023 Ökrész, L. 84 Okresz, L. 84 Öktem, H. A. 6191, 12412 Oku, M. 12080 Okubara, P. A. 3823 Okuda, M. 5335 Okudai, N. 3938 Okumoto, Y. 1118, 8065, 10546 Okumura, K. 10587 Okumura, A. 6865 Okumura, K. 10587 Okumuş, A. 6865 Okuno, K. 350, 468, 11758, 12773, 12946 Okuno, S. 5841 Okuyama, Y. 13156 Oladimeji, O. 9217, 9219 Olanya, O. M. 10656 Oldenburg, D. I. 7381 Olanya, O. M. 10656 Oldenburg, D. J. 7381 Oldenhof, M. T. 4026 Oldfield, S. 6414 O'Leary, J. W. 202 O'Leary, M. C. 7573, 10048 Olejniczak, J. 9767, 9821 Oleksiak, T. 3081-3082, 7654 Oleksyn, J. 13508 Olesen, A. 5826 Olesen, J. M. 10015 Olesnicky, N. S. 7617, 10085 Olesnicky, N. S. 7617, 10085 Olías, J. M. 4856 Olías, R. 4856 Olimpieri, G. 6584, 6595 Olita, G. 11966, 12597 Oliva, N. 3663, 11857 Oliva, N. P. 10561 Olive, M. R. 12445 Oliveira, A. B. de 8469 Oliveira, A. F. de, Jr. 7225 Oliveira, C. M. 8440 Oliveira, D. A. de 5730 Oliveira, D. E. de 68, 6275, 7737, 8558, 9613, 10076 Oliveira, E. B. de 1249 Oliveira, F. T. de 2147 Oliveira, J. A. 494, 1634, 4579-4580, 8139, 10589 Oliveira, J. V. 1708 Oliveira, L. C. de 3190, 9914 Oliveira, M. A. R. de 5356 Oliveira, M. G. A. 5730 Oliveira, M. N. de 11844 Oliveira, M. S. de 1758 Oliveira, M. W. de 587 Oliveira, P. B. 8440 Oliveira, S. M. A. de 3858 Oliveira, S. O. de 10774 Oliveira Guimarães, P. E. de 7949 Oliveira Júnior, A. 4648 Oliveira Zimmermann, M. J. de 6467
Oliver, D. 284, 10436
Oliver, D. J. 5230
Oliver, E. G. H. 1068
Oliver, G. 11101
Oliver, I. M. 1068
Oliver, I. R. 11268
Oliver, J. L. 10843
Oliver, J. L. 10843
Oliver, G. 6064
Olivier, G. 6064
Olivier, J. M. 10089, 13611
Olivieri, J. M. 10089, 13611
Olivieri, J. M. 3242, 11204
Olivieri, J. 516
Olletton, J. 11492
Ollitrault, P. 13307
Olmedilla, A. 10230 6467 Olmedilla, A. 10230

Olmos, E. 6337, 12175 Olmstead, R. G. 485, 1766-Olmstead, R. G. 485, 1766 1767, 3258 Olng'Otie, P. S. 4102 Olojede, S. O. 10492 Olomskii, V. G. 12365 Olorunju, P. E. 8582 Olsen, C. C. 6575 Olsen, C. E. 4465, 10015 Olsen, J. E. 4073 Olsen, K. M. 8980 Olsen, O. A. 2495 Olson, J. S. 5247 Olson, T. C. 5727 Olson, T. C. 5727 Olsson, K. 7014 Olsson, O. 4073 Olszewska, D. 7357 Olszewski, N. E. 5457, 11664, 12612 Olufajo, O. O. 12014 Oluwatosin, O. B. 663 Om, Y. H. 9624, 13245 Om Vir 348, 9241 Om YoungHyun 9624, 13245 O'Malley, D. M. 8890, 9943 Omar, M. 643, 1728 Omar, M. A. 1697, 11961 Omel'chenko, L. I. 2405 Omel'yanchuk, N. A. 2427 Omer, A. D. 3294 Omirulleh, S. 5330 Omland, K. E. 2379 Omori, S. 953 Omura, M. 848, 3067, 3937, 6048 Ona, I. 11849 Om Vir 348, 9241 Ona, I. 11849 Önal, K. 12178, 12267 Önal, M. K. 12176 Oñate, L. 6653 Onay, A. 3961 Onckelen, H. van 998, 10172 Ondar, U. N. 1330 Ondřej, M. 2316, 5205, 6484, 8898 8898
O'Neill, C. M. 4956, 11008
O'Neill, M. 4656
O'Neill, R. J. W. 4281
O'Neill, S. D. 7714, 10008, 12521, 12541
Ong, B. L. 5131
Ong, E. K. 7559
Ong, S. H. 11172
Ong Eng Kok 7559 Ong, S. H. 11172
Ong EngKok 7559
Onkar Singh 1732, 6952
Ono, K. 4539
Ono, M. 8791, 10016
Ono, T. 3964
Onodera, Y. 11075-11076
Onofrii, M. 8169, 10604, 11908
Onouchi, H. 2336
Onozaki, T. 10024
Onstenk, J. 12111
Onien, J. W. van 7663, 8966 Ooijen, J. W. van 7663, 8966 Ookawa, T. 5598 Oomah, B. D. 3106, 9353 Oosato, K. F. 6813 Oosawa, K. 776, 780 Oost, N. van 1700 Oosten, J. J. M. van 2350 Oosterbroek, P. 131 Oosterhuis, D. M. 6223, 7638 Oostveen, W. J. F. van 2585 Op den Camp, H. J. M. 1223 Op den Camp, R. G. L. 947 Oparka, K. 13422 Oparka, K. J. 954, 8652 Opat, A. S. 4029 Ophardt, D. 8428 Oplinger, E. S. 3720 Oppitz, K. 266 Oprea, G. 8138 Oprea, G. 8138 Oraguzie, N. C. 4937, 10991 Oram, R. N. 8149 Oramas, P. 11063 Orban, I. 10053 Orchard, J. E. 7648 Ordás, A. 277, 1502, 2546, 9178, 11707, 11743, 12901 Ordás, R. J. 9964 Ordon, F. 4468, 6669

Ordoñez, M. E. 8324, 8327 Ordonez, M. T. 255 Orekhova, V. A. 6139 Orellana, J. 272, 10266 Orellana Perez, P. 3057 Orense, O. D. 7322 Orf, J. H. 1690, 1695, 2777, 2780-2782, 2801, 3722, 5211, 10631, 11943, 13071-13072 Orford, S. E. 1422 10631, 11943, 13071-13072
Orford, S. E. 1422
Ørgaard, M. 4146
Orgaz, F. 11028
Orgaz, P. 3976
Orlikowska, T. 7526
Orlov, P. A. 5374
Orme, J. 10201
Ormrod, D. P. 7731
Ornicāne, D. 2502, 2508
Oropeza, C. 11040
Oropeza, M. 4990
Orozco, S. H. 1701
Orr, A. R. 303
Orr, D. B. 326
Orr, R. J. 8204
Orradóttir, B. 8115
Orshinsky, B. R. 180
Ortega, F. 2693
Ortegán, A. S. 3866
Ortel, B. 7876, 8373
Orthner, A. R. 3275
Ortín-Párraga, F. 817
Ørting, B. 10111
Ortiz, E. 12025, 12027
Ortiz, J. M. 3920, 7201, 8444, 9675
Ortiz, J. P. A. 1641, 6603, 10596 Ortiz, J. P. A. 1641, 6603, 10596 10596
Ortiz, P. L. 5082
Ortiz, R. 680, 683, 696, 843-844, 1967, 1972, 1974-1975, 1981, 2271, 3060-3061, 3063, 6040, 6045, 6851, 7217, 7630, 8112, 8114, 8462-8464, 9693-9694, 109962, 12035, 12249, 12766
Ortiz-López, A. 12876
Ortolani, A. A. 7420, 11169
Ortuño, A. 3940
Orzáez, D. 6944
Orzolek, M. D. 3835
Osada, K. S. 9112
Osada K., S. 8799
Osajima, Y. 6052
Osaki, M. 2236
Osanyinpeju, A. O. 13144
Osborn, T. C. 521, 880, 1707, 1709, 3088, 12072
Osbourn, A. E. 11381
Oscarsson, H. 2287
Oscarsson, M. 243, 6667
O'Shea, S. F. 10085
Oshevnev, V. P. 3142, 11090
Oshiro, M. 5749
Osiecka, M. 693-694, 5806
Osińska, A. 12825 Ortiz, P. L. 5082 Osinck, M. 3749 Osiecka, M. 693-694, 5806 Osińska, A. 12825 Osiński, R. 12825 Osler, R. 7154 Osman, A. 5858 Osman, A. E. 13030 Osorio, J. 894 Osorio, J. 894 Osorio, L. 8861 Ossani, V. 9665 Ostell, J. 11386 Oster, J. J. 2631-2632, 2634 Osterbauer, N. K. 2009 Østergaard, J. 4740 Østergaard, L. 43, 12627 Østergård, H. 873, 5314, 5446, 9108 9108 Osterman, J. C. 378 Osthoff, H. 1054 Östin, A. 12653 Ostrander, B. M. 3588 Ostrem, J. A. 13582 Østrem, L. 8139 Ostroumov, V. B. 12365 Ostroumova, T. A. 3322 Ostrovska, N. 10395 Ostrowska, K. 7005 Ostry, M. E. 4074, 8706

Osuji, J. O. 1972, 12247 O'Sullivan, J. 9186 Otaiza-Vásquez, E. 2326 Otan, H. 6387 Otani, H. 12159 Otani, T. 12013 Othman, R. 11172 Otoshi, E. 5228 Otsuji, K. 4977 Otsuk, I. P. 5710 Otsuka, H. 5749 Otsuki, H. 5005 Ottekin, A. 12785 Otterbacher, A. G. 12198 Oto, S. P. 95, 7739, 12678 Ou, J. X. 8079 Ou, S. K. 9652-9653, 9666, 9716 9716 Ou JingXiang 8079 Ou ShyiKuan 9652-9653, 9666 Ou ShyiKuan 9652-9653, 960 Ou ShyiKuang 9716 Ouborg, N. J. 8880 Ouchi, S. 10826-10827 Oud, O. J. L. 10666 Oudemans, P. V. 7182 Ouédraogo, J. T. 10324 Ouellet, F. 836, 3488, 4408, 7851 7851 Ouellete, B. F. F. 11386 Ougham, H. 1289, 5444 Ougham, H. J. 3671, 3675 Oukabli, A. 3889 Ouyang, J. W. 5377 Ouyang JunWen 5377 Ovadis, M. 5105, 7110, 7490, 9628 Overath, R. D. 11479 Overman, J. L. 7997 Overmars, H. 9538 Overmars, H. 9538 Ovesná, J. 6627 Owen, H. A. 53, 61 Owen, J. V. 2157 Owen, P. A. 2776, 13070 Owens, J. N. 1016, 1052, 2165, 11207 Ownby, J. D. 1421 Owuor, E. D. 3530 Ownoy, J. D. 1421
Ownor, E. D. 3530
Ownor, E. D. 3530
Ownsu-Akyaw, M. 13146
Oxley, D. 8370, 9588, 11116
Oya, S. 1616
Oyama, N. 13428
Oyama, T. 2345
Oyarzun, P. J. 8324
Ozaki, M. 621
Ozaki, T. 4802
Ozawa, K. 383, 4925
Ozbek, V. 4415
Özberisoy, F. 4415
Özberisoy, F. 4415
Özcan, S. 2106, 9347
Özel, N. 12437
Özer, A. S. 12468, 12479
Ozga, J. A. 7142
Özgen, M. 9347, 11619
Özgüven, M. 1200, 1256512566
Özhatay, N. 9564 12566 Özhatay, N. 9564 Ozias-Akins, P. 6743, 8557, 10515, 11053 Ozigi, I. A. 8582 Özkan, H. 12736 Özkan, M. 2195 Öztürk, L. 198 Özyurt, S. 2195 Ozyurt, S. 2195 Pääkkönen, E. 9942, 13491 Pääkkönen, T. 12471 Pabin, C. S. 10616 Pablos, F. 12371-12372 Pabón, J. 1736 Pace, C. de 8160 Pace, S. 5045 Pachagounder, P. 0822 Pace, S. 5045
Pachagounder, P. 9823
Pacheco, A. C. 2595
Pacheco, C. A. A. P. 10355
Pacheco, C. A. P. 5475, 7949, 9127, 9174
Pacheco, M. T. 6619
Pachepsky, L. B. 952
Pachico, D. H. 1790
Pacini, E. 5275
Packa, D. 3429, 6893
Păcureanu, M. 4970 Păcureanu, M. 4970

Paczuski, R. 4997
Paddock, K. M. 12020-12021
Paderina, E. V. 266
Padha, L. 12556
Padilla, J. 5737
Padmaja, G. 3351
Padmanaban, P. 9829, 11069
Padmanabhan, V. 4091
Padmavathi, G. 5569
Padovan, S. 4296, 6579, 6642
Padulosi, S. 2276
Pae, D. H. 3852
Pae DoHam 3852
Paek, K. H. 69, 773
Paek, K. Y. 1802, 2013-2014, 4735-4737, 13235
Paek, N. C. 3564-3566
Paek Kee Yoeup 1802, 2013-2014, 4735-4737
Paek KyungHee 69 2014, 4735-4737
Paek KyungHee 69
Paez, A. 1535
Paffetti, D. 9331
Pagani, D. 5451
Page, A. M. 7302
Pagé, D. 8439
Page, D. 5763
Pagès I. 12187 Page, D. 5763
Pagès, L. 12187
Pagès, M. 322, 3567, 6459, 6698, 8894, 8907
Paglia, G. 7477
Paglia, G. P. 11204
Pagliarini, M. S. 3255, 5494, 5674, 6719, 6872, 10400
Paguio, O. R. 3853
Pahl, M. 5652
Pahuja, S. K. 1755, 2245
Pai, R. M. 7645
Paillard, M. 9862
Paino-D'Urzo, M. 13434
Pair, J. C. 2192 Pair, J. C. 2192 Pais, M. S. 4936 Pais, M. S. 4936
Paiva, E. 4507, 5529
Paiva, J. R. de 9754
Paiva, W. O. de 10857
Paizert, K. 12834
Pajuelo, E. 5708
Pak, C. 11286
Pak, C. H. 11319, 12501, 12514
Pak, J. H. 6905
Pak ChunHo 11319, 12501 Pak ChunHo 11319, 12501, 12514 12514
Pak JhangHo 6905
Pakuła, A. 8412
Pakulska, H. 11524
Pal, R. 2074, 3099, 11061, 12349 Pal, S. 6170 Palacios, R. 10669 Palakarcheva, M. 6163, 11124 Palamarchuk, A. I. 12719 Palanichamy, G. A. 8228 Palanichamy, K. 6134 Palanichelvam, K. 1567
Palanichelvam, K. 1567
Palanimuthu, V. 7320
Palaniswami, M. S. 2871, 3351
Palara, U. 12161
Palaqui, J. C. 942, 2315, 13416 13416
Palaveršić, B. 5518, 5539
Palazón, J. 7376
Palazzo, A. J. 499, 1635, 9305
Páldi, E. 1520, 3438
Palii, A. F. 10405
Paliilova, A. N. 5374, 5795
Palitti, F. 12681
Palival P. J. 8876 Palitul, F. 12061 Paliwal, R. L. 8876 Pallanca, A. 12700 Pallás, V. 4206 Palleschi, G. 1924 Palliotti, A. 12323 Palliotti, A. 12323
Pallisgaard, N. 5736
Palloix, A. 772, 1844, 3854, 5943, 5947, 12127
Palma, J. M. de 471
Palma, P. M. 8988
Palmberg-Lerche, C. 7423
Palme, K. 282, 4484, 5208, 5227 Palmer, C. E. 1360 Palmer, G. M. 9917 Palmer, J. 6216, 6246, 7541

Palmer, J. C. 6211, 8665
Palmer, J. D. 1767, 11500
Palmer, M. V. 2255
Palmer, R. G. 576, 6908, 93789380, 9388-9389, 9406, 9412,
9415-9416, 9455-9456,
10630, 10640, 13081-13082
Palmgren, M. G. 4241, 5882
Palomares, A. J. 13047
Palonen, P. 2985, 4859
Palta, J. P. 13164
Paltridge, N. G. 6672, 10332
Paltridge, N. G. 6672, 10332
Paltridge, N. G. 6672, 10332
Palumbo, D. 7048
Palumbo, M. 5400, 6586
Palupi, E. R. 1016
Palva, E. T. 959
Palys, E. 12732
Pamilo, P. 11476
Pammenter, N. W. 854 Pamilo, P. 11476
Pammenter, N. W. 854
Pan, A. H. 249
Pan, C. G. 5615
Pan, G. T. 2302
Pan, J. J. 975, 2140, 12415
Pan, J. R. 2028
Pan, K. Y. 6389
Pan, L. Z. 8487, 9740
Pan, N. S. 6551, 7083
Pan O. 8100 Pan, N. S. 6551, 7083
Pan, Q. 8100
Pan, Q. H. 6839
Pan, R. C. 12553
Pan, T. 8517
Pan, W. X. 9648
Pan, X. B. 464, 8050, 9263, 10570 10570 Pan, X. F. 5517 Pan, X. P. 12504 Pan, X. Q. 2975 Pan, X. Y. 10570 Pan, Y. J. 5168 Pan, Z. X. 2947 Pan AiHong 249 Pan Chong Guang Pan AiHong 249
Pan ChongGuang 5615
Pan GuangTang 2302
Pan JiaJu 975, 2140, 12415
Pan JiaRong 2028
Pan KaiYu 6389
Pan LiangZhen 8487, 9740
Pan NaiSui 6551, 7083
Pan RuiChi 12553
Pan Tao 8517
Pan WenXian 9648 Pan Tao 8517 Pan WenXian 9648 Pan XiaoBiao 9263 Pan XinFang 5517 Pan XingYuan 10570 Pan XinPing 12504 Pan XiuQing 2975
Pan XueBiao 464, 8050, 10570 Pan YingJie 5168 Pan ZiXiang 2947 Panaiotova, G. 5452
Panaiotova, M. 10313
Panaud, O. 364, 12450
Panayotov, I. 7767
Pancaldi, D. 5407
Panchenko, V. F. 6140
Panconesi, S. 1214
Panda, A. R. 6786, 8089
Panda, D. 450
Panda, J. M. 662
Panday, V. 7587
Pande, K. 11841
Pandey, D. P. 11792
Pandey, H. K. 12106
Pandey, K. K. 9735
Pandey, K. P. 2082, 12354
Pandey, M. P. 6795, 11813, 12983, 13008
Pandey, O. N. 1017 Panaĭotova, G. 5452 12983, 13008
Pandey, O. N. 1017
Pandey, P. C. 6755
Pandey, R. L. 2766, 9490
Pandey, R. N. 3767
Pandey, R. R. 5933
Pandey, S. 1521, 9177
Pandey, S. D. 1993
Pandey, S. K. 6795, 9510, 12983
Pandini F. 5470-5471 Pandini, F. 5470-5471 Pandit, R. 12714 Pandy, V. 13605

Panella, L. 11097, 11344
Panella, L. W. 3155
Panetsos, C. P. 8131
Panetsos, K. 2188, 7468
Panetsos, K. 2188, 7468
Panetsos, K. P. 2176, 10990
Panfilov, A. É. 10482
Pang, C. M. 5394
Pang, J. Z. 4381, 12759
Pang, L. C. 3610
Pang, M. X. 6780
Pang ChunMing 5394
Pang JiaZhi 4381, 12759
Pang LiChao 3610
Pang MinXiong 6780 Pang MinXiong 6780 Pani, D. 12981 Panis, B. 13311 Pank, F. 908, 1193-1194, 1197, 1202, 1231, 2286, 2294 1202, 1231, 2286, 2294
Pankaj 8287
Pánková, K. 2416, 4380, 9032
Panković, L. 9027
Pannell, J. R. 11494
Pannu, P. P. S. 11651
Pannu, R. K. 11997
Panobianco, M. 8247
Panopoulos, N. J. 778
Panovská, Z. 686
Panstruga, R. 6652 Panstruga, R. 6652 Pant, V. 3320, 7587 Panta, A. 13627 Pantalone, V. R. 582, 592, 1676, 1687-1688 Panter, D. 8664, 13458 Panthee, D. R. 11772-11773, 11837 Pantoja, A. 7966
Panwar, A. 9257-9258
Panwar, D. V. S. 4559
Panwar, K. S. 5790, 7591
Panwar, R. K. 13008
Panwar, V. P. S. 11742
Panzera, F. 1795 Paoletti, E. 13617 Paoletti, R. 238 Paolici, E. de 12081 Paolocci, F. 1649, 3339, 6695 Papadopoulos, Y. A. 5705, 9334 Papadopoulou, P. 4898-4899 Papanikolaou, X. 8467 Pape, R. de 4028 Pape, R. de 4028
Papenbrock, J. 3169
Papernik, L. A. 203, 3487
Papeš, D. 3806, 7030, 9946, 9953, 9965, 9976, 12450
Paplauskienė, V. 2752, 10594
Papp, I. 941
Papp, M. 4322
Pappan, K. 4246
Pappinen, A. 7429
Pappu, H. R. 2312, 3988
Paques, M. 7428
Paramathma, M. 5051 Paramathma, M. 5051 Parameswarappa, K. G. 4975 Parameswarappa, R. 4520, 4975 Paramjit Khurana 1367 Paramjit Singh 7288 Parampreet Kaur 12012 Paran, I. 1848, 7096 Parani, M. 3225, 7336, 7592, 8845 8845
Parasharami, V. A. 7613
Paratori, O. 12858
Parco, A. 2638, 5582
Parcy, F. 76, 12648, 13629
Pardini, G. 4129-4130
Pardo, J. E. 9617
Pardo, J. M. 958, 2329, 13434
Paredes, O. 8060
Paredes-López, O. 6059
Pareek, O. P. 7458
Parent, J. G. 8439
Parenti, A. 12322
Parentoni, S. 10454
Parentoni, S. N. 1521, 5529, 7949, 12884 7949, 12884 Parfenova, P. L. 6002 Parfitt, B. D. 9742 Parfitt, D. E. 12260 Parhi, G. 5980 Parida, A. 3225, 7592

Parida, A. K. 919, 13218 Parida, S. 3651 Parikh, K. M. 1182 Paris, H. S. 13251 Paris, N. 1717, 13414 Parish, J. 8485 Parisi, B. 612, 5757, 5804, 6947, 11987 Parisi, L. 7137 Parihar, S. B. S. 5810 Parisi, L. 7157 Parjhar, S. B. S. 5810 Park, C. K. 9361-9362, 9482 Park, C. S. 1787 Park, C. W. 4174 Park, E. H. 9366, 10650, 13087 Park, H. G. 1856, 4777 Park, H. K. 9363-9364 Park, H. S. 458 Park, H. S. 458
Park, J. H. 69, 8946
Park, J. M. 5222, 11933
Park, K. B. 3274
Park, K. C. 8827
Park, K. H. 7333, 8583
Park, K. S. 9902, 10642
Park, K. Y. 9365-9366
Park, M. H. 13350
Park, M. S. 8583, 9363
Park, N. B. 9212, 9214
Park, P. 12173
Park, P. 12173
Park, R. F. 9075 Park, R. F. 9075 Park, S. C. 11720 Park, S. H. 6202, 13461 Park, S. J. 2818, 2825, 3742, 12514 Park, S. K. 69, 10201, 11439 Park, W. 11462 Park, W. D. 397, 1585, 12709, 12932 12932 Park, W. J. 10446 Park, Y. G. 7451 Park, Y. H. 6215 Park, Y. J. 12774 Park, Y. S. 13627 Park ChangKi 9361-9362, 13078 Park ChangKie 9482 Park ChongWook 4174 Park ChunSoo 1787 Park DeokHoon 12271 Park EuiHo 9366, 10650, 13087 Park HoKi 9363-9364 Park HyoGuen 1856, 4777 Park HyunSook 458
Park JeongMee 5222, 11933
Park JeonHyun 69, 8946
Park KeumYong 9365-9366
Park KiBae 3274 Park KiBae 32/4 Park KiChun 8827 Park KiHun 7333, 8583 Park KyungSook 10642 Park KyungSoon 9902 Park MahnHoon 13350 Park MonSoo 8583 Park MoonSoo 9363 Park NoBong 9212, 9214 Park SangCheol 11720 Park SoonKi 69, 10201, 11439 Park SungHun 6202 Park SunJung 12514 Park YongHa 6215 Park YoungGoo 7451 Parkash, S. 2848 Parkash Kumar 2020, 2068-2069, 8513, 8516, 8523-8524, 8587 8587
Parker, A. J. 5073
Parker, G. D. 11617
Parker, J. 11469
Parker, J. E. 1262
Parker, J. S. 1114, 2831, 2834
Parker, K. C. 5073
Parker, M. A. 2770, 13062
Parker, P. 869
Parker, P. G. 7703
Parker, R. D. 6238 Parker, R. D. 6238 Parkhurst, A. M. 3594, 9196 Parkin, I. A. P. 880, 3090, 12270, 13196 Parkkonen, T. 243 Parlevliet, J. E. 10124 Parlov, D. 5539

Parmar, A. K. 10272

Parmenter, D. L. 4944 Parmentier, Y. 10146 Parnis, A. 3832 Parniske, M. 3841, 4772, 13055 Paron, M. J. F. O. 12895 Paron, M. J. F. O. 12895 Parphenyuk, A. I. 1430 Parr, A. 7545, 9107 Parra, M. de Mar 747 Parrini, P. 5898 Parrish, T. L. 13492 11931 11931
Parry, D. H. 3403
Parry, S. 8370, 9588
Parsons, B. L. 10131
Parsons, C. E. 6834, 6837
Parsons, R. L. 9142
Partap, T. 10110
Parthasarathy, M. V. 5911
Parthier, B. 30, 226, 6662, 7876, 8373, 12779
Partis, M. D. 5871
Partoatmodjo, A. 1560
Parveez, A. 8540
Pašakinskienė, I. 5647 Pašakinskienė, I. 5647 Pasberg-Gauhl, C. 1976 Pascal, G. 4292 Pascal, S. 11548
Pascal, T. 10908, 10932-10934
Pascale, M. 1523
Paschenko, V. M. 10407
Pascual, H. 6421 Pascual, H. 6421
Pascual, L. 7249, 9737
Pasechnik, T. D. 10572
Pasini, R. 7084
Pasotti, P. 2774, 9358
Pasqual, M. 3068, 7225
Pasquale, C. di 11490
Pasquale, F. de 12254
Pasquali, G. 5136
Pasqualini, S. 8648
Pasquet, R. S. 1744, 4673, 9497, 10720, 13150
Pasquier, B. 2256, 13601, 13603 13603 Pasquini, M. 4296, 6642 Passera, S. 10372 Passos, R. R. 9284 Pasterkamp, H. P. 11311 Pastor-Corrales, M. A. 11977 Pastorino, M. J. 12487 Pastrana, C. 1722 Pastuglia, M. 2936, 13340 Pastugna, M. 2936, 13340 Paswan, L. 11257 Paszkowski, J. 1299, 1303, 2337, 4239, 5235, 13420 Patáková, S. 10884 Pataky, J. K. 2596-2597, 4512, 12893 Patel, A. 12246 Patel, B. 4223 Patel, B. R. 12122 Patel, D. P. 3865, 6972 Patel, D. R. 8851 Patel, J. A. 11024-11025, 12122 Patel, J. N. 11025 Patel, K. 3388 Patel, M. C. 8535 Patel, M. P. 9735 Patel, N. 7171 Patel, S. A. 8851, 12122 Patel, S. B. 11025 Pateña, L. F. 13189 Pateraki, I. 778 Paterniani, M. E. A. G. Z. 6722 Paterson, A. H. 397, 1585, 6725, 9192, 11151, 12414, 12905 Paterson, A. M. 10991
Paterson, S. 3666
Pathak, C. S. 5867
Pathak, J. M. 1182
Pathak, P. K. 13007
Pathak, R. 9629
Pathak, R. C. 6826
Pathania, N. 3500, 4428
Pathania, N. K. 1804
Pathania, N. S. 6344
Pathipanawat, W. 2744
Pathmanathan Umaharan 751
Patil, A. N. 1843 Paterson, A. M. 10991

Patil, B. D. 3596 Patil, B. N. 2846 Patil, D. R. 7115 Patil, G. 7064 Patil, H. P. 2047 Patil, H. S. 1410, 1540, 12141 Patil, J. G. 1751, 2863-2864 Patil, J. V. 2865, 3766 Patil, J. V. 2865, 3766
Patil, P. 5778, 6083
Patil, P. A. 434
Patil, R. R. 3128
Patil, R. S. 4765
Patil, R. V. 7115
Patil, S. 8232, 8301, 8301, 11763 Patil, S. A. 2037, 8534 Patil, S. C. 4976, 6853, 11867 Patil, S. G. 4883 Patil, S. J. 2962-2963, 4775-4776 Patil, S. P. 12913-12915 Patil, S. R. 2613
Patil, S. R. 2613
Patil, S. S. 4520, 6965
Patil, S. U. 5561
Patil, V. 11051
Patil, V. D. 8030
Patil, V. M. 5556
Patil, V. P. 4883
Patil, V. R. 4031
Patil, V. S. 2865, 6997, 13092
Patiño Valera, F. 7457
Patković, M. 6144, 11073
Patnaik, J. 1213
Patnaik, J. 1213
Patnaik, S. N. 1124
Patra, A. K. 6848
Patra, B. C. 10526
Patra, G. J. 3781
Patra, N. K. 7593, 7603, 12554
Patrick, J. A. 11932
Patt, J. M. 8385
Pattanayak, A. 414 Patil, S. R. 2613 Patt, J. M. 8385
Pattanayak, A. 414
Pattee, H. E. 3985
Patterson, E. 10424
Pattnaik, A. K. 3329
Pattnaik, M. 7572, 11334
Patton, D. A. 7730 Patumi, M. 4978 Patzak, J. 12572 Paudel, M. N. 11000 Pauk, J. 4322, 4387 Paul, A. 8066 Paul, A. L. 12619 Paul, B. 5765 Paul, C. 3573 Paul, E. 12709 Paul, M. J. 12759 Paul, R. 9105 Paula, F. R. de 6827 Paula, T. J., Jr 9479 Paula, T. J., Jr. 13116 Paula Ferreira, R. de 11844-11845, 11845 Paula Júnior, T. J. de 1705, 5755 Pauli, H. H. 5101, 7522 Pauli, U. 13074 Pauli, J. G. 4416, 6609 Paulo, E. M. 8474 Pauls, K. P. 2828, 8518 Păun, E. 1138 Pauw, A. 11504 Pauwels, E. 7125 Pavankumar, G. 4531 Pavek, J. 4702 Pavek, J. J. 9530 Paveley, N. D. 5402 Pavelková, M. 3676, 6863 Pavlenko, E. A. 11078, 12357 Pavloušek, P. 8455 Pavlova, S. 5452 Pavlova, Z. B. 9491 Pawan Arora 11713 Pawan Arora 11/13
Pawar, A. N. 6853
Pawar, B. B. 5562, 11622
Pawar, D. S. 11059
Pawar, I. S. 2433, 7768
Pawar, S. E. 3767
Pawar, S. V. 6853, 11867
Pawlowski, K. 4079, 10685
Pawlowski, W. P. 12814

Paxson-Sowders, D. M. 61
Paxton, R. J. 7260
Payán, C. 10815
Payne, P. I. 7828
Payne, W. H. 6303
Payton, M. E. 10595
Payton, P. 974
Paz, M. M. 2874, 4692
Paz-Ares, J. 8928
Pazdernik, D. L. 1690, 2801, 2805, 3722
Pè, M. E. 7259
Peace, C. 13346
Peacock, J. M. 3437
Peacock, W. J. 378, 2156, 5247, 10158, 11398, 12445, 12651
Peairs, F. B. 7980
Peakall, R. 7565
Pearce, D. A. 9138
Pearce, R. S. 12792
Pearce, S. R. 2524, 3383, 3418, 3427
Pearce, W. L. 1379 Pearce, W. L. 1379
Pearsall, D. M. 11800
Peberdy, J. F. 12575
Pecchioni, N. 5970, 6656, Peberdy, J. F. 12575
Pecchioni, N. 5970, 6656, 11247, 12793
Pecetti, L. 513, 4316, 4401, 4603, 5396, 5685-5686, 5700, 6890, 8189, 10607
Pech, J. C. 1854, 2949, 3837, 3855, 3857, 8393, 10817
Pecháčková, S. 4582
Pechanek, U. 3475
Pechová, M. 2396
Pecina, M. 7764, 9395
Peck, J. R. 1334, 2376, 5277
Peck, M. W. 12020-12021
Peck, S. C. 10681, 10685
Peczkowski, K. 8412
Ped, K. 10636
Pedersen, A. G. 12627
Pedersen, C. 503, 2407
Pedersen, C. Å. 3345
Pedersen, H. J. 1045
Pedersen, H. J. 6363
Pedersen, H. J. 6363
Pedersen, H. J. 7169 Pedersen, H. Æ. 6363 Pedersen, H. E. 7169 Pedersen, J. F. 2607-2609, 3591, 10502, 10585, 10598, 12906 Pedersen, W. L. 1526, 8259, 10655
Pedley, L. 6317
Pedraza, F. 9470
Pedrazzini, E. 2823
Pedrosa, A. 6049, 10971
Pedrosa, A. C. 7241, 7247
Pedrosa, M. B. 3197
Pedryc, A. 3007, 12193
Peele, C. G. 8636
Peet, F. G. 13517
Peet, M. M. 9603
Peeters, A. J. M. 1295, 893 10655 Peet, M. M. 9603 Peeters, A. J. M. 1295, 8931, 8948, 11446 Peeva, I. 11869 Peeva, R. 6163 Peferoen, M. 1535 Pegoraro, D. G. 5462, 11681 Pehu, E. 632, 8876, 10738, 11991 Pei, D. H. 4616 Pei, Z. M. 2349 Pei DongHong 4616 Pei ZhenMing 2349 Peil Zheiminig 2549 Peil, A. 4365 Peiris, B. M. S. G. 7422 Peixer, J. 1646 Peixoto, J. R. 13182 Pejčinović, M. 2925 Pejcinovic, M. 2925 Pejic, I. 10370 Pekić, S. 5530 Pelacho, A. M. 6992 Peláez, H. J. 12225 Pelah, D. 7427, 7452, 12092 Pelham, S. D. 4472 Pelikan, S. 6014 Pélissier, T. 8909 Pelkonen, V. P. 7562

Pell, E. J. 3183, 3787 Pellegrineschi, A. 3770-3771, 13306 Pellegrini, L. 4477 Pellegrino, S. 3005 Pellet, D. M. 203 Pelletier, G. 4643, 4951, 9790, 10149, 12647
Pellett, H. 1070
Pellinen, T. P. 3863 Pellmyr, O. 4076 Pelloli, G. 11246 Pellow, J. 6216, 6246 Pellow, J. W. 6211, 8665, 10645 10645 Peloquin, S. J. 683, 5798 Pelosi, P. 13107 Pelossi, P. 3791 Pelotto, J. P. 4108 Pel'tek, S. E. 1652, 3448 Peltier, D. 11969 Peltier, G. 4693 Peltier, G. 4693 Peltonen, S. 11677 Peltonen-Sainio, P. 6677 Pelúzio, J. M. 11728 Peluzzo, A. 6421 Pemac, D. 13576 Peña, L. 846, 4910 Peña, R. de la 7022 Peña, S. 11900 Peña, T. C. de la 523 Penčić, M. 7656 Pendleton, B. B. 9201 Peng, G. X. 5625 Peng, H. 11332 Peng, H. 11332 Peng, J. 4261 Peng, J. Q. 573 Peng, J. R. 3399 Peng, L. C. 4265 Peng, M. S. 4748 Peng, S. 66, 12975 Peng, S. F. 2564, 10382 Peng, X. H. 10004 Peng, X. X. 5761, 8329 Peng, Y. C. 9226 Peng, Y. H. 2811 Peng, Y. C. 9226 Peng, Y. H. 2811 Peng, Y. K. 6615 Peng, Z. B. 2562, 9135 Peng, Z. S. 4353, 11593-11594, 12733 Peng GuoXiong 5625 Peng Hua 11332 Peng JinRong 3399 Peng JiQing 573 Peng LiangCai 4265 Peng MingSheng 4748 Peng XinHai 10004 Peng XueXian 5761, 8329 Peng YingCai 9226 Peng YongKang 6615 Peng YuHua 2811 Peng ZeBin 2562, 9135 Peng ZhengSong 4353, 11593-11594 11594
Pengelly, B. C. 1638, 8121
Pennell, R. I. 3800
Penner, D. 8625, 13405-13406
Penner, G. A. 2844, 3760, 5441, 5448, 5461, 8110
Penninckx, I. A. M. A. 12067
Pental, D. 11148
Penteado, M. I. de O. 5715
Peñuela, S. 5211, 5744, 10636, 10660
Pénzes, B. 8354 Pénzes, B. 8354 Pepegna, F. 6583, 6597 Pepper, A. E. 83, 8929 Pepper, S. 7435 Pepper, W. D. 4092 Perata, P. 3524, 6791, 8043 Perata, P. 3524, 6791, 8043 Perazza González, L. H. 10119 Perazza, D. 11455 Perchuk, I. N. 2716 Percival, A. E. 3201 Percival, T. 705, 1792 Percy, R. G. 2129, 6212, 8673 Perdikaris, A. K. 7067 Perdomo, R. 2080 Pereg-Gerk, L. L. 3435 Pereira, A. 63, 6518, 13629 Pereira, A. da S. 9528

Pereira, A. J. 9635 Pereira, A. V. 10516-10517 Pereira, F. 11897 Pereira, H. 12476 Pereira, J. 6722 Pereira, J. B. M. 8268 Pereira, J. C. V. N. A. 5745 Pereira, J. G. 6064-6065 Pereira, M. B. 8093-8094 Pereira, M. G. 9597 Pereira, M. J. 4986 Pereira, T. N. S. 576 Pereira, T. S. 2944 Pereira, W. E. 7243 Perelló, A. E. 4422 Perennes, C. 2104 Perenzin, M. 4296, 4355, 6576, 6634
Perera, A. L. T. 9256
Perera, L. 6098, 7321
Peres, L. 9677
Péres, R. M. 12702
Peresypkina, T. N. 2216
Pereverzev, D. 2599
Pereyra, S. M. 3791
Pérez, A. 12019
Pérez, A. G. 4856
Pérez, C. 8660, 8979
Pérez, G. 7234, 9724, 11055
Pérez, J. C. 1521
Pérez, M. 6112 6634 Pérez, M. 6112 Pérez, N. 11900 Pérez, R. M. 4913 Pérez, S. 7077-7078, 9724 Perez, V. 5022 Pérez-Alfocea, F. 10822 Pérez-Amador, M. C. 1531 Pérez-Calix, E. 4165 Pérez-Calix, E. 4165
Perez de Ayala, P. 3527
Pérez de la Vega, M. 11990
Pérez Domínguez, J. F. 8004
Pérez-Enciso, M. 6464
Pérez-Fernández, J. 7313
Pérez-García, F. 7906, 13388
Pérez-González, S. 3022, 12194
Pérez Guerra, E. 599
Pérez-Hormaeche, J. 13047
Pérez-Molphe-Balch, E. 1989, 9706 9706 Perez-Peña, C. 2615 Pérez Pérez, J. 4516 Pérez-Tornero, O. 817, 12175 Pérez-Tornero, O. 817, 1217 Perez-Velázquez, J. C. 9177 Pérez Vicente, L. 3057 Perfectti, F. 7249, 9737 Periam, N. 12154 Peries, R. R. A. 6098 Perkins, H. D. 13497 Perko, J. 1828 Perkowski, J. 253 Perko, J. 1828
Perkowski, J. 253
Perks, M. P. 5074
Perl, A. 6998, 7196, 7389
Perl-Treves, R. 13261
Perlick, A. M. 10668
Pernal, S. F. 9775
Pernet, A. 6726
Pernezny, K. 3851, 8380
Pernollet, J. C. 5022
Pero Martínez, M. A. 4108
Péros, J. P. 12236
Perotti, E. 1537, 5549-5550
Perović, D. 5367, 7805
Perri, E. 2961, 8384
Perrino, P. 2253, 6593, 9001, 12597 12597 Perron, A. 9061 Perron, M. 1046 Perrot-Rechenmann, C. 8637, Perrott, N. 8733 Perrott, N. 8733 Perrotta, C. 246, 6638 Perru, O. 2191 Perry, D. J. 11203 Perry, K. L. 2477 Perry, N. B. 1208 Perry, R. 7157 Perry, R. N. 12603, 13174 Pershin, A. F. 892 Pershina, I. M. 892 Pershina, L. A. 4354 Persiau, G. 4740

Persley, D. M. 3950 Persley, G. 8876 Persson, A. 2179, 6254 Persson, B. 2179 Persson, B. L. 13214 Persson, G. 2510, 7897, 9102 Persson, V. 6536 Perumal Venkatachalam 8569 Perumal Vijayan 10205 Perus, M. 8355 Pesaresi, P. 8175 Pesca, M. 2823 Pešek, J. 7842 Pesek, J. 7842
Pesis, E. 8864
Peşkircioğlu, M. 11619
Pessino, S. C. 1641, 10596
Pessoa, H. B. S. V. 9611
Pesterova, M. V. 5629
Pestsova, E. G. 3445, 4346
Peszlen, I. 2160
Petakov, D. 6092-6093
Petalcorin, W. 8102
Petchalanuwat, C. 701
Petcu, E. 3468, 3493-3494
Peteira, B. 7697
Petel, F. X. 5233
Peter, A. 11320
Peter, G. 13489
Peter, K. V. 4183, 10840
Peterhänsel, C. 257
Peterlunger, E. 5174
Peters, A. 13575
Peters, D. 2218, 11313
Peters, J. 2321 Pesis, E. 8864 Peters, J. 2321 Peters, J. L. 13212 Peters, M. 6896 Peters, N. 266
Peters, N. C. B. 1475 Petersen, A. 4586, 6875 Petersen, B. L. 4453 Petersen, G. 1370, 10315 Petersen, G. 1370, 10315 Petersen, K. K. 508 Petersen, R. H. 1226, 4201 Petersen, S. G. 7356, 8908 Peterson, B. 8470 Peterson, C. J. 1386, 2450, 3464, 4320, 4394, 7827, 12218 12718 Peterson, C. M. 3738 Peterson, D. 12863 Peterson, D. M. 6680 Peterson, G. C. 2610-2611, 9201, 10504 Peterson, G. L. 3444 Peterson, G. W. 1056 Peterson, G. W. 1056 Peterson, J. F. 5702 Peterson, L. A. 13164 Peterson, P. 11755 Peterson, P. A. 3553, 3560, 4491, 5492, 11704 Peterson, P. M. 2730, 10601, 13042 Peterson, T. 10399 Peterson, T. S. 1395, 2403, 12724 12724
Pethani, K. V. 13378
Petiard, V. 1820, 5930, 9861, 12107, 13207
Petit, C. 3684
Petit, R. J. 2159, 3218, 3236, 5266, 7437, 12340
Petit-Pigeard R. 2299 Petit-Conil, M. 7447
Petit-Pigeard, R. 2299
Petitot, A. S. 963
Pet''kov, D. 6692-6093
Petkov, Z. 10955
Petolino, J. F. 11693
Petr, P. 9536
Petracco, M. 9870
Petracek, M. E. 3757, 8275
Petre, L. 10874, 10889, 10896, 10900-10901, 10988
Petreikov, M. 682, 10814
Petrescu, A. 5308
Petri, J. L. 5990
Petříková, K. 4761
Petrini, A. 6583, 6597 Petrini, A. 6583, 6597 Petrini, C. 9198 Petroski, R. 4306 Petrová, E. 6360 Petrova, I. V. 1031

Petrova, M. 4457 Petrova, R. 9850, 11084 Petrova, T. 10257, 10259-10260 Petrovic, A. M. 5650, 5653-5654, 6114 Petrović, J. 5362 Petrović, R. J. 5509 Petrović, S. 4377, 8616-8617, 9027 9027
Petrovics, G. 523
Pett, W. 9539
Petterson, M. W. 2373
Pettigrew, W. T. 2143
Peumans, W. J. 713, 3925, 4905
Peyachoknagul, S. 11948
Pezzotti, M. 487, 11874
Pfahler, P. L. 544, 4986
Pfannschmidt, T. 4962
Pfeiffer, A. 3242
Pfeiffer, F. 10932, 11390, 12187
Pfeiffer, F. G. 10933 Pfeiffer, F. G. 10933 Pfeiffer, T. W. 3719, 3731-3732 Pfeiffer, W. H. 271 Pfeilsticker Zimmermann, F. J. 11771 Pfitzner, A. J. P. 9609 Pfitzner, U. M. 11131 Pflieger, S. 5943 Pflug, P. 7579 Pflüger, L. 9026 Pfluger, L. A. 9050 Phally, T. 5943 Pham-Delègue, M. H. 11023 Pham Hai Duong 11166-11167 Phan Thi Dao 4628 Pharis, R. P. 2177 Phelan, T. 941 Phelps, R. H. 751 Phetpaseut, V. 6768 Philipon, P. 34 Philippon, J. 895 Philley, H. W. 9322 Phillips, A. L. 11456 Phillips, C. 2225, 4152-4153 Phillips, D. V. 2808, 3713, 13091 Phillips, J. 2100, 5220, 11110, 13581 Phillips, J. P. 12361 Phillips, M. S. 12041 Phillips, R. L. 1474, 4469, 5498, 9118, 10397, 10453-10454, 12868 Phillips, T. D. 2724, 5660, 6860, 10585, 10590, 10598 Phillips, T. E. 1717 Philogène, B. J. R. 7978-7979 Phinney, B. O. 2574
Phogat, D. C. 221
Phogat, D. S. 2420
Phookan, D. B. 1829, 13217
Phul, P. S. 6431, 6912, 8245, 8253 Phuong, L. T. 3662 Phutela, R. P. 2268, 4202, 11340 Pi, L. Y. 10565, 10567 Pi LiYa 10567 Pianezzola, A. 3033-3034 Piano, E. 513, 546, 4603, 5655-5656, 5685-5686, 5700, 6890, 8189, 10607 Piano, L. del 956, 961 Piao, H. L. 5222, 10211, 12620 Piao HaiLan 5222, 10211, 12620 Piatak, R. M. 3404 Piazza, C. 8169 Piazzano, M. 12432 Piazzano, M. 12432 Picanço, M. 1837 Picard, G. 3962, 10146, 11417 Picard, L. 9803 Picardi, L. 2941 Picault, H. 12272 Piccioni, C. 6595 Piccioni, E. 4599, 5698 Piccioni, I. 6585, 6594 Piccioni, E. 4339, 3038 Piccioni, I. 6585, 6594 Piccirillo, P. 1847 Pich, U. 6920, 10666 Pichersky, E. 4204, 10017

Pichon, M. 12865 Pichot, C. 9990, 12484 Pichot, S. 6799 Pick, U. 6178 Pickardt, T. 6892, 10665 Pickering, R. A. 4449, 6670 Pickersgill, B. 12692 Pickersgill, B. 12692 Pic6, B. 10830 Picone, G. 3981 Piech, M. 12827, 12857 Piechulla, B. 13216 Pienaar, R. V. de 5347 Piens, C. 1535 Piepho, H. P. 7675-7676, 8891, 12289 12289 Pierce, D. A. 10376 Piergiovanni, A. R. 6975, 9001, 11966 Piergiovanni, R. 1659 Pierik, R. L. M. 5098 Pierozzi, N. I. 10402, 12425 Pierre, F. 2910 Pierre, J. 9466, 11002 Piersanti, S. 4715 Pierson, P. E. 538 Pietro, A. di 10776 Pietro, D. di 1941 Pietro, J. P. di 223 Pietrzak, L. N. 583 Piffanelli, P. 3388, 6652, 8978, 11487 Pigeaire, A. 555
Pigliucci, M. 10202
Pignone, D. 1659, 2853, 4727, 13148 Pih, K. T. 5222, 10211, 12620 Pih KyeongTae 5222, 10211, Pijut, P. M. 8706 Pikaard, C. S. 4233, 5883 Pike, L. M. 5850, 5868 P'īko, V. I. 5795 Pikulik, R. 6154 Pikulik, R. 6154
Pikushova, E. A. 7856
Pilarczyk, W. 7668
Pilate, G. 7447
Pilch, J. 11576
Pilet, M. L. 4961, 13362, 13364
Pileur, F. 10213
Pilgrim, M. L. 3403
Pillai, M. A. 1541, 8031, 12419
Pillai, S. V. 2915, 3351
Pillay, M. 511, 5670
Pilon-Smits, E. A. H. 11128
Pilotti, M. 1956 Pilotti, M. 1956 Pilowsky, M. 1848, 3828, 3843, 7060-7061 Pilu, R. 1508 Piluk, J. E. 9793 Piluzza, G. 5697 Pimenova, M. G. 3322 Pina, J. A. 846, 3943, 4910, 4917 Pinard, J. R. 640, 3943, 4917

Pinard, F. 11161

Pinchon, V. 8326

Pinçon, G. 5018

Pinder, R. 7302

Pineau, E. 7437

Piñeiro, M. 10181

Piñero, D. 12320

Ping, G. H. 6776

Ping, J. A. 2606

Ping JunAi 2606

Ping JunAi 2606

Ping JunAi 2606

Pingali, P. 12763

Pinho, É. V. de R. 1492

Pinho, R. G. von 1492

Pinney, K. 8493

Pino Algora, J. A. 6038

Pinochet, J. 4800, 13282, 13285, 13313

Pinochet, X. 4967, 4974, 6036 Pinochet, X. 4967, 4974, 6075, Piñol, M. T. 7376 Pinon, J. 4075 Pinot, F. 13185 Pinson, S. R. M. 397, 1585, 12924 Pinter, L. 5526 Pinto, C. A. B. P. 1758, 5800, 6991, 8307, 9753

Pinto, C. M. F. 13116 Pinto, J. J. de O. 354 Pinto-Maglio, C. A. F. 12370 Pinto Nascimento, M. 11573 Pintor-Toro, J. A. 747 Pintro, J. C. 6719 Pinzauti, M. 10607 Piotr, M. 12848 Piotrowska, A. 9789 Piotrowski, M. 12374 Piovesan, N. D. 5730 Piperno, D. R. 11800 Piquemal, J. 5052 Piquenal, J. 3032 Piqueras, A. 6337 Piralov, G. R. 311 Pirani, V. 5757 Pirazzini, P. 3005 Pirc, A. 13287 Pires, I. E. 12460 Pires, J. L. 3161, 13411 Pires, V. A. 6107, 12333 Pirone, T. P. 4045 Piruzyan, E. S. 4019, 4039, 7391 Piruzyan, E. S. 2118 Pisani, P. L. 7200 Piscioneri, I. 5045 Pishak, S. 4012 Pissawan, C. 9619 Pissawan, C. 9619 Pistelli, L. 1214 Pistrick, K. 8886 Pisulewska, E. 12841 Pita, J. M. 4085, 7906, 13388 Pitman, W. D. 1671, 2771 Pitrat, M. 18, 783, 3859, 13240 Pitta, G. V. E. 319 Pittman, R. N. 4982 Pitto, I. 5824 Pitto, L. 5824 Pittock, C. 3694, 3696, 11911 Piven', N. M. 7058 Pivovarči, J. 9932 Pivovarov, V. F. 2387 Pixie Plants 8787 Pixley, K. V. 6726 Piyali Chatterjee 11839 Piyapuntawanon, S. 9928 Pizarro, E. A. 6895 Placco, L. 3037-3041 Plader, W. 7108, 13264 Plages, J. N. 782 Plaha, P. 7790 Plaisted, R. L. 1785, 12020-12021 Plakidou-Dymock, S. 5248 Plana, J. 11042 Plana, J. 11042 Planchuelo, A. M. 10601 Plant, Á. L. 5920 Plant Breeding International 8402-8403, 9514 Plantnet Pty Ltd 11222-11223 Planton, G. 818 Plastira, V. A. 7067 Platani, C. 9059 Platenkamp, G. A. J. 3278 Platt, H. W. 13171 Plavcová, O. 6306 Plaxton, W. C. 12395 Plazinski, J. 4265 Pleşca, E. 3151 Plesch, G. 41, 7687 Plescher, A. 1179 Plessis, H. du 855 Plessis, H. J. du 7185 Plessis, H. J. du /185 Plessis, M. C. du 6886 Plewa, M. J. 12387 Plieske, J. 11670 Plissey, E. S. 4684 Plito, V. S. 8543 Pliura, A. 12439 Plomion, C. 995, 2170, 3236, 13509 Ploper, D. 8258 Ploper, L. D. 5740 Plotnikov, V. K. 3432 Plötz, S. 1169 Płucienniczak, E. 11524, 11641 Pluhár, Z. 1195 Plummer, J. A. 8741 Plyčevaitienė, V. 2523 Plyushch, O. V. 11092 Pochaba, L. 11641

Poddar, K. 1556 Podestà, A. 3174 Podila, G. K. 1009, 11186, 13496 Podivinsky, E. 10020 Podkowiński, J. 5703 Podkowinski, J. 4340-4341 Podlech, D. 11922-11923 Podolska, G. 11624-11626 Podolska, G. 11624-11626 Poduje, L. 8008 Poerba, Y. S. 544 Poethig, R. S. 1500, 6501, 9920 Poggio, L. 2568-2569, 6707, 10394, 10408-10410 Pogna, N. E. 2452, 6461, 9045, 11541 Pohl, T. M. 3388 Pohlman, J. D. 9534 Poirier, S. 2740 Poisson, C. 3646, 4211 Poisson, J. A. 6240 Poissonnier, M. 7428 Poitel, M. 995 Poimai, M. S. 2531, 12 Pojmaj, M. S. 2531, 12836, 12855 Pojmaj, R. 12855 Pokluda, R. 4761 Pokorný, R. 8198 Polák, E. 8181 Polashock, J. J. 7174 Poleij, L. M. 13175 Polette, M. 3344 Poletti, M. M. 11756 Poli, G. 12105 Poli, M. 4296, 6581, 6598 Policarpo, M. 8413 Polidoros, A. 5488 Polidoros, A. N. 10378 Polignano, G. B. 4573, 11962 Polisensky, D. H. 86 Polito, V. S. 8493 Politov, D. V. 3342 Pollacsek, M. 1493 Pollak, L. M. 3577, 12858, 12898
Polley, A. 11685
Pollock, C. J. 3437, 8214
Pollock, S. 10182
Polok, K. 4452, 8141
Polonetskaya, L. M. 4056
Polozhenets', V. M. 3793
Poltarykhin, L. A. 6139
Polya, G. M. 12137
Polyakov, A. V. 3208
Polzin, K. M. 5727
Poma, I. 5757
Pomper, K. W. 13342
Pompeu Júnior, J. 10967 12898 Pompeu Júnior, J. 10967 Pompon, D. 44 Ponce, M. 5783 Ponce, M. R. 8935 Poncet, C. 11246 Ponelies, N. 37, 3551 Pongor, S. 11899 Pongsomboon, W. 7230 Poni, S. 5174 Ponitka, A. 3541, 10343, 11687 Ponmariamma, T. 2855 Ponnuswami, V. 5935, 13232 Ponnuswamy, A. S. 12972 Ponomarenko, L. A. 276 Ponomarenko, S. P. 7354 Pons, O. 5266, 12340 Pons, R. 184, 6577 Pont-Lezica, R. F. 3391 Ponti, I. 11098 Pontier, D. 9897 Ponyatovskaya, L. N. 5467, 6684 Ponz, F. 1329 Pool, R. M. 8446 Pooler, M. R. 1922 Pooler, M. R. 1922 Poonacha, N. M. 9287 Poongodi, J. L. 2622 Pooni, H. S. 2039 Pooswang, W. 10080 Pop, I. V. 20, 754 Popescu, A. N. 4849, 4851 Popescu, C. 9120 Popescu, F. 3972 Pophaly, D. J. 9286

Popineau, Y. 6625
Popko, J. L. 11186
Popok, N. G. 10986-10987
Popov, R. 7948
Popova, I. S. 2293
Popová, K. 10323
Popova, N. A. 3470
Popova, O. M. 9036
Popova, R. K. 3471
Popovskiř, A. V. 4004
Poppe, C. 1306
Poppy, G. M. 6440
Populer, C. 9630
Porat, R. 7714
Porat, R. L. 12521
Porceddu, E. 2444, 4398, 4400
Porebski, S. 9672, 12221
Porfiri, O. 4296, 6574, 6583, 6587, 6597, 6685, 7769
Porlingis, J. 5173
Pornon, A. 4107
Pornprompratan, V. 701 Popineau, Y. 6625 Pornon, A. 4107 Pornprompratan, V. 701 Porobo Dessai, A. 2899 Porqueddu, C. 4574, 5658 Porras, I. 3940 Porras, I. 3940 Porreca, P. 2629 Porretta, S. 12105 Porro, D. 3050 Porrone, F. 1847 Porsch, P. 9520 Porta, G. la 3981 Porta, N. la 12118 Porter, A. G. 12658 Porter, A. J. R. 6415 Porter, D. R. 179, 3439, 11658 Porter, G. A. 4684, 10656 Porter, K. 12189 Porter, K. B. 3444 Porter, W. 3117 Porter, W. 3117
Portero-Robles, I. 12218
Portier, K. M. 2073
Portyanko, V. A. 6678, 10335
Posch, J. S. 2581
Poskannaya, S. I. 4056
Pospelowa, G. 1374
Pospieszny, H. 13167
Pospišil, M. 6073
Pospíšilová, D. 3035, 12224
Pospíšilová, J. 7386
Pospíšková, M. 6268
Possehl, G. L. 12917
Posselt, U. K. 493, 8139-8140
Post, L. von 6673, 12611 Post, L. von 6673, 12611 Post-Beittenmiller, D. 5255 Posthuma, K. 2218 Pošvec, Z. 11983 Posypanov, O. G. 2841 Pot, J. 8931, 12936 Poteri, M. 4062 Potokins, A. 11364 Potrykus, I. 390, 4537, 7018, 9301, 9544, 10142, 12935, 13147 13147
Potter, S. 10159
Potts, B. M. 996, 4063, 4065-4066, 7436, 8700, 11176
Potts, D. A. 5406
Potts, S. E. 7053
Potts, W. J. E. 4694
Potty, N. N. 9273
Potty, V. P. 3351
Potuschak, T. 12629
Potvin, C. 1036
Poulsen, C. 558
Poulsen, G. B. 7657
Poulsen Roser ApS 13536 Poulsen Roser ApS 13536 Poulter, C. D. 4245 Poupard, P. 11174 Pourdavaii, H. 588 Pouteau, S. 10018 Powell, A. 10814 Powell, A. J. 1637, 1645 Powell, A. J., 1637, 1645 Powell, A. J., Jr. 2724 Powell, A. L. T. 10828 Powell, A. M. 6329 Powell, C. 1364, 11505 Powell, C. A. 4043, 7089 Powell, G. 2080, 5965, 8861 Powell, K. S. 13023

Powell, W. 229, 232, 1456-1457, 2498, 3226, 4467, 5443, 7321, 10076, 11991
Power, J. B. 1103, 3632, 3820, 4956, 5078, 5097, 5117, 7513, 11974, 12510, 13593
Power, P. J. 479
Poyet, J. L. 3325, 7588
Poysa, V. 13076
Požar, R. 9395
Pogrbidava, I. M. 9935 Pozhidaeva, I. M. 9935 Pozhoga, V. N. 5474 Pozo, A. 8324 Pozo, A. del 3807 Pozo, J. C. del 10176 Pozo, O. del 747 Pozueta-Romero, J. 1842 Prabagaran, S. R. 12972 Prabakaran, A. J. 7314 Prabalee Sarmah 2433, 7768 Prabhavathi Patil 5778
Prabhu, A. S. 1611, 2678-2679
Prabhu, R. R. 1678 Prabuddham, P. 11948 Prada, A. 12397 Prada Esquivel, F. de 11055 Pradeep, T. 8032 Pradère, S. 1000 Pradhan, B. 6793 Pradhan, N. P. 178 Pradhan, S. 6941 Pradhan, S. 6941 Pradhan, S. B. 416, 12961 Pradhan, S. K. 3209 Pradhanang, P. M. 3656 Pradier, J. 3857 Pragya 8290 Prakash, A. 7645 Prakash, A. 7645 Prakash, C. S. 901, 2899, 3986, 10130, 10765, 11411 Prakash, J. C. 1750 Prakash, N. S. 4008 Prakash, N. S. 4008 Prakash, S. 12273, 13354 Prakash, Kumar 3099 Prakash, S. 12275, 13534 Prakash Kumar 3099 Pramanick, P. K. 13338 Prance, G. T. 8982 Prändl, R. 5259, 10204, 12599 Prasad, A. 1563 Prasad, A. B. 11114 Prasad, C. 7017 Prasad, C. S. 1563 Prasad, C. S. 1563 Prasad, K. 9250, 10571 Prasad, K. D. 578, 10280 Prasad, L. C. 12970 Prasad, M. S. 2244 Prasad, M. V. R. 12327 Prasad, N. R. 11064 Prasad, S. C. 8066 Prasad, N. R. 11064 Prasad, S. C. 8066 Prasad, S. G. 421 Prasad, S. S. R. 360 Prasad, T. G. 11051 Prasad, V. D. 11153 Prasanti, L. 8549 Prashant Patil 6083 Prashar, S. 4792 Praszna, L. 1201 Prat, D. 3244 Prat, S. 5910 Prat, S. 5910 Prat Kricun, S. D. 9908 Pratap Singh 13396 Prataviera, A. G. 7323 Prather, L. A. 10022 Prats-Moya, S. 4935 Pratt, L. H. 9591, 10808 Pratt, R. C. 4511 Pratt, R. G. 1655 Pravendra Nath 4519 Praz, G. 3051 Prażak, R. 11577 Preciado, E. 5514, 5516 Preciado-Ortiz, R. E. 1481 Predieri, S. 812 Preeti Tamrakar 12339 Preett Tamrakar 12339 Preisig, C. L. 1721 Preiss, J. 13624 Preitas, E. V. de 7247 Preiti, G. 6591 Prelli, R. 11325 Prema, L. 446 Prema Manapure 8301 Premananda Das 7584

Prendergast, H. D. V. 13620 Presterl, T. 5527 Prestidge, R. A. 3699 Preston, D. A. 9511 Preston, K. R. 2451 Preszler, R. W. 2158 Pretorius, A. J. 11752 Pretorius, Z. A. 1435-1437 Preuss, D. 5229, 5234 Preziosi, P. 12323 Price, A. H. 1601 Price, D. 3282 Price, G. D. 4032, 11117, 11119, 13560 Price, H. J. 2604, 6729, 11151, 11746 Price, K. R. 1798 11/46 Price, K. R. 1798 Price, R. A. 1035, 13206 Pricop, M. 10680 Přidal, A. 8179 Pridgeon, A. M. 3304, 5126 Prieto, R. 958 Prieto-Dapena, P. 7312 Priilinn, O. 2404 Prima, G. di 6586 Prima, G. Di 6589 Prima, G. di 6591 Primaves, O. 8599
Primo, A. 5824
Prince, J. P. 1841
Pring, D. R. 331, 11747, 12907
Pringle, G. J. 7186
Prins, M. 5025, 6439
Prins, R. 12768
Prinsen, E. 949, 3641, 10172
Prioli, A. J. 1134
Prior, D. A. M. 954
Priou, S. 7000
Prioul, J. L. 313
Pritt Krishna 6083, 13350
Pritt Manglik 9407
Pritoni, G. 3824 Primaves, O. 8599 Priti Manglik 9407 Pritoni, G. 3824 Privé, J. P. 7133 Procissi, A. 2573 Procópio, C. D. 9809, 9811 Procunier, J. D. 12295 Prodanović, S. 5385, 7834, 9390, 10741 9390, 10741 Proebsting, W. M. 2836 Proeseler, G. 6420 Proft, M. P. de 12087, 12364 Prohens, J. 4931 Proietti, P. 12323 Prokeš, J. 11674 Prokeš, J. 11674
Promo-Fruit AG SA Ltd. 798
Prończuk, M. 1523, 8137, 8164
Prończuk, S. 8137
Pronier, V. 10928
Prophyl Pty Ltd 4126, 13540
Prorok, D. 2446
Prospéri, J. 5690
Prosperi, J. M. 516, 533, 8172, 8190 8190 Protected Plant Promotions Pty Protected Plant Promotio Ltd 8766-8768 Protić, R. 5380, 9055 Protich, R. 5380 Protopapadakis, E. 8467 Prouteau, M. 5054 Provan, J. 7321, 10076 Provorchenko, A. V. 10904 Provvidenti, R. 1870-1871, 13243 Pruitt, R. E. 74, 877, 10191 Pruneddu, G. 2628-2629 Prunet, J. P. 864 Prunet, J. P. 864
Prus-Głowacki, W. 13508
Prusakov, A. N. 2702
Pruski, J. F. 11033
Prusky, D. 8864
Pruvot, G. 4693
Prymakowska-Bosak, M. 2340
Pryor, T. 4057
Prytz, S. 4854
Przewłoka, M. 2340
Pržulj, N. 7896, 9063, 10327
Przyborowski, J. A. 6893
Przybyłak, A. 11280
Przybylska, J. 3736, 4642
Przymęska, J. 1074
Pshenichnaya, L. A. 5403 Pshenichnaya, L. A. 5403

Psota, V. 2511 Pswarayi, I. Z. 1042 PT Fitotek Unggul 1130 Pu, H. M. 13348 Pu, Z. M. 596 Pu, Z. Q. 596 Pu, Z. Y. 4027 Pu HuiMing 13348 Pu ZhaoYan 4027 Pu ZuMao 596 Pu ZuQin 596 Puard, M. 3646 Pucci, E. 12042 Puchta, H. 6171, 7691, 7707 Pudji Rahardjo 9865 Pudjiarso 13393 Puente, P. 10148, 11448 Puertas, M. J. 6689 Pugin, A. 963 Puglia, A. M. 12254 Puglia, S. del 6595 Pugliesi, C. 4985, 6096, 12301, 13383 Pühler, A. 10668 Puigdomènech, P. 2004, 7935, 9155, 10985, 11700, 11781, 12894 12894
Puizina, J. 3806
Pujol, M. 6808, 11817
Pukhal'skiĭ, V. A. 214, 6649
Pukkila, P. J. 5170
Pullen, C. 6475
Pulley, H. J. 3639
Pullman, G. S. 13489
Pummer, L. 8184, 8192
Pun, K. B. 5635
Pundeva, R. 11124
Pundir, R. P. S. 641, 11994
Puonti-Kaerlas, J. 4537, 7018, 9544 Putoli-Raelias, J. 1837, 7618, 9544
Pupilli, F. 1649, 5671, 13045
Puppala, V. 3484
Purar, B. 7948, 11712
Purcell, J. P. 6190
Purcell, L. C. 8255
Purcifull, D. E. 4043
Purcino, A. A. C. 11729
Purnomo, J. 8573, 8581
Purohit, D. K. 2274
Purrington, C. B. 12634
Pursiheimo, S. 4657
Purugganan, M. D. 12652
Purugganan, M. M. 86
Purushotham, M. G. 11051
Purushothaman, R. S. 9828, 12352 9544 12352 Purwantara, A. 549, 5701, 10620 Pusceddu, S. 5655 Püschel, A. K. 320 Pushpa Yadav 3320 Pushpalatha, M. C. 2945 Pushpalatha, P. B. 10993 Pushpalatha, P. B. 10993 Pushpangadan, P. 1216, 7645 Pushpavathi, B. 9204 Pushpendra 9421, 9423 Puska, R. 695, 12040 Puterka, G. J. 1915 Putievsky, E. 2248, 2260, 4189 Putten, F. M. S. van 12561 Putterill, J. 6475, 10195 Puy D. J. du 984 Puy, D. J. du 984 Puzio, P. 3411 Puzio-Idźkowska, M. 6945, Pyatkovskaya, O. M. 5196 Pyke, K. A. 25 Pyl'nev, V. V. 164, 206, 6617 Qabazard, H. 10975 Qadous, N. 615 Qadri, S. M. H. 9683-9684, 12245 Qi, A. 12909, 13109 Qi, A. M. 4285 Qi, F. L. 1928, 13284 Qi, L. L. 2406, 7860 Qi, L. W. 4101 Qi, Q. G. 13357 Qi, W. Q. 6335

Qi, X. 2497, 6659, 7886, 7892, Qi, Z. J. 11555-11556 Qi, Z. W. 11665 Qi AiMing 4285 Qi FengLian 1928, 13284 Qi LiLi 7860 Qi LiWang 4101 Qi QunGang 12616, 13357 Qi WenQing 6335 Qi ZengJun 11555-11556 Qi ZengJun 11333-11. Qi ZeWen 11665 Qian, B. Y. 6299 Qian, C. M. 1431 Qian, D. Q. 1714 Qian, H. 1112, 13075 Qian, H. 1112, 13073 Qian, H. L. 5625 Qian, H. R. 1578, 8058 Qian, K. M. 6056 Qian, M. H. 4534 Qian, Q. 2652, 2654, 6769, 9230 92.30 Qian, S. M. 9100 Qian, X. H. 12284 Qian, X. Z. 12281 Qian, Y. C. 9648 Qian, Y. M. 12931 Qian, Y. Q. 5738, 6036, 12243 Qian, Z. H. 1085 Qian Bing Van 6290 Qian BingYan 6299 Qian CumMing 1431 Qian DaQi 1714 Qian HanLiang 5625 Qian Hou 1112 Qian Hua 13075 Qian HuiRong 8058 Qian KeMing 6056 Qian MingHua 4534 Qian Qian 2652, 2654, 6769, 9230 Qian ShaoMin 9100 Qian XiuHong 12284 Qian XiuZhen 12281 Qian YinCai 9648 Qian YingQian 5738, 6036 Qian YouTing 9078 Qian YueMin 12931 Qiang, D. 9192 Qiang, X. 13101 Qiang Liu 12657 Qiang Liu 12657 Qiang Xu 13101 Qiany Xu 13101 Qiany Xi 8052 Qiao, A. M. 11001 Qiao, J. 5063 Qiao, Z. J. 6030 Qiao AiMin 11001 Qiao ZiJing 6030 Qin, G. W. 10325 Qin, M. M. 2352 Qin, Q. M. 6647 Qin, S. Z. 9434 Qin, T. C. 7957 Qin, W. S. 4246 Qin, X. K. 2879 Qin, X. K. 2879 Qin, Z. W. 7043, 12075 Qin Chen 2410 Qin GuoWei 10325 Qin MinMin 2352 Qin QingMing 6647 Qin TaiCheng 7957 Qin WenSheng 4246 Qin XiKe 2879 Qin ZhiWei 7043, 12075 Qiu, B. S. 3659 Qiu, D. Y. 10004 Qiu, H. S. 4953 Qiu, J. X. 5724 Qiu, L. F. 12931 Qiu, L. F. 12931 Qiu, L. J. 1679, 8238, 9434 Qiu, Q. S. 8555 Qiu, S. Y. 5337 Qiu, X. 10606 Qiu, Y. P. 8477 Qiu DeYing 10004 Qiu HuaiShan 4953 Qiu JiaXun 5724 Qiu Lilvan 1679, 8238, 9444 Qiu LiJuan 1679, 8238, 9444 Qiu LongFang 12931 Qiu QingShu 8555 Qiu SongYing 5337

Qiu Xiao 10606 Qiu YanPing 8477 Qu, F. 1568 Qu, L. J. 2322, 6610 Qu, L. P. 10941 Qu, N. 12375 Qu, S. H. 3374, 10557 Qu, W. D. 9263 Qu, Z. G. 11657 Qu Feng 1568 Qu LiJia 2322 Qu LuPing 10941 Qu ShaoHong 3374, 10557 Qu WeiDong 9263 Qu ZhenGang 11657 Quader, H. 9160 Quadir, M. A. 9553 Quaedvlieg, N. E. M. 11918 Quail, K. J. 2451, 3476 Quail, P. H. 2352, 4266, 10187 Qualset, C. O. 3539, 5213 Quamme, H. A. 7134 Quan, L. Y. 355 Quan, L. Y. 9262 Quan, Y. 9709 Quan LiYong 355, 9262 Quan Yin 9709 Quang, D. X. 2995 Quang DoXuan 2995 Quarata, F. 315-316, 12904, 12912 Quader, H. 9160 12912 Quarín, C. L. 1641, 5671, 6874 Quarrie, S. 323, 8049 Quarrie, S. A. 246, 457, 5387, 5530 Quarta, R. 813, 7160, 10918 Quatrano, R. S. 2402, 10529 Quattrocchio, F. 6696 Quattrucci, M. 737, 2973, 9596, 13234 Que, G. N. 8716 Que, Q. 2802 Que, Q. D. 1100, 6352 Que GuoNing 8716 Que Qiang 2802 Que QiuDeng 6352 Que QuiDeng 1100 Queiroz Machado, J. 3318 Quené, R. J. 13575 Quero, H. J. 8541 Quero Carrillo, A. R. 4516 Quesada, A. 11126 Quesada, M. A. 3850, 7069 Quesada, V. 8935 Quesenberry, K. H. 544, 550, 4606 Quezado-Soares, A. M. 1773, 5936 5936 Qui, Y. L. 11500 Qui YingLong 11500 Quick, J. S. 2482, 4411, 5404, 9064, 9082, 11659 Quick, W. P. 1239 Quijada, A. 5069, 7467 Quiles-Belen, A. 2610, 10504 Quilitzsch, R. 1193 Quilleré, I. 942, 5014 Quillere, L. 6629 Quin, F. S. 1896 Quin, M. 7020 Quinderé, M. A. W. 2858 Quinn, C. E. 10411 Quinn, M. 13503 Quinn, P. B. 3681 Quintano, G. 11962 Quintero, C. 10672 Quintero, F. J. 958, 7710 Quintero-Higuera Fernanda, M. Quirino, B. 8947 Quirion, J. C. 11903 Quirós, C. F. 10111 Quiros, C. F. 7271, 12072, 12072 Quisenberry, S. S. 2479-2480, 3508-3509, 5419, 7872 S308-3508, 3419, 787. Quoirin, M. 6275 Quraishi, A. 4110 Qureshi, J. A. 241 Ra, D. S. 1613-1615 Ra DongSoo 1613-1615

Raafat, M. A. A. 13466 Raamsdonk, L. W. D. van 6361, 11312 Raap, M. 10799 Rabaglio, M. 11247 Rabbani, M. A. 3965, 11014, 13183 Rabemiafara, A. 9860 Rabenstein, F. 9303 Rabie, K. A. E. 814-815 Rabinovich, S. V. 206, 4360 Rabinowicz, P. D. 13440 Rabinowitch, H. D. 5881, 9607-9608 9608 Rabiti, A. L. 13441 Raboin, L.-M. 13307 Raboy, V. 7640, 10477, 11668 Raccah, B. 11135 Racchi, M. L. 1536 Rachoń, L. 2448, 11536 Rad, N. 11093 Radaelli, A. 6598 Radajewska, B. 4853, 12192 Raddey, P. C. 11051 Raddi, P. 5084 Radek, J. 7765 Rademacher, M. R. 4882 Radhakrishna, R. 8695 Radhakrishna, R. M. 12973 Radhakrishnan, V. V. 2263 Radhamani, T. R. 2371 Radi, M. 3006 Radivojević, R. 5380 Radivojević, S. 6144, 11073, 11093-11094 11093-11094
Radivojevich, R. 5380
Radkov, P. 5452
Radosevich, S. R. 2714
Radović, D. 9098
Radović, G. 7656
Radu, A. 9173
Răducanu, F. 3468, 3494
Radulescu, M. S. 4851
Radušienė, J. 1146
Radwanski, E. R. 1841
Radyukina, N. L. 1330
Rae, A. L. 1665 Rae, A. L. 1665 Raemakers, C. J. J. M. 2893 Raemakers, C. J. M. 12047 Raemakers, C. J. M. 120 Raemakers, K. 9544 Raev, R. T. C. 1139 Rafailova, E. 9850-9851 Rafalski, A. 5487 Raffat, M. A. A. 13472 Rafii, Z. A. 12486 Rafin, C. 8414 Rafinon, A. 3160 Ragaiah, B. 8032 Ragazzi, A. 9641 Ragaiah, B. 8032 Ragazzi, A. 9641 Raggi, V. 6584 Raghavan, V. 2279 Raghothama, K. G. 2329, 12101 Raghunath, M. K. 9684 Raghunatham, G. 2065 Ragone, D. 10104 Ragot, C. 9103 Raguso, R. A. 10017 Rahaman, M. 11841 Raha, P. 5/31 Rahaman, M. 11841 Rahardjo, P. 9865 Rahayu, W. 6757 Rahbé, Y. 1864, 3860 Raheja, R. K. 6912, 8253, 12292 Rahfeld, J. 9145 Rahimi, S. 13174 Rahim, St. 13174 Rahimzadeh-Khoyi, F. 13137 Rahman, A. 10472 Rahman, M. A. 13131-13134 Rahman, M. M. 9289, 13131-13134 13134 Rahman, M. S. M. 4934, 8486 Rahman, S. 2483, 3464 Rahman, S. M. 1684, 11950 Rahman, S. M. L. 9600 Raho, G. 246 Rai, A. K. 3603 Rai, K. N. 1553, 4529, 10514, 10520-10521, 11764 Rai, M. K. 7965 Rai, N. 3833

Rai, O. P. 10698 Rai, R. 5887 Rai, R. K. 6123 Rai, R. S. V. 5051 Rai, S. 795, 12564 Raičević, V. 7840 Raid, R. N. 1484, 4512 Raijadhav, S. B. 4765-4766 Raikhel, N. V. 8634, 8939, 12606 12606 Raĭkov, S. 11084 Raina, R. 8290 Raina, R. L. 8069 Raina, S. K. 436, 9268, 11775, 11783 Raina, S. N. 5055, 5148, 7325 Raines, C. A. 12394 Rains, D. W. 4051 Rains, D. W. 4051 Raistrick, N. 4581, 13049 Raj, A. G. B. 1552 Raj, B. 11142 Raj, L. 2020, 2623, 8513, 9780 Raj, S. K. 8578 Raj Kumar 12896 Raja, R. G. 5070, 12469 Raja, V. 11727 Rajakumar M. 9828, 12352 Rajak, V. 11727 Rajakumar, M. 9828, 12352 Rajala, A. 6677 Rajam, M. V. 7701, 10126 Rajamani, A. 8666 Rajan, A. 9291 Rajan, S. 10840 Rajanaidu, N. 2048, 3980 Rajanaidu, N. 2048, 3980 Rajapakse, S. 10917, 10919 Rajaram, S. 4295, 4376, 4378, 4413, 4431, 5357, 5412, 11655, 12763 Rajarathinam, S. 11145 Rajaseger, G. 3254 Rajasekaran, K. 2144, 6246, 10645, 13468 Rajasekhar, P. 9929 Rajasekharan, S. 7645 Rajat Mohan 7283 Rajbhandari, N. 5079 Rajbir Yadav 11623 Rajcan, I. 2024 Rajean, I. 6720 Rajeev Arora 12509 Rajeev Gupta 10175 Rajendra Kumar 334, 12748 Rajendra Singh 10496 Rajendran, B. 2967, 10833 Rajendran, C. 7335 Rajendran, P. G. 2898 Rajesh Kumar 2904, 2912-29
6123
Rajesh Yadav 2245
Rajeswari, S. 2659
Rajewsky, M. F. 6920-6921
Rajgopal, K. 8562
Rajguru, S. N. 13483
Raji, P. 8852
Raji Namboodiri 8232
Rajnchapel-Messaï, J. 6075
Rajni Raina 8290
Rajora, M. P. 13038
Rajora, O. P. 5072, 5769, 11184, 12467
Rajput, C. B. S. 3833
Rajput, J. C. 3864, 10994
Rajput, J. P. 8677, 12420
Rajput, M. A. 1723, 9382
Rajput, S. S. 1993
Rajut, S. S. 1993
Rajut, B. 8844
Raju, C. H. S. 8032
Raju, M. S. 11727
Raju, N. 8106
Raju, T. N. 2851
Rakesh Tuli 6267, 11189
Rakhimova, E. V. 5997
Rakhmikhudoev, G. R. 6320
Rakotoarisoa, J. 4211
Rakotomalala, J. J. R. 9860
Rakotomalala, J. O. E. 9860
Rakotomalala, J. O. E. 9860
Rakotomalala, J. O. E. 9860
Rakotomalala, J. O. E. 9860
Rakotomalala, J. O. E. 9860
Rakotomalala, J. O. E. 9860
Rakotomalala, J. O. E. 9860
Rakotomalala, J. O. E. 9860
Rakotom, G. 6085, 11018 Rajesh Kumar 2904, 2912-2913, 6123 Rakouský, S. 6484, 8898 Rakow, G. 6085, 11018 Ram, A. G. 6847 Ram, A. S. 4008 Ram, A. S. A. 10059

Ram, B. 3999, 5316, 6117, 7347, 11065, 13397 Ram, C. 11041 Ram, D. 6968 Ram, H. Y. M. 1252 Ram, M. 7577, 7593 Ram, N. 3225 Ram, P. 7593 Ram, R. S. 8857 Ram, R. S. 8857 Ram, S. 1851, 6820 Ram, S. G. 12015 Ram, T. 5569, 8062 Ram Dhari 1734 Ram Singh 723 Rama, N. 13233 Rama, N. 13233 Ramachandran, M. 7367 Ramachandran, S. 888, 13365 Ramachandrappa, B. K. 11715 Ramadas, S. 7118 Ramaiah, S. M. 4596 Ramakrishna, W. 11518 Ramakrishnan, A. 11692 Ramakrishnan, A. 11692 Ramakrishnan, B. 450 Ramalho, A. R. 3190 Ramalho, M. A. P. 2826, 3631, 9174, 9471, 9925 Ramalingam, J. 8061, 8292 Ramalingam, R. S. 7336, 8551 Ramamonjisoa, D. 4644 Ramamonjisoa, D. 4644 Ramamoorthi, N. 11054, 12334 Ramamoorthy, N. 3126 Ramamurthy, R. 8025 Raman, K. V. 8876 Ramana, K. V. 10096 Ramanath, S. 9540 Ramani, S. 9351 Ramanna M. S. 678, 2878 Ramanna, M. S. 678, 2878, 3295, 5799, 7059, 10739, 12029, 13575 12029, 13575
Ramanujam, S. K. 2549
Ramappa, H. K. 9287
Ramasamy, A. 5789
Ramasamy, N. M. 12921
Ramasamy, P. 8019, 11748
Ramassamy, S. 10817
Ramaswamy, N. M. 12015
Rambour, C. 2942
Rambour, S. 732
Rambour, S. 732
Ramdoyal, K. 11062
Rameau, C. 8277
Ramesh, B. 5331, 9013
Ramesh, S. 1210, 1599, 2036, 3330, 7307-7309, 8083, 11754, 12335-12336 11754, 12335-12336 Ramesh Pathak 9629 Ramesha, M. S. 6770, 12923 12942, 12944, 12950, 12958, 12997-12998 Ramgiry, S. R. 216, 5731, 9468-9469 Ramírez, H. V. 475 Ramírez, M. E. 11602 Ramírez, R. 9282-9283, 13005 Ramírez Herrera, C. 7471 Ramírez S., C. 3901 Ramírez-Vallejo, P. 5753 Ramkishore 5810 Ramkrishna, K. 2242 Ramm, K. 13020 Ramm, K. 13020 Rammesmayer, G. 11326 Ramming, D. W. 10945 Ramnath, S. 7990 Ramón, D. 9621-9622 Ramos, C. 4492 Ramos, J. D. 3068, 7225 Ramos, L. J. 3071 Ramos, M. C. 10561 Ramos-Gourcy, F. 1504 RamosGuedes-Lafargue, M. 13611 13611 Rampino, P. 6638 Ramraj, V. M. 903 Ramrez, P. 4514 Ramsay, G. 8876 Ramsay, L. D. 13160 Ramsay, N. 10195 Ramsay, R. J. 12136 Ramser, J. 5843 Ramsey, L. D. 12072 Ramsey, M. 3256, 10026 Ramteke, S. D. 10711

Ramulu, C. A. 1673-1674 Ramulu, K. S. 679 Ran, L. G. 11013 Ran, R. L. 10852 Ran LongGui 11013 Ran Longoui 11013
Ran RuLai 10852
Rana, B. S. 334
Rana, O. P. S. 5371
Rana, R. K. 7778
Rana, R. S. 11374
Rana, V. 5368
Rana, V. 5368
Rana, V. K. 7854
Ranade, S. A. 2639, 4570, 9191
Ranalli, G. 6585, 6594
Ranalli, P. 565, 604, 612, 5757, 5801, 5804, 6947, 7419, 11987-11988
Rancé, I. 11134
Rančelis, V. 5447
Rancillac, M. 3812
Randall, L. B. 9592
Randall, P. G. 11611
Randhawa, A. S. 11652
Randhawa, H. S. 9241, 11761
Randhawa, L. S. 2388, 6431
Randle, W. M. 722, 5875, 5878
Rane, S. S. 5354
Rang, A. 2388
Ranganath, S. 8299
Ranganath, R. M. 5119
Ranganath, R. M. 5119 Ran RuLai 10852 Ranganath, R. M. 5119 Ranganatha, A. R. G. 2065 Ranganathacharyulu, N. 9929, Ranganathan, T. B. 8037, 8080, 8106, 8228 Rangasamy, P. 6958, 8037-8038, 8228, 8292, 12010, 12979 Rangasamy, S. 7336 Rangasamy, S. R. S. 652 Rangaswamy, M. 5607, 8031, 8037, 8057, 8228, 12965-12966, 12968, 12978 Rangaswamy, N. S. 1343, 3097 Rangel, P. H. 3629 Rangel, P. H. N. 6749, 10551, 11771 Rangsamy, P. 8061 Rani, N. S. 12990 Rani, P. U. 764, 767, 2969 Rani, V. 5055 Ranieri, A. 204 Ranjan, S. 12985 Ranjekar, P. K. 11518, 11759-11760 Ranjel, H. 8597 Ranjeva, R. 6498 Ranjit Kaur 668, 10721 Ranjit Kaur 668, 10721 Rank, B. 12404 Rank, J. 10222 Ranker, T. A. 7566 Ransom, R. F. 3581 Ranvir Singh 11050 Ranwah, B. R. 13359 Rao, A. K. 8201 Rao, A. M. 1599, 8083, 10522, 12335-12336 Rao, A. N. 1735, 11318 Rao, A. S. 3847, 6847, 10514, 10520-10521 Rao, A. V. 762, 765 Rao, A. V. S. 13014 Rao, B. K. 8035 Rao, B. R. 6241 Rao, C. N. 11153 Rao, C. P. 6847, 8032 Rao, C. S. 8845 Rao, D. 1673-1674, 9542 Rao, G. R. 4678, 8303 Rao, G. S. B. P. 11103 Rao, G. U. 3096 Rao, G. V. R. 7331 Rao, G. Y. 11250 Rao, J. V. R. B. 11057-11058 Rao, K. E. P. 12902 Rao, K. P. 11057-11058 Rao, K. S. 3848, 5155, 6104, 12999 Rao, K. V. 13023 Rao, K. V. K. 340 Rao, K. V. M. 654-655

Rao, K. V. S. 6952, 9493 Rao, L. V. S. 2650, 5569 Rao, M. B. 12724 Rao, M. J. B. K. 8034 Rao, M. J. V. 2054, 3984 Rao, M. N. V. R. 1552 Rao, M. P. 9826 Rao, M. R. 274 Rao, M. S. 412, 6752, 12956, 12959 Rao, M. S. E. 12244 Rao, M. S. S. 9413 Rao, M. V. S. 4531 Rao, N. V. 6241
Rao, P. H. 2449
Rao, P. S. 2921, 4877, 5201, 6115, 6121, 6751, 10963, 11495-11496
Rao, P. S. R. L. N. 11762
Rao, P. V. K. J. 6809
Rao, R. 12152
Rao, R. C. N. 8563
Rao, R. R. 7645, 12508
Rao, R. V. S. 7331
Rao, S. 5778, 8067, 11420
Rao, S. A. 6768, 10513, 12422, 12902
Rao, S. K. 6676, 6679, 6950 Rao, N. V. 6241 Rao, S. K. 6676, 6679, 6950 Rao, S. Q. 12661 Rao, S. R. 10777 Rao, S. S. 651, 2868 Rao, T. C. R. 6134 Rao, T. N. 6847 Rao, T. P. 8087 Rao, T. S. 8032 Rao, U. J. S. P. 2449 Rao, U. P. 5569, 6845 Rao, U. P. 5309, 0643 Rao, V. G. 4883 Rao, V. P. 3597, 9204 Rao, V. R. 135, 450, 8876 Rao, V. R. B. 11057-11058 Rao, V. S. N. 2070 Rao-Arelli, A. P. 3735 Rao Guang Yuan 11250 Rao ShaoQi 12661 Rapale, J. M. 11059 Rapanarivo, S. H. J. V. 4166 Rapisarda, P. 3941 Rapley, R. 4212 Rapp, W. D. 9138 Rasbach, H. 11325 Rășcănescu, M. 3154 Rascio, A. 9059 Rasco-Gaunt, S. 4302 Rasco-Gaunt, S. M. 13189 Rasco-Gaunt, S. M. 13189
Raseira, M. C. B. 8430
Rashal, I. 2502, 2508
Rashed, M. A. 2790-2791
Rashid, K. Y. 3760
Rashmi Verma 7701
Rask, L. 4251, 4945, 6078, 9519, 11005, 11007, 11431
Raskin I. 4695 Raskin, I. 4695 Rasmussen, J. 6657 Rasmussen, J. O. 12039 Rasmussen, O. 879 Rasmussen, O. S. 12039 Rasmussen, O. 8/9
Rasmussen, O. S. 12039
Rasmusson, A. G. 10735
Rasmusson, D. C. 5445, 10326
Raspor, P. 10775
Rassadina, G. V. 698
Rastogi, K. B. 7112
Rastogi, N. K. 9490
Rastogi, R. 10433
Rasulov, A. R. 5995
Ratajczak, R. 8824
Ratan, S. 13359
Ratcliffe, O. J. 1297
Ratcliffe, O. J. 1297
Ratcliffe, R. H. 5453, 10254
Ratet, P. 1654, 2740, 6880, 11903, 13047
Rath, L. K. 3992, 13025
Rath, S. P. 1124
Rathaiah, Y. 2852
Rather, A. G. 8069, 11032
Rathi, A. S. 5563
Rathinasabapathi, B. 1811
Rathinasabapathi, B. 1811 Rathinasabapathi, B. 1811 Rathinaswamy, R. 8302 Rathjen, A. J. 4416, 4437, 9080, 11617 Rathjen, J. P. 6672

Rathnaswamy, R. 652, 12015 Ratho, S. N. 13022 Rathore, K. S. 13023 Rathore, P. K. 627, 650 Rathore, R. K. S. 12109 Rathore, R. S. 653 Ratta Kumria, 7701 Ratna Kumria 7701 Ratnaparkhe, M. B. 6955 Ratnayake, S. 10964 Rattunde, H. F. W. 6730 Ratuszniak, E. 8318 Ratuszniak, E. 8318
Rau, D. 12793
Raus, T. 2513
Rausch, T. 4036, 7297, 9791
Rauscher, J. T. 8980
Rausher, M. D. 2362, 12516
Raut, V. M. 2795, 9435, 9440
Raveendran, T. S. 8672, 8678
Ravel, C. 11878
Ravel, C. 11878 Ravel, C. 11878 Ravelonandro, M. 1918, 5024, 8651, 9657, 11135 Raven, P. H. 4229, 5213 Ravi, N. 7645 Ravid, U. 2248, 4189 Ravikesavan, R. 652 Ravikumar, R. 10078 Ravikumar, R. L. 2037, 2045, 8534 8534 Ravikumar, S. 10628 Ravinder Kumar 2428 Ravindra, M. B. 1992, 8450 Ravindra, Nr. B. 1972, 300 Ravindra Kumar 1017 Ravindra Mulge 5147, 8843 Ravindran, P. N. 5145-5146, 8847-8848 Ravizzini, R. A. 6603 Rawsthorne, S. 11008 Ray, I. M. 1620, 1636, 12677 Ray, M. K. G. 13486 Ray, M. le 4071 Ray, P. M. 9489 Raybould, A. F. 6147, 7699 Rayburn, A. L. 1479, 2787, 3555 Rayburn, S. T., Jr. 2143 Raymer, P. L. 888, 2392, 3083, 13365 Raymond, C. A. 999, 7430 Raymond, M. 12577 Raymond, O. 5096 Raymond, P. 3836 Raynal, M. 52, 5226 Razafindrakoto, J. 3600-3601, 3604, 3606, 3645 Razakamiaramanana, M. 3605 Razakamiaramanana, M. 36 Razdan, M. K. 13627 Razera, L. F. 6915 Razik, M. A. 2402 Ražukas, A. 10733, 10753 Razuvaev, A. I. 278 Razuvaeva, N. F. 278 Re, D. B. 6552 Re. L. 10 6642 Re, D. B. 6552 Re, L. lo 6642 Rea, G. 10380 Rea, J. 10111 Rea, P. A. 6482 Read, B. J. 5426, 9092 Read, P. E. 13521 Reader, S. 399, 1399, 1422 Reader, S. M. 1423, 5344 Reali, A. 10372, 10401 Ream, W. 1281, 1302, 2281 Reamom-Büttner, S. M. 7050 Reavy, B. 9901 Rebay, B. 9901 Rebai, A. 7931 Rebai, A. 4460 Rebatchouk, D. 738 Rebetzek, G. J. 582, 1687, 9429-9430 Reboud, X. 4527 Recchia, L. 12912 Rech, E. 6275 Rector, B. G. 9463 Recupero, S. 4823, 12208 Redaelli, R. 2452, 4296, 6675, 10290 Redak, R. A. 13569 Redbo-Torstensson, P. 11889 Redden, B. 665 Reddi, N. S. R. 360, 6751

Reddy, A. G. S. 2054, 2061, 3984 Reddy, A. N. 340 Reddy, A. S. 5868 Reddy, A. S. N. 3428, 4272, 11443 Reddy, A. V. 6845 Reddy, B. G. S. 3615-3616 Reddy, B. S. 7115 Reddy, C. D. R. 8549, 8579 Reddy, D. D. R. 9200 Reddy, D. M. 8914 Reddy, G. M. 2666, 12325 Reddy, G. V. 641, 11994 Reddy, J. N. 6832, 12981 Reddy, J. T. 4594 Reddy, J. N. 6832, 12981
Reddy, J. T. 4594
Reddy, K. H. P. 9505
Reddy, K. N. 1554, 10513
Reddy, L. J. 1735, 2061, 10713, 11043-11044, 11052, 13381
Reddy, M. K. 10684
Reddy, M. L. N. 1185, 7583
Reddy, M. M. 6835
Reddy, M. P. 13434
Reddy, M. R. S. 3942
Reddy, M. S. 5658-659, 1738, 6960, 8293, 11189
Reddy, M. V. 658-659, 1738, 2851, 8293, 10523
Reddy, N. N. 8032
Reddy, N. N. 8032
Reddy, N. S. 2054, 3984, 6752, 6847, 8032, 10709
Reddy, O. U. K. 12947, 12951
Reddy, P. M. 10561
Reddy, P. N. 8549, 8579
Reddy, P. R. 8549, 8579
Reddy, P. R. R. 12889
Reddy, P. V. 4444, 6557
Reddy, R. K. 6083
Reddy, S. G. 12309
Reddy, S. M. 2274 Reddy, S. G. 12309 Reddy, S. M. 2274 Reddy, S. M. 2274 Reddy, S. N. 3989 Reddy, S. R. 2274 Reddy, T. P. 9817 Reddy, V. C. 340 Reddy, V. G. 12902 Reddy, V. R. K. 9094 Reddy, Y. V. 3989 Reddy, Y. V. R. 9200 Redfearn, M. 923 Redfearn, M. 923 Redgwell, R. J. 12242 Redha, A. 12739 Redhu, A. S. 176, 2430 Redin, A. S. 176, 2450 Redinbaugh, M. G. 11706 Rediands Nursery Pty Ltd 7570, 13551, 13553-13554 Redman, P. B. 4113 Redmond, J. 4265 Redoña, E. D. 10543 Reduron, J. P. 1199, 10075 Red, B. M. 13627 Reed, B. M. 13627 Reed, J. W. 8949 Reed, K. F. M. 4574 Reed, M. L. 2556 Reed, R. L. 902 Reeh, I. 226, 7875 Rees, M. 130 Rees, T. ap 12643 Reese, G. 6466 Reeves, A. F. 4684 Reeves, D. L. 12808-12810 Reeves, J. C. 7787, 11550 Reeves, P. A. 3258 Regad, F. 3391 Regad, F. 3391
Regan, K. L. 1404
Regan, S. 13512
Regel, R. E. 6416
Regey, I. 7220
Reggiani, F. 7908
Regina, A. 8036
Register, J. 12863
Reglero, G. 1973
Regner, F. 3914, 8445, 12230
Régo, G. M. 9810
Reheul, D. 8133, 8139
Rehfeldt, G. E. 4084
Rehman, K. 10989
Rehman, O. U. 2040, 12308
Reich, P. B. 13508
Reichheld, J. P. 11107

Reid, J. B. 620, 623, 996, 3754, 3756, 8700 Reid, J. S. G. 12522 Reid, L. M. 1524, 6723, 7954 Reid, M. S. 5108 Reid, R. 8117 Reid, S. J. 13277 Reidla, M. 6339 Reifschneider, F. J. B. 5957, 9611, 12089 Reighard, G. 10917, 10919 Reighard, G. L. 3893, 8435, 12197 Reijans, M. 12111 Reimer, F. C. 7138 Reimmann, C. 13012 Reinbergs, E. 5429, 5455 Reinbothe, C. 251 Reinbothe, S. 251 Reindl, A. 5259, 12599 Reinecke, D. M. 7142 Reinert, J. A. 9314 Reinhammar, L. G. 10040 Reinhard, K. 4135 Reinold, S. 7594, 7598 Reis, A. 6741 Reis, M. de S. 10528 Reis, N. 13241 Reijans, M. 12111 Reis, N. 13241 Reisch, B. I. 1940, 7120, 7208, 8446 Reising, H. 11119
Reiss, B. 10144
Reiss, E. 12799
Reiter, W. D. 74, 6460
Rejón, C. R. 11283
Rejón, M. R. 11283
Rekha, K. 5156, 7601
Rekika, D. 4310
Rema, J. 4183
Remabai, N. 8036
Rembur, J. 13412
Remo, F. 238
Remotti, P. C. 4151, 7557, 7561, 11291, 11300
Remy, S. 13309
Ren, B. R. 3331, 4755
Ren, G. S. 10851 Reising, H. 11119 Ren, G. S. 10851 Ren, H. Y. 2575 Ren, M. Q. 10249 Ren, N. 288, 12934 Ren, N. H. 805 Ren, N. H. 805 Ren, Q. 3731-3732 Ren, X. J. 13335 Ren, X. Y. 10756 Ren, Z. J. 2810, 9400 Ren, Z. L. 11561 Ren BingRu 3331, 4755 Ren GuoSan 10851 Ren Hai Yun 2575 Ren HaiYun 2575 Ren MingQuan 10249 Ren Nan 12934 Ren NingHui 805 Ren XiaoYun 10756 Ren XinJun 13335 Ren ZhenJing 2810, 9400 Renard, M. 872, 3080, 3100, 4946, 4961, 6087, 9763-9764, 9790, 9798, 11002, 11022, 12272, 12278, 13362, 13364 Renaud, J. P. 536, 11906 Renckens, S. 4244 Renda, A. 3941 Rengel, Z. 3486, 12750 Rennenberg, H. 11185 Renner, S. S. 4172 Renno, J. F. 342 Renou, J. P. 1061, 2197 Rensburg, J. B. J. van 1522, 7999, 9183 Rensen, I. van 6319 Rentería López, L. 4651 Rentsch, D. 8938, 10171 Renvoize, S. A. 5676, 6399 Renz, A. 10795 Repellin, A. 7831 Repetti, P. P. 5260 Repetur, C. P. 6367 Řepková, J. 4576, 10610, 11497 Repo, T. 12471 Rera, F. P. 9048 Reschoeur, F. 13307 Rensen, I. van 6319

Resende, M. D. V. de 1249, 9904, 9907, 9910 Reshetnikov, V. N. 7391 Reski, R. 8918 Resta, P. 3917 Reszelska-Sieciechowicz, A. 4853 Rether, B. 11757 Rethinasamy Velazhahan 8098 Rethmeier, N. 1488, 6699 Retno Hulupi 9865 Retno Hulupi 9865 Retzel, E. 13503 Reuhs, B. L. 3690 Reust, W. 2882 Reuter, I. 13624 Reuveni, M. 4143 Reuveni, R. 2260 Reuzeau, C. 11545 Reveal, J. L. 1362, 3310 Revelo, J. 1777-1778, 4697 Revers, F. 4206 Reversat, G. 13021 Revilla, P. 277, 1502, 2546, 4509, 9178, 12893, 12901 Revue Horticole Suisse 1075-1076 Rewale, A. P. 2856, 12009 Rey, C. 8659 Rey, H. 9913 Rey, J. Y. 4916 Rey, P. 4693 Reycke, L. de 13186 Reycke, M. E. C. 12090 Reynders-Aloisi, S. 11246 Reynoird, J. P. 11022 Reynoird, J. P. 11022 Reynolds, A. 6515 Reynolds, A. G. 4871-4872 Reynolds, G. W. 12428 Reynolds, J. 12674 Reynolds, M. 11602 Reynolds, M. P. 4411 Reynolds, P. H. S. 8646 Reynolds, T. 2152 Rezaian, M. A. 8382 Rezende, G. D. S. P. 5264 Reznicek, A. A. 2264 Reznickova, S. 7595 Rezvyakova, S. V. 806, 6007, 10880 Rezzonico, E. 12405 Rhee, I. K. 7270 Rhee, S. Y. 11436 Rhee, W. Y. 1802, 2013-2014, 4735-4737 4735-4737 Rhee InKoo 7270 Rhee WangYoung 1802, 2013-2014, 4735-4737 Rheenen, H. A. van 5772, 6952, 9493, 12002 Rhew, T. H. 1310, 5006 Rhew TaeHyong 1310 Rhijn, P. van 5688, 13057 Rhim, S. L. 9713 Rhim Seonel vul 9713 Rhim, S. L. 9713 Rhom SeongLyul 9713 Rhoades, J. D. 9285 Rhoads, D. M. 11735 Rhodes, B. 1865, 12131 Rhodes, I. 2693, 3695, 8202, Rhodes, L. H. 538 Rhodes, M. J. C. Ribaut, J. M. 5533, 8919 Ribeiro, A. S. 354 Ribeiro, C. S. C. 5936, 12089 Ribeiro, C. S. da C. 5957, 9611 Ribeiro, G. P. 9809 Ribeiro, I. J. A. 8474 Ribeiro, P. A. 9635 Ribeiro, V. G. 3068, 7225 Ribeiro Júnior, J. I. 5475 Ricard, B. 3836, 3838 Ricciardi, G. L. 5400 Rice, P. W. 3985 Rice, S. H. 11484 Rice, W. R. 12665 Richard, A. 5802 Richard, G. 5636, 7822 Richards, D. E. 3399 Richards, E. J. 35, 3386, 10151 Richards, G. D. 1923 Richards, K. D. 11463

Richards, R. A. 3454 Richards, T. L. 3729 Richardson, K. 6475 Richardson, P. 1626 Richardson, T. 12459 Richardson, T. E. 4078, 9966, 11195 11195 Richaud, C. 7068 Richaud, F. 13370 Richman, A. D. 122 Richner, W. 300 Richter, C. 2432, 6639 Richter, D. 6407-6408, 13618 Richter, K. 6420 Rick, C. M. 12096 Rickert, K. G. 7938 Rickman, R. W. 4374 Rickman, R. W. 4374 Ricquier, D. 1761 Ricroch, A. 5853 Riddell, K. V. 12375 Ride, K. M. 3694 Rideau, M. 1157-1158, 6326 Ridley, P. 3388 Ridoni, G. M. 6596 Ridoutt, B. G. 5176 Ridsdill-Smith, T. J. 3699 Rieckmann, W. 8328 Riedel, E. 13578 Riedel, K. 12030 Riedl, J. 13503 Riedi, J. 15303 Rieger, R. 6920-6921 Riek, J. de 6861, 7491, 8142 Riemenschneider, D. E. 13496 Riera, P. G. 5870 Rieseberg, L. H. 3107, 5291, 7305, 11498, 12296, 12298-12300 Riesmeier, J. W. 740, 1761, 12030, 13162 Rietveld, P. L. 11308 Rife, C. L. 3098 Rigau, J. 11700 Rigazio, L. 3051 Riggs, C. D. 4150 Rigola, D. 7259 Rigoni, C. 5860 Rihant, J. 5854 Rijbroek, P. C. L. van 4866, 5121, 11294 Rijgersberg, H. 7660 Rijk Zwaan Zaadteelt en Zaad-teelt en Zaadhandel BV 3821 Rijkenberg, F. H. J. 6560, 6646, 12762 12762 Rikkerink, E. 12154 Riley, K. W. 12776 Riley, M. K. 7054 Rillo, E. P. 7322 Rimmer, S. R. 886, 12269 Rinaldelli, E. 7200 Rinaudo, G. 7464 Rincón, C. C. de 13332 Rincón, F. 3549 Rincón-Guzmán, A. 12876 Rincón-Guzmán, A. 12876 Rinder, R. 1212 Rinehart, T. A. 3552 Rines, H. W. 1474, 4469, 5458, 9118, 12814, 12868 Ringli, C. 11967 Rinsch, W. M. 4958 Rintamäki, E. 4657 Río, J. A. del 3940 Río, M. del 8521, 10058, 11019 Rioja, M. E. 8415 Riordan, T. 8165 Rioja, M. E. 8415 Riordan, T. 8165 Riordan, T. P. 2726, 9320 Ríos, J. J. 4856 Ríos Labrada, H. 1867, 1869, 10847, 13246, 13256 Rioux, S. 10324 Riov, J. 1988 Ripley, B. D. 11985 Ripley, V. L. 11004 Rippmann, J. F. 4170 Rishi Pal 2074, 3099, 12349 Risimeri, J. B. 8090 Rist, A. M. 2204 Rist, A. M. 2204 Ristanović, D. 2544 Ristanovich, D. 2544 Rister, M. E. 12924 Ristić, M. 12058, 13602

Rita Singh 10777 Rita Singh 10777 Ritcha Chaudhary 7276 Ritchie, D. F. 4783 Ritland, K. 1088 Ritt, C. 5237, 10364 Ritte, G. 9529 Ritter, E. 12036, 13498 Ritzinger, R. 8441 Rival, A. 897, 7319, 13370 Rivalta, L. 813, 10875 Rivas-Martínez, S. 6319 Rivera, D. 3901 Rivera-Bustamante, R. 7007 Rivera-Bustamante, R. 7007 Rivet, C. 10952 Rivista di Agronomia 6409 Rivkin, M. I. 7058 Rivoal, R. 12769 Rivoira, P. G. 1955 Rixon, J. E. 12792 Rizkallah, L. R. 10706 Rizza, F. 245, 5388, 5400, 5473 Rizzi, E. 1514 Rizzi, R. 11966 Rizzi, E. 1314 Rizzi, R. 11966 Rizzo, C. A. 2665 Rizzo, M. 5985, 12189, 12195 Ro, K. E. 3288 Ro, K. E. 3288
Ro KyungEui 3288
Roa, A. C. 1791
Roach, P. S. 12932
Robaglia, C. 2099, 6468, 13173
Robaina, A. D. 8072
Robatzek, S. 786 Robbe, A. 12210 Robbins, J. T. 3503 Robbins, M. P. 608, 1099, 2522, 8218 Robbins, M. P. 608, 1099, 2522, 8218
Robbins, R. T. 3202
Robbrecht, E. 5001, 11100
Roberds, J. H. 986
Roberts, L. S. 10198
Robert, N. 191
Robert, S. 12604
Roberts, A. G. 954
Roberts, D. M. 13439
Roberts, E. 4285
Roberts, E. H. 7749, 12909
Roberts, E. H. 7749, 12909
Roberts, J. 13629
Roberts, J. 13629
Roberts, J. 13629
Roberts, J. J. 1441, 4315, 5412
Roberts, M. 399, 2395, 4297
Roberts, M. A. 6610
Roberts, M. R. 8378
Roberts, P. A. 1836, 5836
Roberts, R. J. 6941
Roberts-Nkrumah, L. B. 4929, 12261 Roberts-Nkrumah, L. B. 4929, 12261 Robertson, A. 6180 Robertson, A. J. 4595 Robertson, D. 3666, 8636 Robertson, D. S. 4501, 10439 Robertson, L. 2400, 3411 Robertson, L. D. 4669, 11989 Robertson, M. 10319, 10692, 11664 Robertson, S. K. 6135 Robertson, W. M. 3411 Robeva, P. 10608 Robichon, M. P. 2197 Robin, S. 8038
Robineau, T. 8339
Robinson, A. F. 2131, 2146, 3201, 5036, 6225, 6231
Robinson, D. 1456-1458
Robinson, D. J. 8652-8653
Robinson, D. J. 8652-8653
Robinson, H. F. 1490
Robinson, J. 7901
Robinson, M. 979
Robinson, M. 979
Robinson, M. 979
Robinson, R. A. 3369, 6438
Robinson, R. K. 2000
Robinson, R. W. 1871
Robinson, S. S. 520
Robinson, T. L. 7127
Robinson, W. 5069
Robinson, W. 5069
Robinson-Beers, K. 62 Robin, S. 8038 Robinson-Beers, K. 62

Robison, M. M. 1219 Robredo, L. M. 12225 Robredo, L. M. 12225 Robson, A. D. 11916 Robson, F. 10198 Robson, P. R. H. 3177 Roby, D. 1854, 9897 Roca, A. 2525 Roca, W. 9232, 9544 Roca, W. M. 2888, 10977 Rocchetti, G. 6583, 6597 Rocchetti, G. 6583, 6597 Rocha, A. B. 3535 Rocha, A. P. M. 9613 Rocha, O. J. 605, 6924 Rocha Latado, R. 7534 Rochaix, J. D. 4020 Rochange, F. 7432 Rochat, C. 3752 Roche, B. M. 3223 Roche, D. 10515 Roche, O. 4028, 12385 Roche, O. 4028, 12385 Roche, P. 4795, 9642, 12154 Rochebois, G. B. 5730 Rocheford, T. R. 6716, 10459 Rocher, A. de 8939 Rockel, B. 8824 Rockstroh, K. 12511 Rocchetti, G. 6583, 6597 Rockel, B. 8824 Rockstroh, K. 12511 Rodd, A. V. 5325 Rodd, V. 5428 Rode, A. 13370 Röder, M. 2421, 11543 Röder, M. S. 4365, 5332, 10274, 10276, 11547 Rodermel, S. 4030 Rodermel, S. 4030 Rodermel, S. R. 11440 Rodeva, R. 5768 Rodman, J. E. 11503 Rodov, V. 7595 Rodova, M. 11546 Rodrigo, J. 9655 Rodrigo, M. J. 5220, 8278 Rodrigues, J. A. S. 12916 Rodrigues, V. J. L. B. 3774-3775 Rodríguez, A. 3959 Rodriguez, A. 1769 Rodriguez, C. M. 6468 Rodríguez, D. 1003, 5060 Rodríguez, D. 1003, 5060 Rodriguez, F. 13440 Rodriguez, F. D. 2590 Rodríguez, I. 13237 Rodríguez, J. L. 1296 Rodríguez, M. 13315 Rodriguez, P. 6314 Rodríguez, P. L. 7726 Rodríguez, R. 3958-3959, 8271, 11036, 13114 Rodríguez, R. E. S. 10551 Rodriguez, R. L. 4564, 9222 Rodríguez, S. 5515, 9128 Rodríguez-Gálvez, E. 13479 Rodríguez-Herrera, S. A. 10352 Rodríguez-Jiménez, C. 13237 Rodríguez Morales, S. 6038 Rodríguez-Navarro, A. 958, 3525 Rodríguez-Quijano, M. 1413, 11609, 12743 Rodríguez R., N. 1740 Rodríguez R., N. 1740 Rodríguez R., N. 1740 Rodríguez-Zapata, L. C. 12559 Rodziewicz, B. 5353 Roebroeck, E. J. A. 5121, 10034, 11292 Roeckel, P. 8503 Roeckel-Drevet, P. 895 Roeder, E. 2237 Roekel, J. S. C. van 3743 Roelandts, I. 3272 Roelfs, A. P. 3505, 5445, 9111 Roelofs, F. P. M. M. 1900 Roes, J. H. E. 4950 Roff, D. A. 5265 Rogalska, S. 10341-10342, 12833 12833 Rogbell, J. E. 5606, 6797-6798, 6828-6829 Rogers, E. E. 1327, 6519 Rogers, H. J. 9139 Rogers, J. 11554 Rogers, J. C. 1717 Rogers, J. S. 6882, 12674 Rogers, M. E. 3670

Rogers, S. M. D. 10079 Rogers, S. O. 11486 Rogers, S. W. 1717 Rogers, W. J. 5647, 9861 Rogowsky, P. 9897 Rogowsky, P. 9897 Rogstad, S. H. 6014, 12449 Rohani, N. 13345 Rohde, W. 3185, 6458, 13498 Rohidas, S. B. 13338 Rohidas, S. B. 13338 Rohilla, J. S. 6807 Roig, C. 7376 Roig, L. A. 784, 9622 Roik, N. V. 7353, 11080, 11085, 11087 Roitsch, T. 1823 Roiz, L. 6491 Roiz, L. 0491 Rojanaridpiched, C. 701, 8332 Rojas, I. R. G. 9723 Rojas, M. 8876 Rojo, E. 3407, 10203 Rokka, V. M. 4701, 10738 Rokov, J. 12864 Rokov, J. 12864 Roldán-Ruiz, I. 6861, 8142 Rolev, V. S. 5305 Rolfe, B. G. 3694, 3696, 8211, 10367, 11911 Roll-Hansen, N. 6445, 7639 Rom, C. 7157 Romagosa, I. 5440 Román, F. M. 7221 Romani, M. 5655-5656, 5685-5686, 10607 Romano, C. P. 12653 Romanov, V. I. 1330 Romanov, V. I. 1330 Romanova, I. M. 10406 Romanow, W. G. 6906 Rombolà, A. D. 12171 Romeiro, R. S. 11034 Römer, S. 5902 Romera, F. 6689 Romera, P. 6089 Romero, A. 8542, 11042 Romero, C. 3929 Romero, J. 8928 Romero, J. L. 7456 Romero, M. 1995 Romero, M. A. 6064, 6071-6072, 9743-9744 Romero, M. D. 10309 Romero, R. A. 3065 Romero del Castillo, R. 6925 Romero Zarco, C. 11913 Rominger, E. 10889, 10896, 10900 Rommens, C. M. T. 3792 Rompaey, J. van 6423 Ron, A. M. de 6923 Ronald, P. C. 461, 1607, 1609, 3617, 10565, 10567, 12938 Ronald, P. S. 5461 Roncador, I. 7190 Ronchi, A. 1508, 2573 Ronde, J. A. de 5034 Ronfort, J. 516, 8172, 8190 Rong, G. Z. 2439 Rong, J. D. 8348 Rong, T. Z. 2302 Rong GuangZhe 2439 Rong JiaDa 8348 Rong TingZhao 2302 Rommens, C. M. T. 3792 Rong TingZhao 2302 Ronga, G. 6638 Rongbai, L. 12983 Rongqi, L. 4840 Ronin, Y. I. 220, 6523 Ronis, D. 9534 Ronning, C. M. 12031, 13176 Ronno, W. K. 1704 Rood, T. 11736 Roof, M. E. 6233 Rook, F. 8927, 11427 Rooke, L. 4302, 6626 Rooks, S. D. 7176 Rooney, L. W. 3444, 6732, 10253 Rooney, M. F. 1293 Rooney, W. L. 10503 Roose, M. L. 6050, 6053, 9707 Roosens, N. H. C. J. 10207 Roosien, J. 1783, 8638 Rooster, L. de 1807, 1812, 7046, 13186, 13201, 13203 Röpenack, E. von 9107

Roper, T. 7157 Röper-Schwarz, U. 11121 Roquib, M. A. 2861-2862, 11946-11947 Rorat, T. 3538, 9532, 10748 Rosa, E. 13344 Rosal, S. S. 6805 Rosamond, J. 7709 Rosas, J. C. 2817 Rosati, C. 1061 Rosati, P. 3903, 4818, 4823, 4850, 12212 Rosato, M. 2568-2569, 6707, 10408-10410 10408-10410 Roşca, C. 10889 Rosche, E. 3280, 13559 Roscoe, T. J. 6087 Rose, J. K. C. 12134 Rose, P. A. 13357 Rose-Fricker, C. A. 5666, 9304 Roseland, C. R. 2046 Roselli, G. 3898, 12147 Rosellini, D. 6884, 8178 Roselló, S. 4773, 5959, 12114 Rosen, C. J. 9526 Rosen Tantau 8759, 13537-13539 13539 Rosenkrans, L. 3560 Rosenman, N. 13261 Rosenow, D. T. 2610-2611, Roshan Lal 11581, 11608 Rosi, P. 10408 Røsnes, K. 1657 Rosolem, C. A. 1235 Rosolen, I. 7476 Ross, A. S. 3476 Ross, D. J. 12392 Ross, G. 12750 Ross, G. S. 13277 Ross, G. S. 13217 Ross, H. A. 5796 Ross, J. G. 9202 Ross, J. H. E. 8978 Ross, J. J. 620, 8277, 13123 Ross, K. 6559 Ross, M. 5485 Ross, M. 3485 Ross, S. 13424 Ross, W. J. 6834, 6837 Rossall, S. 9606 Rossel, H. W. 10717 Rosset, V. 10774 Rossetti, A. G. 9754 Rossetto, C. J. 1532, 8474 Rossi, L. 1277 Rossi, M. 9583 Rossi, V. 4477, 10368, 10440, 11098 Rossianov, K. 6446 Rossiello, R. O. P. 8093-8094 Rossini, L. 11691 Rossiyanov, K. O. 6446 Rossnagel, B. G. 3529 Rosso, M. N. 8638 Rostro Nieto, M. 8934 Rosvall, O. 5076 Rotach, P. 9948 Rotariu, C. 10900 Rothan, C. 10922, 10928 Rothstein, S. 2114, 4271 11098 Rothstein, S. 2114, 4271 Rothstein, S. J. 7280 Rotili, P. 513, 5687, 8183 Rotino, G. L. 2961, 8384, 12118 Roton, C. de 7388 Rotonda, G. la 4687 Rott, P. 4001 Rouamba, A. 4722, 5853 Roubelakis-Angelakis, K. A. 1939 1939
Roucou, J. F. 4838
Roudeillac, P. 3028, 4813, 4820, 4827, 4829, 12209
Rougé, P. 3925, 4905
Rougier, M. 9150
Rouimi, P. 11548
Roulin, S. 1460, 11665
Roulund, H. 2180, 6293, 8719
Roumer, E. 1605
Roumet, P. 9385
Round, F. K. 3386 Round, E. K. 3386 Rounsley, S. D. 49

Roupakias, D. G. 3188, 9612, Rouppe van der Voort, J. 1781 Rouppe van der Voort, J. N. A. M. 10749 Rouse, D. 4274 Rouse, S. 10159 Roush, M. L. 2714 Rousi, M. 4062 Rouskas, D. 6065, 6071-6072 Rousseaux, M. C. 3534 Roussel, G. 8705 Roussel, G. 8705 Rousselle-Bourgeois, F. 676 Rousset, F. 1332 Rousset, M. 5378 Roustan, J. P. 8393 Rouster, J. 12784 Rout, G. R. 5148, 5162, 7584, 10512 Roux, C. 8637, 9877, 12346 Roux, N. 6044, 13305 Roux, S. 2529 Roux, Y. 5014 Rouxel, F. 5835 Rouxel, T. 2026, 13362 Rouzé, P. 2334, 4244, 7711 Rovira, M. 6072 Rowan, G. B. 3713 Rowe, D. E. 1655, 3698, 5693-5694 Rowland, G. G. 3104-3105, 6091 Rowland, L. J. 831, 6313, 12215 Roxas, V. P. 2122, 6177 Roy, A. 309, 2162, 3967 Roy, B. N. 4903, 7214, 9683-9684, 12245 Roy, J. K. 5331, 9013, 12981 Roy, S. 3925, 4905, 5807, 6358, 6489 Roy, S. B. 11946-11947 Roy, S. K. B. 9220 Royer, M. 9862 Royo, A. 7899 Royse, D. J. 1225 Roytchev, V. 4874 Rozeboom-Schippers, M. G. M. 13159 Rożek, S. 5827 Rozen, Y. 1091 Rozenberg, P. 7480 Rozenblatt, S. 4619 Rožić, R. 11073 Rozman, L 2547 Rozman, L. 4508 Rozycka, M. 9139 Rozynek, B. 4476 Rü, B. le 5837 Ru, Y. J. 1656, 8210 Ruan, D. L. 10567 Ruan, R. 1607 Ruan, Y. L. 12879 Ruan DeLing 10567 Ruaro, G. 5757 Ruaud, J. N. 7435 Rubaihayo, E. B. 9561 Rubeko, A. V. 10895 Ruberti, F. 13107 Ruberti, I. 12625 Ruberto, G. 3941 Ruberto, G. 3941 Rubia, L. G. 471 Rubin, S. A. L. de 11953 Rubinelli, P. 11419 Rubini, A. 3339 Rubino, L. 9899-9900 Rubio, F. 3525 Rubio, J. A. 12225 Ruckenbauer, P. 1467, 73 Ruckenbauer, P. 1467, 7341, 7024 Rudall, P. J. 12550 Rudas, V. A. 3179, 7058 Rüdelsheim, P. L. J. 7267 Rudert, M. L. 10376 Rudolph, B. 13216 Rudolph, K. 1188 Rudramuniyappa, C. K. 7406, 10836 Rudraradhya, M. 421, 2656 Rudraswamy, P. 1749 Rudzinskiĭ, D. 6417

Rueb, S. 3318 Rueda, J. 38 Ruegger, M. 8945 Ruelland, E. 5553 Ruemmele, B. A. 9314 Ruetz, W. F. 4095 Ruf, S. 9143 Rufener, G. K., II 3545-3546 Ruff, J. 3881 Ruff, J. 3881 Ruffinatto, A. 5943 Ruffini Castiglione, M. 13107 Ruffio-Châble, V. 2936 Rufty, T. W. 6174, 9443 Rugayah 2980 Rugayah 2980 Rugienius, R. 4860 Rugini, E. 1956, 7212, 8427 Rugkhla, A. 12571, 13606 Ruguzov, I. A. 2189 Ruiter, R. K. 2932 Ruiz, A. 110 Ruiz, C. 4875 Ruiz, H. A. 9284 Ruíz, J. 13315 Ruíz, J. J. 863, 4931 Ruiz, M. 2443, 6421, 6664 Ruiz, M. T. 12406 Ruiz, T. E. 1669 Ruiz De Galarreta, J. I. 12036 Ruiz-García, L. 2354 Ruíz-Rivero, O. J. 5910 Ruiz-Sifre, G. 7221 Ruiz-Tapia, E. N. 6851, 8114 Ruíz-Teran, F. 5104 Ruiz Zapata, T. 8793 Rukavina, H. 9395, 12685 Rull, V. 9822 Ruman, T. 1935, 3043 Rumball, W. 2694, 2706, 2746, 3262 Rumeau, D. 4693 Rummun, K. 2545 Rumsey, F. J. 11323 Rumyantseva, L. 5042 Rundle, S. J. 4249 Ruotsalainen, S. 12434 Rupela, O. P. 9494 Rupert, M. E. 2745 Ruppel, E. G. 3155 Rural Advancement Foundation International 8887, 10120, 11992 Rusanov, L. P. 10812 Rusche, M. L. 9150 Rush, M. C. 2679 Rush, S. 4955 Rusina, L. V. 1192 Rusinowski, Z. 13264 Russell, A. 624 Russell, A. 624 Russell, A. C. 2845, 9481 Russell, B. L. 1811 Russell, J. 2498 Russell, J. R. 229, 1456, 7321 Russell, S. D. 1087, 4177, 11790, 12391 Russell, S. J. 11323 Russell, W. A. 11996 Russenberger, D. 66 Russi, L. 3686, 4131, 5680, 5695, 8174 Russia, Goskomissiva Rossiĭsk Russia, Goskomissiya Rossiĭskoĭ Federatsii po Ispytaniyu i Okhrane Selektsionnykh Dostizheniĭ 5299, 5900 Russin, J. S. 5536, 7956 Russo, M. 9059, 9899-9900 Russo, S. 2627 Russo, V. M. 5499 Rusterholz, P. 7156 Rusu, A. G. 1665 Ruta, C. 2257 Rutger, J. N. 1577, 6785 Rutherford, R. S. 8603, 8606 Rutishauser, R. 3362 Rutledge, R. 13512 Rutledge, S. S. 9074 Ruud, K. A. 11425 Ruxton, G. D. 5284 Ruzgas, V. 2385, 2397, 3352 Růžička, F. 4443 Ryabchoun, V. K. 11515 Ryabchun, V. K. 5341

Ryabov, E. V. 8652-8653 Ryals, J. 1403 Ryals, J. A. 3408, 12408 Ryan, A. 3306 Ryan, C. A. 3830, 4293, 8365 Ryan, E. 5244 Ryan, I. 1420 Ryan, J. 1420 Rybakova, M. I. 9057 Rybakova, M. I. 9057 Rybczynski, J. J. 8209 Rybiński, W. 7879 Rybka, K. 1612, 5633 Rybka, Z. 6348, 7548 Rybtsov, S. A. 6942 Rydberg, I. 9580 Ryder, C. 12154 Rydström, J. 4658 Ryley, M. J. 13093 Rylski, M. 8141 Rytter, J. L. 1910 Ryu, D. D. Y. 9221-9222 Ryu, G. R. 11933 Ryu, H. Y. 1613, 9274 Ryu, J. H. 9542 Ryu, K. 11843 Ryu, K. S. 7215 Ryu GyeongRyeol 11933 Ryu HaeYeong 9274 Ryu HwaYung 1613 Ryu KeunSup 7215 Rzepczyk, A. 4150 Rzepka-Plevneš, D. 7910 Sa, M. F. G. de 3747 Saadalla, M. M. 5399 Saalbach, G. 6919 Saalbach, I. 3170, 8641 Saalbach, L. 6902 Saamin, S. 10905 Sabadoš, V. 6144, 11073 Sabancı, C. O. 10580, 11925, 12176, 12178, 12267 Sabater, B. 5436 Sabater, F. 3940 Sabater, P. 3940 Sabbah, M. 12456 Sabbarwal, P. S. 11831 Sabbouh, M. Y. 11949 Sabehat, A. 12108 Sabelis, M. W. 757 Saber, M. M. 6971 Saberman, J. 2578 Sabeva, M. 10674 Sabharwal, P. S. 4559 Sabino, J. C. 8474 Sabita Bhattacharya 5158 Sabljarević, V. 5510 Sablowski, R. W. M. 4258 Sabri, N. 1476 Sabry, S. R. S. 145 Sacchi, N. 2295 Sachdev, A. 3593 Sachdeva, R. 10272 Sachetto-Martins, G. 7737, 8558 Sachin Chaturvedi 11375 Sachithanantham, K. 9828, 12352 Sachs, E. S. 6242 Sachs, M. M. 10461 Sachse, K. 6727, 9182 Sack, F. D. 9888, 11459 Sacks, E. J. 1819, 9586 Sackville Hamilton, N. R. 2687, 8139 8139
Sacristán, M. D. 7301
Saczyńska, V. 11733
Sadanandam, A. 762, 765, 1754
Sadasivaiah, R. S. 180
Sadhankumar, P. G. 10840
Sadhna Singh 10558
Sadhu, D. P. 2429
Sadiki, M. 11926
Sadiku, T. 11144
Sadimantara, G. R. 422 Sadimantara, G. R. 422 Sadiq, M. 9921 Sadiq, M. 9921 Sadjuga 3405 Sadka, A. 1988 Sadoch, Z. 3148 Sadof, C. S. 4093 Sadovodstvo i Vinogradarstvo Sadowski, J. 3538, 7271, 12072 Sadowsky, M. J. 2801 Sadras, V. O. 4053

Sady, W. 5827 Saedler, H. 60, 7544, 9144, 11424 Saeed, H. M. 6512 Saeed, N. A. 6230, 8679 Saeidi, G. 3104 Saey, B. 1535 Sáez-Vásquez, J. 52, 5883 Safari-Ardi, M. 3483 Safi Kiral, A. 4397 Safronova, N. F. 2507 Sagacrest Pty Ltd 11222-11223 Sagan, M. 5690, 5763 Sagar, M. 1930, 1930, 1930, Sagar, A. P. 646
Sagawa, I. 12576
Sagawa, Y. 5144
Sage-Ono, K. 8791, 10016
Sagers, J. 7989
Sagers, J. B. 10497
Saghai Maroof, M. A. 4542, 6762, 10653
Sági, E. 5330
Sági, L. 4299, 11380, 13309
Sagliano, A. 5214
Sagredo, B. 9547
Sağsöz, S. 10584, 10588
Sah, D. N. 11000
Sah, R. P. 11772-11773, 11837
Saha, B. C. 8029
Saha, M. N. 3209
Saha, M. N. 3209
Saha, P. K. 3967
Saha, S. 6203, 7410, 12999, 13468 Sagar Ghosh 8915 13468 Sahagún Castellanos, J. 4216 Sahai, V. N. 359 Sahane, D. V. 2624-2625 Sahar, N. 7196 Saharan, R. P. 10723 Saheb, K. H. 340 Sahi, A. N. 5135 Sahin, F. 3822, 3840, 10839 Sahoo, K. M. 6820 Sahoo, L. 8912 Sahoo, L. 8912 Sahoo, S. 1851 Sahoo, S. K. 12943, 12970 Sahota, A. S. 13076 Sahota, T. S. 13517 Sahrawat, K. L. 8092 Sahrawat, L. 13004 Sahrawat, M. 1719 Sahu, A. 662, 1703, 13218 Sahu, A. K. 3651 Sahu, B. C. 3781 Sahu, G. R. 9286 Sahu, P. 452 Sahu, P. K. 3924 Sahu, R. K. 432 Sahu, S. C. 13022 Sahu, S. M. 452 Said, M. S. 1697 Saidi, A. 11659 Saidi, N. 4384, 6623 Saidi, S. 4574 Saiga, S. 3672, 10587 Saiki, H. 10639 Saikia, A. K. 13017 Saikia, M. K. 8034-8035 Saikia, R. B. 309 Sailaja, M. 11818 Sain Dass 11713 Saini, A. K. 8601 Saini, M. L. 3327 Saini, N. 1804, 2242 Saini, P. S. 13223 Saini, R. G. 1608, 5624, 6437, 11653 Sainkar, S. R. 646 Saint-Albin, A. de 4001 St. Clair, D. A. 1819, 9586, 9592 St. Clair, G. 10365 St. Marseille, P. 3700 St. Martin, S. K. 538, 3708, 3710-3711, 5742, 10003, 13081-13082 St. Pierre, R. G. 6001 Saisho, D. 1290 Saito, A. 1021, 1612, 10575, 11828 Saito, C. 12378

Saito, K. 909, 3994, 10575 Saito, N. 2007 Saito, N. 2207 Saito, T. 58 Saito, W. 4539, 6048 Saito, Y. 12211 Saitoh, H. 469 Saitou, K. 5839, 8334 Saitou, K. 5839, 8334 Sajeda Begum 6422 Saji, K. V. 13367 Sajina, A. 8848 Sajjad, M. S. 358 Sajner, D. 11553 Saka, N. 11821, 11856 Sakagami, Y. 7051 Sakai, A. 1120, 3181, 9673, 9879, 12380, 13627 Sakai, F. 1008, 4676, 5063, 6198, 6276, 6284 Sakai, H. 12639, 12650 Sakai, H. 12639, 12650 Sakai, K. 7045 Sakai, S. 3862 Sakai, T. 12055, 13431 Sakaiya, M. 11416 Sakakibara, H. 304, 2076, 3550, 9141 91+1 Sakakibara, T. 1945 Sakamaki, Y. 12483 Sakamori, M. 12061, 12211 Sakamoto, A. 6348, 7548, 9341 Sakamoto, K. 1292, 6052, 9572, 10770
Sakamoto, S. 4528
Sakamoto, T. 789, 9246, 13427
Sakamoto, W. 1294, 3385, 4278, 12626
Sakane, I. 7508
Sakata, Y. 752, 1062, 2964, 7090, 7092
Saker, M. M. 8480-8481, 10779, 11968
Sakhanokho, H. 6203
Sakhanokho, H. F. 13468
Sakhare, B. A. 1542-1543, 1547, 6734, 8017
Sakhare, S. 8232
Sakin, M. 832 10770 Sakin, M. 832 Sakiyama, F. 4798, 12169 Sáková, L. 10691, 11006 Sakr, M. M. EL-S. Abd-EL-H. Sakr, M. M. EL-S. Abd-EL-H.
8567
Sakuntala, V. A. 11068
Sakuragui, C. M. 3313
Sakurai, A. 2353, 6507, 10145
Sakurai, K. 5988
Sakurai, N. 5335
Sakurai, Y. 12211
Sakurako, U. 3618
Sakuratani, T. 9600
Sakuta, M. 9637
Sala, F. 38, 6761
Salaj, J. 9967
Salajová, T. 4082
Salamini, F. 1098, 1464, 1771, 2206, 2454, 5220, 6458, 7575, 7640, 8826, 9145, 13581
Salamone, A. 2249 8567 13581 Salamone, A. 2249 Salánka, K. 4206 Salara, B. S. 12331 Salas, G. M. 5740 Salas, J. 803 Salaün, J. P. 13185 Salazar, A. 12036 Salazar, F. S. 1521 Salazar, G. A. 5129, 12544 Salazar, R. A. 331 Saleem Bhatti 10703 Saleh, A. M. M. 7869 Saleh, E. A. 3572 Saleh, N. M. 8540 Saleh, N. M. 8540 Salehuzzaman Shah 1307 Salema, R. 1650 Salentijn, E. M. 2094 Salera, E. 12305-12306 Sales, E. 13219 Sales, M. P. 5788 Sales, R. 5960

Salesses, G. 4800, 4804, 10936, 13285 Salgado, J. P. 3098 Salgado, M. O. 6933 Salgueiro, L. R. 4191 Salgueiro, L. R. 4191
Salhi-Hanachi, A. 527
Salhuana, W. 12858
Salih, A. 4577
Salik Ram 6820
Salimath, P. M. 5560-5561,
7646, 10711
Salimath, S. S. 2806
Salina, E. A. 3445, 4346
Salinas, J. 2354, 4276, 5257,
6470, 8893, 10815
Sall, P. N. 9955
Sall, P. N. 9955
Sall, S. 9279
Säll, T. 3145-3146, 6080 Säll, T. 3145-3146, 6080 Säll, T. 3145-3146, 6080 Sallaud, C. 1654 Salmanowicz, B. P. 3736 Salmon, D. F. 2533 Salmones, D. 12580 Salomão, C. C. 10927 Salomon, B. 3678, 5665, 9307 Salon, P. R. 11745 Salopek, B. 6986 Salopek, B. 6986 Salter, M. G. 12375 Salts, Y. 3828, 7060-7061 Salud, C. D. 4977 Salunke, C. B. 5562 Salunkhe, C. K. 4877 Salunkhe, G. N. 13541 Salvador, A. 784 Salvador, A. 784
Salvadore, G. 6579
Salvi, G. 3743, 11512
Salvi, S. 225, 2492, 5531, 10453
Salvo, V. di 9048
Sam, O. 7348
Sam McGredy Roses International 8749
Sama A. F. 8306 tional 8749
Sama, A. E. 8306
Samac, D. A. 530
Samach, A. 10195
Samad, A. 3324
Šamaj, J. 7448
Samaj, J. 6265
Samal, K. C. 1851
Samal, K. M. 666, 1703, 8304
Samala, S. 5669 Samala, S. 5669 Samanci, B. 2222 Samanta, S. K. 12337 Samantaray, S. 7584, 10512 Samardžija, M. 7030 Samatadze, T. E. 8831 Samb, P. I. 9955 Sambamurthy, J. S. V. 12418 Samdur, M. Y. 6958 Samec, P. 11983 Samec, P. 11983 Samejima, M. 138 Samejima, T. 5335 Sameshima, K. 5046 Samir, K. 10297, 11629, 11631 Samiyappan, R. 10127 Samonte, S. O. P. B. 12982 Samosir, Y. M. 13375 Samosir, Y. M. S. 13376 Samoto, M. 8241 Sampaio, M. J. 9544 Samper, E. 11089 Sampson, K. S. 8636 Samson, R. 11755 Samsudeen, K. 8847 Samsudeen, K. 8847 Samudio, S. H. 1629, 2708, 2723, 5667, 9308 Samuel, M. 2483 Samuel, R. 11181 Samuels, A. L. 11115 Samui, R. C. 8572 Samus, V. A. 1903 Samyn, G. 2196 San, L. H. 11113 San-José, M. C. 838 San Miguel-Chávez, R. 11731 San Vicente, F. 2549 San Vicente, F. M. 11716 Sanabria V., D. 2764 Sanada, T. 12165 Sanam'yan, M. F. 7405 Sancak, C. 9347 Samuel, R. 11181

Sancha, J. C. 1936, 7202, 12229 Sánchez, E. 6693, 6925 Sanchez, I. 10977 Sánchez, M. 8596, 9476 Sánchez, M. C. 4938 Sánchez, M. P. 299 Sánchez, T. 9476 Sánchez de Jiménez, E. 4505, 12876 Sanchez Eguialde, D. 4822 Sánchez-Escribano, E. 7201 Sánchez-Fernández, R. 11472 Sánchez Gómez, P. 4190 Sánchez R., L. F. 6019 Sánchez Rodríguez, A. 6937 Sánchez-Serrano, J. J. 3407, 10203 Sánchez-Tamés, R. 3309 Sancholle, M. 8414 Sandahl, G. 5485 Sandal, N. 5708, 13055 Sandal, N. N. 2094, 6156 Sandberg, A. 11889 Sandberg, G. 4073, 12653 Sandbrink, H. 2321 Sandei, L. 746, 9595 Sandermann, H. Ir. 2957 10203 Sandermann, H., Jr. 2957, 6033, 7481, 12472, 13436
Sanders, D. C. 697
Sanders, D. E. 1565
Sanderson, M. A. 9203, 10503 Sandha, G. S. 2306, 11032, 12285 Sandhu, B. S. 981, 7408, 8686, Sandhu, B. S. 981, 7408, 8686, 12421, 13467
Sandhu, J. S. 672, 10237
Sandhu, S. K. 878, 881
Sandhu-Gill, R. 6805
Sandmeier, M. 4530
Sandonà, D. 4504
Sandoval, L. 1736
Sandoval, M. C. 10466, 10489-10490 Sandoval, R. F. R. 6346 Sandoval, R. F. R. 6346 Sandoval-Islas, J. S. 9112 Sandral, G. A. 4608 Sandroni, M. 7737 Sands, D. C. 2725 Sandu, J. 4970
Sandukhadze, B. I. 143
Sane, A. P. 2639, 4519, 9191, 12954
Sane, P. V. 2128, 2639, 4519, 4570, 6267, 9191, 11189
Sane, V. A. 2128
Sanewski, G. M. 3947
Sanford, D. A. van 1379
Sanford, J. 7120
Sanford, L. L. 12031, 13176
Sang, T. 1095
Sang Tao 1095
Sangar, R. B. S. 3867
Sangha, J. K. 10272
Sanghamitra Bhattacharyya Sandu, I. 4970 Sanghamitra Bhattacharyya Sanghamitra Nayak 11282 Sanghamitra Samantaray 7584 Sanginga, N. 3721 Sangita Basu 8095 Sangita Dighe 12579
Sanguineti, M. C. 225, 5531, 7898, 10454, 11708
Sangwan, R. S. 4081, 5786, 7556, 12016
Sangwan, V. 3764, 6887, 7732
Sanhueza, R. 8861
Sanico, A. L. 12975
Sanier, C. 3215
Saniar, N. V. 207
Sanitchon, J. 2067
Sanjay Arya 5776
Sanjay Chauhan 9423
Sanjay Guleria 5765
Sanjay Kumar 339
Sanjeev 2034
Sanjeev Kalia 8915 Sangita Dighe 12579 Sanjeev Kalia 8915 Sanjogta Uppal 11586, 11598 Sanjoy Saha 12999 Sankar, A. 4014 Sankar, G. R. M. 12889 Sankawa, U. 1712

Sankin, L. S. 9670 Sankina, A. S. 9670 Sanmartin, M. 778 Sanmartin, M. 778
SanMiguel, P. 5311, 7759
Sanmiya, K. 5302, 11780
Sannikov, S. N. 1031
Sano, S. 11122
Sano, T. 7006
Sano, Y. 382, 3730
Sanou, A. 6753-6754
Sansayini, S. 800, 807, 806 Sansavini, S. 800, 807, 809, 2987, 2998, 6011, 7122, 10862, 10875, 12142, 12148, 12154
Sansberro, P. 9913
Sansebastiano, G. P. di 13414
Santa-Cruz, A. 8376
Santa Cruz, S. 954
Santa-María, G. E. 3525
Santacreo, R. 9857
Santalla, M. 6923, 11974
Santamour, F. S., Jr. 6273
Santana, J. C. F. de 9918, 9924
Santandrea, G. 5020, 6176
Santanen, A. 7479
Santangelo, I. 12152
Santarém, E. R. 11930
Santha, S. 8080
Santi, F. 11474
Santago, I. 11707 12154 Santiago, I. 11707 Santiago, J. 9590 Santilocchi, R. 12903 Santinelli, F. 3978 Santini, A. 5084 Santipracha, Q. 297 Santipracha, W. 297 Santo, G. S. 4774 Santokh Singh 12098 Santos, A. 13344, 13498 Santos, A. A. 2858 Santos, A. F. dos 9924 Santos, A. S. 13590 Santos, C. A. F. 2002, 2854, 9739 Santos, E. 6470 Santos, F. G. dos 12916 Santos, I. C. dos 8361 Santos, I. C. F. 8632 Santos, J. B. 9471 Santos, J. B. dos 2826, 5752, 8270
Santos, J. W. dos 6107, 12333
Santos, K. 6049
Santos, K. G. B. 580
Santos, L. C. 13182
Santos, M. A. 6314
Santos, M. X. dos 7949, 9127, 10355, 10483
Santos, P. G. 3631
Santos, R. C. dos 8547, 9809-9810 8270 9810 Santos, R. P. dos 9911 Santos, W. R. dos 11169 Santos Dias, L. A. dos 11102 Santos-Díaz del Socorro, M. Santos-Guerra, A. 4140 Santos Soares Filho, W. dos 6049 Santra, D. K. 6955 Santucci, A. 13107 Sanwal, S. K. 3846 Sanz, C. 4856 Sanz, E. 5960 Sanz, J. M. 11673 Saodatkadamova, T. M. 10885 Sapirstein, H. D. 11587 Sapis, C. 3918 Sapkal, B. B. 10994 Sapra, V. T. 6909 Sapru Dhar, R. 1209 Sarabia, S. 6043 Saraev, P. Ya. 2956 Sarah, J. L. 3930, 9730 Sarajishvili, K. G. 6290 Sarakarn, S. 9543 Santra, D. K. 6955 Sarakarn, S. 9543 Sarahda, A. 13297 Saran, S. 359 Saranga, Y. 2142, 7407, 12423, 13469 Sarasan, V. 3321

Saraswathi, R. 8026 Sarath, G. 8295 Saratlić, G. 5486 Saravanan, R. 8068 Sarawat, V. 9543 Sarawgi, A. K. 9290 Sarblouki, M. N. 12745 Sârbu, M. 3154 Sarchami, S. 11592 Sarda, K. 3113 Sardana, H. R. 7351 Sardana, H. R. 7351 Sardana, R. 11854 Sareen, P. K. 10723 Sareen, S. 12556 Sargent, H. R. 12911 Sarhan, F. 836, 3488, 4408, 7851, 9061, 11634 Sari A. O. 6387 Sari, A. O. 6387 Sari, C. I. N. 12130 Sari-Gorla, M. 1354, 5548, 7259, 8009 Sarić, M. 5380 Sarich, M. 5380 Sarita Chaudhary 6083 Sarkar, B. 5739 Sarkar, D. 6994, 12032 Sarkar, D. 6994, 12032 Sarkar, K. K. 2429 Sarkar, R. 341 Sarkar, S. K. 2912 Sarkarung, S. 9225 Sarker, A. 9492 Sarker, R. H. 1571, 12532 Sarkisova, E. A. 5403 Sarla, N. 2022, 10786, 11009 Sarma, C. M. 1123 Sarma, D. 6377, 9501 Sarma, D. K. 8034-8035 Sarma, K. S. 10079 Sarma, N. K. 8034-8035 Sarma, K. S. 10079
Sarma, N. K. 8034-8035
Sarma, N. P. 4546, 11818, 12947, 12957, 12960
Sarma, R. 7245
Sarma, R. N. 309, 5387, 11591
Sarmadnia, G. 11638
Sarmah, B. K. 2022, 10786, 11009 11009 Sarmah, P. 2433, 7768 Sarobol, E. 8332 Sarode, N. D. 3769 Sarowa, P. S. 1949 Sarquís, J. I. 7939 Sarr, A. 5853 Sarrafi, A. 2438, 4434, 4460, 5343, 11565, 11572, 11603 Sarrazyn, R. 1812, 13201 Sarreb, D. A. 8394, 13260 Sarreb, D. A. 8394, 13260 Sarria, R. 1302, 11971-11972 Sartori, J. F. 8999-9000 Sartre, P. 9385 Sarvjeet Kaur 7093 Sarvjeet Singh 640, 650, 10704-10705 Sarwar, G. 1723, 9382 Sasahara, T. 422, 2799, 10560 Sasakai, A. 96 Sasaki, T. 363, 365, 368-369, 1588, 2636, 2653, 4297-4298, 4549, 5313, 5582, 6763, 6833, 8040, 10550, 11591, 11798 Sasaki, Y. 7485 Sasakuma, T. 2728, 4446, Sasanelli, N. 4978 Sasaya, T. 9480 Šašek, A. 2445, 10323 Sasikumar, B. 4183, 10096, 11335 Saslowsky, D. E. 81 Sasongko, W. 8590 Sass, N. 2142, 7407, 13469 Sassa, H. 12172 Sasse, J. 6906 Sasse, J. 6906 Sasson, A. 7636 Sastri, A. S. R. A. S. 432 Šatarić, I. 10356 Satarova, T. N. 5519, 10498 Sathaiah, V. 9817 Sathish, P. 4561 Sathishkumar, R. 6766 Sathyanarayanan, P. V. 1617

Satija, C. K. 668, 10721 Satija, D. R. 11581, 11608 Satinder Kaur 1123 Sato, A. 194, 10292 Sato, F. 3165 Sato, H. 10547, 11834 Sato, M. 5582, 12053-12055 Sato, M. H. 6483 Sato, N. 6613, 10682 Sato, S. 5845, 9603, 13193 Sato, T. 2183, 4720, 5842, 7063, 11836 Sato, Y. 721, 4230, 7031 Satoh, H. 417 Satoh, H. 417 Satoh, K. I. 707 Satoh, M. 4718 Satoh, T. 5335 Šatović, F. 2290, 9631 Šatović, Z. 6922, 9395, 9467, 12685 12685 Satpute, M. R. 4680 Satpute, R. G. 4671 Satta, Y. 9571 Sattar, A. 3324, 7593 Satterfield, K. 5439 Sattler, R. 3362 Satwinder Kaur 7288 Satwinder Kaur 7288
Satyanarayana, A. 1753
Satyanarayana, P. V. 412, 6752, 12956, 12959
Satyavathi, V. 4531
Satyavir 11070
Sauchanka, U. K. 1241
Saudan Singh 7593
Sauer, M. 5115
Sauge, M. H. 10933
Säulesen, N. N. 3460, 4414 Săulescu, N. N. 3460, 4414, 4424 Saulnier, L. 6625 Saumitou-Laprade, P. 8854, 11081, 13401 Saunders, J. W. 11089 Saunier, R. 10899, 10920, 12180 12180 Saurabh Shukla 9421 Saurer, W. 185 Sauter, M. 1572, 6709 Sautter, C. 4161, 4537, 8211, 12935, 13147 Sauvion, N. 1864 Savage, G. P. 685, 867 Savage, J. R. K. 12680 Savatti, M. 9336 Savchenko, V. K. 1241 Savchuk, A. V. 6989 Savé, R. 9747 Saverimuttu, N. 10307 Savidan, Y. 1537, 5549-5550 Savidan, Y. H. 4516, 6735 Šavikin-Fodulović, K. 12058 Savino, G. 4498 Savita Khattra 6956 Savoie, J. M. 13611 Savolainen, O. 67, 1034, 2331, 12471
Sawada, H. 12079
Sawada, S. 9034, 10278, 12734
Sawahel, W. 5490
Sawahel, W. A. 2277
Sawate, A. R. 10709
Sawazaki, E. 6722
Sawazaki, H. E. 9704
Sawbridge, T. 13506
Sawhney, R. N. 4435
Sawhney, V. K. 1348, 1358, 2282, 12098
Sawkins, M. 5 12471 Sawkins, M. 5 Sawyer, T. L. 2009 Saxena, D. C. 2449 Saxena, K. B. 652, 1735, 10523, 10713 Saxena, M. 10055 Saxena, M. C. 1727-1729, 1733 Saxena, M. K. 6731 Saxena, M. M. S. 11060 Saxena, N. P. 639 Saxena, P. K. 8841, 11233 Saxena, U. 5472 Saxena, V. K. 6712, 11698 Say, B. 5915 Sayama, H. 5930, 12107

Sayers, E. J. 4377 Sayre, K. 4413, 11602, 12763 Sayre, K. D. 11655 Sazanov, L. A. 6173 Sbrighi, M. 3026, 3029, 10944 Sbrighi, P. 1933, 10944 Scala, A. 13567 Scali, M. 1941 Scalla, R. 11548 Scaltsoyiannes, A. 7468, 10990 Scaltsoyiannes, A. 7468, 10990 Scaltsoyjannes, A. B. 9612 Scandalios, J. G. 1498, 10378, 10456 Scanlon, M. J. 1501, 6710, 9159 Scarascia-Mugnozza, G. E. 1007 Scardaci, S. C. 9285 Scaria, S. 8852 Scartezzini, F. 1164 Scarth, R. 12269 Scattini, W. J. 1638 Sceppa, J. 6250 Schaafsma, A. W. 1524 Schaal, B. A. 8980 Schaap, P. J. 1223-1224 Schaap, P. J. 1223-1224 Schabenberger, O. 7734 Schad, P. A. 11389 Schade, V. 10665 Schading, R. L. 2154 Schaefer, A. 12520 Schaefer, K. 6244 Schaefer, S. 6469 Schaefers, G. A. 1742-17 Schaefer, S. 6469 Schaefers, G. A. 1742-1743 Schaeffer, G. W. 2649, 8085 Schaewen, A. von 4653 Schäfer, E. 1306, 3561, 5912, 6496, 6499, 6907, 10067, 11441 Schäfer, H. J. 7297, 9791 Schäfer-Menuhr, A. 3784, 6993 Schäfer-Pregl, R. 2454 Schaffer, A. 682, 10814 Schaffer, R. 10195 Schaffert, E. 4959 Schaffert, R. E. 319, 1235 Schaffner, W. 1174, 1176, 7537 Schaffrath, U. 1403, 3499, 13012 Schalk, M. 8339 Schalk, P. H. 131 Schaller, F. 6502 Schantz, R. 1842 Schapaugh, W. T., Jr. 13066-Schardl, C. L. 5660 Schärer-Hernández, N. 8635 Scharf, K. D. 5304 Schaus, P. J. 2782 Schauser, L. 558, 5708, 13055 Schechert, A. 6726 Scheel, D. 1206-1207 Scheepers, D. 9465 Scheer, H. A. T. van der 5175 Scheer, I. 3391 Scheeren, P. L. 7809, 8999 Scheerens, J. C. 7179 Scheetz, J. 2725 Scheetz, J. C. 5664 Scheetz, J. G. 9315 Scheffer, J. J. C. 4181, 12561 Schehr, M. 6673 Scheibe, R. 4653 Scheible, W. R. 11126 Scheid, O. M. 4239, 5235, 13420 Scheiner, O. 3424, 12429 Scheil, J. 84, 871, 949, 2119, 2148, 4035, 5208, 6469, 10145 Schell, J. S. 4229 Schellenbaum, L. 5435 Schemske, D. W. 3277, 12534 Schena, M. 12609 Schenk, A. 1913 Scheres, B. 3397, 5250 Schermann, N. 2186 Schertz, K. F. 2604, 2611 Schetter, A. L. 7730 Scheurer, S. 1920 Schewe, G. 1079 Schiavon, L. 2996 Schiavone, D. 13224

Schichnes, D. E. 9152 Schieder, O. 6892, 7579 Schiefelbein, J. 6504, 6511, 6514, 10182 Schierann, A. 4468 Schierscher, B. 2291 Schierup, M. H. 4282, 6535, 10228 Schiex, T. 7664 Schiff, S. 5020, 6176 Schiffer, R. 3532 Schiffhauer, D. 3908 Schikora, S. 10795 Schilcher, H. 477 Schill, B. 13102 Schillberg, S. 13442 Schiller, G. 2174, 2190 Schiller, G. 2174, 2190 Schilling, E. 13368 Schilthuizen, M. 5287 Schilta, E. 4135 Schinnà, M. E. 10380 Schipper, A. 5384 Schipper, D. 9605 Schippers, M. 12047 Schipprack, W. 11750 Schitea, M. 9300 Schittenhelm, S. 135 Schiva, T. 3297, 7608, 8812 Schjoerring, J. K. 235 Schlaak, M. 4586, 6875 Schlaak, M. 4586, 6875 Schlaman, H. R. M. 8211, 11918 11918 Schlarbaum, S. E. 9968, 10103 Schlatter, A. R. 2721, 9054 Schlauer, J. 3310 Schledz, M. 390 Schlegel, R. 3542, 4362, 4373, Schlichting, C. D. 4185 Schlieben, N. H. 8644 Schliebell, N. H. 6449 Schliephake, E. 6420 Schlögelhofer, P. 12629 Schmaedick, M. A. 8356 Schmalscheidt, W. 5088, 11224 Schmalz, H. 6632 Schmelzer, E. 3795, 4464, 9154 Schmelzer, G. H. 344 Schmid, A. 7819 Schmid, B. 3668 Schmid, D. 8150 Schmid, J. 6517 Schmid, D. 8150 Schmid, J. 6517 Schmid, J. E. 12739 Schmid, R. 10795 Schmidt, A. M. 7731 Schmidt, D. 3513 Schmidt, E. D. L. 2886 Schmidt, H. 9642, 12154 Schmidt, H. 9642, 12154 Schmidt, H. J. 10250 Schmidt, J. 8130, 12378 Schmidt, J. 8139, 13278 Schmidt, J. W. 1386, 12718 Schmidt, M. 270 Schmidt, M. E. 2776, 11957 Schmidt, R. 5238, 13629 Schmidt, R. J. 7940, 9142 Schmidt, T. 3418, 6157, 7355, 8917 Schmidt, W. F. 4178 Schmidt-Rogge, T. 7579 Schmitt, H. P. 989 Schmitt, J. M. 13578 Schmitt, N. F. 239 Schmitthenner, A. F. 3708, 3710-3711 Schmitz, U. K. 12023 Schmohl, N. 320 Schmulling, M. 4134 Schmälling, T. 6181, 13438 Schnabel, A. 3198, 12457 Schnabel, G. 13170 Schnable, P. S. 1497, 4496, 4501, 8977 Schnarrenberger, C. 10317 Schneeberger, R. G. 1501 Schneerman, M. C. 6701 Schneider, H. 6403 Schneider, K. 11421, 11963 Schneider, M. 476, 692, 1190, 1200 Schneider, R. 718 Schneider, W. L. 4206

Schnell, D. 3310 Schnell, R. J. 2072 Schnell, R. J. 2072 Schnurr, J. A. 9896 Schnurr, J. P. 6263 Schöb, H. 3168 Schock, I. 6940 Schoeffl, F. 8893 Schoelz, J. E. 7394 Schoeman, A. S. 8476 Schoen, D. J. 119, 4286, 5188, 5278 5278 Schoendorf, A. 12390 Schoentgen, F. 6326 Schöffl, F. 88, 5259, 10204, 12599 12599
Schöggl, G. 3475
Schollenberger, M. 2540
Scholten, H. J. 5098
Scholten, O. E. 929, 2091
Scholz, F. 7426, 13490, 13515
Scholz, H. 2513, 8134
Scholz, H. W. 9124
Scholze, P. 1205, 2261
Schommer, C. 4035
Schondelmaier, J. 924, 5672. Schondelmaier, J. 924, 5672, 7050 Schönenberger, J. 11262 Schönfeld, M. 4314 Schontz, D. 11757 Schoof, H. 80, 7715 Schoof, H. 80, 7715 Schoofs, H. 13311 Schoot, C. van der 5025 Schopfer, C. R. 10637, 13088 Schöpke, C. 7019, 9544, 12048 Schori, A. 8136 Schorn-Kasten, K. 255 Schorr, P. 12616 Schots, A. 1783, 8638 Schott, E. J. 11463 Schott, J. J. 8532 Schotzko, D. J. 2479-2480 Schou, K. 1449 Schouten, A. 1783, 8638 Schouten, H. J. 1913 Schramm, G. 4586, 6875 Schrauwen, J. A. M. 2932, 4026 Schreiber, L. 234 Schreiber, U. 11119 Schreier, P. H. 5925, 6033 Schreuder, M. 12047 Schrie, B. D. 4613 Schröder, J. 10329 Schröder, R. 12242 Schroder, W. P. 11429 Schroeder, J. I. 2349, 4267, 8374 Schou, K. 1449 8374 Schroeer, B. 740 Schubert, I. 159, 5873, 6920-6921, 9095, 10666 Schubert, J. 8140 Schubert, R. 6033, 7481 Schubert, R. 6033, 7481 Schubert, S. 4499 Schubert, V. 1432, 4365 Schubiger, F. X. 483-484, 495-496, 545, 8150-8151 Schucany, W. R. 1255 Schuch, U. K. 13569 Schuch, W. 5052, 5902, 12375, 13213 Schueneman, T. J. 4512 Schug, M. D. 7703 Schüler, K. 1757 Schuler, M. A. 1485, 2833 Schuler, T. H. 6440 Schuler, T. H. 6440 Schulman, A. H. 3513, 6465 Schulte, J. 1174 Schulte, W. 871 Schultheis, J. R. 7104, 12138 Schultheiss, U. 199 Schultz, A. 2220 Schultz, C. J. 4027, 10185 Schultz, H. R. 4881 Schultz, S. T. 3415 Schultz, T. F. 10529 Schultz-Kraft, R. 6896 Schultz, T. F. 10529 Schultze-Kraft, R. 6896 Schulz, B. 2598, 2601, 5547, 8644, 12900 Schulz, H. 1197, 2294 Schulz, K. 1058 Schulz, P. J. 1350

Schulz-Schaeffer, J. 5338

Schulze, D. 6221, 8518 Schulze, J. 7766 Schulze-Lefert, P. 257, 1464, 3532, 5313, 6652, 9107 Schumacher, H. M. 3784, 6993 Schumacher, K. 8615 Schumacher, K. 8613 Schumacher, U. 253 Schumaker, K. S. 4503 Schuman, N. V. 7354 Schumann, C. M. 1043 Schumann, E. 4365 Schumann, G. 9509 Schumann, K. 567 Schünmann, P. H. D. 3522 Schuster, A. 4964, 4987, 8588 Schuster, G. 2940 Schuster, I. 5383 Schuster, M. 1432 Schuster, W. 1078 Schut, J. W. 2497, 7877 Schüte, G. 13278 Schutz, P. R. 520 Schütze, W. 1177 Schützner, K. 8898 Schuurink, R. C. 6658 Schwab, H. 11850 Schwager, S. J. 5650 Schwager, S. J. 5650 Schwartz, B. W. 7640 Schwartz, H. F. 3745, 6933 Schwartz, S. H. 5251, 5505 Schwarz, P. 488 Schwarz, P. B. 140, 1448 Schwarz, P. B. 140, 1448 Schwarz, Y. H. 12873 Schwarz, Y. H. 12873 Schwarz-Sommer, Z. 7544, Schuster, M. 1432 Schwarz-Sommer, Z. 7544, 9144 Schwarzacher, T. 273, 3418, 3450, 5344, 6050 Schwarzbach, E. 1463, 9109 Schwarze, D. 4106 Schwerke, D. 4100 Schweisguth, B. 3812 Schweizer, P. 9093, 9288 Schwerkel, H. G. 1111, 7556 Schwertel, M. 6919 Schwerdel, M. 6919
Schwinn, K. E. 7531
Schwöppe, C. 10165
Scialabba, A. 10025
Sciama, D. 1001
Sciarroni, R. 7121, 7160
Scientia Agricultura Sinica 8875
Scienza, A. 3050 Scientia Agricultura Sinica 88 Scienza, A. 3050 Scofield, G. N. 5596 Scoles, G. J. 4943, 5468 Scollan, C. 13424 Scolnik, P. A. 7073 Scopel, A. L. 75 Scora, R. W. 9707 Scorpan, V. 5308 Scorza, R. 1918, 1922, 4807, 10917, 10919 Scossa, A. 778 Scothern, G. P. 7057 Scotsa, A. 778 Scothern, G. P. 7057 Scotland, R. W. 3258 Scott, A. W., Jr. 2131, 6225 Scott, B. J. 5398 Scott, D. H. 3729 Scott, E. S. 13527 Scott, G. H. 5967 Scott, G. H. 5967 Scott, G. J. 2897 Scott, J. W. 3840, 3844, 7088, 8380, 8797, 9610 Scott, L. A. 293 Scott, M. P. 8641 Scott, N. S. 13213 Scott, N. W. 13399-13400 Scott, P. 1811 Scott, R. 63 Scott, R. A. 13071-13072 Scott, R. K. 4418, 7839 Scott, S. E. 11003 Scott-Craig, J. S. 8008 Scotti, C. 513, 5687, 8183, 9331 Scotti, I. 12473 Scovel, G. 5105, 7490 Scrimgeour, C. M. 1458 Scull, I. 1669 Scully, B. 13104 Scully, B. T. 1484 Scurtu, I. 8138

Seabra, R. C. 4936 Seaman, W. L. 1478 Searcy, K. B. 12535 Searle, R. 10225 Sears, B. B. 1079 Sears, R. G. 1380-1382, 1392, 1440, 1443, 4319, 7827 Sears, T. 11128 Sears, 1, 11128 Sebastian, L. S. 12988 Sebastiani, L. 12143 Sebastiano, A. 5798 Seberg, O. 39, 1370, 3678, 10315 Sebesta, E. E. 1443 Šebesta, J. 1477 Sebestyén, Z. 4784 Šećerov-Fišer, V. 9801 Secher, B. J. M. 5317 Secher, B. J. M. 3317 Sechnyak, A. L. 4352 Seck, A. 9558 Seçmen, Ö. 12437 Second, G. 385, 10762 Second, G. 385, 10762 Secon, G. A. 9511 Sedcole, J. R. 4937 Sederoff, R. 9943, 13503 Sederoff, R. R. 11401 Sedgley, M. 1060, 2194, 7492, 13527 Sedgley, R. H. 13138 Sediyama, C. S. 587, 5383, 11844-11845 Sediyama, T. 587, 2809 Sedov, E. N. 808, 2994, 10863, 10876 Sedova, Z. A. 5994 Sedra, M. H. 13331 Seefelder, S. 5160 Seelanan, T. 3198 Seelye, J. F. 11252 Seemanti Ramanath 9540
Seetharam, A. 11769
Seetharama, N. 639
Sefc, K. M. 3914, 8445, 12230
Segal, G. 4361, 11546, 11552
Seglit, Z. 11615
Seglias, N. 10866
Segnini, I., Jr. 11169
Segovia, V. 5480, 10118
Seguí, E. 482, 11753
Séguin, A. 943, 12871, 13512
Seguin, M. 3587, 9807, 11161
Séguin-Swartz, G. 7303, 9774
Segura-León, O. L. 8006
Seguy, L. 3600
Sehi, H. 6801
Şehirali, S. 11619 Seemanti Ramanath 9540 Şehirali, S. 11619 Sehrawat, A. R. 11586 Seib, P. A. 7825 Seidler-Łożykowska, K. 1191, 12552 12552 Seiler, G. J. 3975, 7305, 12298 Seip, L. 9758-9762, 9799 Seisums, A. 13190-13191 Şeker, M. 12258 Sekera, D. 1935, 3043 Sekhar, P. R. 6241 Sekhon, R. S. 9241 Sekhon, S. S. 7981, 7998 Seki, M. 12623 Sekiguichi K. 13156 Seki, M. 12023 Sekiguchi, K. 13156 Sekimoto, H. 3862, 4479, 10179 Sekimura, K. 2086 Sekine, M. 6168 Sekiya, J. 4210 Sekiya, J. 4210 Sekiya, K. 381 Seklani, H. 514 Sela, I. 5007, 9607 Selassie, K. G. 12127 Sel'e, G. 13 Self, K. A. 290 Selinger, D. A. 10379 Selinger, L. B. 6076 Selinger, L. B. 6076 Seliškar, A. 3314 Selivanova, L. P. 2571 Sellés, M. 1172 Sellmann, M. J. 1632, 2715 Seluja, G. 11389 Selvadurai, H. R. N. 11268 Sem, S. 11282 Semal, J. 5303 Seme, E. N. 9559

Semeada, A. M. 8273 Semenova, A. T. 10357 Semenova, G. A. 11981 Semeraro, D. 9001 Semerikov, V. L. 1031, 6283 Semiarti, E. 2336 Semikhodskii, A. 457, 5387 Semikhov, V. F. 2702 Semyonova, E. P. 11364 Sen, A. 5331, 9013 Sen, B. 1857 Sen, D. N. 7645 Sen, S. 5865, 6344 Sen, Y. N. 11266 Sen-Mandi, S. 456 Sen, H. H. 1200 Sen-Mandi, S. 456 Senadhira, D. 456, 1603, 2665, 3644, 9206-9207, 9245, 9256, Senadihra, D. 2671 Şenal, G. 2195 Šenapati, A. K. 3329 Senapati, B. 10576 Senapati, N. 662, 666, 1703, 8304 Senapati, S. K. 8460 Senaratna, T. 11233 Senboku, T. 10562, 12987 Senda, K. 13156 Senda, M. 3638, 8217, 11075-11076 Sendino, A. M. 6929 Sendker, M. 4653 Sendulsky, T. 8859 Séne, M. 313 Senghas, K. 12542 SenGupta, D. N. 11839 Sengupta-Gopalan, C. 2590, 9326
Senin, I. V. 2885
Senin, V. I. 3021
Senior, M. L. 12862
Seniz, V. 7065-7066
Senoo, K. 5737
Senthil, N. 6102, 6744, 8013, 8016, 8019, 8068, 11748, 12328-12329
Senyuk, V. I. 4610
Senzacqua, F. 12220
Seo, B. S. 3553
Seo, H. S. 5577
Seo, J. H. 1465
Seo, M. 4479, 10179 9326 Seo, M. 4479, 10179 Seo, S. 11129 Seo, Y. W. 12730 Seo HakSoo 5577 Seo JaeHwan 1465 Seo YongWeon 12730 Seoane-Camba, J. A. 10582 Seong RakChun 13078 Seppänen, P. 695 Seppanen, R. 12040 Seppänen, S. 9942 Seraj, Z. I. 1571 Serce, S. 1885 Sere, Y. 6753-6754 Sereni, L. 6642 Sereno, M. J. C. de M. 1428, 11681 Seo JaeHwan 1465 11681 Sereti, E. 12707 Serezhkina, G. V. 214 Sergeeva, L. E. 960 Sergienko, V. Ya. 6139 Serieys, H. 4966, 7315, 9805, 13368 Serini, C. 6582 Serino, G. 937, 13419 Serivichayaswadi, P. 918 Serna, L. 1314 Serova, Z. M. 808, 2994, 5994 Serquen, F. C. 785 Serra, P. 860 Serra, V. 12187 Serraj, R. 11952 Serrano, R. 13219 Serrato, V. M. 5515 Serratos, J. A. 7978, 7985 Serres, R. A. 7173 Serret, M. D. 4667 Servedio, M. R. 5271 Sesar, B. 10243, 10255-10256, 12715 Serivichayaswadi, P. 918

Šesek, S. 7849 Sessa, G. 12625, 13220 Šesták, Z. 5914 Setenci, F. 6191 Seth, P. 2639 Sethi, G. S. 7418, 7790-7791 Sethi, S. C. 1732 Sethi, S. K. 4404 Setimela, P. 6728 Setlow, J. K. 2284, 13624 Seto, H. 2353, 12640 Seto, H. 2353, 12640 Settanni, I. 5045 Setter, T. L. 12971 Settles, A. M. 1510 Settu, A. 8849 Setua, M. 9683 Seung, J. L. 9302 Seung, Y. K. 9365-9366, 9391 Seung JaeLee 9302 Seung YealKyn 9365-9366 Seung YealKyu 9365-9366 Seung YealKyu 9365-9366 Seurg YeaulKyu 9391 Seurei, P. 3227, 7363, 13408 Seurinck, J. 1488, 5012 Sevagaperumal, S. 8038 Ševčík, R. 2511 Ševčíková, M. 8139 Sévenier, R. 13402 Sever, K. 6073 Sever, L. 11530 Severin, K. 8830 Severini, S. 8175 Severson, R. F. 967 Severson, R. F. 967 Sévignac, M. 6936 Sevillano, M. del C. M. 10669 Sevimay, C. S. 9347 Sevugaperumal, S. 8666 Sewalt, V. J. H. 2116, 3182 Sewón, P. 3863 Sexton, P. J. 3738 Seyfarth, W. 3751 Seymour, G. B. 4907 Seyfarth, W. 3751 Seymour, G. B. 4907 Sfakianakis, J. 5525 Sfakiotakis, E. M. 5173 Sfalanga, A. 6013 Sha, J. M. 1914 Sha JiaMing 1914 Shaanker, R. U. 5130, 7590 Shabtai, S. 3828, 7060-7061 Shadakshari, Y. G. 8844 Shadeque, A. 768, 1829, 13217 Shafii, B. 7872 Shafiq, F. A. 12533 Shah, A. 618 Shah, D. M. 1258, 1261, 3792, 4695 4695 Shah, F. A. 12123 Shah, J. 1326 Shah, P. 172 Shah, S. 1307 Shah, S. A. 2021, 10308 Shah, S. J. A. 2021, 10308 Shahbaz-Pourshahbazi, A. 11951 1951 Shahi, J. P. 11714 Shahid, M. 10442-10444 Shahid, M. A. 3456 Shaikh, M. A. Q. 8566 Shaikh, M. S. 9351 Shailaja Hande 5974 Shaita Halim 6732 Shaista Halim 6738 Shakalov, E. N. 12362 Shakib, M. A. 11638 Shalaby, T. A. 9625-9626 Shalev, G. 287, 3829 Shambulingappa, K. G. 2860 Shamina, A. 11335 Shamina, V. Z. 7856 Shamov, D. 8139 Shamrov, I. I. 2212 Shan, Z. H. 4636 Shan ZhiHui 4636 Shandera, D. L. 1518 Shane, B. 3894 Shaner, G. E. 5453, 10254 Shang, L. M. 5413 Shang, W. 270 Shang LiMin 5413 Shankar, S. 7320 Shanmugasundaram, P. 8026, 8031, 8037

Shannon, G. 13091 Shannon, M. C. 9285 Shanthala, J. 1750 Shanthi, S. 5608, 6109, 7334-7335 Shanti Patil 8232, 8301, 11763 Shao, H. 3214 Shao, J. C. 10802 Shao, K. J. 1914 Shao, L. 3293 Shao, Q. M. 441, 11810 Shao Hong 3214 Shao JingCheng 10802 Shao KeJie 1914 Shao Li 3293 Shao QiMing 441, 11810 Shao You 8054 Shapiro, A. D. 5260 Shapiro, J. A. 3831 Shapiro, J. P. 6057, 8470 Sharabash, M. T. M. 2790-2791 Sharama, R. K. 6811 Sharan, M. 6182 Sharifi-Tehrani, A. 218 Sharkey, T. D. 3831 Sharma, A. B. 9735 Sharma, A. B. 9735 Sharma, A. C. 357 Sharma, A. K. 1286, 8064 Sharma, B. 2837, 9492 Sharma, B. D. 5609 Sharma, B. K. 1434 Sharma, C. M. 667 Sharma, D. 1735, 12991 Sharma, D. K. 12985 Sharma, D. S. 11822 Sharma, G. 804, 7139 Sharma, G. 804, 7139
Sharma, G. C. 13468
Sharma, G. N. 5981
Sharma, G. R. 7817
Sharma, H. C. 2476-2477, 5807
Sharma, H. R. 7112
Sharma, I. K. 9987
Sharma, I. M. 1800 Sharma, I. M. 1800 Sharma, J. B. 4435 Sharma, J. B. 4435 Sharma, J. J. 5640 Sharma, J. K. 5640, 8536 Sharma, J. P. 1833, 12980 Sharma, J. R. 1140, 2262, 3316-3317, 3320, 3332, 5138, 7587, 8857, 13587, 13608 Sharma, K. D. 6032 Sharma, K. K. 10714 Sharma, M. 2049, 6097 Sharma, M. 2049, 6097 Sharma, M. L. 13396 Sharma, O. C. 7256 Sharma, O. P. 3744 Sharma, P. C. 5331, 5774, 6032, 9013, 11998, 12735 Sharma, P. D. 5981 Sharma, P. K. 12920 Sharma, P. N. 3744 Sharma, P. S. 2065 Sharma, R. 4139 Sharma, R. 4139 Sharma, R. C. 2297, 6978 Sharma, R. K. 1691, 3492, 5154, 5395, 6640, 7253, 7255, 9257-9258, 12018, 13125 Sharma, R. L. 7139, 9193-9194 Sharma, R. N. 2766, 9490 Sharma, R. P. 5780, 7093, Sharma, S. 3656, 5318, 6841, 7605, 11534, 11647, 12714, 13226, 13605 13/26, 13/005 Sharma, S. C. 2433, 5368, 7778, 7817, 7854 Sharma, S. D. 6067, 6818, 7256, 11792 Sharma, S. K. 174, 672, 1411, 1949, 2847, 6949, 11652 Sharma, S. L. 5619 Sharma, S. N. 151, 6621, 7887, 12787 12.787 Sharma, S. R. 723, 6912, 7093, 8253 Sharma, T. N. 10693 Sharma, T. R. 5639, 5785, 6611, 7277, 7790, 7813, 10268, 11865, 13028-13029

Sharma, T. V. R. S. 12109 Sharma, V. 4157 Sharma, V. K. 7965 Sharma, V. P. 13338 Sharma, Y. K. 11463 Sharma O. C. 600 17317 Sharon, D. 1997, 13317 Sharon, N. 4619 Sharopova, N. R. 6678, 10335 Sharova, L. V. 12574 Sharp, P. J. 3480 Sharpe, A. 10198 Sharpe, A. G. 880 Sharpe, F. T. 2649 Sharpe, F. T., Jr. 8085 Sharpe, R. H. 6018 Sharrock, K. R. 10828 Sharrock, R. A. 65, 10187 Shartzer, S. F. 6658 Shasany, A. K. 7593, 13600 Shashi Madan 1415, 12748 Shashirekha Rao 11420 Shatarich, I. 10356 Shatters, R. G. 7927 Shattock, R. C. 8322 Shaug, S. P. 2691 Shaug SuePea 2691 Shaul, O. 5688, 7389, 10387 Snaui, O. 5688, 7389, 10387 Shavorskaya, O. A. 6150 Shavrukov, Y. 927 Shavrukov, Y. N. 7361 Shavrukov, Yu. N. 6151 Shaw, D. V. 3911-3912, 7186 Shaw, J. G. 5808 Shaw, J. M. H. 9599 Shaw, P. 1399, 9019 Shaw, P. E. 8470 Shaw, P. J. 286, 619, 10132, 12867 Shaw, R. 1058 Shaw, R. G. 3278, 10021 Shaw, R. G. 32/8, 10021 Shaw, S. S. 8565 Shawney, V. 11997 Shcherban', A. B. 3512, 3514 Shchori, Y. 7506, 7517, 8764 Shchukin, A. 7218 She, J. M. 2930, 13462 She, M. L. 8838 She, Q. 557 She JianMing 2930, 13462 She MengLan 8838 Sheaffer, C. C, 529 Sheahan, J. J. 6490 Shearman, R. C. 2204 Sheehan, M. 4159 Sheehan, T. 4159 Sheela, M. N. 2869, 2892 Sheely, D. L. 4100, 7488 Sheen, J. 4481, 7729, 11416 Sheetz, R. H. 8662, 13454 Shehata, A. M. 7947 Sheibani, A. 13345 Sheidai, M. 9919, 11147 Sheikh, M. A. 1297, 10161 Shejtman, H. 1091, 2213 Shekar, G. C. 12302 Shekar, V. B. 1547, 5559, 6734 Shekhawat, G. S. 1772, 5807 Shelbourne, T. 1039 Shelikhov, P. V. 6510 Shelp, B. J. 10690 Shelton, A. M. 8356 Shelton, B. A. 2955 Shelton, D. R. 1386, 4394, 7827, 12718 Shemyakin, M. F. 698 Shen, B. 13624 Shehata, A. M. 7947 Shen, B. 13624 Shen, D. L. 11858 Shen, D. X. 12238 Shen, F. F. 8684 Shen, F. Y. 8555 Shen, G. F. 2137, 4037 Shen, H. X. 12093 Shen, J. W. 8834 Shen, K. A. 3823, 12082 Shen, L. S. 2646, 6802, 11778 Shen, M. 2661 Shen, M. Z. 4636 Shen, Q. X. 13003 Shen, Q. Y. 4382 Shen, S. Q. 9261

Shen, W. B. 4567 Shen, W. H. 4492 Shen, X. H. 12443, 12927 Shen, X. L. 9648 Shen, X. M. 4534 Shen, X. R. 10299 Shen, Y. 5631, 6200 Shen, Y. J. 12239 Shen, Y. L. 9852 Shen, Y. Q. 149 Shen, Y. S. 2137, 5904 Shen, Y. W. 407, 11794 Shen, Y. Z. 3451, 8056 Shen, Z. M. 3935 Shen, Z. T. 5597, 5604, 9243 Shen Bo 13624 Shen DaLing 11858 Shen DeXu 12238 Shen FaFu 8684 Shen FuYu 8555 Shen GuiFang 2137, 4037 Shen HuangXuan 12093 Shen JiaWei 8834 Shen LiShang 2646 Shen LiShuang 6802, 11778 Shen Mei 1573, 2661 Shen MingZen 4636 Shen QiangYun 4382 Shen QingXi 13003 Shen ShengQuan 9261 Shen WenBiao 4567 Shen WenHui 4492 Shen XiangLin 9648 Shen XiaoRong 10299 Shen XiHong 12927 Shen XiHuan 12443 Shen XueMing 4534 Shen YaNan 11266 Shen YanSin 2137 Shen YanSong 5904 Shen Ying 5631 Shen YinZhu 3451 Shen YuZheng 8056 Shen YuJie 12239 Shen YuLong 9852 Shen YuQing 149 Shen YuWei 407 Shen ZhaoMin 3935 Shen ZhaoMin 3935 Shen ZongTan 5597, 5604, 9243 Shenaut, M. A. 11957 Sheng, A. W. 10893 Sheng, B. C. 4794 Sheng, B. C. 4/94 Sheng, L. 13101 Sheng, N. 4755 Sheng, X. B. 4545 Sheng, Y. 13496 Sheng, Y. P. 1009 Sheng Aiwu 10893 Sheng BingCheng 4794 Sheng Luan 13101 Sheng Ning 4755 Sheng XiaoBang 4545 Sheng YingPing 1009 Shenoy, V. V. 12957 Sheoran, A. 4668 Sheoran, R. K. 8587 Sheoran, R. K. 8587 Shepherd, K. 9689-9690 Shepherd, K. M. 6135 Sheridan, P. M. 12545 Sheridan, W. 10424 Sheridan, W. F. 4494 Sherif, M. A. 6639 Sherif, R. A. 12335-12336 Sheriff, A. 13578 Sheriff, R. A. 3128 Sherman, F. 9138 Sherman, J. M. 7542 Sherman, W. B. 3896, 6018, 7150, 9658, 10925 Sherrier, D. J. 6948 Sherrill, D. 11365 Sherwood, J. L. 1427 Sherrill, D. 11365 Sherwood, J. L. 1427 Shestakov, S. V. 1330 Shestakova, R. I. 12358 Shetlar, D. J. 5999 Shetty, K. 776, 10065 Shetty, N. V. 793, 1882 Shetty, P. H. 5538 Shetty, P. S. 7406 Shevade A. 4130

Shevade, A. 4139

Sheveleva, E. V. 13430 Shew, H. D. 3184 Shewmaker, C. K. 3831 Shewmaker, G. E. 3677 Shewry, P. R. 182, 5180, 6626, 7822 Ni, A. 10301 Shi, A. N. 5413, 7858, 12759 Shi, B. 4535, 12462 Shi, C. H. 1594, 3135, 9272, 10556 10556 Shi, C. S. 3933 Shi, F. 2501, 9095 Shi, H. P. 12553 Shi, H. Z. 12381 Shi, J. 4555 Shi, J. R. 2806 Shi, J. R. 2806 Shi, L. 59, 9150 Shi, L. F. 530 Shi, R. Z. 10870 Shi, S. F. 158 Shi, S. F. 158 Shi, S. X. 3319 Shi, X. H. 5517, 9618 Shi, X. P. 7397 Shi, X. W. 7282 Shi, X. X. 2993 Shi, Y. 7055 Shi, Y. 7055 Shi, Y. G. 2570 Shi, Y. P. 1901, 12156 Shi, Y. Z. 12251 Shi, Z. M. 9717 Shi, Z. P. 10073 Shi AiNong 5413, 12759 Shi Biao 4535 Shi Rin 12462 Shi Bia 12462 Shi ChangSong 3933 Shi ChunHai 1594, 9272, 10556 Shi ChunHuo 3135 Shi Fang 2501 Shi HePing 12553 Shi JinRui 2806 Shi Jun 4555 Shi Liang 9150 Shi Liang 9150 Shi LiFang 530 Shi RongZhong 10870 Shi SiFa 158 Shi SiXin 3319 Shi XiaoXin 2993 Shi XinHai 5517 Shi XiPing 7397 Shi XueHui 9618 Shi XuWen 7282 Shi Ying 7055 Shi YinPing 1901, 12156 Shi YongGang 2570 Shi YongZhong 12251 Shi ZhaoPeng 10073 Shi ZongMing 9717 Shibairo, S. I. 8331 Shibata, M. 8790, 9881, 10010, 10044 Shibli, R. A. 1826, 3758, 8377, 10740 Shibuya, K. 5335 Shibuya, M. 1712, 13584 Shieh, G. J. 9157-9158 Shieh GuangJauh 9157-9158 Shifriss, C. 1848, 7096 Shigaki, T. 13063 Snigard, 1. 13003 Shigenaga, H. 1021 Shigeno, Y. 3426 Shigeoka, S. 4745, 7045, 11122 Shigyo, M. 720, 2923, 2926 Shii, C. T. 11281, 11305 Shiina, T. 4500 Shikanai, T. 11122, 12094, 13425 Shikasho, E. H. 11169 Shikata, E. 7003 Shikazono, N. 82 Shillito, R. D. 2560 Shilo, A. A. 5991 Shilu Biswas 10496 Shilyaeva, E. A. 2931 Shim, J. W. 12774 Shim, K. K. 7507 Shim, N. K. 7507 Shim KyungKu 7507 Shima, N. 10221 Shimada, H. 3611 Shimada, T. 4802, 8486, 10366 Shimada, Y. 8337

Shimamoto, K. 372, 8059, 11801 Shimamoto, Y. 2793, 5728, 7441, 9373, 9410-9411, 9436, 11938 Shimano, T. 380, 5582 Shimanuki, T. 10508 Shimeles Aklilu 10773 Shimeles Aklilu 10773 Shimizu, A. 1084, 10012 Shimizu, J. Y. 7469 Shimizu, K. 3298, 3300 Shimizu, R. 1151, 12562 Shimizu, S. 9637 Shimizu, T. 1096, 2733 Shimizu, Y. 2528 Shimoda, C. 6488 Shimofurutani, N. 13248 Shimoda, C. 6488 Shimofurutani, N. 13248 Shimoharai, K. 621 Shimojima, M. 7107 Shimokawa, T. 379 Shimokouji, H. 6858 Shimomura, K. 1120 Shimomura, S. 5015 Shimonaka, M. 12159 Shimoni, Y. 4391, 7830, 11552 Shimony, C. 2142, 7407 Shimosaka, M. 6182 Shimura, Y. 2345 Shin, C. N. 4957 Shin, C. W. 9391 Shin, D. C. 9361-9362, 9482 Shin, D. H. 12969 Shin, D. H. 12969 Shin, D. I. 3230 Shin, D. I. 3230 Shin, H. T. 8081, 9211, 13010 Shin, J. N. 260 Shin, J. S. 12501, 12514 Shin, M. S. 9211, 13010 Shin, Y. U. 12153 Shin CheolWoo 9391 Shin DongHyun 12969 Shin DongIll 3230 Shin DooChull 9361-9362, 9482 Shin HyunTak 8081, 9211, 13010 Shin JeongSheop 12501, 12514 13010 Shin JeongSheop 12501, 12514 Shin MunSik 9211, 13010 Shin YongUk 12153 Shinde, K. G. 2840, 2922, 2970, 4782 Shinde, M. S. 12913-12915 Shinde, M. S. 12913-12915 Shinde, R. B. 1681 Shindrova, P. 3111, 12297 Shine, J. 2073 Shine, J. M., Jr. 3133-3134 Shinkawa, T. 12169 Shinmachi, F. 3816 Shinkawa, 1, 12109 Shinmachi, F. 3816 Shinmyo, A. 6168 Shinoda, K. 4733, 7029 Shinozaki, K. 90, 1323, 2356, 3367, 4220, 4235, 6485, 6488, 6516, 10167, 12623, 12656-12657 Shinozuka, Y. 381 Shinshi, H. 13435 Shintani, A. 3628 Shioi, Y. 7107 Shiomi, S. 4760 Shiota, H. 10757 Shiota, N. 10755 Shipe, E. R. 3714, 13091, 13097 Shippen, D. E. 7698 Shippen, D. E. 7698 Shipton, C. A. 5902 Shirai, K. 9673 Shirai, S. 9673 Shiraishi, M. 840, 3045-3046, 8448, 8452 Shiraishi, S. 3045-3046, 8448, 8452 Shiraishi, S. I. 840 Shiraishi, S. I. 840 Shiraishi, T. 621, 631, 5759 Shiri, V. 5155 Shirima, D. S. 563 Shirley, A. M. 11461 Shirley, B. W. 81, 8941 Shirsat, A. H. 12291 Shishido, R. 400, 4543 Shishkin, N. V. 336 Shishkin, V. A. 1324 Shishlov, M. P. 275

Shishlova, N. P. 275 Shitole, M. G. 3995 Shiv Kumar 2650, 6952 Shiv Ratan 13359 Shivakumar, N. 9287 Shivanna, B. K. 5560 Shivanna, K. R. 639, 1343-1344, 1352, 1358, 2282, 3096 Shivkumar 5569 Shizuya, H. 10166 Shmida, A. 11275 Shnyreva, A. 10082 Shnyreva, A. V. 3342 Shoai-Deylami, M. 13433 Shoai-Deylami, M. 13433 Shockey, J. 11470 Shoemake, L. J. 2164 Shoemaker, R. 9377 Shoemaker, R. C. 2785, 5735, 9396, 9406, 10630 Shoji, K. 11780 Shoji, T. 3165, 6168, 9878 Shokes, F. M. 3988, 8576 Sholar, J. R. 9812 Shomura, A. 5582 Shon, T. K. 8833, 8836, 11765-11766 Shoop, E. 13503 Shoop, E. 13503 Shore, J. S. 907, 9819 Shorrosh, B. S. 1301 Short, K. C. 3820 Shortsianitis, E. 12707 Shortt, B. J. 4695 Shott, B. J. 4693 Shoseyov, O. 6491, 7427, 7452 Shou, H. X. 9392 Shou, S. Y. 10856 Shou HuiXia 9392 Shou Sen Yan 10856 Showers, W. B. 4510 Shoyama, Y. 5133 Shpaar, D. 12356 Shpigel, E. 6491 Shpikher, I. 12356 Shrikant 11649 Shrikhande, V. J. 12677 Shrivastava, D. K. 5472 Shrivastava, M. N. 10577 Shroyer, J. P. 5411 Shtereva, L. 744 Shtienberg, D. 4143 Shu, C. N. 982, 7412 Shu, H. 3069 Shu, H. R. 12156 Shou SenYan 10856 Shu, H. R. 12156 Shu, J. L. 9855 Shu, J. S. 8691 Shu, L. H. 437, 9265 Shu, L. H. 437, 9265 Shu, Q. 3878 Shu, Q. Y. 435, 1584, 5595, 8077, 9251, 11410 Shu ChuNe 982, 7412 Shu HuaiRui 12156 Shu Huang 3069 Shu JiLin 9855 Shu JiLin 9855 Shu JiLin 9855 Shu JinShu 8691 Shu LiHui 437, 9265 Shu QingYao 1584, 5595, 8077, 9251, 11410 Shu Qun 3878 Shuai, Z. B. 7075 Shuai ZhengBin 7075 Shuao, G. H. 9444 Shuao GuiHua 9444 Shuao GuiHua 9444 Shubhanji Gore 11763 Shufran, K. A. 3439 Shugar, L. P. 12800 Shudar, L. P. 12800 Shukla, A. 8522 Shukla, K. C. 9194 Shukla, M. R. 8851, 12122 Shukla, R. S. 7593 Shukla, S. 3315, 6382, 13586 Shukla, S. N. 11841 Shukla, V. D. 10571 Shukla, V. K. 8359 Shukla, Y. R. 609, 7047 Shulaev, V. 3792 Shulaev, V. 3792 Shulembaeva, K. K. 2473 Shull, G. H. 9126 Shumba, D. 1747 Shumba, D. 1747 Shumpa, V. K. 5678 Shumnyi, V. K. 2293, 3371 Shumnyi, V. K. 1652, 2842-2843

Shushkova, T. V. 13320 Shutov, A. 10196 Shutov, A. D. 4610, 7622 Shutyaev, A. M. 11201 Shvytov, I. A. 3685 Shykoff, J. A. 13599 Si, J. P. 12504 Si, Y. 11151 Si JinPing 12504 Si Yang 11151 Si-Ziani, Y. 515 Siame, B. 10365 Siame, B. 10365 Siame, B. 10365 Siamhan, D. 8090 Sicher, R. C. 2649 Siddiq, E. A. 4546, 6845, 12947, 12951, 12960, 12963 Siddique, K. H. M. 1404, 13138 Siddiqui, K. A. 5310, 12755 Siddiqui, M. A. 4552, 5033 Siddiqui, M. R. 4533 Siddiqui, M. R. 4533 Siddiqui, M. R. 4533 Sidebottom, C. 9172 Sideris, S. 1607, 10567 Sidhu, A. S. 704 Sidhu, G. S. 348, 9208 Sidhu, H. S. 13177 Sidhu, J. S. 10975, 11777 Sidhu, M. S. 4202 Sidorchuk, Yu. V. 1652 Sidorenko, A. P. 3748 Sidorenko, P. G. 5273 Sidorov, V. A. 13444 Sidorova, K. K. 2842-2843 Sie, M. 6753-6754 Sie, M. 6753-6754 Siebenmorgen, T. J. 3635, 4556, 6/84 Siebke, K. 11117 Sieczka, J. B. 12020-12021 Sieczka, M. T. 693-694, 5806 Siedow, J. N. 11735 Siegall, C. B. 2235 Siegismund, H. R. 2181 Siegismund, H. R. 2181 Siemens, D. H. 8526 Siepel, A. 11389 Sierra-de-Grado, R. 2175 Sietz, W. 2681 Šiffelová, G. 3676, 6863 Sifi, B. 532 Signor, M. 6580, 9358 Sij, J. W. 5454 Sijbers, A. M. 7559 Sijbolts, F. 13225 Sijen, T. 13225 Sijen, T. 13225 Sijen, P. C. 1266, 3411 Sikander Ali 1753-1754 Sikora, E. 2959 Sikorski, M. 5703 Sikorski, M. 5703 Silbernagel, M. J. 1706, 3740, 13105 13105 Silberstein, L. 13261 Silevko, Ya. V. 6152 Silfhout, C. H. van 13175 Silhavy, D. 10385, 12986 Silin, A. E. 6298 Siljak-Yakovlev, S. 12450 Sillanpää, M. J. 67 Sills, G. 11415 Silva, A. L. S. de 6666 Silva, A. M. D. 9809, 9811 Silva, A. P. 13344 Silva, A. P. G. da 9810 Silva, H. 8895 Silva, J. A. L. da 2809 Silva, J. A. L. da 2809 Silva, J. B da 10798 Silva, J. B da 10798 Silva, J. B. da 12916 Silva, J. F. V. 13100 Silva, J. L. 8333 Silva, M. B. da 13116 Silva, M. de 8255 Silva, M. F. F. da 7240 Silva, M. H. L. 13590 Silva, M. J. da 4571 Silva, R. M. M. F. 708 Silva, R. V. 12448 Silva, S. de O. e 9689-9690, 10960 10960 Silva, S. dos A. e 8999-9000 Silva-Acuña, R. 2764 Silva Coelho, A. F. da 8469 Silva-Filho, M. de C. 4746 Silva Filho, P. M. da 8072 Silva Junior, J. F. da 7241

Silva Leal, M. D. L. da 9127 Silva Leal, M. de L. da 11041 Silva Pereira, A. da 9528 Silveira, L. C. P. 1532 Silveri, D. 6585 Silverstone, A. L. 78, 6481 Silvestri, V. 5860 Silvestroni, O. 1941 Sim, S. L. 13593 Simagin, V. S. 1921 Simard, M. H. 4800, 6064 Simard, M. H. 4800, 6064 Simeão, R. M. 9904, 9907 Simeone, M. 2444 Simin, A. 7023 Simion, E. 2496, 4306 Simkin, A. J. 5902 Simková, H. 4706 Simmonds, J. A. 4359 Simmonds, N. W. 2880 Simmons, A. M. 13230 Simmons, G. S. 6236 Simmons, I. 8118 Simms, J. 8118 Simola, L. K. 7479 Simola, L. K. 7479 Simon, A. E. 2361, 4206 Simon, B. K. 5677 Simon, C. J. 1730, 11999, 12005 Simon, J. 6988 Simon, J. 12523 Simón, J. 12223 Simón, L. E. 5643 Simon, M. R. 4423, 9070 Simon, P. W. 5811, 5818, 5830, 5836, 9541, 10780 Simon, R. 2220 Simon, U. 8203, 8872 Simon-Sarkadi, L. 6930 Simone, M. de 5898 Simoneau, P. 1061, 11174 Simonenko, V. K. 2405, 4352 Simonetti, M. S. 3978 Simonneau, T. 3521 Simonneau, T. 3521 Simons, A. 3960 Simons, G. 1464, 5932, 12111 Simons, T. 987 Simonsen, V. 3356 Simonsen, R. L. 4385 Simosaka, K. 7090 Simpson, C. E. 7325 Simpson, C. G. 11396, 11422 Simpson, C. L. 6214 Simpson, D. J. 4454 Simpson, D. W. 4824, 4845. Simpson, D. W. 4824, 4845, 4865, 4870 Simpson, G. B. 2044 Simpson, J. 480, 8271 Simpson, K. 555 Simpson, R. J. 6672, 8149 Sims, C. A. 6022 Sims, J. J. 593, 11936 Sims, J. R. 4613 Simsek, L. 4397 Sin, E. 10309 Singlair, T. P. 11052 Sin, E. 10309 Sinclair, T. R. 11952 Sinclair, W. T. 7475 Sindelář, J. 9938 Sindhu, A. S. 4554, 6805 Sindhu, G. S. 6805 Sindu, A. 2242 Sinesio, F. 1924 Singal, H. R. 5777 Singer, T. 11704 Singer-Bayrle, M. 4653 Singer, T. 11704
Singer-Bayrle, M. 4653
Singh, A. 645, 2081, 3327, 4559, 5790, 6935, 7097, 7101, 10777, 11734, 11831
Singh, A. K. 2060-2061, 2068-2069, 3496, 3986, 4980, 6094, 6935, 7097, 7101, 7325, 7327, 7605, 11052, 11714, 13381 7325, 7321, 7605, 11052, 11714, 13381 Singh, A. L. 11047 Singh, A. P. 8066 Singh, B. 859, 2866-2867, 3516, 4332, 4475, 6805, 8512, 11726, 12896 Singh, B. B. 3347, 6959, 10698, 10722 Singh, B. G. 3989 Singh, B. K. 359, 12345 Singh, B. M. 258, 1525, 1832, 10704-10705

Singh, B. N. 8092, 8096, 9217, 9219, 13004 Singh, B. P. 5807 Singh, B. R. 6974 Singh, B. V. 1563 Singh, C. B. 6950, 11809 Singh, D. 2029, 2455, 3496, 3923, 5370, 5433, 5774, 5849, 6796, 7593, 11997, 12711
Singh, D. K. 8288, 12970
Singh, D. N. 356, 1562, 8511, 9813-9814, 13218
Singh, D. P. 657, 767, 1317, 6959, 7299, 8512, 10698, 10701, 10722, 11997, 12617
Singh, G. 357, 3516, 6956, 7289, 7862, 7944, 10279, 10723, 10725, 11389, 12292
Singh, G. P. 2081, 6131, 11060, 11067 12711 11067 Singh, H. 6624, 9780, 10055, 11651 Singh, H. B. 7603, 8536 Singh, H. K. 10978 Singh, H. K. 10978 Singh, H. P. 7603, 8514, 12554 Singh, I. 176, 2430, 7778 Singh, I. S. 10694, 10702 Singh, J. 981, 7605, 8686, 12332 Singh, J. K. 11714 Singh, J. R. 11714 Singh, J. M. 627 Singh, J. P. 1405, 10694 Singh, J. R. P. 8593, 12344 Singh, J. V. 1755, 3327-3328 Singh, K. 6611, 7593, 7593, 8471, 8994, 9423, 10729 Singh, K. B. 634, 643, 1727 1729, 1733, 4669, 12003, 13139 13139 Singh, K. H. 6564 Singh, K. J. 6918 Singh, K. N. 7336 Singh, K. P. 174, 2420, 6968 Singh, L. 10523, 10713 Singh, L. R. 3516 Singh, M. 357, 2506, 3327, 3465, 4666, 7289, 12332, 13464 13464 Singh, M. B. 7559, 11438 Singh, M. P. 356, 1562, 2081 Singh, N. 5784 Singh, N. K. 7587, 8280 Singh, N. N. 11742 Singh, N. P. 645, 6755, 6959, 7047 Singh, O. 1732, 6952, 9493-9494 Singh, O. P. 6918 Singh, P. 452, 7288, 11982, 13396 Singh, P. B. 3110 Singh, P. K. 910, 6110, 12338 Singh, P. N. 13387 Singh, P. V. 8514-8515 Singh, R. 339, 466, 723, 3101, 3921, 6742, 6842, 10777, 11050, 12943, 12970 Singh, R. A. 3643 Singh, R. G. 2082, 12354 Singh, R. J. 5732, 9383-9384, 9437 13396 9437 Singh, R. K. 3347, 3496, 6823, 11060, 11067, 12354 Singh, R. L. 8471 Singh, R. M. 2068-2069, 8290, 12970, 13112 12970, 13112 Singh, R. N. 5135, 5766, 11714 Singh, R. P. 1438, 2848, 3507, 3765, 4411, 4431, 5357, 5776-5777, 11655, 12735, 12763, 13464, 13628 Singh, R. R. 241 Singh, R. V. 3496 Singh, S. 640, 650, 5316, 6117 Singh, R. V. 3496 Singh, S. 640, 650, 5316, 6117, 7593, 8062, 8511, 10558, 10667, 10704-10705, 11777, 12098, 12923, 12942, 12944, 12950, 12958, 12997-12998 Singh, S. B. 1405, 12354, 13387

13387

Singh, S. D. 308, 1554, 3597, 10519 Singh, S. K. 9278, 11982 Singh, S. N. 352, 6119, 12351 Singh, S. P. 2079, 3315, 3317, 3516, 6382, 7285, 7593, 7605, 9472, 10671, 10725, 11977, 12560, 13586-13587 Singh, S. S. 5893 Singh, S. V. 9510 Singh, T. 6563 Singh, T. B. 1405, 6564 Singh, T. H. 8343
Singh, T. H. 8343
Singh, T. P. 8245
Singh, U. 1735, 7331, 10689
Singh, V. 6715, 10055, 12885
Singh, V. P. 177, 1563, 3347, 5767, 5784, 5893, 6816, 7593, 8284, 9780, 11586, 11598, 12345, 13464
Singh, V. P. N. 1419
Singh, V. R. 7603, 12554
Singh, V. V. 7459
Singh, Z. 12409
Singh, Z. 12409
Singh, G. 9573
Singha, K. D. 13007
Singhal, G. S. 7644
Singletary, G. W. 10437
Singsit, C. 11053
Sinha, A. K. 578
Sinha, B. 11643
Sinha, M. K. 1724, 13486 Singh, T. H. 8343 Sinha, M. K. 1724, 13486 Sinha, N. 739, 2390, 4763, 12881, 13211 12881, 13211
Sinha, P. K. 9250, 10571
Sinha, R. C. 6723
Sinha, S. K. 6790, 6793, 7276, 7677, 11010
Sinha, S. N. 3108-3110
Sinha, U. P. 12344
Siniscalco, A. 6642
Sink, K. C. 10070
Sint Jan, V. van 2670
Sip, V. 1466, 2417, 5409, 6601, 6674, 7765, 9114
Sipes, B. S. 11265, 13568
Siqueira, D. L. de 8469
Sirály, I. 2960
Sirasoontorn, S. 918 Sirasoontorn, S. 918 Siregar, E. B. M. 5952 Sirju-Charran, G. 2098 Sirohi, A. 5790 Široký, J. 4734 Sisson, V. A. 967 Sistrunk, M. L. 86 Sita, G. L. 4780, 10011 Sitadevi, B. 6821 Siti Dewi Serimala, M. N. 849 Sitrit, Y. 8371, 10387 Sivak, M. N. 13624 Sivalinganna Manjunath 12891 Sivarajan, V. V. 7645 Sivarajan, V. V. 7645 Sivasaithamparam, K. 2744, 9944 Sivasubramaniam, K. 6792 Sivasubramanian, P. 3126 Siviero, A. 2896, 3726 Siviero, P. 746, 5927, 9595, 10789, 10791 Sivolap, Yu. M. 837, 2558, 6655, 10363, 12719 Sivolapov, A. I. 9952 Sjemenarstvo 8888-8889 Sjödabl S. 11005 Sjödahl, S. 11005 Sjödin, J. 2685, 2701 Skadsen, R. W. 12780 Skálová, H. 4582 Skelton, C. 6475 Skepner, A. P. 8710 Skerman, D. S. 8118 Skerritt, J. H. 1453, 3464 Skinner, D. Z. 4596 Skinnes, H. 4311 Skirvin, R. M. 827, 12198 Sklenar, P. 8618, 8621 Sklennarya, L. U. 2189 Škorić, D. 7311, 8533 Škorpík, M. 1429, 1466, 2417, 6601, 6645, 6674, 7765, 10300 Škorpók, M. 9114 Skorupa, L. A. 12551

Skorupska, H. T. 3735 Skøt, L. 1663 Skou, J. P. 2469 Skovmand, B. 3539, 4329, 8997 Skovmand, B. 3539, 4329, 899 Škrbić, K. 6144, 11073 Skrdleta, V. 3759 Skroch, P. W. 1770, 9470 Skrøppa, T. 7476 Skryabin, K. G. 7523 Skrzynia, C. 5170 Skupski, M. 11389 Skvortsova, R. V. 7082, 10801 Slabaugh, M. 13389 Slabaugh, M. B. 7342-7343, 12304 12304 Slacanin, I. 8659
Slack, S. A. 12020-12021
Slaentijn, E. M. J. 6156
Slafer, G. A. 160, 170
Slama, S. 783
Slamet, I. H. 6757
Slater, A. 13399-13400
Slater, A. T. 8729
Slaughter, L. H. 592
Slavov, K. 11084
Slavov, S. B. 9903
Slaymaker, D. 593, 11936
Ślęczek, S. 5832
Slee, M. 1012
Sleep, J. 11387
Sleper, D. A. 490-492, 2776, 5660, 10661-10663, 11882, 13070
Sliesaravičienė, L. 2752 Slacanin, I. 8659 Sliesaravičienė, L. 2752 Sliesaravičius, A. 2710 Slightom, J. L. 6185 Slimestad, R. 9979 Slinkard, A. E. 1725 Śliwińska, E. 6149, 7358 Sloan, R. C., Jr. 8333 Slooten, L. 12699 Sloover, J. de 6312 Słotwińska, M. 2927 Slovin, J. P. 1511 Slovin, J. P. 1511 Ślusarkiewicz-Jarzina, A. 3541, 10343, 11687 Slykerman, J. 7497 Smagacz, J. 12852 Smagula, J. M. 8863 Šmalcelj, B. 6175, 9894 Smale, M. 1373, 12763 Small, I. 4643-4644, 12607, 12628 Smalle, J. 10215, 11432 Smallfield, B. M. 1208 Smant, G. 1783 Smardas, K. 1831 Smarn Chinbenjaphol 10080 Smartt, J. 7325, 7327 Smedegaard-Petersen, V. 4464 Smeekens, S. 29, 8927, 8942, 8989, 11427 Smeekens, S. C. M. 2350 Smeets, K. 713 Smeets, L. 792 Smertenko, A. P. 3179, 13444 Smets, E. 11100 Smets, E. F. 6546 Smiech, M. 8352 Smiech, M. 8352 Smiech, M. 7910 Smigocki, A. C. 7159 Smirnov, A. G. 7165 Smirnov, V. G. 6690, 11684 Smirnov, V. V. 11078 Smirnova, O. 7720 Smiryaev, A. V. 6432, 6617 Smita Mishra 12994 Smita Tripathy 6818 Smita Mishra 12994
Smita Tripathy 6818
Smith, A. 6886
Smith, A. G. 1317, 2115, 10338, 12615, 12617
Smith, A. M. 3755, 8279, 9525, 12643 Smith, B. J. 1927, 3909, 4826, 7180 Smith, B. M. 5834, 5862 Smith, C. 4231 Smith, C. M. 2479-2480, 7968 Smith, C. P. 11671 Smith, C. W. 976, 980, 4050, 6218, 11150, 13459, 13482

Smith, D. A. 2705 Smith, D. H. 10297, 11629, Smith, D. L. 301, 1689, 3579, 5503, 11755, 11873, 12103
Smith, D. R. 8714
Smith, D. W. 6037
Smith, E. L. 1427
Smith, E. L. 1427
Smith, F. W. 921, 1455
Smith, G. F. 2280, 12428
Smith, G. R. 912, 6135, 13398
Smith, G. S. 1694
Smith, H. 3177, 9890, 12399
Smith, H. S. 6057
Smith, J. D. 3564-3566, 3574 11631 Smith, J. D. 3564-3566, 3574, 3585 Smith, J. S. C. 7746 Smith, K. F. 8149 Smith, L. W. 13312 Smith, M. 1317, 10082 Smith, M. A. L. 4918 Smith, M. E. 1509, 3556, 8876 Smith, M. F. 6886 Smith, M. K. 13308 Smith, M. L. 577 Smith, M. W. 6070 Smith, O. D. 3122 Smith, O. S. 9130 Smith, P. M. 555 Smith, P. M. C. 5721, 6964 Smith, P. P. 13499 Smith, R. C. 3522, 6906 Smith, R. D. 8932, 12595 Smith, R. D. 8932, 12595
Smith, R. H. 6202, 13461
Smith, R. K., Jr. 2122
Smith, R. M. 10033
Smith, R. R. 548
Smith, S. 1678, 9996, 9996,
11226, 11226-11227, 1122711228, 11228
Smith, S. E. 2215, 2217, 10614,
11263, 12677
Smith, S. M. 1877
Smith, S. M. 1877
Smith, S. M. E. 951
Smith, S. R., Jr. 524
Smith, W. A. 8980
Smith, W. H. 7127
Smith, W. J. 980
Smith-Huerta, N. L. 5102 Smith-Huerta, N. L. 5 Smithard, R. A. 9092 Smithson, A. 117 5102 Smithson, J. B. 13109 Smolenskaya, I. N. 7794, 7798, Smolíková, M. 8198 Smolková, H. 7823 Smulders, M. J. M. 6309 Smyth, C. A. 1479 Smyth, D. R. 3380, 9581 Snape, J. 5636, 6844 Snape, J. W. 4309, 4344, 5386-5387, 5580, 6610, 7878, 11591 Snapp, S. 10627 SNC Meilland et Cie 8753-8758, 11235, 11237-11241, 11243 Snedden, W. A. 6435, 11423 Sneller, C. H. 575, 591, 1675 Snežana, J. 9055 Snidaro, M. 2774, 4296, 5451, 6580, 9358 6580, 9358 Sniezko, I. 5736 Śnieżko, R. 2927 Sniezko, R. A. 11208 Snook, M. 10365 Snook, M. E. 327, 967, 7967, 7971, 9184-9185, 10373 Snow, A. A. 3301, 7024, 7305, 7703, 8988, 12298 Snow, N. 5297, 5677, 10603, 13041 Snowball, A. M. 1958-1959, Snowden, K. C. 7547 Snowdon, R. J. 3087, 4947, 12085 Snustad, D. P. 10168 Snyder, G. H. 8591 Snyder, J. C. 13230

Snyman, J. C. 7228 Snyman, S. J. 8605 So, I. Y. 1465 So In Young 1465 Soadatkadamova, T. M. 6320 Soares, A. A. 3631, 4536, 10528 Soares, J. J. 6106 Soares, N. B. 8474 Soares, P. C. 4536, 10528 Soares, P. C. 4536, 10528 Soares Filho, W. dos S. 10971 Soave, C. 5225 Sobal, M. 10081 Sobarad, P. M. 337 Sobral, B. 8060 Sobri, M. 6776 Socias i Company, R. 8436, 8489-8490, 9746 Socorro, O. 1171 Sodek L. 9704 Sodek, L. 9704 Sodhi, H. S. 2268, 4202, 11340 Sodhi, M. 11777 Sodkiewicz, T. 9381 Sodkiewicz, W. 7915, 10343-Sodmergen 1085, 6300, 10072 Soebarinoto 442 Soebarinoto 442 Soejima, J. 802, 3875, 5986 Soest, L. J. M. van 5191 Sofiari, E. 2893 Sof'in, A. V. 1330 Sogawa, K. 13026 Soh, A. C. 12318 Soh, M. S. 11447 Soh, W. Y. 4180, 5139 Soh Moonsoo 11447 Soh WoongYoung 5139 Sohn, C. H. 6402 Sohn, J. K. 440 Sohn ChulHyun 6402 Sohu, R. S. 6431 Sohu, V. S. 10279 Soja, G. 13514 Sojitra, V. K. 13378 Sokha, V. 1165 Sokhansandzh, A. 4039 Sokhi, J. 1359 Sokoloff, D. D. 5707 Sokolov, I. D. 6510 Sokolov, M. S. 7856 Sokolov, V. A. 10425, 11981 Sokolov, V. M. 5491, 6724, 10363 Sokolova, E. I. 6510 Sokolova, N. S. 6549 Sokolova, S. E. 5994 Sokolova, T. I. 6510 Sokolovskiĭ, S. G. 13429 Sokolovsky, S. G. 13429 Solanki, I. S. 5767, 8284 Soldati, A. 1176 Soldatini, G. F. 204, 12454, 13495 Soldatova, O. P. 1330 Soled, Z. 851 Soler, C. 4308, 4445 Soleri, D. 12677 Šolić, M. E. 7030 Soligo, S. 2996 Soliman, K. M. 4444, 6557, 6909 Soliman, M. 8002 Soliman, M. F. 9181 Solinas, G. 3613 Solis, R. 11639 Solis, R. 11639 Sölkner, J. 98 Söll, D. 12864 Soller, M. 7740 Sollier, S. 5857 Solntseva, M. P. 6539 Solodushko, V. G. 13444 Solomatin, D. A. 214 Solomon, R. C. 6137 Solomon, R. 2602 Solonenko, L. P. 481 Solov'eva, L. V. 7602 Soltész, M. 12186 Soltis, D. E. 11503 Soltis, P. S. 11503 Somda, I. 9798 Somda, I. 9798

Somers, D. A. 5457-5458, 5495, 12612, 12814 Somers, D. E. 2347 Somers, D. J. 1569, 11018 Somersalo, S. 6677 Somerville, C. 3996 Somerville, C. R. 8950, 11436 Somerville, S. C. 2359 Someshwar, R. 4994 Somkuwar, R. G. 2945, 4649, 8272, 8343, 10716 Sommer, H. 2961 Sommer-Knudsen, J. 1342, 7384 Somodi, G. C. 3840, 8380 Somsri, S. 13324 Somsri, S. 13324
Somssich, I. E. 41, 2259, 4193, 7598, 7681, 10150
Son, B. Y. 9428
Son, C. K. 9482
Son, D. Y. 3089, 13349
Son, K. C. 3834
Son, M. Y. 417
Son BeomYoung 9428
Son ChangKi 9482
Son DaeYoung 3089, 13349
Son KiCheol 3834
Sondahl, M. R. 9870
Sone, K. 4852, 7183
Song, C. H. 6561
Song, C. W. 9652, 9666, 9716
Song, C. Y. 8103
Song, G. 9986, 11250 Song, G. 9986, 11250 Song, G. Q. 10557 Song, G. S. 8556 Song, H. C. 10249 Song, H. M. 5622
Song, H. M. 5622
Song, H. S. 9542, 12400
Song, J. J. 2947
Song, J. S. 12515
Song, J. Y. 381
Song, K. J. 12153
Song, K. S. 6490
Song, M. 5888, 12073
Song, P. 2138, 6247, 13460
Song, Q. J. 4622, 8252, 9402, 9433, 13065
Song, R. G. 6031, 12239
Song, R. G. 6031, 12239
Song, S. B. 9361-9362
Song, T. M. 10396, 11702
Song, W. J. 9392
Song, W. J. 6615
Song, W. Y. 1607, 10565, 10567 Song, H. M. 5622 Song, X. 1. 1607, 16303, 10567

Song, X. 5888

Song, X. H. 168

Song, X. M. 2150, 5040

Song, X. Y. 2682, 11574

Song, Y. 3293, 8001

Song, Y. C. 288, 4532, 6277, 8711, 9213, 11848, 12934

Song, Y. L. 4420

Song, Y. N. 10802

Song, Y. R. 8329

Song, Z. H. 5517

Song, Z. J. 3526

Song, Z. W. 1928

Song ChengYan 8103

Song ChiaWei 9652, 9666, 9716

Song Ge 9986, 11250 10567 Song Ge 9986, 11250 Song GuoQing 10557 Song GuoSheng 8556 Song HeeSook 9542, 12400 Song HongChao 10249 Song HuaMing 5622 Song JeongSeob 12515 Song JianJun 2947 Song JianYu 381 Song KwanJeong 12153 Song Kwalsolf 1213 Song KyuSang 6490 Song Ming 5888, 12073 Song Ping 2138, 6247 Song QiJian 4622, 8252, 9402, 9433, 13065 Song RunGang 6031, 12239 Song SeokBo 9361-9362 Song TongMing 11702 Song WenJian 9392 Song WenQin 6615 Song WenYuan 1607, 10567 Song Xiang 5888

Song XiaoHua 168 Song XiuYing 2682 Song XiYun 11574 Song XuMing 2150, 5040 Song YanChun 4532 Song YanRu 8329 Song Yanku 8329 Song YongChang 6277, 8711 Song YuanNing 10802 Song YuCheon 9213 Song YuLi 4420 Song Yun 3293 Song YunChun 11848, 12934 Song ZaiHua 5517 Song ZhongWu 1928 Song ZiJiang 3526 Songa, W. 1704 Songstad, D. D. 489 Sonia 8912 Soniya, E. V. 3321 Sonnante, G. 1659, 13148 Sonnenberg, A. S. 4198 Sonnenberg, A. S. M. 1224, Sonnehberg, A. S. M. 1224, 7619

Sonneveld, T. 4869

Sonnewald, U. 3185, 4691, 9524, 12030, 12375

Sonnino, A. 7010, 12042

Sonoda, J. 8642

Sonoda, T. 5840, 5897

Sontag-Strohm, T. 4389-4390

Sontakke, B. K. 10576

Sonti, R. V. 6831

Sonto, A. 5192-5193, 8884

Sood, K. C. 12770

Soon, Y. K. 200

Sopory, S. K. 5642, 8922

Soppa, B. 13278

Soppe, W. 11446

Soranzo, N. 12473

Sordi, G. de 6722 7619 Sordi, G. de 6722 Soreng, R. J. 8134, 9299, 13031, 13042 Sorensen, F. C. 1051, 7483, 9985 9985 Sorensen, L. 5828 Sørensen, M. 4719, 10111 Soria, F. 11179 Soriano, M. C. 4190 Soriano-Richards, E. 13115 Sork, V. L. 1149 Sormani, A. 3032 Soroka, A. I. 6089, 13361 Sorour, W. A. I. 12275 Sorrells, M. E. 2517, 3507, 4303, 5415, 10251-10252, 12709 12709 Sorrentino, C. 956, 961 Sorri, V. A. 10752 Sorribas, F. J. 6055 Sorvari, S. 3863, 4707, 12687 Sosinski, B. 10917, 10919, 12197 Sosnikhina, S. P. 6690, 11684 Sossey-Alaoui, K. 8713, 10917, 10919, 13368 Sosulski, F. W. 2441 Sotchenko, V. S. 10348 Sotelo Montes, C. 3216 Sotés, V. 4875 Soto H., M. 8799 Sotomayor, A. 7966 Sotomayor, J. A. 4190 Sotomayor-Ríos, A. 2610, 10504 Sotta, B. 2113 Souad, B. 842 Souer, E. 5116, 11517 Souframanien, J. 12979 Souibgui, M. 7000 Souissi, R. 5837 Soundarapandian, G. 8038 Sounigo, O. 4014 Soupa, D. 4001 Soupa, D. 4001 Sourdille, P. 6522, 9029, 9103, 10275, 11543 Sousa, C. N. A. de 8998-9000, 9004, 9037, 9079, 11632 Sousa, J. A. de 10831 Sousa, M. de 9914 Sousa, P. G. 9116

Sousa Moraes, J. de 8547 Sousa Reis, M. de 4536 Sousa Uva, J. M. 8883 South Africa, Agricultural Research Council 8734 South Australian Seedgrowers Co-operative Ltd 8205 Southerton, S. G. 8715, 12445 Southwick, S. 7157 Southworth, D. 1087, 6540 Souvre, A. 11603 Souyris, I. 1451 Souza, E. 1391, 1393, 2400, 2479-2480, 8997 Souza, M. A. de 5383 Souza, M. de 3190 Souza, P. E. de 8270 Souza, R. M. de 8270 Souza Gonçalves, P. de 7420, 11169 Souza Nascimento, C. E. de 9739 Sovith, S. 9208 Sowka, S. 12429 Sowokinos, J. R. 9511 Soyer, Y. 6191 Soyer, Y. 6191 Söylemezoğlu, G. 8446, 12233 Sozinov, A. A. 3562, 3748, 6678, 10335, 12725 Sozinov, O. O. 11515 Spaar, D. 1527, 3368, 12356 Spada, P. 2253 Spadek, Z. E. 8741 Spabillari, M. 1143 Spahillari, M. 1143 Spain, Instituto Juan March de Estudios e Investigaciones Spaink, H. P. 1653, 8211, 11918 Spalding, M. 4030 Spalik, K. 7596 Spaner, D. 306, 12800 Spangenberg, G. 6856, 8147, Spano, G. 6638 Spanos, K. A. 13488 Spanu, A. 2628-2629 Spanu, A. 2628-2629 Spārnina, M. 2753 Sparvoli, F. 13106 Spasibionek, S. 9788 Späth, R. 5547 Spatola, L. 4054 Specht, C. E. 1797, 3430 Specht, J. E. 2778-2779, 10643, 11958 11958 Speck, T. 5064 Speed, T. 8662 Speed, T. R. 13484 Speed, 1. R. 13484 Spehar, C. R. 11955 Speirs, J. 13213 Spelt, K. 5116 Spena, A. 2961 Spence, J. 13023 Spencer, D. 4608 Spencer, H. G. 7741 Sperling, U. 85, 6509, 12758 Sperlingsson, C. 9835 Sperti, S. 12700 Sperlingsson, C. 9835
Sperti, S. 12700
Spethmann, W. 1073, 13526
Spethmann, E. 8960
Spiecher, I. 12356
Spielmeyer, W. 11158
Spies, J. J. 1435, 9318-9319
Spiker, S. 941, 2340, 8367
Spillane, C. 2127, 10750
Spiller, G. B. 4145
Spinosa, A. 13148
Spiral, J. 9862
Spire, D. 4480
Spiss, L. 7912, 12839-12840
Spoerke, J. M. 13062
Spohr, L. J. 5398
Spolaore, S. 824
Spooner, D. M. 1768-1770, 6996, 9508, 13161
Sprainaitiene, J. 2520
Sprainaitis, A. 2752
Spray, C. R. 2574
Sprenger, N. 5435
Sprich, L. 3237
Spudich, G. M. 1280 Spudich, G. M. 1280

Şpugnoli, P. 12322 Spugnoll, P. 12322 Špunar, J. 2289 Špunarová, M. 11674 Spyres, M. D. 9285 Squire, G. R. 1925 Srečec, S. 13609 Srećković, M. 4831 Sree Rangasamy 7336 Sree Rangasamy, S. R. 8302 Sree Rangasamy, S. R. 8302 Sreedhar, L. 10609 Sreekumari, M. T. 2891 Sreenivasan, M. S. 4008 Sreenivasan, T. N. 933-934, 2098, 4016, 8633 Sreenivasan, T. V. 11064 Sreenivasu, K. 5780, 7093 Sreenivasulu, M. R. 340 Sreeramareddy, N. 6774 Sridevy Sriskandarajah 10865 Sridhara, R. 3658, 6832, 7331 Sridhara, S. 1685 Sridharan, C. S. 8551 Srienc, F. 5495 Srinath Rao 5778 Srinath Rao 5778 Srinath Rao 57/8 Srinivas, A. 11727 Srinivas, G. S. L. 10011 Srinivas, T. 658-659, 1738, 6960, 8293, 8579 Srinivasan, C. S. 7367 Srinivasan, G. 2548-2549 Srinivasappa, K. N. 9614 Srinivasulu 11783 Srinives, P. 9827, 11948 Srirath, K. 701 Sriskandarajah, S. 10865 Srivalli, T. 5945, 5948, 12124 Srivastava, A. K. 7528, 10978 Srivastava, G. C. 6082 Srivastava, G. P. 8300 Srivastava, H. M. 11095, 11344 Srivastava, H. P. 2274 Srivastava, L. S. 357 Srivastava, M. N. 1617 Srivastava, M. P. 5316 Srivastava, R. B. 7818 Srivastava, R. P. 6131 Srivastava, S. B. L. 11982 Sriwatanapongse, S. 6427 Sriyoheswaran, S. 9256 Ssango, F. 11737 St-Pierre, B. 11330 St-Pierre, C. A. 6648, 10324, St-Pierre, C. A. 6046, 10324, 11656
Stacey, G. 8236
Stacey, N. J. 5104
Stachel, M. 13247
Stacy, E. A. 5073
Stacy, R. A. P. 6503
Stadelmann, F. J. 6856, 8147, 8152, 9301, 10098
Staden, J. V. 11378
Staden, J. van 13589
Städler, E. 7044
Staehelin, L. A. 11115
Stafilov, T. 13602
Stafistrom, J. P. 11985
Stahl, D. J. 5925
Stahl, E. 8933
Stahl, M. 9123
Stahl, R. J. 7280
Stahlschmidt, O. 3808
Stahn, T. 1212, 2231
Staiger, C. J. 2575, 11701, 12557
Staiger, D. 52, 2338 11656 Staiger, D. 52, 2338 Stålberg, K. 11005, 11007 Stalin, N. 13285 Stalln, N. 15265 Stalker, H. T. 900 Stall, R. E. 3840, 8379-8380 Stallknecht, G. F. 1383-1385, 2725 2725 Stals, H. 8176 Stam, P. 2497, 4218, 6659, 7886, 10331, 10749 Stamp, P. 300, 12739 Stamper, D. 11389 Stanca, A. M. 245, 5388, 12777-12778, 12789 Stancheva, Ĭ. 5907

Stančić, I. 6144, 8616-8617, 8619, 11073 Standardi, A. 828, 4599, 4896 Stanev, S. 1139, 1154 Stanghellini, M. S. 7104 Stanhill, A. 6532 Stanica, F. 4896 Stanisavljević, M. 4831 Stanisavljević, M. 4831 Stankov, I. 10258, 10305 Stankova, P. 5324, 10296 Stankova, T. 2188 Stanković, B. 743, 5919 Stankowski, S. 12827 Stanley, J. 8654 Stanojlović, B. 5380 Stanojlovic, B. 3380 Stanojlovich, B. 5380 Stansel, J. W. 397, 1585, 3634, 4557, 12924 Stanys, V. 4860 Staples, I. B. 1638, 8121 Stapleton, A. E. 6486 Stapleton, C. M. A. 2266, 5163, 5165 5165 Stappen, J. vander 4299, 10625 Staritsky, G. 13627 Stark, D. M. 10754 Starman, T. W. 6308 Starmer, K. P. 9779 Starmühler, W. 13591 Starostenko, N. V. 955, 2109 Starova, N. 9969 Starr, J. L. 13482 Starr, J. L. 13482 Starrantino, A. 3941 Starrett, D. A. 12103 Starrett, M. 10487 Startsev, V. I. 2918 Stary, S. 5224, 12629 Starzycka, E. 9765, 9795 Starzycki, M. 9765, 9795 Staskawicz, B. J. 5260, 8961 Stasse, L. 4041 Stastny, K. 5518 Staswick, P. E. 11958 Staszewski, L. 8216 Staszewski, L. 8216 Staszewski, Z. 8216 Staszkiewicz, J. 7168, 7505 Staten, G. 13447 Statford's Roses 4127 Staub, J. E. 785, 790, 1879-1880, 1885, 2979, 5977, 10855, 13259, 13262, 13265 Staudt, G. 1952, 4843 Stay, R. 7524 Stautt, G. 1992, 4845
Stav, R. 7524
Stavely, J. R. 6934
Staveren, M. van 3388
Stavrakakis, M. N. 3915
Stavropoulos, N. 12330
Stayton, M. M. 1693
Steadman, J. R. 1706
Steadman, P. 11389
Steane, D. A. 3258, 7436
Stearn, W. T. 3291
Steber, C. M. 10186
Stec, A. O. 1506
Stedje, B. 11290
Steed, A. 323, 457, 5530
Steele, C. C. 581, 584-586
Steele, C. L. 3243
Steele, J. L. 8866
Steen, P. 6156
Steen, W. J. van der 10232
Steenackers, M. 7453 Steenackers, M. 7453 Steer, M. 5244 Stefan, M. 5308 Stefanini, F. 1536 Stefanini, F. M. 9974 Stefanini, M. 3050, 3913 Stefano, A. di 12208 Stefanova, A. 10742 Stefanović, S. 11194 Steffen, K. L. 10823 Steffenson, B. 259 Steffenson, B. J. 1448, 3531, 6670, 7903, 12800 Stegmeier, W. D. 3098 Stehno, Z. 1372, 2398, 4312, 4402 Steible, C. K. 2073 Stein, N. 37, 3551 Steinbach, J. 13030

Steinberger, J. 11 Steinbiss, H. H. 8992 Steinberger, J. 11
Steinbiss, H. H. 8992
Steindler, C. 12625
Steiner, A. M. 488, 1467, 9123
Steiner, J. J. 548, 5698, 9342
Steiner, K. C. 8704
Steiner, R. 10862
Steinger, T. 3668
Steinhart, W. L. 10039
Steinhart, W. L. 10039
Steinkellner, H. 3914, 8445, 8702, 11180, 12230
Steinmann, V. W. 13563
Steinmetz, A. 2041, 9802
Steinmann, V. W. 13563
Steinmetz, A. 2041, 9802
Steiss, R. 4964
Stejskal, J. 11983
Stelling, D. 602
Stelly, D. M. 2604, 6242, 6729, 11151, 11746, 12082
Stelmarkh, A. F. 4375
Stelzer, H. E. 1028
Stemmer, C. 5237
Stenghel, C. 1288
Stemhouse, J. W. 13621
Stenlid, J. 11206
Stenzel, K. 5925
Stenzler, L. M. 87, 10206
Stephan, B. R. 989
Stephan, U. W. 4768, 12091 Stephan, B. R. 989 Stephan, U. W. 4768, 12091 Stephen, R. 8850 Stephens, R. 8850 Stephens, D. B. 3639 Stephens, J. C. 2611 Stephens, P. A. 594, 3728, 4635 Stephens, S. M. 11671 Stephenson, A. G. 787, 3421, 3815, 13250 3815, 13250 Stephenson, L. C. 8248 Stephenson, M. G. 6105 Stepkowski, T. 5703 Steponkus, P. L. 89 Sterk, P. 11387 Stern, D. B. 31, 2555 Stern, R. A. 7236 Stern, W. L. 1122, 11316 Stettler, R. F. 1007 Stettner, C. 6697 Steup, M. 729 Stevanović, D. 8386, 1083 Stevanović, D. 8386, 10838 Stevens, D. B. 5402 Stevens, L. 127 Stevens, L. H. 5809 Stevens, R. G. 1716 Stevens, T. E., Jr. 9812 Stevenson, B. 2355, 11464 Stevenson, B. 2355, 11464
Stevenson, K. R. 4033-4034
Stevenson, P. C. 4670, 11995
Stevenson, W. R. 9534
Stewart, C. N., Jr. 888, 10130, 11411, 13365
Stewart, D. 13512
Stewart, D. W. 301, 3579, 5503
Stewart, H. E. 6999
Stewart, J. M. 6199, 6204 Stewart, J. M. 6199, 6204, 6207, 6219, 6223, 7400, 7403-7404, 7409, 7411, 7413, 7403-7404, 7409, 7411, 7413, 7638, 13483
Stewart, K. A. 11755, 11873
Stewart, S. 6234
Stewart-Williams, K. 13104
Steyn, E. M. A. 12428
Sthapit, B. R. 347, 3602, 3647, 3656, 6750, 6810, 11847
Stick, K. 9144
Stickena, W. 3388 Stich, K. 9144 Stiekema, W. 3388 Stiekema, W. J. 63, 938, 1783, 2094, 3971, 6156, 6518, 7375, 8638, 10139, 12386, 12610, 13629 Stiles, J. I. 13326, 13410 Stilianou, E. 778 Stilianou, E. 778 Stilio, V. di 6100 Stiller, J. 561 Stinard, P. 10383, 10391-10392, 10460-10461 Stinard, P. S. 7009 Stinard, P. S. 7928 Stipic, M. 10783 Stipković, S. 9965 Stirnberg, P. 4274 Stitt, M. 9524, 11121, 11126, 12030

Stober, A. 2437 Stöcker, R. 5925 Stockhaus, J. 3279, 4518, 9187. 12905 Stockinger, E. J. 89, 2821, 5258 Stöckli, B. 4710 Stoddard, R. 4241 Stodolak, B. 5829 Stodolak, B. 3829 Stoenescu, F. M. 3084-3085 Stoesser, G. 11387 Stoeva, I. 6630, 10257, 10259-10260 Stoeva, M. 6163 Stoeva, M. 6163 Stoeva, P. 7396 Stoffelen, P. 5001, 11100 Stoffella, P. J. 7089 Stöger, E. 2102 Stoger, E. 13023 Stoike, L. L. 1079 Stoilova, A. 11144, 11146 Stoinova, J. 5307 Stoilova, A. 11144, 11146
Stoinova, J. 5307
Stoipaković, M. 7948, 11712
Stojałowski, S. 2527
Stojanović, J. 7805, 7904
Stojanović, S. 1477, 7805, 7904
Stojkovski, C. 11596
Stokkermans, J. 1783
Stølen, O. 7630, 8114, 12766
Stol'nikova, N. P. 10942
Stommel, J. R. 7084
Stomp, A. M. 5079
Stone, P. J. 3495, 12751-12752
Stone, V. 13117
Storck, L. 10122
Storlie, E. W. 9066
Störmann, K. 41
Storme, V. 7453
Storms, M. M. H. 5025
Storozhenko, V. A. 10731
Storz, G. 11460
Stösser, R. 3869, 8426
Stougaard, I. 557-558, 5708, 11918, 13055
Stougaard, R. N. 1383-1385 11918, 13055 Stougaard, R. N. 1383-1385 Stover, E. W. 1946-1947 Stowe, K. A. 12294 Stoyanov, I. 10257, 10259 Stoyanova, M. 4372, 5768, 10683, 10696, 10699 Stoyanova, S. 10286, 10359 Stoyanoff, N. A. 9947 Straathof, T. P. 5121, 10034, 11292, 11294, 11312-11313 Stracke, R. 282, 871 Stradioto Papa, M. de F. 13089 Straeten, D. van der 454, 10563. 11432 Straĭstar', E. M. 5537 Straka, P. 1177, 5820 Strand, Å. 72 Strand, A. E. 109, 1081 Strandberg, J. O. 9541 Strashnyuk, N. M. 13444 Strategic Industry Research Foundation 9091 Stratton, D. A. 3301, 12655 Stratton, S. D. 1648 Strauss, S. 994 Strauss, S. H. 994, 1006, 1011, 4070, 9985, 12440, 12445, 4070, 9985, 12440, 12445
12480-12481
Strauss, S. Y. 3422
Streb, P. 270
Strefeler, M. S. 13558
Streicher, H. 4619
Streiff, R. 11180
Strel'nikov, A. V. 6139
Stretch, A. W. 1929, 7181
Streubel, M. 9192
Strid, Å. 4658
Striedner, G. 10775
Striem, M. J. 7208
Strik, B. 826
Strik, B. C. 4814, 10938
Stringam, G. R. 8507, 9796
Stringer, S. 1038
Stringi, L. 5714
Strittmatter, G. 13170
Strizhov, N. 84
Stroeher, V. L. 3968
Strömberg, A. 3795 12480-12481 Strömberg, A. 3795

Strommer, J. 3753, 4655 Strompen, G. 11131 Strongitharm, B. 9172 Stroup, W. W. 2204 Strout, G. 1087 Stróżycki, P. M. 5289 Struck, M. 4114 Strudwicke, C. 8218 Strullu, D. G. 11174 Struś, M. 10346, 11523, 11579 Struss, D. 11670 Strzembicka, A. 12856 Stubbs, J. D. 3276 Stuber, C. W. 1489-1490, 5483, 12862 12862 Stuchlíková, E. 1429, 5409, 7863 Stucker, R. E. 209 Studennikova, N. L. 6002 Studennikova, N. L. 600 Studer, E. 6700 Stuessy, T. F. 1095 Stufkens, M. W. 3510 Stuiver, M. 13225 Stukely, M. J. C. 9944 Stummann, B. M. 4453 Stupar, M. 10242 Sturion, J. A. 9904, 9907, 9910, 10100 Sturm, A. 7012-7013 Sturner, S. F. 13405 Stushnoff, C. 10861 Stuthman, D. D. 9118 Stuurman, J. 9584 Styker, J. 1279 Su, B. L. 11803 Su, C. 12931 Su, C. H. 3323 Su, C. T. 10870 Su, J. 13003 Su, J. 13003 Su, J. G. 8692 10100 Su, J. 13003 Su, J. G. 8692 Su, J. L. 7075 Su, K. T. 3135 Su, T. 649 Su, W. W. 5144 Su, X. H. 12444 Su, X. J. 2930, 10794 Su, Z. 2800 Su, Z. X. 4953 Su BaoLin 11803 Su Chen 12931 Su Chen 12931 Su ChingHua 3323 Su ChunTian 10870 Su JiaLie 7075 Su JianGuang 8692 Su Jin 13003 Su KanTan 3135 Su Thein 649 Su WeiWen 5144 Su XiaoHua 12444 Su XiaoJun 2930 Su XiaoJun 2930 Su XueJun 10794 Su Zhen 2800 Su ZhenXi 4953 Suarez, E. 5360 Suárez, E. Y. 9026, 9050 Suárez, J. C. 1512, 9432 Suárez-Cervera, M. 10582 Subbaraman, N. 5606, 6797, 6828, 6957, 11145, 12011 Subbarao, G. V. 12008, 12013 Subbaratnam Muthukrishnan Subbulakshmi, B. 8037 Subda, H. 190, 2446-2447, 2530, 7895 Subedi, K. D. 7846 Subedi, M. 3788 Subedi, P. P. 1794, 1814, 2978, 1232 Subhadrabandhu, S. 3955, 4207, 4926, 12260 Subhani, G. M. 2458 Subhash, N. 8851 Subhashini, U. 11103 Subrahmanyam, P. 2061, 8580, 11043-11044, 11052, 13381 Subramanian, M. 3126, 8038, 8070, 11054 Subramanian, M. V. 4223 Subramanian, N. 13018 Subramanian, S. 3070, 8038

Subramanya, S. 2371 Subramanya Hegde 2035 Subrata Maity 681, 2499, 3127 Subudhi, H. N. 10525 Subudhi, P. 2638 Subudhi, P. K. 456, 6775, 10540 Suchitra Banerjee 13588 Suchkova, L. V. 5973 Suck, R. 230 Sudari A. 9439 Sudarić, A. 8237 Sudarshanam, A. 6847 Sudarsono 5952, 12130 Suddith, J. I. 12652 Sudeith, J. 1. 12032 Sudesh Jood 3705 Sudhakar, D. 10506, 13023 Sudharshan, M. R. 8844, 8846 Sudhir Kochhar 346 Sudhir Shukla 3315, 13586 Sudhiranjan Gupta 11839 Sudip Chattopadhyay 10148, 11448 11448 Sudo, K. 5585 Suei, C. Y. 1901 Suei CongYi 1901 Suelves, M. 2004, 10985 Suenaga, K. 3449, 7796, 11557 Suga, R. 8033 Sugahara, K. 671 Sugahara, S. 12061, 12211 Šugar, I. 4069 Sugawara, H. 11388 Sugawara, K. 4483, 13413 Sugawara, Y. L 8281 Suge, H. 5363, 10277 Sugha, S. K. 1832, 10704 Sugiharto, B. 2076 Sugiharto, B. 2076
Sugimoto, A. 3139, 5749
Sugimoto, K. 5005, 10554
Sugimoto, M. 3819, 4278
Sugimoto, N. 7762
Sugimoto, Y. 3479
Sugimura, T. 8814
Sugimura, Y. 4977
Suginobu, K. 10587
Sugita, M. 1275, 5004, 6166
Sugita, S. I. 11871
Sugiura, A. 3955, 4925-4926, 8483, 12260
Sugiura, K. 6322, 7516 Sugiura, K. 6322, 7516 Sugiura, M. 1275, 3164, 5004, 6166, 13418 6166, 13418
Sugiura, N. 11896
Sugiyama, K. 13244
Sugiyama, M. 1059, 3994,
4105, 5228, 11667
Sugiyama, S. 13034
Sugiyama, T. 304, 2076, 3426,
3550, 9141
Sugiyarta, E. 7350, 8602
Sugrim, V. 6128
Suh, E. J. 12153
Suh, H. D. 3834
Suh, H. S. 9482
Suh, M. C. 5017
Suh, S. G. 12259
Suh, S. K. 9363-9364 Suh, S. K. 9363-9364 Suh, Y. B. 4174 Suh, Y. K. 4737 Suh EunJung 12153 Suh HyoDuk 3834 Suh HyungSoo 9482 Suh MiChung 5017 Suh SangGon 12259 Suh SugKee 9363-9364 Suh YoungBae 4174 Suh YoungKee 4737 Suhaimi Napis 4788 Suhandono, S. 3217 Suharno 13391 Suharson 5010 Suhasini, A. W. 4388 Suhasini, K. 646 Suhendro, E. L. 6732 Suhendry, I. 11165 Sui, F. G. 5517 Sui, S. X. 5028 Sui FangGong 5517 Sui FangGong 5517 Sui ShuXiang 5028 Sujatha, K. 7262

Sujatha, M. 7314, 13367 Sukanya, D. H. 6103, 6740, 7328 Sukhchain 7855, 8601 Sukhorukikh, Yu. I. 3076 Sukhwinder Singh 11777 Sukla, K. C. 9193 Sukno, S. 12315 Sukta, J. 7898 Sukumar Saha 7410 Sukumaran, S. 7722 Sul, I. W. 11248 Sul IllWhan 11248 Sulan-Mominović, G. 9390 Sułek, A. 11621 Sulgrove, S. M. 4117 Sullivan, P. A. 12136 Sultan Singh 10667 Sumadi 2076 Suman, A. 6953 Suman Bisaria 7093 Sumanasinghe, V. A. 6976 Sumangala Bhat 5556 Sumitra Sen 5865, 11282 Summerfielt, K. R. 8504 Summerfield, R. 4285 Summerfield, R. J. 2059, 7749, 12909, 13109 Sulan-Mominović, G. 9390 12909, 13109 Summers, R. W. 7828 Sun, A. Q. 10591 Sun, B. J. 6551 Sun, C. L. 13341 Sun, C. Q. 6771, 11776 Sun, C. R. 8044 Sun, C. W. 45 Sun, D. 5050 Sun, D. 5050 Sun, D. L. 727 Sun, F. R. 5394 Sun, G. C. 9239 Sun, G. L. 220, 9307 Sun, H. 7463 Sun, H. T. 2150, 5040 Sun, H. W. 982 Sun, H. Y. 10851 Sun, J. M. 9434 Sun, J. S. 3377, 8694 Sun, J. Y. 4636, 8238, 9210, 9444 9444 Sun, J. Z. 9922, 11143 Sun, K. J. 6031 Sun, L. 1853 Sun, L. F. 2633 Sun, L. H. 459 Sun, L. H. 459
Sun, L. Z. 156, 4369, 8575
Sun, M. 1619, 12283
Sun, P. T. 2933, 8346, 12074
Sun, Q. X. 5348, 6602, 7753, 7848, 9060, 11633
Sun, S. M. 9750, 10369
Sun, S. S. M. 10996
Sun, S. T. 11657
Sun, T. P. 78, 6481, 8944
Sun, W. G. 564
Sun, W. X. 7793
Sun, X. 8722 Sun, W. X. 7793 Sun, X. 8722 Sun, X. F. 7504 Sun, X. P. 9922 Sun, Y. B. 310 8608, 13079 Sun, Y. C. Sun, Y. F. 1825, 2066 Sun, Y. J. 3571 Sun, Y. S. 8881 Sun, Y. T. 4049 4049 Sun, Y. W. 982 Sun, Y. Y. 4534 Sun, Y. Y. 4534 Sun, Z. D. 9462 Sun, Z. H. 4915 Sun, Z. J. 8438 Sun, Z. K. 7111 Sun, Z. L. 10369 Sun, Z. X. 11824 Sun AQi 10591 Sun BaoJun 6551 Sun CaiLing 13341 Sun ChihWen 45 Sun ChongRong 8044 Sun ChuanQing 11776 Sun DeLing 727 Sun FengRui 5394 Sun GenLou 5665 Sun GuChou 9239

Sun Hang 7463 Sun HanYou 10851 Sun HongTao 2150, 5040 Sun HongWu 982 Sun JianYing 4636, 8238, 9444 Sun JingSan 3377, 8694 Sun JigYing 9210 Sun JiZhong 9922, 11143 Sun KeJuan 6031 Sun Lan 1853 Sun LanZhen 156, 4369, 8575 Sun LiFang 2633 Sun LiHua 459 Sun PeiTian 8346, 12074 Sun PieTian 2933 Sun QiXin 5348, 6602, 7753, 7848, 9060, 11633 Sun ShuMei 9750 Sun SiTai 11657 Sun TaiPing 78, 6481, 8944 Sun WeiGuo 564 Sun WenXian 7793 Sun Xia 8722 Sun XianFeng 7504 Sun XuePiao 9922 Sun YatSen 8881 Sun YiaoBang 310 Sun YiChun 8608 Sun YiWen 982 Sun YongChun 13079 Sun YueFang 1825 Sun YueJin 3571 Sun YuFang 2066 Sun YuTang 4049 Sun YuYing 4534 Sun ZhongHai 4915 Sun ZhongKui 7111 Sun ZongXiu 11824 Sun ZuDong 9462 Sun ZuiJun 8438 Sunairi, M. 3816 Sundaram, P. S. 8228 Sundaram, T. 8031, 8070 Sundaresan, V. 10457 Sundås Larsson, A. 10190 Sundberg, C. 1281 Sundberg, M. D. 303, 3906 Sunderasan, E. 12430 Sunderman, D. W. 1391, 1393, 2400
Sunderman, H. D. 3098
Sundheim, L. 4311
Sung, H. M. 3233
Sung, Z. R. 2342
Sung HuangMo 3233
Sunil, H. K. 4988
Sunil Kumar 578, 656
Sunita, D. 11653
Sunita, D. 11653
Sunita, D. 11653
Sunita, C. 1650
Sunohara, G. 13512
Sunseri, F. 8384
Suntory Limited 8770-8775, 8800-8806
Suo, Y. 9563 2400 Suo, Y. 9563 Suoniemi, A. 3513, 6465 Suparhan, D. 9543 Suphioglu, C. 5668 Suphla Bajpai 3324 Suprasanna, P. 2921, 5201, 10963, 11496 Supriyo Chakraborty 13149 Suprunov, A. I. 2576 Surányi, D. 10912 Sürek, H. 5460 Surek, H. 11814 Surendran, C. 5051 Surico, G. 6013 Surin, B. 3276 Surip Mawardi 9865 Surkova, L. I. 9057 Šurlan-Momirović, G. 10790 Surma, M. 7880-7881, 7885 Surov, T. 4705 Surplus, S. L. 2839, 12614 Suryanarayana, Y. 6751 Suryanvanshi, Y. B. 3596 Suryawanshi, R. P. 10709 Susan, L. 7072 Suseno, R. 12130

Sushil Kumar 1210, 7577, 7593, 7603, 12554, 13588, 13600 Sushma Naithani 6267 Sušić, S. 10730 Sussman, M. R. 10174, 10209 Sussman, M. R. 10174, 102 Suthamathi, P. 8028 Sutherland, K. 5705 Sutherland, M. W. 1400 Sutka, J. 1183, 2462, 5386-5387, 6405, 6637, 9020, 9062, 11591 Sutra, G. 12600 Sutter, E. G. 7187 Suttner, R. J. 9447, 11957 Sutton, R. L. 5454, 10253 Suty, L. 963 Suvagia, P. 1182 Sury, L. 903 Suvagia, P. 1182 Suwwan, M. A. 8377 Suyama, Y. 12483 Suyono 13391 Suzuka, I. 9223 Suzuki, A. 1084, 4271, 10530, 10532 Suzuki, G. 2018, 9572 Suzuki, J. 4582 Suzuki, J. I. 12654 Suzuki, J. Y. 6447 Suzuki, K. 58, 9878, 13435 Suzuki, K. I. 6550 Suzuki, K. I. 6550 Suzuki, M. 1692, 3890, 9141, 12525, 13248 Suzuki, N. 13435 Suzuki, S. 10587 Suzuki, T. 3181, 7708, 9879, 10819, 11014, 12380 Suzuki, Y. 2574, 3819, 4035, 11862 11862 Svab, Z. 5004, 6173 Svačina, P. 11662-11663 Svanella, L. 10922, 10928 Svenning, M. M. 1657 Svenson, M. 13513 Svensson, C. 3261 Svensson, G. 6599 Svensson, G. 6599 Svensson, M. E. 13513 Svensson, P. 3279, 5107 Svensson, R. 7014 Svirskis, A. 2732, 8168 Svitashev, S. 6673, 11886 Swai, R. E. A. 9562 Swain, P. 8063, 11806 Swain, S. M. 3754, 11664, 13123 Swain, W. 4054 Swaisgood, H. E. 3163 Swaminathan, G. 8014 Swaminathan, M. S. 4229, 6425 Swamy, G. S. K. 2860 Swanson, C. S. 1379 Swanson, T. 5189 Swarnkar, A. K. 2868 Swarnlata Kaul 334 Swartz, H. J. 1946-1947, 4810, 12198 Swarup, R. 725 Swati, M. S. 10467 Swati Bharad 8677, 12420 Swati Sakhare 8232 Swedjemark, G. 11206 Sweeney, M. 13197 Sweeney, P. M. 2193, 5659 Sweeney, R. 13624 Sweetingham, M. W. 556 Sweetlove, L. J. 13162 Swennen, R. 9692, 13309, 13311 Swensen, S. M. 3423 Swenson, J. 10365 Swiader, J. M. 1624 Święcicki, W. K. 10687 Świeżyński, K. M. 693-694, 5806 Swindle, M. 8687 Swindle, M. 8687 Swoboda, I. 3287, 7559 Swope, K. 13503 Swords, K. M. M. 1261 Sy, D. A. C. 3403 Syamal, M. M. 3833, 9629 Syamasonta, B. 11043 Sybenga, J. 5712

Sykes, G. R. 2730 Sýkorová, B. 3570 Sylvester-Bradley, R. 4418, 7839
Symington, C. A. 8330
Symons, G. M. 8277
Symons, R. H. 6672, 10332
Synková, H. 2111, 5914, 7386
Syono, K. 70, 562
Sytchenko, V. N. 12365
Sytnik, Yu. V. 6140
Sytsma, K. J. 11503
Szabados, L. 84, 6469
Szabó, K. 1201
Szabo, L. J. 10338
Szabó, Z. 3007, 12186, 12188, 12193
Szafranek, B. 9527 7839 12193 Szafranek, B. 9527 Szafranek, J. 9527 Szajsner, H. 11559-11560 Szała, L. 9782 Szalai, G. 3438 Szalay, L. 3007, 12193 Szani, S. 8354 Szarejko, I. 4452, 4456 Szász, A. 7099 Szatmári, M. 1183 Szczepaniak, M. 6870
Szczyglowski, K. 1664, 11917
Sze, H. 2339, 4241
Szechtman, A. D. 3828, 7061
Szekeli, A. 3154, 4003
Szekeres, M. 10145
Szél, I. 12193
Szelag, B. 12834, 12850
Szelag, J. 12834, 12850
Széll, M. 13212
Szendrák, E. 13521
Szewczyk, D. 9820
Szigat, G. 4449
Szklarczyk, M. 5817, 5819, 5833, 7015
Szkutnik, T. 3152
Szmidt, A. E. 7466, 9961
Szőke, L. 1951
Szołkowska, A. 262 Szczepaniak, M. 6870 Szőke, L. 1951
Szołkowska, A. 262
Szołkowski, A. 2531, 12836
Szota, M. 5281, 6141, 6148
Szota, Z. 6138
Szulc, P. 9783
Szundy, T. 5528
Szunics, L. 11527, 11527
Szuszkiewicz, W. W. 9793
Szwed, G. 11635
Szwed-Urbaś, K. 11528, 11615
Szweykowska-Kulińska, Z. 8141
Szymanowska, E. 10061-10062
Szymański, M. 554
Szymczak-Nowak, J. 4997, 6154
Ta, N. 1905 Ta, N. 1905 Ta Na 1905 Taba, S. 1491, 3549 Taba, S. 1491, 3549
Tabanelli, G. L. 811
Tabar, M. V. 9919
Tabb, A. 10919
Tabe, L. 11511
Tabe, L. M. 7377
Tabei, Y. 774, 4631, 4790, 12217 Tabel, U. 989 Tabera, J. 1973 Tabib, Y. 1102, 6350, 7549 Tabira, H. 12159 Tábor, I. 6305 Tabuchi, K. 8241 Tacchini, M. 3006 Tacchini, M. 3006
Tachibana, S. 263-264
Tachida, H. 7750
Tacke, E. 3185, 6458
Tacket, C. O. 9522
Tada, M. 12378
Tada, S. 12630
Tada, Y. 3611
Tadano, T. 2236
Tadege, M. 948, 9887
Tadeo, M. 9148, 9166
Taderka, I. 5462, 11681
Tadesse, N. 4963
Tadesse, W. 2756, 2765

Tadeusz, S. 12829
Taggard, K. L. 2745
Taghian, A. S. 8264
Taghvaii, M. 11638
Tagliani, L. 5485
Tagliani, L. A. 10376
Tagliavini, M. 12171
Tagore, K. R. 8032
Taguchi, G. 6182
Taguchi-Shiobara, F. 228, 1588, 6398 6398 Taha, I. 7305 Tahara, N. 7305
Tahardi, J. S. 13374
Tahir, M. 12785
Tahmasebi-Enferadi, S. 11037
Tähtiharju, S. 7732
Tahvonen, R. 3863, 4707, Tanvonen, R. 3803, 4707, 12687
Tai, C. Y. 87, 10206
Tai, G. 13171
Tai, P. Y. 12066
Tai, P. Y. P. 2072, 3133-3134, 12347, 12353
Tai ChinYin 87, 10206
Taille G. de la 6075 Tai PonYean 12066
Taille, G. de la 6075
Tain, S. P. 7055
Tain ShuPing 7055
Taing-Aung 3491
Taipalensuu, J. 4945, 6078
Taira, H. 1055, 6186
Tait, R. C. 5184
Tajima, A. 8823
Tajima, F. 1335, 12674, 12679
Tajima, S. 3723
Tajuddin 3317
Takagi, H. 12688
Takagi, N. 4716
Takagi, Y. 1684, 11950
Takahashi, C. 2733, 3306
Takahashi, C. 2733, 3306
Takahashi, H. 5363, 5578, 6485 Takahashi, H. 5363, 5578, 6485, 10277 Takahashi, K. 5125, 8241, 9267, 10657 Takahashi, M. 3611, 8789, 10545, 11183, 11183
Takahashi, N. 1692, 2792, 5585
Takahashi, R. 2086, 3717
Takahashi, S. 4539, 7893
Takahashi, T. 1315, 11418, 12642 12642 Takahashi, Y. 1692, 13431 Takahata, Y. 9393, 10644, 12076 Takai, R. 8336 Takai, T. 10587 Takaiwa, F. 228, 383, 10530, 10532 Takalkar, N. G. 12009 Takamiya, K. 8244
Takamiya, K. I. 7107
Takamura, T. 8814 Takamura, T. 8814
Takamure, I. 4548
Takanami, Y. 4718
Takane, K. 3723
Takano, Y. 12064
Takaoka, K. 2876
Takasaki, T. 7279, 12279
Takase, K. 11111
Takashima, K. 3426
Takashina, T. 10819
Takaso, T. 1052
Takata, K. 2465
Takats, J. 1063
Takatsu, A. 2958, 5921-59 Takats, J. 1063
Takatsu, A. 2958, 5921-5922
Takatsuji, H. 6348, 7548, 10141
Takatsuto, S. 2353, 6507, 10145
Takayama, S. 2018, 3964, 9572
Takayama, S. Y. 5674, 6872
Takayanagi, K. 3965, 9999, 11014, 13183
Takeda, G. 7762
Takada, K. 2516, 4459, 5352, 5363, 5450, 10277, 12794
Takeda, N. 1581
Takeda, S. 958, 5005 Takeda, S. 958, 5005 Takeda, T. 1008, 4745, 4802, 7045, 11122

Takeda, Y. 2741-2743, 4762, 11907 Takeda-Yoshikawa, Y. 8390 Takeda-Yoshikawa, Y. 839 Takei, K. 9141 Takele, A. 4592 Takemoto, Y. 417 Takeoka, Y. 3825, 10554, 12526, 13562 Takeshita, M. 4718 Taketa, S. 273, 3418, 5352 Takeuchi, M. 8281, 12378 Takeuchi, Y. 593, 11936 Takeya, M. 10629 Takhtadzhyan, S. A. 1361 Takin, K. 4479
Takken, F. 12110
Takken, F. L. W. 9605
Takumi, S. 10366 Takusagawa, S. 384, 10534 Tal, M. 5934 Tal, Y. 2142, 13469 Talaie, A. R. 12264, 13339 Talamè, M. 2977 Talavera, S. 5082 Talbert, L. 4441 Talbert, L. E. 5334, 11618 Talbot, M. 5825, 11602 Talbot, N. J. 467 Taleci, A. R. 12886
Taliaferro, C. M. 3595, 10595
Taliansky, M. E. 8652-8653
Taliercio, E. W. 12879 Talke, I. 8315 Tallman, G. 8647
Talluri, P. 12904
Talpău, R. 3154, 4003
Talukdar, B. S. 1554, 6739, 10519, 10522 Talukdar, B. S. 1554, 6739, 10519, 10522
Talukdar, H. 8034-8035
Talukdar, K. 5865
Talukdar, M. C. 11257
Talukdar, P. 761, 13217
Talukder, F. A. 9289
Tam, A. 7835
Tamagnone, L. 7545
Tamaki, K. 6550, 9878
Tamaoki, M. 2117, 9246
Tamás, L. 4463, 12803
Tambong, J. T. 7027, 8306
Tamg, X. Z. 9638
Tamiya, E. 10366
Tamiya, E. 10366
Tamoi, M. 4745, 7045
Tamrakar, P. 12339
Tamulonis, J. 2808
Tamulonis, J. P. 598, 3734
Tamura, K. 1616
Tamura, M. 4922, 4925, 8483
Tan, A. 6387, 11358, 11366, 11372, 11513
Tan, A. \$11366, 11368, 12178, 12267
Tan, B. 13557
Tan, B. C. 5505
Tan, D. Y. 11575 Tan, B. C. 5505 Tan, D. Y. 11575 Tan, F. R. 3931 Tan, G. L. 3931 Tan, G. X. 9265 Tan, H. 11162, 11164 Tan, H. T. W. 3254 Tan, K. H. 1398, 6780, 7804 Tan, M. Z. 5599 Tan, P. 3931 Tan, Q. 5168 Tan, S. 10176 Tan, S. H. 1294 Tan, T. M. 7091 Tan, W. X. 8718 Tan, X. F. 2937 Tan, Y. D. 5888 Tan, Y. F. 4542 Tan, Y. J. 2804, 4636 Tan, Y. P. 2049, 6097, 13310 Tan, Z. B. 2646 Tan BaoCai 5505 Tan Beng 13557
Tan DeYong 11575 Tan FengRong 3931 Tan GongLiang 3931 Tan GuangXuan 9265 Tan Hong 11162

Tan KeHui 1398, 6780, 7804 Tan MuZhen 5599 Tan Ping 3931 Tan Qi 5168 Tan SiangHee 1294 Tan TaiMing 7091 Tan WeiXing 8718 Tan-Wilson, A. 3779 Tan-Wilson, A. 3779
Tan XiuFang 2937
Tan YuanDe 5888
Tan YuJun 2804, 4636
Tan ZhenBo 2646
Tanabe, F. 383
Tanahashi, M. 3730
Tanaka, A. 82, 3520, 4025, 6334 6334 Tanaka, H. 4021 Tanaka, K. 58, 192, 1049, 5578, 6485 Tanaka, M. 927, 2086, 8814, 12086 12086
Tanaka, M. A. de S. 6916
Tanaka, N. 13556
Tanaka, R. 3520
Tanaka, R. T. 6916
Tanaka, S. 429, 8954
Tanaka, Y. 3994, 7728, 9412, 10924, 12377, 12673
Tanaka-Ueguchi, M. 13428
Tandan, J. P. 3465, 3492, 5306 Tandon, J. P. 3465, 3492, 5395, 6640 Tandre, K. 13513
Tanesaka, E. 10080, 10084
Tanev, T. 10313
Tang, B. W. 4534
Tang, C. 11916
Tang, C. B. 8127
Tang, C. Y. 9691, 9700
Tang, D. S. 13518
Tang, D. Z. 2675
Tang, F. A. 3294
Tang, G. L. 48
Tang, H. S. 9434
Tang, H. V. 12907
Tang, J. 8817, 13026
Tang, J. H. 7937
Tang, K. X. 11858
Tang, M. Y. 5592
Tang, Q. Y. 1401, 5614
Tang, S. 13222 Tandre, K. 13513 Tang, S. 13222 Tang, S. H. 5589, 10539 Tang, S. H. 5389, 10539
Tang, S. Q. 403, 1566, 11824
Tang, S. X. 448, 2655
Tang, S. Z. 2647, 12974
Tang, W. 91, 12083
Tang, W. G. 330
Tang, W. Y. 8348
Tang, W. Y. 8348 Tang, X. D. 8675 Tang, X. D. 8675
Tang, X. R. 5576
Tang, X. X. 7576, 10052
Tang, Y. 9394
Tang, Y. G. 10539
Tang, Z. L. 3093, 8510
Tang BoWei 4534
Tang ChengBin 8127
Tang DengSong 13518 Tang ChengBin 8127
Tang DengSong 13518
Tang DingZhong 2675
Tang GuiLiang 48
Tang Jian 8817, 13026
Tang JiHua 7937
Tang KeXuan 11858
Tang MingYuan 5592
Tang QiYuan 1401, 5614
Tang ShaoQing 1566, 11824
Tang ShengXiang 448, 2655
Tang ShiHao 5589
Tang ShuZhu 2647 Tang ShuZhu 2647 Tang ShuzHu 10539 Tang ShuZhu 12974 Tang Wei 12083 Tang WeiYu 8348 Tang WenGuang 330 Tang XiangRu 5576 Tang XianZhi 9638 Tang XiHua 8054 Tang XiuDi 8675
Tang XunXiang 7576, 10052
Tang YuGeng 10539 Tang ZhangLin 8510 Tangmitcharoen, S. 2165 Tangolar, S. 13298

Tanguay, M. 8761 Tanguay, R. L. 4348, 10241 Tanguy, X. 3100, 13362 Taniguchi, K. 4442 Taniguchi, M. 3333, 9141 Taniguchi, T. 3825, 12526, 13562 Tanisaka, T. 233, 1118, 6839, 8065, 8100, 8818, 10546 Taniyama, T. 7738 Tanizoe, C. 9028 Tanki, M. I. 5950-5951, 12115 Tanki, M. I. 5950-5951, 12. Tanksley, S. 12107, 13207 Tanksley, S. D. 756, 1818, 1820, 4757, 5930 Tanner, G. J. 10367 Tanno, K. 1588 Tanno, N. 707 Tano, S. 82, 6334 Tanoue, H. 365 Tansi, S. 12566 Tanskanen, J. 6465 Tantaoui El-Araqi, K 3272 Tantau, H. 247 Tantau, H. 247 Tantau, H. 247
Tanwar, R. K. 4995
Tanzer, M. M. 965
Tanzini, M. R. 6251
Tao, A. L. 396
Tao, D. C. 10004
Tao, D. U. 3599 Tao, D. Y. 433, 3607 Tao, J. M. 8447 Tao, R. 3073, 4925, 8483 Tao, W. H. 12388, 12931 Tao, Y. 5615 Tao, Y. S. 6617 Tao, Y. Z. 9188, 10509 Tao AiLin 396 Tao DaYun 433 Tao DayUn 3599 Tao DaYun 3607 Tao DongCai 10004 Tao JianMing 8447 Tao WeiHai 12388 Tao WenHua 12931 Tao Yan 5615 Taoka, K. I. 7786 Taparia, M. 4007 Tapia, F. 12580 Tapia, M. E. 13623 Tarafdar, J. 5637 Tarailo, R. 10945 Tarakanovas, P. 2700 Taramino, G. 2498, 5548, 10370 Tar'an, B. 1627 Taran, S. A. 10481
Tarang, A. 11832
Taranto, P. 2948, 6703
Taraschi, T. F. 6442
Tarasenko, L. V. 788
Tarasenko, O. O. 3794
Tarasov, V. A. 5236
Taratufolo, C. 7212
Taravira, N. 779, 12707
Tarawali, S. A. 6896
Tarayre, M. 8854
Tarchini, R. 10866
Tardieu, F. 3521
Tardy, F. 10322
Tarek, C. G. 10381
Targon, M. L. P. N. 10967
Tarkowski, C. 2447, 7920, 10345, 11635, 12832
Tarricone, L. 9677 Taran, S. A. 10481 Tarricone, L. 9677 Tarsem Lal 1855, 2974, 5917 Tartarini, S. 807, 9642, 12154, Taruschio, L. 3903 Tasaka, M. 79, 8951 Tasaka, T. 789 Tasaka, Y. 7728 Taschetto, O. M. 6719 Tase, K. 6864 Taséi, J. N. 9466 Tashev, A. 4069
Tashi Dawa 7790, 7813
Tashiro, K. 3890
Tashiro, Y. 720, 775, 790, 2923, 2926, 12060, 12117
Tateishi, M. 12065

Tateno, Y. 11388, 12674 Tatham, A. S. 182, 6626 Tatlioglu, T. 718-719 Tathogiu, 1. /18-/19
Tattini, M. 8545, 12191
Taubes, C. H. 12691
Tauer, C. G. 5070, 12469
Taufik, S. 11146 Taunous, I. D. 5621 Taunous, I. D. 5621
Taura, S. 12053-12055
Taurick, G. 12131
Tausz, M. 13514
Tautz, D. 39
Tauzin, V. 2191
Tava, A. 5700
Tavares, J. A. 7241
Tavares de Oliveira E Tavares de Oliveira, F. H. 2582 Tavazza, M. 3842 Tavazza, R. 3842 Tavazza, R. 3842
Tavert-Roudet, G. 8651
Tavladoraki, P. 10380
Tavoletti, S. 1164, 2736, 8175, 8177, 8180
Taware, S. P. 2795, 9435, 9440
Taya, R. S. 3140
Tayde, R. D. 1559
Taye Kufa 3159
Taylor, A. A. 4150
Taylor, C. B. 2557
Taylor, D. C. 13357
Taylor, D. R. 123
Taylor, G. A. 1384-1385
Taylor, G. E., Jr. 1044
Taylor, G. J. 3491, 7847
Taylor, I. 1816 Taylor, I. 1816 Taylor, J. 335, 5747-5748 Taylor, J. D. 2831 Taylor, J. E. 8461, 8647 Taylor, J. F. 6242 Taylor, J. J. 3400 Taylor, J. R. N. 335, 11611 Taylor, K. 8427 Taylor, M. 12703 Taylor, M. 12703
Taylor, M. A. 1053, 4098, 5796
Taylor, N. 1067, 9544
Taylor, N. J. 7019, 12048
Taylor, N. L. 2748, 2751, 5699
Taylor, P. E. 11438
Taylor, P. W. J. 3785, 13627
Taylor, R. A. 8681
Taylor, R. D. 4485
Taylor, R. M. 7709
Taylor, S. 1114 Taylor, S. 1114 Taylor, S. A. 3756 Taylor, S. C. 6413 Taylor, S. L. 32 Taylor, W. C. 3276, 3280-3281, 13559 Tayyar, R. 11870
Tchango, J. T. 9698
Tchetkova, S. A. 10668
Tchoundjeu, Z. 1013
Te Lintel Hekkert, B. 6518
Teakle, D. S. 595
Teasdale, R. 13604
Teasdale, R. D. 8715, 11196, 11198, 13506
Tebbets, J. S. 3073, 6069
TeBeest, D. O. 6838
Teeri, T. H. 11677
Teetes, G. L. 3439, 9201
Tegeder, M. 8938
Tegli, S. 13567
Tehrani, G. 7157 Tayyar, R. 11870 Tehrani, G. 7157 Teichmann, T. 282, 4484 Teissedre, P. L. 3919 Teisson, C. 11170 Teixeira, M. C. C. 5463 Teixeira, M. G. 3741 Tejbir Singh 6563 Tekauz, A. 5448
Tekrony, D. M. 4626
Telek, E. 1181
Téllez, P. 11063
Telyuk, P. 13188
Temesgen, B. 13504
Tempkh, S. 364, 376
Temple, S. J. 9326 Templeton, G. E. 6834, 6837 Ten Have, A. 7080 Ten Lohuis, M. 5114 Tendulkar, A. V. 13110

Teng, M. C. 4156 Teng, P. S. 13018-13019 Teng, Q. 967 Teng, R. G. 12157 Teng, S. 6772 Teng, S. M. 1928 Teng, W. L. 1133, 4156, 4164, 7235, 7567, 10745
Teng, W. M. 4568
Teng, Z. Q. 10882 Teng RenGuei 12157 Teng Sheng 6772 Teng ShuMing 1928 Teng WeiLi 10745 Teng WeiMin 4568 Teng WheiLan 1133, 4156, 7235, 7567 Teng ZhaoQing 10882 Tenhaken, R. 7113 Tenkouano, A. 12249 Tennant, D. 1404 Tennant, P. 13327 Tennessen, D. J. 12646 Tenning, P. 5003 Tensina, T. V. 5305 Tenuta, A. U. 6917 Tenzer, I. 3876 Teo, Y. H. 3639 Teparkum, S. 10744 Tepfer, D. 5022 Tepfer, M. 2311, 4206, 7388, 13412 Tepperman, J. M. 10187 Tepachi, T. 195, 711, 6398, 9549, 12065 Terada, E. 3816 Terada, R. 372, 12935 Terahara, N. 720 Terahara, N. 720 Terakado, K. 1581 Teramoto, T. 8305 Terao, H. 423 Terao, T. 4674 Terashima, T. 4442 Terauchi, R. 57, 4713, 5843, Terzian, C. 3384 Terziiski, D. 10742 Terziisky, D. 10742 Tesema, T. 12767 Tesema, T. 4433, 11532, 11600 Teshome, A. 2614 Tessereau, S. 9862 Testolin, R. 1954, 1956, 4886, 4894, 4900, 4902, 7213, 9681 Testoni, A. 3034 Tetali, S. 2624-2625 Tetens, I. 2663 Tetsumura, T. 3954 Teuber, L. R. 2745, 13046 Teulat, B. 1451, 4310, 9103 Teulières, C. 7432 Teverson, D. M. 11964 Tevzadze, G. 4340 Tewari, A. N. 5405 Tewari, K. K. 7644, 10684 Tewes, A. 10196 Tézenas-du Montcel, K. 13307 Thacker, R. R. 13230 Thakare, C. S. 13092 Thakaral, N. K. 2020, 2068-2069, 8513, 8516, 8523-8524, 8587 Thakur, B. S. 609 Thakur, D. P. 5563, 6742

Thakur, J. C. 5872, 9573 Thakur, M. C. 7047 Thakur, M. P. 10659 Thakur, R. P. 3597, 9204, 10520-10521 Thakur, S. 7308 Thakur, S. R. 10518 Thakur, S. S. 12770 Thaminy, S. 153 Thammaiah, N. 7115 Thanassoulopoulos, C. C. 9612, 10832 Thangaraj, M. 1579, 12979 Thangaraj, T. 11334 Thangavelu, S. 8551 Thankappan, M. 2915 Thao, D. M. N. 1170 Thapa, M. P. 617 Thapa, M. P. 617 Tharp, J. E. 9367 Tharp, J. E. Jr. 9441 Tharreau, D. 3604 Thaxton, P. 6202 Thaxton, P. M. 3199, 6226-6227, 6244, 13474, 13477, 13481 Thayer, N. 11389 Thé, C. 11744 Theilade, I. 5150 Theiler, R. 7052 Thelen, H. 1771 Theodorides, C. 3983 Theologis, A. 11450 Theunissen, B. H. 9877 Theuri, J. M. 327, 9185 Thévenot, C. 313 Thiagarajah, M. R. 9796 Thiaw, S. 3768 Thibaud, M. C. 950 Thibodeau, P. O. 4836, 4868 Thieme, R. 691, 6987 Thieme, T. 7871 Thies, J. A. 1849, 2972, 13271 Thies, J. A. 1849, 2972, 132 Thiessen, L. L. 1409, 12717 Thijs, H. 10388 Thisted, S. H. 2663 Thimmaiah, S. K. 9614 Thimmegowda, S. 1685 Thind, S. K. 1950, 6063 Thinh, N. T. 12688 Thion, L. 6498 Thipyapong, P. 4769 Thiruthanigasalam, K. 8546 This, D. 15, 1451, 3521, 9103 This, P. 10947 Thiyagarajan, K. 12965, 12968 Thomar, S. 7578 Thomas, A. 6381 Thomas, B. 232, 2498, 2839, 3176, 5871, 12614 Thomas, B. R. 4564, 9222, 11187-11188
Thomas, C. E. 1858, 5963, 10787, 10845
Thomas, C. M. 3841, 4772, 120000, C. M. 3841, 4772, 12000, C. M. 3841, 4772, 12000, C. M. 3841, 12090 12090 Thomas, D. 8345 Thomas, D. J. 3728, 9367-9369, 9441, 10632-10633, 10663 Thomas, E. 3321 Thomas, G. 5767, 8284 Thomas, H. 284, 498, 1289, 1630-1631, 2717, 3675, 5647, 8148 Thomas, H. M. 1630-1631, 3675, 5657 Thomas, I. D. 497, 2687, 8139 Thomas, J. 2410, 4441, 13595 Thomas, J. B. 4436, 5326, Thomas, J. B. 4436, 5326, 10303-10304, 11640
Thomas, J. C. 2187
Thomas, J. E. 486, 13318
Thomas, M. 28, 13294
Thomas, P. 1857, 1992, 8450
Thomas, P. E. 3797, 4702 Thomas, P. E. 5/97, 4/02 Thomas, S. 8449, 10487 Thomas, S. C. 858 Thomas, T. 55 Thomas, T. H. 923, 3147 Thomas, T. L. 7718, 10758 Thomas, W. 4467, 5443 Thomas, W. G. 5705

Thomas, W. T. B. 11678, 12802 Thomas-Compton, M. 5545 Thomashow, M. F. 89, 5258, 7734 Thomazelli, L. F. 10774 Thomé, G. C. H. 5463, 6681 Thome, J. 10672 Thome, J. 10672
Thommen, A. 7156
Thompson, A. 1816
Thompson, A. E. 6113
Thompson, A. J. 4379
Thompson, D. 1639
Thompson, G. A. 5965
Thompson, H. 5242
Thompson, J. D. 3684 Thompson, J. D. 3684, 8854 Thompson, J. P. 1445 Thompson, M. M. 10905 Thompson, P. G. 2900, 2908, 8333 Thompson, R. 104, 1246, 7640, 9145, 11389 Thompson, R. D. 675, 4688 Thompson, S. W. 3284 Thompson, T. E. 7257-7258 Thompson, T. N. 12924 Thompson, T. T. 6070 Thompson, W. F. 619, 965, 1718, 3757, 8275, 8636 Thompson, W. K. 899 Thompson-Johns, A. 4689, 9530 Thomsen, S. B. 2469 Thomson, A. B. 11978 Thomson, F. M. 5426 Thomson, J. A. 8605 Inomson, J. A. 8605 Thomson, K. G. 13318 Thomson, M. 1796 Thomzik, J. E. 5925 Thonat, C. 4759 Thoppil, J. E. 4196 Thoquet, P. 7081 Thorat, A. 8017 Thordal-Christensen, H. 4462, 4464 4464
Thörn, E. 7657
Thornburg, R. 10155
Thornton-Wood, S. 4132
Thorpe, M. A. 10935
Thorpe, R. S. 6147
Thorpe, T. A. 6543, 9594
Thorrup, T. A. 1819
Thothathri, K. 10628
Thottappilly, G. 3721, 3771, 10717, 13306
Thresh, J. M. 5177
Thro, A. M. 2888, 9544
Thseng, F. S. 5605, 5725, 6904
Thseng FuSheng 5605, 5725, 4464 Thseng FuSheng 5605, 5725, 6904 Thu, T. T. 10207 Thuleau, P. 6498 Thulke, O. 7597 Thurling, N. 13138 Thurn, J. 4148 Thurn, J. 4148
Thurston, C. F. 3337, 10082
Thykjær, T. 557-558
Thykjær, T. 5708
Thysen, I. 7629
Tiagi, Y. D. 7645
Tian, B. 4616
Tian, C. 11795
Tian, F. Y. 9634
Tian, G. W. 8834
Tian, H. O. 11790 Tian, H. Q. 11790 Tian, J. Y. 12263 Tian, J. Z. 1368 Tian, P. Z. 13079
Tian, P. Z. 13079
Tian, T. L. 439
Tian, W. Z. 6759
Tian, X. H. 2641
Tian, Y. C. 3205 Tian, Z. 10421 Tian, Z. H. 7291 Tian Bing 4616 Tian Chang'en 11795 Tian FengYing 9634 Tian GuoWei 8834 Tian HuiQiao 11790 Tian JingYi 12263 Tian JunZhang 1368 Tian PeiZhan 13079 Tian TingLiang 439

Tian WenZhong 6759 Tian XiaoHai 2641 Tian YingChuan 3205 Tian YingChuan 3203 Tian-you, C. 4413 Tian ZhiHong 7291 Tibbot, B. K. 12780 Tie, S. G. 10463 Tieman, D. M. 12102 Tiemann, H. 691, 6987 Tien, P. 3659
Tienderen, P. H. van 2378
Tietz, O. 4484
Tiffin, P. 12516
Tigelaar, H. 3743
Tigerstedt, P. M. A. 2239, 2278, 6259
Tikader, A. 7214, 9684
Tikhonov, A. 3433, 7759
Tikhonov, V. A. 7165, 7167
Tikhonovich, I. A. 6948, 10686
Tikhonovitch, I. A. 10668
Tilghman, J. A. 626
Till-Bottraud, I. 4107
Tillard, P. 5014, 6174
Tilley, K. A. 1383-1385, 9051
Tilquin, J. P. 3649
Tilstone, G. H. 1097, 2217
Tilyard, P. A. 4065
Timberlake, J. R. 13499
Timberlake, W. E. 11404
Timerjanov, A. S. 2184
Timin, N. I. 2885, 5821
Timko, M. P. 1720 62.59 Timko, M. P. 1720 Timmerman-Vaughan, G. 624 Timmerman-Vaughan, G. M. Timmerman-Vaughan, G. M. 4654
Timmermans, M. 10451
Timmermans, M. C. P. 295
Timmis, J. N. 3268
Timmis, K. A. 1026
Timmis, R. 1026, 13502
Timms, E. 1663, 5646
Timofeeva, I. I. 2872
Timon, B. 12183, 12188
Timpte, C. 10176
Tinchant, C. 876
Ting, Y. C. 10470
Tingey, W. M. 1742-1743
Tinker, N. A. 12800
Tinland, B. 1277
Tiongco, E. R. 13018-13019
Tippit, B. 4155, 12537
Tirichine, L. 5690, 8172
Tirimanne, T. S. 289
Tirosh, T. 13319
Tischler, C. R. 3592
Tischner, T. 213
Tisová, V. 162
Tisserat, N. A. 2192, 10595
Titarenko, E. 3407, 10203
Titatarn, S. 10487
Tits, M. 9837
Tiwari, K. R. 2844, 3760
Tiwari, R. R. 2844, 3760
Tiwari, R. R. 16120, 11066 4654 Tiwari, K. R. 2844, 3760 Tiwari, R. J. 6120, 11066 Tiwari, S. C. 9489 Tiwari, S. P. 11941 Tiwari, V. K. 1412 Tixier, M. H. 9029, 10275, 11543 Tiznado, M. E. 1815 Tjaden, J. 10165 Tjallingii, W. F. 1743 To, V. 5688 Toaima, N. 1083 Toben, H. 1188 Toben, H. 1188
Tobias, A. M. 112-113
Tobin, E. M. 10194
Tobita, S. 11840, 12987
Toboła, P. 9804
Tobut, K. R. 2005, 8396, 9744
Toda, F. M. de 7202
Toda, Y. 9989
Todd, J. W. 3988
Todd, T. C. 13066
Todesco, G. 1507
Todo, T. 5228
Todorov, I. 5425
Todorov, T. 10313
Todorov, T. S. 7417
Todorov, Y. 3849
Todorova, I. 10683

Trunova, V. V. 806

Todorova, L. 10471 Todorova, M. 3111, 11646 Todorova, T. 3849 Todorova, V. 10313 Todorova, Y. 10683 Todorova-Trifonova, A. 9849 Todorović, G. 10356, 10790 Todorović, R. R. 10907 Todorovich, G. 10356 Todorovska, E. 4457 Tognetti, J. A. 3490 Tohme, J. 606, 1791, 9232, 9470, 10977, 13178 Toit, F. du 11650 Toit, L. J. du 1526, 2596, 4512, 12893 Toivonen, P. M. A. 8331, 13197 Tokatlidis, I. S. 11690 Toker, C. 10708, 10712 Toki, S. 383, 6833 Toki, S. 383, 6833
Tokuhisa, J. G. 2358, 10205
Tolay, I. 3542, 4373
Toldi, É. 5544, 11738
Toldi, O. 4707
Toledo, R. S. 12941
Toledo, R. T. 10768
Tolessa, B. 2567, 10358
Tolin, S. A. 3733
Tollenaar, M. 6720
Tolstrup, K. 12039
Tolstrup, K. 12039
Tolstrup, N. 2334
Tomar, J. B. 8, 8066, 10716
Tomar, N. S. 10648
Tomar, S. M. S. 4475
Tomaru, N. 1055, 3247, 11183, 12483
Tomàs, X. 4191 Tomàs, X. 4191 Tomášková, D. 8351, 9771 Tomáso-Peterson, M. 9322 Tomasoni, C. 8169, 10604, Tomasović, S. 5323, 9068-9069, 10243, 10255-10256, 12715 Tomažic, I. 7189 Tomazin, E. 1196 Tomazin, E. 1196
Tomback, D. F. 11199
Tombolato, A. F. C. 8809
Tomei, C. E. 11756
Tomekpe, K. 9698, 13307
Tomer, E. 8864, 13317
Tomer, Y. S. 1734, 5779, 10667
Tomesius, A. 7744
Tomes, D. T. 5552, 10510
Tomes, L. J. 1379
Tomeu, A. 11055
Tomičić, B. 5518
Tomimoto, Y. 4549
Tomita, M. 3303, 3303, 10267, 11549
Tomiuk, J. 12674, 12674 T1549
Tomiuk, J. 12674, 12674
Tomiyama, M. 10366
Tomizawa, K. I. 1292, 11122
Tomkins, J. P. 3714
Tomlin, E. S. 13516
Tomlinson, K. 8279
Tommasini, R. 6517 Tomlinson, K. 8279
Tommasini, R. 6517
Tommiska, T. J. 9537
Tomooka, N. 6976, 10629
Tomos, A. D. 741, 1601
Tomov, N. 5479
Tomsett, A. B. 12375
Tonelli, C. 1508, 2573, 6695
Tonetti, I. 2816
Tong, D. 4330
Tong, D. X. 11361
Tong, H. 6205 Tong, D. X. 11361 Tong, H. 6205 Tong, N. 5944 Tong, Q. Q. 9855 Tong, W. 5733 Tong, Y. H. 464, 10570 Tong DaXiang 11361 Tong Hua 6205 Tong QiQing 9855 Tong Wang 5733 Tong YunHui 464, 10570 Tonouchi, N. 4676
Toojinda, T. 4467
Tooke, F. 10018
Tooley, P. 9534
Toonen, M. A. J. 2886, 4284
Tootle, T. L. 11467

Top, J. L. 7660 Topalova, V. 11256 Töpfer, R. 871 Toppan, A. 12600 Toppi, L. S. di 5970 Topping, J. F. 2346 Toppo, R. 8099 Töpsch, S. 1464 Torabi, M. 4432 Torabinejad, J. 8976 Torbert, K. A. 5457-5458, 12612, 12814 Toribio, M. 5058 Toriik, M. 3038
Toriik, K. U. 12642
Torikai, S. 2336, 4708
Torisky, R. S. 3715
Toriyama, K. 2012, 2018, 3614, 6521, 11011, 11838
Torné, J. M. 6314 Tornero, P. 3839, 5926 Toro, O. 10672 Torrance, J. K. 2614
Torre, C. de la 1795, 4726, 10220 Torrecillas, M. 10475 Torreggiani, D. 3032 Torregrosa, L. 12236-12237 Torres, A. M. 6922, 9467 Torres, A. M. 6922 Torres, G. A. 5529 Torres, I. 9725 Torres, J. 13395 Torres, J. P. 5754 Torres, J. T. 41 Torres, L. 1296 Torres, M. A. 11700 Torres, V. 1669 Torres Navarro, H. 11280 Torres-Ruiz, R. A. 6487 Torres-Ruiz, R. A. 6487 Torres Ruiz, R. A. 13629 Torresán, A. 11036 Torricelli, R. 5695 Torrigiani, P. 13441 Torrizo, L. 11857 Torrizo, L. B. 10561 Torun, B. 198, 3542, 4373 Toscano, V. 9476 Tosi, L. 8538 Tosti, N. 6963 Tosun, M. 10584, 10588 Tosti, N. 6963
Tosti, N. 6963
Tostin, M. 10584, 10588
Tóth, E. 1161
Tóth, E. C. 11899
Tóth, K. L. 1183
Tóth, L. 1181
Tóth, M. G. 2995
Totok, A. D. H. 11765-11766
Totskiĭ, D. V. 5305
Totskiĭ, D. V. 5305
Totsky, V. N. 12719
Toucebeuf, O. 5502
Touchebeuf, O. 7934
Touhami, A. O. 3657
Touraev, A. 126, 2102
Tourmente, S. 11417
Tourneur, C. 2099
Tourte, M. 13415
Tourvieille de Labrouhe, D. 4974, 7317
Tous, J. 1244, 7248, 8542, 11042
Tousch, D. 3113 Tousch, D. 3113 Tousignant, M. E. 7084 Towers, G. H. N. 6402 Towill, L. E. 10861 Townley-Smith, T. F. 4326, 10303 10303
Townsend, A. M. 4080
Townsend, E. C. 5993
Toy, J. J. 2607-2609, 3591, 10502, 12906
Toyama, H. 12578
Toyama, N. 12578
Toyoda, H. 10826-10827
Toyofuku, K. 11807
Toyoshima, Y. 4500
Toyota, M. 9041, 9253
Tozawa, Y. 5578, 6485
Tozuka, A. 5728, 9373, 9436, 11938 Traas, J. 3396, 8176, 12631 Trabucco, A. 6594

Tracy, W. F. 4509, 5543, 11709, 12893 Traczyk, Z. 7911 Tragnago, J. L. 11953 Traineau, R. 2589, 6867 Trainotti, L. 824, 10837 Trajkovski, K. 4842 Trajkovski, V. 2984, 3905 Tran Nghia 8548 Tran Thi Thuy Hoa 11162, 11166-11168 Tranbarger, T. J. 2185 Tranquilli, G. 9050 Traore, A. 4012 Traore, O. 5634 Traore, O. 5634
Trautmann, I. A. 7205
Travaglini, S. 6594
Traveset, A. 9668
Travis, J. W. 1910
Travis, R. L. 4051
Tregear, J. 13370, 13372
Treglia, A. S. 6638
Tréhin, C. 2104
Tremblay, M. F. 1036, 5071
Trensch, A. 911
Trentini, L. 8388
Trethewey, R. N. 4691, 1203 Trethewey, R. N. 4691, 12030, 13162 Trethowan, R. M. 4413 Treuren, R. van 2331 Trevanion, S. J. 3281 Trevaskis, B. 5247 Trevaskis, B. 524/ Trevathan, L. E. 3503 Treviño, M. B. 9602 Trevisan, M. 1943 Trevorrow, R. M. 8225 Trewavas, A. J. 2357, 12518 Triantaphylidès, C. 7068 Triassi, M. 9819 Tribulato, A. 4151, 7561, 113 Triassl, M. 9819 Tribulato, A. 4151, 7561, 11300 Trick, H. N. 3372, 8240, 11930 Trick, M. 134, 880, 12270 Trieu, A. T. 4597 Trifonova, A. 4457 Triggs, C. M. 4711 Trigiano, R. N. 33 Trigo, J. G. 1548 Triki, M. A. 7000 Triller, C. 3497 Trimnell, M. R. 10422-10424 Trimnell, M. R. 10422-10424
Trindade, L. M. 6982
Trinh, T. H. 2739, 6880
Trip, R. 10116
Tripathi, A. K. 8565
Tripathi, B. K. 6118, 6134
Tripathi, I. D. 2428
Tripathi, S. K. 2070, 12339
Tripathi, S. P. 9270
Tripathi, U. K. 13387
Tripathy, P. 673, 2824, 8266
Tripathy, S. 6818
Trivedi, H. B. P. 910
Trivedi, P. K. 6267, 11189
Trněná, L. 5161
Troccoli, A. 6586, 6592-6593 Troccoli, A. 6586, 6592-6593, 11541 Troggio, M. 12473 Trognitz, B. 8327 Trognitz, B. R. 9555 Troidl, E. M. 10009 Troitskaya, L. A. 7585 Troitskii, A. V. 6946 Trolinder, N. 974, 6230 Trombetta, R. 1468 Tronchet, M. 9897 Tronsmo, A. M. 1459 Tropical Grasslands 8870, 10097 Troshin, L. P. 837, 7203 Trostiet, M. 9029 Trouslot, P. 932, 7319, 8629, 9863, 13331 Troyer, A. F. 307, 11719 Truchet, G. 9330 Truco, M. J. 9654 Truesdale, M. R. 8378 Trujillo, L. E. 11063 Trukhanov, V. A. 960, 6713 Trunov, I. A. 2986 Trunov, Yu. V. 7135 Trunova, V. A. 6007, 10880

Truong, X. H. 13018 Tsaftaris, A. S. 5488, 6404, Tsait C. J. 11089, 11175, 11186
Tsai, C. L. 3575
Tsai, C. Y. 3575
Tsai, F. Y. 2832 Tsai, M. L. 3434 Tsai, W. T. 7564, 8819 Tsai ChiuHo 4030 Tsai ChungJui 11186 Tsai FongYing 2832 Tsai MeiLin 3434 Tsai MeiLin 3434
Tsaktsira, M. L. 9612
Tsankova, G. 10359
Tsarev, A. P. 9950
Tsay, H. S. 5132, 9266, 11339
Tsay, J. Y. 11175
Tsay, Y. F. 2330
Tsay HsinSheng 5132, 9266
Tsay YiFang 2330
Tschöpe, M. 1207
Tsegaye, B. 3363
Tsegaye, S. 5320, 11600 Tsegaye, S. 5320, 11600 Tseng, P. F. 12066 Tseng, S. T. 2631-2632, 2634 Tseng PeyFeng 12066 Tsenov, N. 4372, 6630, 10257, 10259-10260 10259-10260
Tsevegsüren, N. 3285
Tseveleva, O. N. 1652, 3448
Tsikov, V. S. 12890
Tsiouvaras, C. N. 8131
Tsolova, V. 3044, 7209
Tsou, C. H. 13077
Tsou, S. C. S. 9500
Tsou ChihHua 13077
Tsoulpha, P. 10990
Tsuchida, T. 4676
Tsuchiya, S. 802, 5986 Tsuchida, T. 4676 Tsuchiya, S. 802, 5986 Tsuda, M. 6824 Tsuda, S. 7102 Tsuge, M. 2086 Tsuge, T. 3425 Tsui, F. 1326, 11467 Tsuji, H. 3520, 8241 Tsuji, R. 3520, 8241 Tsuji, K. 157 Tsuji, T. 10575, 11856 Tsujimoto, H. 4446, 5319, 6571, 6616, 11885 Tsukamoto, C. 1686 Tsukamoto, T. 6349 Tsukaya, H. 1320, 12633, 12645 Tsukiboshi, T. 10508 Tsumura, Y. 1055, 11183, 11209, 12483 Tsunewaki, K. 150, 6398, 6608, 6631 Tsunoda, S. 4305 Tsurkanenko, N. G. 5984, 10957 Tsurumi, K. 12483 Tsurushima, T. 593 Tsutsui, K. 1082 Tsutsui, N. 382, 384, 387, 402, 1290, 7028, 10534, 11784, 12940 Tsutsumi, T. 9292 Tsvelev, N. N. 6870 Tsvetkova, N. M. 10177 Tsvetova, M. I. 332 Tsymbalenko, I. N. 10482 Tu, H. M. 10996 Tu, J. 4490, 11849, 11857 Tu, J. 4490, 11849, 1 Tu, J. C. 2818 Tu, J. X. 4954 Tu, K. G. 1040 Tu, L. C. 2066 Tu, Z. P. 5601, 9248 Tu Jenn 4490 Tu JinXing 4954 Tu KeGao 1040 Tu LiChuan 2066 Tu ZengPing 5601, 9248 Tuberosa, R. 2492, 5531, 7898, 10453-10454 Tubesing, C. E. 5996 Tucci, M. 687

Tuchimine, Y. 3638 Tuchin, S. V. 2471 Tucić, B. 13576 Tucker, G. A. 7057, 9598 Tucker, G. A. 7057, 959
Tucker, M. L. 10816
Tucker, S. C. 5292
Tuckey, J. 4223
Tudor, M. 2332
Tudose, I. 7195
Tufail, M. 9492
Tugnoli, V. 8624, 9836
Tugwell, N. P. Jr. 3204
Tuinen, D. van 625
Tuinstra, M. R. 1539, 55 Tuinstra, M. R. 1539, 5558, 11751 Tuleen, N. A. 3444
Tuli, R. 6267, 11189
Tullu, A. 1730, 6955, 11999, 12005 Tulmann Neto, A. 7534 Tulu, L. 11715 Tumbleson, M. E. 12585 Tumer, N. 2123 Tunçtaner, K. 12452 Tunen, A. J. van 11296, 13184, 13402 Tunnela, O. E. 959
Tuomainen, J. 2957
Tuomela, K. 997, 7433
Tupinambá, E. A. 11041
Tupitsyn, N. V. 169
Tuppale, S. 561
Turakulov, Z. T. 7147
Turan, T. 717
Turano, F. J. 11929
Turcanu, P. 7195
Turchetta, T. 4398
Turchetti, T. 3077
Turci, P. 1933, 3026, 3029, 12212
Turcinelli, S. R. 7721, 1142 Tunnela, O. E. 959 Turcinelli, S. R. 7721, 11428 Turco, D. 8544 Turcotte, E. L. 2129, 13449 Turelli, M. 128 Türemiş, N. 4830 Türemiş, N. 4830 Turetschek, E. 8702 Turgeon, R. 954 Turgut, I. 6209 Turgut, I. 12860 Turi, M. 4973 Türk, Z. 10697 Türkan, I. 13570 Turkhede, A. B. 1559 Turkington, R. 3697 Turner, B. L. 9346 Turner, F. T. 12924 Turner, H. C. 4670 Turner, H. C. 4670 Turner, I. M. 3254 Turner, J. 8945 Turner, J. A. 5402 Turner, J. C. 8504 Turner, J. G. 1328, 8934 Turner, K. J. 2349 Turner, L. 1713, 2831 Turner, L. B. 8214 Turner, M. F. P. 7822 Turner Ettlinger, D. M. 7569 Turok, J. 6257
Turovtsev, N. I. 3015, 10903
Turovtseva, N. N. 3015, 10903
Turovtseva, V. A. 3015, 10903
Turpeinen, T. 220, 2519
Turrini, A. 12143
Turšić, I. 6175, 9894
Turuspekov, Y. 5083, 12570
Tuskan, G. A. 6271
Tutela Ambientale 9464
Tutois, S. 11417
Tutt, C. R. 1379
Tuttle, A. 10159
Tuvesson, S. 3146, 6673, 12611 Turok, J. 6257 Tuttle, A. 10159
Tuvesson, S. 3146, 6673, 12611
Tuyl, J. M. van 1115, 1338,
4151, 11279, 11296-11298,
11301-11302, 11304, 1130611307, 11313
Tuzcu, Ö. 12258
Tvarůžek, L. 2467
Twary, S. N. 530
Twell, D. 10201, 10810, 11439
Twigg, P. 4079
Twumasi, J. K. 1968 Twumasi, J. K. 1968

Tyagi, A. P. 7459 Tyagi, B. R. 7577, 7593, 10055 Tyagi, B. S. 11623 Tyagi, C. S. 12711 Tyagi, M. 11643 Tyagi, M. C. 9492 Tyagi, P. D. 3500, 4428 Tyagi, R. K. 3097 Tyagi, S. 10009 Tyagt, S. 10009
Tyankova, N. 4349
Tyerman, S. D. 13085
Tykarska, T. 9781
Tyler, J. M. 5726
Tynan, K. M. 13527
Tyrach, A. 1090
Tyrnov, V. S. 2571, 10426, 10455
Tys. J. 9704, 11635 10455
Tys, J. 9794, 11635
Tyulkina, L. G. 695
Tyul'kina, L. G. 12040
Tzafrir, I. 12612
Tzanoudakis, D. 11289
Tzekova, Z. 12303
Tzen, J. T. C. 3124, 10544
Tzfira, T. 3219, 3249, 7443-7444 Tzortzakakis, E. A. 8456 Tzuri, G. 13241 Uberoi, S. K. 11777 Ubonprasert, B. 11948 Uchida, H. 3425, 8336 Uchida, M. 6000, 12165 Uchida, N. 5350 Uchimiya, H. 361, 1320, 12633, 12645 Uchiumi, T. 13108 Uchiyama, K. 11907 Uchiyama, T. 9341, 12117 Uchkunov, I. 9838-9840 Uchkunova, K. 9838-9840 Uchneat, M. S. 1886-1887, 7114 Uckun, F. 2123 Ud-Din, J. 2665 Udaka, K. 11935 Udatsu, T. 10548 Uday Bhan 5776-5777 Udom, G. N. 3773 Udupa, S. M. 4667, 11993, 12588 Udvardi, M. K. 13085 Uebersax, M. A. 5747-5748 Ueda, H. 4789 Ueda, K. 7441 Ueda, T. 9223 Ueguchi, C. 7708 Uehara, H. 9292 Uehara, K. 4021 Uematsu, T. 10508 Uemoto, S. 1062 Uemura, M. 89 Uemo, K. 11580 Ueno, Y. 5496 Ugale, S. D. 3596 Ugarte, M. L. 1770, 6996 Ugawa, Y. 5215 Uggenti, P. 11962 Uguru, M. I. 6961 Ublig I. 1820, 5930, 1216 Uhlig, J. 1820, 5930, 12107, 13207 Uhm, T. Y. 8583 Uhm TaikYong 8583 Uhr, D. V. 5542 Uhrig, H. 6458 Ulmari, A. 3753, 4655 Ulmari, P. 11473 Ujihara, A. 1618, 4544, 8113 UK, John Innes Centre & Sain-sbury Laboratory 13615 UK, National Institute of Agricultural Botany 1760, 2010, 2085, 6556, 7263, 8234 203, 0336, 7263, 8234 UK, Royal Horticultural Society 2227, 3302, 5124, 7563, 10038, 12538, 13577 Ukai, Y. 4280, 11669, 12064 Uknes, S. 965, 10487 Ukneskit K. 2000, 2008 Ukoskit, K. 2900, 2908 Ukwungwu, M. N. 9217, 9219 Ulanovsky, S. M. 1944 Ulburghs, F. 8463

Ullah, Z. 1888 Ulloa Ulloa, C. 11193 Ullrich, S. E. 1454, 1461, 5440, 7894, 12800 7894, 12800 Ulmasov, B. 51, 4237 Ulmasov, T. 2789, 12608 Ulrich, D. 908, 911, 2286, 2294 Ulrich, K. 3751 Ulubelde, M. 11368 Um, B. Y. 12501, 12514 Um BoYoung 12501, 12514 Uma Menon 6621 Umaharan, P. 751, 933-934, 4016, 8296, 8633 Umaharan, R. 4014 Umaid Singh 1735, 10689 Umamaheswari, P. 4589 Umeda, H. 7708 Umeda, M. 361 Umeda, N. 12228 Umehara, Y. 365, 379 Umemoto, S. 12173 Umemura, T. 6791, 8043 Umemura, T. A. 11807 Umeyama, M. 4789 Umeyama, M. 4789 Umoh, C. D. 1600 Umoren, U. E. 13143 Únal, F. 1110, 2222, 6354 Únay, A. 6209 Underwood, N. C. 8260 Unger, L. M. 3508, 5419 Ungerer, M. C. 3107 Ungureanu, N. 1138 Unkefer, P. J. 530 Unnikrishnan, M. 2906 Ungeld M. 6477 Unseld, M. 6477 Uozu, S. 233 Uozumi, N. 4267 Uozumi, T. 8642 Upadhaya, L. P. 8034-8035 Upadhya, M. D. 2907 Upadhyay, M. D. 681 Upadhyaya, H. D. 2054, 3984, 6101 Upadhyaya, M. K. 8331 Upadhyaya, N. M. 388, 12710, 13020 13020 Upadhyaya, Y. M. 2 Upadyshev, M. T. 829 Upasani, V. N. 1590 Uphoff, M. D. 572 Uppal, G. S. 5917 Uppal, S. 221, 11586, 11598 Uppström, B. 9800 Uprety, D. C. 7283, 7300 Ur-Rahman, H. 2991 Ur-Rahman, L. 6379 Ur-Rahman, L. 6379 Urabe, A. 8334 Uragami, A. 5897 Urao, T. 2356, 10167 Uratsu, S. L. 3073, 3294, 6069 Urazaliev, R. A. 11514 Urban, P. 44 Urbina A. R. 7961 Urechean, V. 9173 Uribe, X. 11700 Uribe-Salas, D. 13115 Urošević, D. 7836 Urrea, C. A. 13117 Ursache, C. 10468-10469 Urwin, N. A. R. 3737 Urwin, P. E. 1265, 6520 USA, American Society for Horticultural Science 3349-3350 USA, Cooperative Forest Genetics Research Program 8861 USA, National Cotton Council of America 6407-6408, 13618 USA, Plant Variety Protection Office 7667, 10121 USA, Purdue Research Foundation 8401 USA, Rutgers State University of New Jersey 7500-7501 of New Jersey 7500-Usha, K. 859 Usoltseva, M. Y. 9533 Uspenskiř, G. B. 788 Ustach, C. 2330 Üstün, A. S. 2971 Utami, N. 1096

Uteush, Yu. A. 2283 Uthappa, M. 12101 Utku, H. 4371 Utley, P. R. 1516 Utsugi, S. 12626 Utsunomiya, N. 4926, 12260 Uttam, S. K. 1419 Utz, H. F. 3589 Uusitalo, V. 12687 Uvah, I. I. 12129 Uwer, U. 12635 Uyenoyama, M. K. 4287 Uzbekova, S. V. 698 Uzé, M. 4161, 4537 Užík, M. 7843, 8181-8182, 8212 Uzun, I. 861, 12233 Vaccino, P. 4355 Vachon, G. 11455 Vachůn, M. 9374 Vacke, J. 1466, 6674, 7765, 9114 9114
Vacková, K. 6268
Vadivel, V. 4679
Vageeshbabu, H. S. 12286
Vagg, J. M. 12491
Vagg, L. W. 12491
Vaglio, M. del 12208
Vágner, M. 13494
Vágújfalvi, A. 2462
Vahab, M. A. 10840
Vahala, J. 13491
Vahidy, A. A. 12533
Vaičiūnienė, J. 1146
Vaidya, U. J. 8520
Vaidyanathan, P. 8037, 822 Vaidyanathan, P. 8037, 8228, Vail, M. E. 4882 Vail, P. V. 3073, 6069 Vaillancourt, R. E. 996, 7436 Vain, P. 5580, 5636, 6761, 6844, 11785 Väinölä, A. 1070 Väinölä, R. 9945 Vainstein, A. 1091, 2213, 3219, 3249, 5105, 7110, 7443-7444, 7490, 7525, 9628 7449, 7510, 7110, 7443-7470, 7525, 9628
Vaishampayan, A. 11383
Vaishlya, O. B. 11981
Vaishnavi, R. 2431
Vaisnienė, V. 5447
Vaissière, B. 1930
Vaistij, F. 10751
Vaistij, F. E. 4206
Vaïtilingom, M. 10242
Vaitkūnienė, V. 5447
Vaitsis, T. 8139
Vajeika, A. 2532
Vajranabhaiah, S. N. 11051
Vakalounakis, D. J. 1831
Vakhitov, V. A. 6605, 9011
Valachovič, A. 3053
Valadés C., M. C. 769
Valadier, M. H. 950, 11130
Valarmathi, G. 6781
Valcheva, D. 5424
Valcheva, D. 5424
Valcheva, D. 11325 Valcheva, D. 4457, 5424 Valcke, R. 11835 Valdez, G. 1590 Valdez, J. G. 1944 Valdez, M. 4553 Valdivia, G. 13154 Valè, G. 6656, 12793 Val'ekho-Roman, K. M. 6946 Valenghi, D. 4502 Valenta, R. 5911, 6326 Valente, P. 7609, 12388 Valenti, L. 1937 Valentine, J. 5460 Valentine, T. A. 3800 Valentine, W. J. 5231 Valentini, P. 5685-5686 Valenzuela, E. 3344 Valerio, J. R. 1646 Valero, J. 6925 Valero, M. 13401 Vales, M. 3600-3601, 3604, 3606, 3645 Vales, M. I. 2546 Valete, C. 3930

Valicente, F. H. 4507 Valieva, R. D. 8274 Valík, J. 4312 Valjavec-Gratian, M. 3531 Valjavec-Gratian, M. 3531 Valkonen, J. P. T. 1779, 4701, 9537, 10752, 11333 Valkov, V. T. 9903 Valkov, V. T. 9903 Vallavieille-Pope, C. de 4434 Valle, C. B. do 10596 Valle, G. 455, 3613 Valle, R. R. 8630, 8632 Valle, T. L. 10762 Vallejos, C. E. 11972 Vallejos, R. H. 6603 Vallélian-Bindschedler, L. 9093 Vallin K. 685 Vallin, K. 685 Vallone, S. 8258 Valmayor, R. 7216 Valon, C. 76 Valpuesta, V. 5108, 7069, 12218
Valtchev, V. 3044
Valverde, R. A. 12128
Vamshidhar Puppala 3484
Van, K. T. T. 1170
Van Arkel, G. 4795, 12154
Van Berkum, P. 3742
Van Berloo, R. 4218
Van Blokland, R. 5114, 13424
Van Bockstade, E. 8144
Van Bockstaele, E. 1515, 5522, 6861, 7491, 8142
Van Breusegem, F. 11732. 12218 Van Breusegem, F. 11732, 12699 Van Bruchem, J. 442 Van Bruchem, J. 442 Van Caeneghem, W. 10563 van Camp, W. 13436 Van Campenhout, S. 4299, 5364, 10625, 11516 Van Cleve, B. 85, 6509 Van Coller, L. 3414 Van Creij, M. G. M. 1119, 11306 11306 Van Daelen, R. 1464 Van Dam, N. M. 8839 Van Damme, E. J. M. 713, 3925, 4905 Van de Cotte, B. 1304 Van de Lindeloof, C. P. J. Van de Lindeloof, C. P. J. 4816-4817, 4866 Van de Velde, W. 11921 Van de Waart, A. J. P. 4828 Van de Weg, E. 1912 Van de Weg, W. E. 1934, 4862-4863 4863 Van de Wetering, F. 2218 Van de Wiel, C. 38, 12084 Van den Berg, C. 3397 Van den Berg, C. G. J. 886 Van den Berg, J. 1550, 11752 Van den Berg, P. M. M. M. 12029 Van den Berg, R. G. 6995-6996, 9508 Van den Boogaart, T. 10128 Van den Borre, A. 1644 Van den Bosch, J. 4607 Van den Bosch, N. 8931 Van den Broeck, D. 5115 Van den Broeck, L. 1875 Van den Daele, H. 7711 Van den Driessche, R. 3221 Van den Heuvel, J. 1780, 7393 Van den Houwe, I. 6044, 9692 Van der Bank, F. H. 13519 Van der Bank, H. 1159, 13585 Van der Bank, M. 1159, 13519, 13585 Van der Beek, J. G. 13175 Van der Gaag, D. J. 219 Van der Gaag, D. J. 219 Van der Geest, A. H. M. 11693 Van der Heijden, R. 5136 Van der Heyden, C. R. 1923 Van der Hoek, M. 2218 Van der Klei, I. 4787 Van der Knaap, E. 4560 Van der Lans, A. M. 11294 Van der Lee, F. M. 1266, 3411 Van der Lee, T. 1464, 12111

Van der Leedge-Plegt, L. M. 11296 Van der Meer, I. M. 13184, 13402 Van der Merwe, L. L. 855 Van der Merwe, P. J. A. 8580 Van der Mescht, A. 5034 Van der Meulen-Muisers, J. J. M. 11304 Van der Scheer, H. A. T. 5175 Van der Schoot, C. 5025 Van der Steen, W. J. 10232 Van der Straeten, D. 454, 10563, 11432 Van der Voort, J. N. A. M. R. 6981 Van der Voort, J. R. 9538 Van der Vossen, E. 9538 Van der Vossen, H. A. M. 9873 Van der Wal, A. F. 4703-4704 Van der Westhuizen, A. J. 1412 Van der Westhuizen, M. C. 1550 Van der Wilk, F. 1780 Van der Woude, K. 6696 Van Deventer, C. S. 5369 Van Deynze, A. E. 12709 Van Dijk, H. 11088 Van Dijk, V. 2101 Van Dijken, F. R. 2219 Van Doorn, W. G. 11286 Van Doorsselaere, J. 6265, 7447 Van Druten, M. 6156 Van Dun, K. 5435, 11128 Van Duren, M. 13305 Van Eck, H. J. 6981, 6995, 10749 Van Eeuwijk, F. A. 7670-7671, 7675, 11294 Van Eldik, G. J. 2101, 2932 Van Esbroeck, G. A. 6194, 9176, 9203 9176, 9203 Van Gaal, T. M. 13558 Van Geest, J. 1126 Van Ginkel, G. 962 Van Ginkel, M. 4413 Van Griensven, L. J. L. D. 1223-1224, 7619 Van Groenendael, J. M. 111, 8880 Van Gysel, A. 6472 Van Haaren, M. J. J. 9584 Van Harmelen, M. J. 11291, 11302 Van Harten, A. M. 4681 Van Haute, A. 5989 Van Heerden, F. R. 11160 Van Hengel, A. J. 10759 Van Herpen, R. M. A. 2932 Van Heusden, A. W. 4795, 12154 Van Hien Pham 5593 Van Hintum, T. J. L. 3814, 5191 Van Hoof, A. 945 Van Houkelingen, A. 5116 Van Kammen, A. 1817, 2755, 2886, 2886, 4047, 4659, 7059, 10759, 13208 Van Kampen, M. 11427 Van Kan, J. A. L. 7080 Van Klink, J. W. 1208 Van Kronenburg, B. C. M. Van Laecke, K. 6861, 8142 Van Lammeren, A. A. M. 2585, 12283 Van Lammeren, A. M. 2893 Van Leeuwen, W. M. 1966, 2096 Van Lent, J. W. M. 5025 van Leur, J. A. G. 12801 Van Leuven, F. 713, 3925, 4905 Van Loo, E. N. 8145 Van Lookeren Campagne, M. M. 875, 4026, 5863, 7109, 9563, 11309 Van Loon, L. C. 7393 Van Mechelen, J. 12784 Van Mechelen, J. R. 239

Van Montagu, M. 68, 454, 1304, 1488, 2101, 2335, 2769, 3373, 3388, 3411, 3641, 4740, 5115, 5719-5720, 6455, 6472, 6699, 6927, 7447, 7453, 7546, 7711, 8176, 8924, 9350, 9474, 9949, 10215, 10563, 11432, 11472, 11732, 11835, 11921, 12699 12699 van Montagu, M. 13436 Van Norel, A. 1784 Van Oeveren, J. C. 10824, 11304 Van Onckelen, H. 998, 10172 Van Ooijen, J. W. 8966 Van Oost, N. 1700 Van Oosten, J. J. M. 2350 Van Oostveen, W. J. F. 2585 Van Putten, F. M. S. 12561 Van Raamsdonk, L. W. D. 6361, 11312 Van Rensburg, J. B. J. 1522, 7999, 9183 7999, 9183 Van Rensen, I. 6319 Van Rheenen, H. A. 5772, 6952, 9493, 12002 Van Rhijn, P. 5688, 13057 Van Rijbroek, P. C. L. 4866, 5121, 11294 Van Roekel, J. S. C. 3743 Van Rompaey, J. 6423 Van Sanford, D. A. 1379 Van Silfhout, C. H. 13175 Van Sint Jan, V. 2670 Van Soest, L. J. M. 5191 Van Staaveren BV 1107, 8776, 8810-8811 Van Staden, J. 13589 Van Staveren, M. 3388 Van Tienderen, P. H. 2378 Van Treuren, R. 2331 Van Tuinen, D. 625 Van Tunen, A. J. 11296, 13184, 13402 Van Tuyl, J. M. 1115, 1338, 4151, 11279, 11296-11298, 11301-11302, 11304, 11306-11301-11302, 11304, 11306-11307, 11313 Van Vleek, L. D. 9130 Van Vliet, A. 1535 Van Waes, C. 1515, 9298 Van Waes, J. 1515, 5522 Van Welzen, P. C. 6367 Van Went, J. L. 1119, 4144 Van Wert, S. 6441 Van West, P. 12038 Van Wijk, J. 6430 Van Wyk, A. E. 9960, 13499 Van Wyk, B. E. 1159, 11160, 13585 13585 Van Zandvoort, P. 1781 Van Zandvoort, P. M. 6981 Van Zee, K. 249 Van Zyl, J. L. 11178 Vanaja, M. 12309 Vanathi, A. 8026 Vancanneyt, G. 3407 Vance, C. P. 530, 2801, 11898 Vančetović, J. 1494, 2544 Vanchetovich, E. 2544 Vandekerckhove, J. 454 Vanden Berg, P. J. 1455 Vandenberg, A. 1725 Vandenberg, A. 1725 Vandenbosch, K. A. 10612 Vandenbranden, K. 13311 Vandenbussche, B. 12364 Vander Stappen, J. 4299, 10625 Vanderborght, T. 9352 Vanek-Krebitz, M. 3424 Vanetten, H. D. 1721 Vang-Petersen, O. 12205 Vange, T. 9259 Vanichwattanarumruk, N. 5749 Vanina, L. S. 12150 Vanisree, G. 2650, 12327 Vanlerberghe, G. C. 22 Vanniarajan, C. 6957, 8061,

Vannozzi, G. P. 4973, 11037, 12311 12311
Vanparys, L. 4188, 13186
Vanstone, V. A. 9080
Vansuyt, G 7298
Van't Klooster, J. W. 7080
Vantaggi, A. 7160
VanToai, T. T. 573
Vantscheva, V. 4743
VanWinkle, P. 12891
Vanyushina, T. N. 11072
Vanya L. 9098 Vanyushina, T. N. 110 Vapa, L. 9098 Varela, F. 6421, 6664 Varela, O. I. 2817 Varenik, B. F. 6724 Varga, I. 11553 Varga, P. 9300 Varga, W. A. 1112 Varga, P. 9300 Varga, W. A. 1112 Vargas, F. 7254 Vargas, F. J. 6064, 6071-6072, 9743-9744 Vargas, J. 10672 Vargas, M. 11602 Vargas, P. 11258 Vargas, T. E. 7574 Vargas Hernández, J. J. 7471, 13501 Varghese, T. M. 3764 Vargnese, T. M. 3764 Varma, A. 4995 Varma, N. S. 7269 Varma, O. P. 8514 Varma, S. 11138, 11411 Varman, P. V. 8551, 12328 Varner, G. V. 5747-5748 Varon, R. 9617 Varougaux, F. 10146 Varón, R. 9617 Varoquaux, F. 10146 Varro, P. 6930 Varshney, R. K. 5331, 9013 Vasal, S. K. 2548-2549 Vasconcellos, C. A. 10483 Vasconcelos, J. O. L. 9810 Vasdinyei, R. 5544, 11738 Vasić, M. 10676 Vasić, N. 7948 Vasil, I. K. 183, 3560, 7640, 8905 Vasil, I. K. 183, 3560, 7640, 8905 Vasil, V. 3560 Vasilenko, R. K. 2990 Vasilevsky, V. A. 5821 Vasilj, D. 4508, 7764, 8858 Vasiljević, Z. 10730 Vasquez, A. 11855, 11857 Vasseur, J. 2942 Vassilevska-Ivanova, R. 12303 Vassiliou, A. G. 12137 Vasudevan, K. 2869 Vasudha Pant 3320, 7587 Vaucheret, H. 942, 964, 2315, Vaucheret, H. 942, 964, 2315, 13416, 13420 Vauclare, P. 9486 Vaughan, D. 350 Vaughan, D. A. 449 Vaughan, H. E. 1114 Vaughton, G. 3256, 10026 Vavilov, N. I. 11358 Vaz Patto, M. C. 9467 Vaz Patto, M. C. 9467 Vazquez, A. 38 Vázquez, A. M. 6929 Vázquez, G. L. M. 6346, 8799 Vázquez, J. F. 2443 Vázquez-Flota, F. 1150 Vázquez-Lobo, A. 7467 Vázquez-Ramos, J. M. 299 Vázquez-Rovere, C. 9583 Vázquez-Santana, S. 8975 Vázquez-Santana, S. 8975 Vazquez-Tello, A. 3488, 4408, 7851 Vear, F. 895, 4965, 4968, 4974, 7317, 12310 Vecchio, A. del 6586 Vecchio, M. 8362 Vecchio, M. 8362 Věchet, L. 1439 Vedel, F. 755, 4028 Veenhuis, M. 4787 Veenstra, R. 2218 Veerangouda Patil 11051 Veeranna, R. 3777, 13145 Vega, J. 5190 Vega, J. M. 4361, 9017, 11546 Vega, M. P. de la 5715, 10673 Vega, S. 11900

Veignie, E. 8414 Veilleux, R. E. 2874, 4692, 10744 Veisz, O. 213, 5392, 9062, 11527 Veisz, O. B. 6637 Veit, B. 7940 Veitch, N. C. 11995 Veitía, N. 3929 Vekemans, X. 4282, 6312, 6535, 11975 6535, 11975 Velasco, L. 882, 7294, 9786-9787, 11019, 13360 Velasco, P. 11743, 12901 Velasco, R. 2103, 7575 Velasquez-Valle, R. 3745 Velayudhan, K. C. 5567 Velazhahan, R. 8098 Velde, W. van de 11921 Veldhuyzen van Zanten, J. E. 4821 4821 Veldkamp, J. F. 12570 Velema, R. A. J. 4703-4704 Velez, J. J. 10679 Velich, I. 6930 Velioğlu, E. 12468, 12479 Velle, A. 2201 Velle, R. 2201 Velle, R. 2201 Vellekson, D. J. 11880-11881 Vello, N. A. 3726, 9397 Vello Dantas, A. C. 5497 Velozo, J. 7239 Velusamy, M. 8031 Veluthambi, K. 1567 Vemmos, S. 12252 Venable, D. L. 121 Venczel, G. 7103 Vender, C. 1164 Vendramim, J. D. 745, 1532, ou24 Vendramin, G. G. 3235, 6297, 11197, 12473, 13505 Vendrell, M. 803 Vener, A. V. 8358 Venette, J. R. 2819 Venette, J. R. 2819 Venkatachalam, P. 2057, 4678, 6104, 8303, 8569, 8577 Venkatachalam, S. R. 11760 Venkataiah, M. 6241, 9929 Venkateshaiah, H. V. 12244 Venkateswarlu, S. 12889 Venmadhi, S. 12952 Venter, H. J. T. 9318-9319 Ventura. M. 800, 809 Ventura, M. 800, 809 Ventura, M. U. 599 Ventura Martín, J. de la C. 6038 Venu, C. 1754 Venugopal, M. S. 8025 Venugopal, R. 6966 Venugopalan, C. 2295 Venuto, B. C. 902 Veprev, S. G. 4004-4005, 11083, 12363 Vera, P. 3839, 5926 Vera Graziano, J. 4651-4652, 6937-6938 Veramendi, J. 1999 Verbeek, W. H. J. 5861 Verbelen, J. P. 7609, 12388 Verbič, J. 5645, 6717 Verbitskaya, T. G. 10363 Verbottskaya, I. G. 1036 Verbondsnieuws 2200 Verboom, G. A. 13039 Verbruggen, N. 1304 Verbyla, A. P. 1375 Vercesi, A. E. 11428 Verchot, J. 2127 Verdcourt, B. 4186 Verde, I. 7160, 10918 Verde, L. A. 9523 Verde-Star, J. 769 Verdeil, J. L. 13370 Verdejo-Lucas, S. 6055 Verderio, A. 2553, 2588, 2592, 7924 Verdijk, R. 2219 Verdoodt, L. 5989 Verdú, M. 7261, 10995 Vereijken, P. F. G. 13175 Veremis, J. C. 1836

Vereshchagina, V. A. 1651 Vergani, P. 5225 Vergara, C. 4264 Vergara, N. 2548-2549 Vergari, G. 4978 Vergati, G. 12321 Vergote, N. 734-735 Vergunst, A. C. 12621 Verhaegh, D. 995, 8698 Verhaegh, J. 9642 Verhaegh, J. 9642 Verhaegh, J. J. 12154 Verhees, J. A. 2886 Verkerk-Bakker, B. 1784 Verma, B. R. 3101 Verma, D. K. 8280 Verma, D. P. S. 1322, 5722 Verma, G. S. 12106 Verma, H. D. 6120 Verma, K. P. 10659 Verma, K. S. 920, 1994 Verma, K. S. 920, 1994 Verma, O. P. 8515 Verma, R. 7701 Verma, R. C. 4139 Verma, S. 5472, 6977 Verma, S. R. 4404, 7818 Verma, V. S. 2905 Verma, Y. S. 334 Vernet, P. 11081, 13401 Vernhettes, S. 2108, 2315, 4024, 4040 4024, 4040 Vernieri, P. 3524, 12301 Vernon, J. 2541 Vernooij, B. 10487 Veronesi, F. 1164, 2736, 3263, 4131, 4578, 5658, 6884, 8171, 8175, 8177-8178, 8180, 10605 Verpoorte, R. 1171, 5136 Verrier, J. L. 6187, 11136 Vershinin, A. V. 3418, 3445, 3512, 3514, 4304, 4346, 7058 Versteeg, M. 11744 Vertucci, C. W. 854 Verulkar, S. B. 657 Ververidis, P. 7071 Verwoerd, T. C. 11128 Verzea, M. 1138 Verzilin, A. V. 7135 Veselinović, Z. 8616-8617, 8619 Vestrheim, S. 4857 Veteläinen, M. 1450 Vetter, S. 1152, 1180, 12558 Vettore, A. L. 4571 Veuskens, J. 946 Vezvaie, A. 12264 Viader, V. 9385 Vian, A. 5919 Vian, C. 5919 Viana, J. M. S. 51 Viana, P. A. 7982 Viane, R. 11325 Vicario, F. 3235 Vicchi, V. 1961, 5985 Vicedo, M. 6529 Vicente, F. M. P. 8093-8094 Vicente, M. C. de 7254, 9654 Vicente, O. 126 Vicente-Carbajosa, J. 6653, 9142 9142 Vichukit, V. 701 Viciedo, L. 1995 Vicient, C. M. 3554 Vicini, E. 2816 Vick, B. A. 4969 Vida, G. 4396 Vidaković, M. 1494, 1494 Vidal, A. A. 12928 Vidal, J. 1170 Vidaver, A. K. 5213 Vidavsky, F. 9608 Videla, G. W. 6240 Vidhyasekaran, P. 5182 Vidigal, M. C. G. 9597 Vidrine, P. R. 6248 Vidya, C. S. S. 4780 Vidyasagar, P. B. 8449 Viégas, J. 10798 Viegas, W. 5466 Vieira, C. 10761, 12049 Vieira, M. A. 10761, 12049

Vieira, M. do C. 708 Vieira, M. L. C. 4933, 5710 Vieira, N. R. 8105 Vieira, R. D. 8247 Vieira, R. de M. 3197, 9915, 9918, 9924 Vieitez, A. M. 4938, 6315, 8742 Vielle-Calzada, J. P. 6492, 11437 Vierling, E. 5218 Vierstra, R. D. 3534, 4250, 4470, 10163 Viertel, K. 7819 Viet Xuan Nguyen 9552 Vieths, S. 1920 Vigh, L. 687 Vignali, C. 746 Vignani, R. 1941, 6100 Vigneron, P. 8698 Vigneron, T. 2269 Vignols, F. 6758 Vignutelli, A. 8962-8963 Vigon, C. 5022 Vigouroux, A. 8713 Viguier, D. 1715 Viinamäki, T. 4707 Vijay Kumar 920 Vijay Mishra 2255 Vijaya, M. 4002 Vijaya, M. 4002 Vijayachandra, K. 1567 Vijayakumar, C. H. M. 6770, 12923, 12942, 12944, 12950, 12958, 12997-12998 Vijayakumari, K. 4679 Vijayan, K. 4903, 7214, 9683-9684, 12245 Vijayan, P. 11470 Vijaykumar, R. 6774, 6821 Viji, M. M. 1579 Vijn, I. 5736 Vikal, Y. 11777 Vila, R. 4191 Viladomat, F. 1172 Vilaine, F. 13412 Vilchez, J. 13332 Vil'danov, I. M. 9011 Vilhar, B. 3671 Viljanen-Rollinson, S. L. H. 8283 \$283 Viljoen, A. M. 11160 Villa, B. 2676 Villa, M. 5548 Villalobos, F. J. 3976, 11028 Villalobos, V. M. 7007 Villamide, M. J. 3527 Villand, J. 6996 Villand, P. 5432 Villani, P. J. 2838 Villanueva, J. M. 62 Villar, A. del 1740 Villar, A. del 1740 Villar, M. 1353, 3220, 8708 Villareal, R. L. 3462 Villareal, S. 13018 Villarreal, J. 769 Villarroel, R. 3388, 7711 Villaseñor, J. 1491 Villegas, F. 13395 Villegas-Sepúlveda, N. 480 Villineuve, F. 5835 Villiota B., J. V. 2001 Vimala, B. 2901, 10769 Vinay Kumar 2082 Vinay Mahajan 7944 Vincelli, P. 1645 Vincenciová, R. 6484 Vincent, M. A. 10619 Vincent, M. A. 10619 Vincent, R. M. 1166 Vincitorio, O. 6592 Vindhiyavarman, P. 10506, 12329 Vindimian, M. E. 7190 Vineet Kumar 1832, 10704-10705 Viñegla, B. 3850 Vinegia, B. 3830 Vinhadelli, W. S. 5755 Vining, K. 13252-13253 Vining, T. F. 3882 Vinita Lakkawar 12919 Vinke, H. 1781 Vinocur, B. 3219 Vinod Kumar 6953

Vinod Sangwan 3764 Vir, O. 348, 9241 Virág, J. 930 Viraktamath, B. C. 6770, 8051, 9238, 12923, 12942, 12944, 12950, 12958, 12962, 12997-12998 Virgilio, M. de 2823, 12397 Virk, D. S. 11761 Virk, K. S. 3140 Virmani, S. S. 6775, 6777, 9238, 10540, 12925, 12941, 12948, 12962 Virober, G. 5763 Viroben, G. 5763 Viruel, M. A. 10920, 10934 Virumäe, K. 6339 Virunae, K. 6539 Virupakshappa, K. 2035, 12302 Visarada, K. B. R. S. 11818 Visconti, A. 1523 Visessuwan, R. 3260 Vishal Nath 7458 Vishnarayan Mooleedhar 4010 Vishnarayan Mooleedhar 4010 Vishnevetsky, M. 9628 Vishnevetsky, N. 7110 Vishnoi, R. K. 1556 Vishnyakova, Kh. S. 214, 2484 Vishnyakova, M. A. 5276 Vishwanath 5892 Vishwanathan Mahalakshmi 12909 Viškelis, P. 5814 Vislavski, L. 6144, 11073 Visperas, R. M. 12975 Visscher, P. M. 5267 Visser, J. 1223-1224 Visser, J. A. G. M. de 8970 Visser, J. A. G. M. de 8970
Visser, K. 9096
Visser, K. 9096
Visser, N. C. 9318-9319
Visser, R. 9544
Visser, R. G. F. 2893, 3790, 6982, 12047, 13159
Viswanath, P. 9695
Viswanatha, K. P. 12017
Viswanathan, R. 11069
Vitagliano, C. 12143
Vitale, A. 2823, 3798, 12397
Vitale, M. 13045
Vitali, D. 10944
Vitanova, Z. 4457
Vitellozzi, F. 9049
Vitha, S. 9888, 12361
Vithanage, V. 13346
Viti, R. 3885
Vitjashkova, M. 2829 Vitjashkova, M. 2829 Vitkare, D. G. 2426 Vittorioso, P. 10180 Vivar, H. 4467, 9112 Vivek, B. S. 5818, 5830 Vivek Mitter 4533 Vivek Pandey 7587, 13605 Vivekanandan, P. 8031 Vivian-Smith, A. 8715 Vivo, G. 12858 Vlachonasios, K. E. 7071 Vladutu, C. I. 10397 Vlainić, M. 9168 Vlasov, P. V. 2118 Vlasova, E. Y. 2842 V"lchev, D. 5424 V"lcheva, D. 5424 Vleck, L. D. van 9130 Vliegher, A. de 8123, 8144 Vliet, A. van 1535 Vo Thi Thu Ha 11162 Vo Thi Thu Huong 5593 Vo Thi Thu Huong 5593 Vo Tong Xuan 5593 Vodkin, L. O. 1679, 5741 Voelker, R. 1486 Voelker, T. 868, 6088, 7264 Voerman, K. J. 10200 Vogel, E. F. de 6367 Vogel, G. 6471 Vogel, J. 5895 Vogel, J. C. 11323 Vogel, J. P. 11450 Vogel, K. P. 9306, 12918 Vogel, R. 4036 Vogel, G. D. 1223 Vogels, R. 4030 Vogels, G. D. 1223 Vogelzang, R. 3088 Vogler, D. R. 11403

Vogt, E. 6517 Vogt, E. 0517 Vogt, T. 231 Voigt, B. 10145 Voigt, P. W. 1658, 3592 Voĭnikov, V. K. 141 Voinnet, O. 12406 Voisin, R. 4800, 4804, 13285 Vokou, D. 11337 Volaire, F. 1628 Volckaert, G. 38, 4299, 5364, 10625, 11516 Voldeng, H. 1689 Voldeng, H. 1689 Voldeng, H. D. 583, 3718, 4357, 11927-11928, 13076 Volenec, J. J. 13046 Voleti, S. R. 7300 Volgin, V. V. 11077-11078, 12357 Volgin, V. V. 1107/-11078, 12357
Volk, F. W. 1068
Volk, L. B. da S. 6681
Volkor, P. W. 7430
Volko, S. M. 10214
Volkov, R. A. 2103
Volkova, L. V. 4019
Vollenhofer, S. 7690
Vollmann, J. 574, 7341, 13247
Vollmer, S. S. 9985
Volotovski, I. D. 13429
Volpe, N. 9001
Volpicella, M. 5214
Volrath, S. 1403, 10159
Voltas, J. 9039
Volterrani, M. 4129-4130
Voluevich, E. A. 5403, 6644, 7866 Voluevich, E. A. 5403, 6644, 7866
Volynets, A. P. 5403
Volynets, A. P. 5403
Volynkin, V. A. 7203
Von Aderkas, P. 1052, 9936, 11207, 12482
Von Arnold, S. 7478, 12475
Von Ascheraden, R. F. 335
Von Bothmer, R. 3678, 5665, 8993, 9014, 9035, 9307
Von Caemmerer, S. 3281-3282, 3348, 11117, 12908, 13560
Von Jolley, D. 8267
Von Lintig, J. 390, 889
Von Malek, B. 6321
Von Pinho, E. V. de R. 1492
Von Pinho, E. V. de R. 1492
Von Post, L. 6673, 12611
Von Röpenack, E. 9107
Von Schaewen, A. 4653
Von Weissenberg, K. 7429
Von Well, E. 9033
Von Weitstein, D. 5434, 7883
Von Wiegen, P. 6709, 9160
Von Wirén, N. 3431
Von Wuehlisch, G. 6285
Vonarx, M. 6084
Voogd, E. 11128
Vooková, B. 4082
Voort, J. N. A. M. R. van der 6981
Voort, J. R. van der 9538 7866 Voort, J. R. van der 9538 Vornam, B. 11182 Vornam, B. 11182 Vorob'ev, B. N. 10895 Voronin, V. 2102 Voronkov, A. A. 7555 Vörös, K. 6662 Vorsa, N. 831, 7174, 7178 Vorster, P. 13519 Vos, A. L. F. de 8145 Vos, P. 1464, 5932, 12111 Vosman, B. 38, 4072, 4863, 12084 Voss, A. 7268 Voss, D. H. 4115 Voss, D. H. 4115 Vossen, E. van der 9538 Vossen, H. A. M. van der 9873 Votava, E. J. 10834 Vothknecht, U. C. 5434 Votruba, I. 11108 Votruba, R. 6301 Voutsinas, G. 2500 Vovlas, N. 13140 Voylokov, A. V. 11686, 12817 Voysest, O. 11977 Voytas, D. F. 10156 Vragolović, A. 5518, 5539

Vrânceanu, A. V. 4970 Vranová, E. 9474 Vratari M. 9439 Vratarić, M. 8237 V'rbanov, M. 9848 V'rbanov, M. 9849 Vrebalov, J. 2955 Vrieling, K. 2321 Vrielink, R. 9642 Vrielink, van Giekel M. Vrielink, R. 9642 Vrielink-van Ginkel, M. 12154 Vries, D. P. de 7514, 11244 Vries, J. de 8906 Vries, S. C. de 2886, 3798, 4284, 10200, 10759 Vries, S. de 8972 Vries, S. M. G. de 7438 Vries, T. de 11312 Vrol. Ri. L. 6206 Vroh Bi, I. 6206 Vrugtman, F. 5090, 12489 Vu, S. P. 4157 Vu, S. P. 4157 Vu Van Truong 11167 Vučetić, M. 6175, 9894 Vujošević, Z. 11093-11094 Vuletić, M. 12892 Vuletich, M. 12892 Vuletich, M. 12892 Vulikić, M. 11073 Vulkov, V. 7396 Vulsteke, G. 1700 Vuong, T. D. 5734 Vuorinen, M. 13510 Vural, S. 12781 Vuylsteke, D. 843, 1964, 1967, 1974, 3063, 9694, 10959, 10961-10962 10961-10962 Vuylsteke, D. R. 7217, 13306 Vuylsteke, M. 6706 Vyas, K. L. 2 Vyhnánek, T. 11672 Vyskot, B. 10014 Vysochin, V. G. 10854 Vyvadílová, M. 8351, 9771 W. Kordes' Sohne 13530-13535 Wagra S. 2877, 10736 Waara, S. 2877, 10736 Waart, A. J. P. van de 4828 Wachira, F. N. 7363-7364, 13407 Wacka, C. M. 3773 Wacker, P. 3436 Wacka, C. M. 3773
Wackar, P. 3436
Wackernagel, W. 8906
Wada, H. 789
Wada, M. 1292
Wada, T. 404, 4731
Wada, Y. 6483
Waddell, J. W. 10861
Wade, L. 12908
Wadsworth, G. J. 24, 9371
Wadsworth, R. M. 7368-7373
Waele, D. de 1264, 13313
Waes, C. van 1515, 9298
Waes, J. van 1515, 5522
Waga, J. 11616
Wagary, D. 12119
Wagemans, C. 9630
Wagenbreth, D. 477, 736
Waghmare, V. N. 11149
Waghmode, B. D. 6853, 11867
Wagner, A. 8714
Wagner, G. P. 12676
Wagner, H. W. 3914
Wagner, K. 5075
Wagner, S. 13278, 13526
Wagner, K. 5075 Wagner, K. 5075 Wagner, S. 12429 Wagoire, W. W. 12766 Wagoner, W. 8442 Wagstaff, S. J. 3258, 5142, Wagstaff, S. J. 3258, 5142, 10071
Wahab, S. 10294
Wahlberg, K. 10958
Wahyudi, K. A. 7350
Wai, T. 2979, 7084
Waines, J. G. 163, 2821, 10298
Wainwright, H. 4869
Wainwright, S. J. 3692
Waites, R. 11268
Waitt, D. E. 6526
Wajahatullah, M. K. 6199, 6219, 7403, 7411
Wakamatsu, T. 10615
Wakasa, K. 5578, 6485, 8876
Wakeley, P. R. 9139
Wakita, H. 3816, 3875 Wakita, H. 3816, 3875

Waksman, G. 7661 Wal, A. F. van der 4703-4704 Wal, J. M. 3119 Walbot, V. 4485, 6486, 6702, 11517 Walden, A. R. 8714
Walden, A. R. 8714
Walden, D. B. 5534, 10411, 10484-10486
Walden, R. 41, 949, 2119, 4035
Waldia, R. S. 642
Waldman, S. 4374
Waldron, B. L. 11880-11881
Waldroup, P. W. 3572
Waliyar, F. 3982
Walker, A. R. 12617
Walker, B. 8118
Walker, C. A., Jr. 4128
Walker, D. W. 5325, 9009
Walker, E. 9149
Walker, E. L. 280, 11696
Walker, J. B. 9431
Walker, J. C. 8932 Walker, J. C. 8932 Walker, J. T. 6233 Walker, M. A. 6029, 9679, 10953 Walker, M. R. 4212 Walker, R. A. 81 Walker, S. L. 6683 Walker, T. 5805 Walker-Simmons, M. K. 9066 Walker-Simmons, M. K. 9066
Walla, J. A. 10906
Wallace, A. R. 3510
Wallace, D. H. 10113, 10671
Wallace, P. G. 7208
Wallace, R. S. 6375
Wallace, W. 1453
Wallin, A. 4841
Wallis, J. G. 688
Walser, P. 7315
Walsh, C. 7157
Walsh, E. J. 9071
Walsh, J. 9156
Walsh, K. 1689 Walsh, K. 1689 Walsh, S. 8118 Walter, C. 8714, 12459 Walter, E. 12181 Walter, G. 12622 Walter, M. 4200 Walter, M. H. 613 Walters, S. A. 1890, 5971, 12138 12138
Walther, H. 12757
Walther, R. 7219
Walther, U. 6420
Walton, J. D. 3581, 8008
Walton, R. 5428
Walyaro, D. J. 9872
Wamala, M. H. 8090
Wambutt, R. 3388
Wamg, X. H. 6277
Wamg XiHua 6277
Wan, A. 7867
Wan, B. H. 6778, 11793
Wan, B. L. 10564 Wan, B. L. 10564 Wan, C. H. 6208 Wan, C. W. 9425 Wan, C. Z. 4535 Wan, J. 3626 Wan, J. L. 149 Wan, J. W. 9210 Wan, J. X. 13423 Wan, L. H. 8262 Wan, M. L. 12350 Wan, M. L. 12350 Wan, X. Q. 409 Wan, Y. F. 2704, 4313 Wan Anin 7867 Wan BangHui 6778, 11793 Wan BingLiang 10564 Wan ChangZhao 4535 Wan ChaoWen 9425 Wan JiangXin 13423 Wan JianWei 9210 Wan JinLan 149 Wan LiHong 8262 Wan MeiLing 12350 Wan XianQi 409 Wan YongFang 2704, 4313 Wanat, J. 7928 Wanat, J. 7928 Wanderley, D. S. 6106 Wanderley, L. J. da G. 5856 Wanderley, V. S. 1708

Wanderley da G., L. J. G. 5856 Wang, A. 7989, 11053 Wang, A. M. 8557 Wang, B. 3451, 10369, 11568, 13242 Wang, B. L. 2425, 2935, 3103, 9772 Wang, B. P. 9648
Wang, B. Q. 8477
Wang, B. Y. 6756
Wang, C. 2302, 11612
Wang, C. L. 2647, 2661, 4382, 7576, 9210, 10539, 10548
Wang, C. M. 6172
Wang, C. N. 4260
Wang, C. S. 5132
Wang, C. S. 5132
Wang, C. T. 2151, 8555, 10965, 12485, 12488
Wang, C. W. 5589
Wang, C. X. 4522, 13118
Wang, C. Y. 12207, 12716
Wang, D. C. 9662
Wang, D. K. 8688 Wang, B. P. 9648 Wang, D. C. 9002 Wang, D. K. 8688 Wang, D. N. 9687, 9732 Wang, D. Q. 2796, 9426 Wang, D. S. 9639 Wang, E. M. 12723 Wang, E. M. 12/23 Wang, F. 10806 Wang, F. A. 5029 Wang, F. L. 4522, 7867, 9633 Wang, F. N. 10974 Wang, F. S. 9661 Wang, F. T. 189 Wang, G. 2638, 7486, 8140, 10638 Wang, G. D. 1891 Wang, G. F. 8674 Wang, G. H. 2947, 8508 Wang, G. L. 1607, 10567, 12938 Wang, G. L. 1607, 10367, 12938
Wang, G. M. 5517
Wang, G. Q. 3610, 4799
Wang, G. R. 493, 5513, 9360
Wang, G. S. 2937
Wang, G. X. 12265
Wang, G. Y. 10560
Wang, G. Z. 4799
Wang, H. C. 2975, 9226, 12167, 12716
Wang, H. D. 2680
Wang, H. F. 973, 7792
Wang, H. G. 11555-11556
Wang, H. P. 2145, 5035
Wang, H. Q. 289, 9986
Wang, H. R. 10568-10569
Wang, H. X. 5738, 11575
Wang, H. Y. 688, 1093, 1100, 4616, 6352
Wang, J. 1575, 2644, 4033-4616, 6352 Wang, J. 1575, 2644, 4033-4034, 6031, 6177, 6418, 12239, 12381, 12945 Wang, J. B. 5029, 5885 Wang, J. D. 4049, 9227 Wang, J. F. 1838, 1845, 3659, 4771, 5937, 5955, 7244, 12093 12093
Wang, J. G. 10883
Wang, J. H. 10553
Wang, J. J. 6651, 12598
Wang, J. K. 9461
Wang, J. L. 107-108, 904, 2361, 2675, 2677, 2796, 4350, 4627, 6769, 9401
Wang, J. M. 11535
Wang, J. P. 4534, 9210 Wang, J. M. 11535
Wang, J. P. 4534, 9210
Wang, J. S. 5359, 12053-12055
Wang, J. W. 7083
Wang, J. X. 8722, 10765-10766, 10882, 13292
Wang, J. Z. 3451
Wang, K.-H. 11265
Wang, K.-H. 13568
Wang, K. J. 4545, 9393, 10644
Wang, K. R. 6647
Wang, L. 242, 1279, 6839, 7055, 8100, 12927
Wang, L. D. 10544
Wang, L. H. 6704
Wang, L. J. 3610, 5348, 12401
Wang, L. L. 7909, 10835, 13180

Wang, L. M. 5029, 7945 Wang, L. Q. 4522 Wang, L. R. 12185 Wang, L. X. 2606 Wang, L. Z. 2807, 4639, 8251 Wang, M. 712, 9096 Wang, M. B. 2319, 12710, 13020 Wang M. C. 8419 13020 Wang, M. C. 8419 Wang, M. H. 11137 Wang, M. J. 9402, 9433, 9713 Wang, M. L. 8517, 11420 Wang, M. N. 3948 Wang, M. Y. 298, 4493, 11703 Wang, N. 1884 Wang, N. H. 3333 Wang, P. H. 2425, 12728 Wang, P. H. 2425, 12'
Wang, P. J. 12052
Wang, Q. C. 11327
Wang, Q. F. 8342
Wang, Q. H. 5031
Wang, Q. S. 1901
Wang, R. 3093, 8407
Wang, R. B. 2504
Wang, R. C. 9682
Wang, R. H. 5626
Wang, R. L. 11705
Wang, R. M. 8088
Wang, R. Q. 4526 Wang, R. M. 8088
Wang, R. Q. 4526
Wang, R. R. C. 1635, 2720, 6871, 11886
Wang, R. W. 10073
Wang, R. Z. 4920, 4927
Wang, S. 5751, 7489
Wang, S. B. 9619
Wang, S. C. 7117
Wang, S. F. 5031
Wang, S. G. 8407, 9022
Wang, S. H. 7807, 11567
Wang, S. L. 1916, 2406
Wang, S. M. 2798, 4260
Wang, S. W. 1431
Wang, S. Y. 833, 4864, 9618, 13079 Wang, T. 4982, 10688 Wang, T. L. 3755, 4656, 6943, 8279 Wang, T. Y. 4527 Wang, W. 1425, 9425 Wang, W. D. 10864 Wang, W. B. 10004
Wang, W. G. 3205
Wang, W. J. 9392
Wang, W. K. 10921
Wang, W. W. 2066
Wang, W. Q. 2066
Wang, W. W. 2210
Wang, W. W. 2210
Wang, W. Y. 2873
Wang, W. Y. 2873
Wang, W. Y. 2873
Wang, X. B05, 9316
Wang, X. D. 2140, 12415
Wang, X. F. 9353, 12174
Wang, X. H. 1905, 3805, 5852
Wang, X. J. 5888, 12073
Wang, X. K. 425, 5591, 6771, 9233, 11787
Wang, X. L. 437, 9231, 10882
Wang, X. M. 407, 1284, 3401, 4246, 4984, 9450, 11794
Wang, X. P. 6559, 8044
Wang, X. R. 7466, 8658, 9961
Wang, X. S. 1891, 8683
Wang, X. W. 2933, 8346, 10745, 12074
Wang, X. Y. 1866, 2439, 3884
Wang, Y. S. 366, 8459, 10756, 13096
Wang, Y. B. 279, 4300, 4506
Wang, Y. B. 279, 4300, 4506
Wang, Y. G. 5359
Wang, Y. H. 1858, 7799, 9633
Wang, Y. H. 1858, 7799, 9633
Wang, Y. J. 770, 3054, 5891, 8458, 9459, 9750, 12140
Wang, Y. M. 2788
Wang, Y. M. 2788
Wang, Y. M. 2788
Wang, Y. M. 2788
Wang, Y. P. 279, 2643, 7337, 8505, 8509, 8589, 9768
Wang, Y. P. 279, 2643, 7337, 8505, 8509, 8589, 9768
Wang, Y. R. 410, 4532, 10511 Wang, Y. S. 9708 Wang, Y. Z. 10299, 11332 Wang, Z. B. 10570 Wang, Z. C. 9249 Wang, Z. H. 279, 6039, 7216, 8939 Wang, Z. H. 279, 6039, 7216, 8939
Wang, Z. K. 2080
Wang, Z. L. 4583, 8834
Wang, Z. M. 464, 1049, 4298, 4526, 8076
Wang, Z. N. 3194
Wang, Z. Q. 420, 4806, 11803
Wang, Z. R. 3229
Wang, Z. X. 3206, 6833
Wang, Z. Y. 5168, 5928, 6856, 9269, 9301, 10194, 12431
Wang AiMing 8557
Wang BaiPo 9648
Wang BaoLi 2425
Wang Bin 3451, 11568, 13242
Wang BingLiang 2935, 3103
Wang BinLing 9772
Wang CaiLian 2661
Wang CaiLian 2661
Wang CaiLian 2647, 9210, 10539, 10548
Wang ChangSheng 5132 Wang ChangSheng 5132 Wang Chao 2302 Wang ChengLian 4382 Wang ChengXiang 4522 Wang ChenNai 4260 Wang ChenYang 12716 Wang ChiWei 5589 Wang ChiWei 5589
Wang ChuanTang 8555
Wang ChuanYong 12207
Wang ChunMing 6172
Wang ChunTao 2151
Wang ChunXia 13118
Wang CongTian 10965
Wang CuiLan 7576
Wang DaQiu 2796, 9426
Wang DeChun 9662 Wang DeChun 9662 Wang DerNan 9687, 9732 Wang DianKui 8688 Wang DongSheng 9639 Wang ErMing 12723 Wang FaLin 9633 Wang FengLe 7867 Wang FengLin 4522
Wang FengShou 9661
Wang Fu 10806
Wang FuNeng 10974
Wang FuTing 189
Wang Gang 7486
Wang GenXian 12265
Wang GuangDong 1891
Wang GuangDong 1891
Wang GuangQing 3610
Wang GuangQuan 4799
Wang GuangShou 2937
Wang GuangZhen 4799
Wang GuiFang 8674 Wang FengLin 4522 Wang GuiFang 8674
Wang GuiFang 5513, 9360
Wang GuiYun 10560
Wang GuoHuai 8508 Wang GuoLiang 1607, 10567, 12938 Wang HaiQun 9986 Wang HaiYing 4616 Wang HanChen 12167 Wang HanFang 7792
Wang HanRong 10568-10569
Wang HePing 2145, 5035
Wang HongChang 2975
Wang HongGang 11555-11556
Wang HongXin 5738
Wang HongYu 688
Wang HouCong 9226
Wang HuaCen 12716
Wang HuaDi 2680
Wang HuaDi 2680
Wang HuaDi 1093 1100 6355 Wang HanFang 7792 Wang HuaiYu 1093, 1100, 6352 Wang HuanXiao 11575 Wang HuiFang 973 Wang HuiPang 973 Wang HuiQuing 289 Wang JawFen 1838, 1845, 4771, 5937, 5955 Wang JiaBao 5029 Wang JiaDian 4049 Wang JianBo 5885 Wang JianDong 9227

Wang JianJun 6651, 12598 Wang JianKang 9461 Wang JianLin 6769 Wang JianLong 2361 Wang JianMin 11535 Wang JianPing 4534, 9210 Wang JianShe 5359 Wang JiaXiang 10882 Wang JiaXu 10765-10766 Wang Jie 6418 Wang JinFa 12093 Wang JinFa 12093
Wang JinFeng 7244
Wang Jing 6177
Wang JingLin 4350
Wang JingShan 12053-12055
Wang JinGuang 10883
Wang JinGLang 10883
Wang JinLan 904
Wang JinLiang 107-108
Wang JinLiang 2675, 2796, 4627, 9401
Wang JinXiu 8722
Wang JinXiu 13292
Wang JinXiu 13292
Wang JiuXiu 12677
Wang JiWei 7083
Wang Jun 6031, 12239
Wang JunHui 10553 Wang JunHui 10553 Wang KeJing 9393, 10644 Wang KuiRong 6647 Wang KuoJun 4545 Wang LanLan 7909, 10835 Wang Lei 7055, 12927 Wang LianDu 10544 Wang LiangQun 4522 Wang LianZheng 2807, 4639, 8251 Wang LiHua 6704
Wang LiJiang 5348
Wang LiJiang 5348
Wang LiJiun 3610
Wang LiLi 13180
Wang LiMing 7945
Wang LingJian 12401
Wang LiRong 12185
Wang LiuMing 5029 Wang LiuMing 5029 Wang LiXin 2606 Wang Lu 1279 Wang MaoLin 8517 Wang MaoNeng 3948 Wang MeiYun 298, 4493, 11703 Wang MiawJen 9713 Wang Min 712 Wang MingBo 2319, 12710 Wang MingBo 2319, 12710 Wang MingChang 8419 Wang MingLin 9433 Wang MingLi 11420 Wang MingLi 11420 Wang MyeongHyeon 11137 Wang NianHe 3333 Wang Nong 1884 Wang PeiHong 2425, 12728 Wang QianSheng 1901 Wang QiChao 11327 Wang QingFeng 8342 Wang QingHua 5031 Wang R. R. C. 7784 Wang Ran 8407 Wang Ran 8407 Wang RenBei 2504 Wang RenCai 9682 Wang RenMin 8088 Wang RenZi 4920, 4927 Wang RiWei 10073 Wang RunHua 5626 Wang SanGen 9022 Wang ShanGuang 8407 Wang ShanHong 7807 Wang ShaoFeng 5031 Wang ShuBin 9619 Wang ShuChang 7117 Wang ShueMei 4260 Wang Shui 7489 Wang Shui 7489
Wang ShuLi 1916
Wang ShuMing 2798
Wang ShuWen 1431
Wang ShuYing 9618
Wang Su 5751
Wang SuYun 13079
Wang Tong 4982
Wang WangXia 3219, 7452
Wang Wei 1425, 9425
Wang WeiDong 10864

Wang WeiMin 5203, 5762 Wang WengQuan 2066 Wang WenJie 9392 Wang WenKui 10921 Wang WenMing 409 Wang WongShi 4930 Wang WongShi 4930 Wang WuGang 3205 Wang XiaLi 10882 Wang XiaLi 10882 Wang Xian 805 Wang XiangKun 425, 5591, 9233, 11776 Wang XiaoFang 9353 Wang XiaoFeng 12174 Wang XiaoHong 1905 Wang XiaoJia 5888, 12073 Wang XiaoLing 437, 9231 Wang XiaoRong 8658 Wang XiaoRong 8658 Wang XiaoRu 7466, 9961 Wang XiaoShuan 8683 Wang XiaoSou 1891 Wang XiaoSou 1891 Wang XiaoWu 2933, 8346, 12074 Wang XiaoYan 2439 Wang XingYuan 1866 Wang XinHua 3805, 5852 Wang XinWei 10745 Wang XinYan 3884 Wang XiPing 8044
Wang Xie 9316
Wang XueDe 2140, 12415
Wang XueMin 1284, 3401, 4246, 4984
Wang XunMing 407
Wang Yan 5366
Wang YaNan 3245
Wang YanFeng 6967
Wang YaRu 4532, 10511
Wang YiBing 4300
Wang YiBing 4300
Wang YiBing 4300
Wang YiBing 4300
Wang YiBing 4300
Wang YiBing 4300
Wang YiBing 4300
Wang YiBo 279, 4506
Wang YiHu 9633
Wang YiLin 983, 8689
Wang Yin 8657
Wang YingDian 418
Wang YingDian 418
Wang YinZheng 11332
Wang YiPing 2643 Wang XiPing 8044 Wang YiPing 2643 Wang YiRou 410 Wang Yong 10756 Wang YongFang 5315 Wang YongHe 7799 Wang YongJian 770, 5891, 12140
Wang YongJian 770, 5891, 12140
Wang YongJun 9459
Wang YongPu 279
Wang YouPing 8505, 8509, 8589, 9768
Wang YouSheng 9708
Wang YueGuang 5359
Wang YueGuang 5359
Wang YueJin 3054, 8458
Wang YueJin 3054, 8458
Wang YueJin 3054, 8458
Wang YueJin 3054, 8458
Wang YueJin 3054, 8458
Wang YueJin 3054, 8458
Wang YueJin 3054, 8458
Wang YueJin 3054, 8458
Wang YueJin 3054, 8458
Wang YueJin 7486
Wang YueJin 7486
Wang YueJin 7486
Wang ZeHuai 6039
Wang ZeHuai 6039
Wang ZeHui 7216
Wang Zehun 12431
Wang ZhangMing 464
Wang ZhangRong 3229 Wang YongJian 770, 5891, Wang ZhangRong 3229 Wang ZhaoHong 8939 Wang ZhaoLan 4583 Wang ZhaoYue 5168 Wang ZhenHua 279 Wang ZhiNing 3194 Wang ZhiQiang 4806 Wang ZhiQin 420, 11803 Wang ZhiXing 3206 Wang ZhiYong 10194 Wang ZhiYuan 5928 Wang ZhongKang 2080 Wang ZhongKang 2080 Wang ZhongLi 8834 Wang ZhongMing 8076 Wang ZiBin 10570 Wang ZiXuan 6833 Wang ZongYang 9269 Wani, A. A. 6386 Wani, S. A. 12115, 12123 Waniska, R. D. 6732 Wankhade, R. V. 2981

Wann, E. V. 4767 Wann, J. M. 8741 Wann, S. R. 9968 Wann, S. R. 9908 Wanner, G. 9892 Waquil, J. M. 1549 Warade, S. D. 2922, 2970, 4782 Warburton, M. L. 10984 Ward, E. 1403, 8926, 10159 Ward, E. R. 7730 Ward, E. R. 7/30 Ward, G. N. 543 Ward, J. M. J. 3583 Ward, R. 8664, 13458 Ward, R. G. 1427 Ward, R. W. 186-187, 5333, 10290 10290 Ward, S. M. 9293 Wardle, D. A. 4871-4872 Ware, A. H. 9080 Ware, G. 6274 Ware, G. H. 6273 Wargo, P. 11389 Warkentin, T. D. 2844, 3760, 9353 9353 9353 Warnecke, D. C. 1291 Warner, J. 3877 Warnes, D. D. 10250 Warnke, S. E. 11891 Warpeha, K. M. F. 11877, 11879 11879
Warren, G. J. 11377
Warren, G. W. 7963
Warren, H. L. 9179
Warren, M. J. 1317
Warrilow, A. G. S. 1455
Warry, A. 944
Wartmann, T. 940
Warwick, S. I. 132, 3962, 4717, 7266 Wasano, K. 8101, 8104, 11851 Waschl, H. 1363 Waser, N. 13571 Waser, N. M. 6331, 10021 Washburn, K. B. 3447 Washburn, K. B. 3447 Washida, H. 383, 10530, 10532 Washitani, I. 3273 Wäspi, U. 11850 Waspi, U. 11850 Wassenegger, M. 8909 Wasserman, B. P. 10437, 11692 Wassom, J. J. 10459 Wasternack, C. 30, 226, 6662, 7070, 7875-7876, 8373, 8962, 12782 12782 Wastie, R. L. 6999 Wataaru, R. K. 9559 Watad, A. A. 6357, 7524, 10781, 13434 Watahiki, M. K. 4255 Watanabe, A. 4625, 4716, 4716, 5134, 8337, 8828, 10682 Watanabe, H. 82, 4025, 6334, 6340 6349 Watanabe, I. 4674-4675 Watanabe, K. 10084, 12094 Watanabe, K. N. 8876, 9537, Watanabe, M. 194, 2018, 3964, 7279, 9572, 10292, 11011, 12279 Watanabe, N. 387, 5382, 10287 Watanabe, S. 5015, 7028 Watanabe, T. 2353 Watanabe, Y. 1945, 7102 Watananonta, W. 9543 Watarai, M. 419 Waterborg, J. H. 4595 Waterborg, J. H. 4595
Waterhouse, A. 3666
Waterhouse, A. L. 3919
Waterhouse, P. M. 388, 2319, 12710, 13020
Waters, C. A. 9156
Waterworth, W. M. 11671
Wathelet, B. 1702, 11965
Watillon, B. 7129
Watkins, J. F. 1386, 9074. Watkins, J. E. 1386, 9074, Watkins, J. E. 1550, 9074, 12718 Watkins, M. 12190 Watkins, P. 8741 Watkins, S. E. 3572 Watson, C. E. 6860 Watson, C. E., Jr. 2908, 9322 Watson, D. P. 5043

Watson, J. F., II 2919 Watson, J. M. 6862 Watson, L. 1644 Watson, M. B. 3404, 6454 Watson, T. G. 10384 Wattamwar, M. J. 2624-2625 Wattananon, W. 701 Wattananon, W. 701 Watters, J. 286 Watts, R. A. 5247 Waugh, M. 11389 Waugh, R. 229, 1456-1457, 2498, 3427, 8316, 11406, 12041, 13160, 13172 Wauters, A. 2084, 9837, 9842, 13404 Wawrosch, C. 841 Waxman, D. 2376, 5277 Way, H. M. 12659, 13363 Way, M. O. 12924
Waycott, M. 3305
Weaver, D. B. 11944, 13091
Weaver, L. M. 1270, 8947
Weaver, S. H. 1468
Webb, A. A. R. 1308
Webb, B. D. 443, 445, 1564, 3634, 4557, 12924
Webb, C. A. 5540
Webb, D. 1678
Webb, D. M. 1682, 10653
Webb, H. W. 13445
Webb, K. J. 1663
Webb, M. 89 Way, M. O. 12924 Webb, M. 89 Webb, S. E. 4043, 9031 Webb, S. E. 4043, 9031 Webber, J. H. 8825 Weber, A. 4499 Weber, B. 10134 Weber, C. A. 3896 Weber, D. F. 6701 Weber, G. 37, 292, 3272, 3551 Weber, H. F. 12203, 12204 Weber, H. E. 12203-12204 Weber, J. 1013, 3216 Weber, J. C. 10109 Weber, R. 11636 Weber, W. E. 4365, 5465, 7845, 8615 Webster, A. D. 8396, 8413 Webster, C. I. 622, 3749, 6480, 10237 Webster, J. A. 3439, 11658, 12831 12831 Wechsberg, G. E. 12595 Wechter, W. P. 10845 Weddell, J. 8123 Weddell, J. R. 2688, 3346, 8125, 8132 Wedge, D. E. 11213 Wedler, E. 3388 Wedler, H. 3388 Wędzony, M. 11687-11688, Wee, Y. C. 5131 Weeden, N. F. 1341, 1940, 5988, 8446, 10671, 10867, Week's Roses 8751 Weeraratne, W. A. P. G. 648 Weg, E. van de 1912 Weg, W. E. van de 1934, 4862-4863 12160 Wegel, E. 13055 Wegener, D. 5896 Wegener, S. 12779 Weger, J. 6262 Weginwar, D. G. 2038, 8071, 8535 Wegrzyn, S. 9777, 10346, 11641, 12821, 12856 Wehling, P. 12804 Wehner, D. J. 1624 Wehner, T. C. 792-793, 1876, 1878-1879, 1882, 1886-1887, 1890, 5967, 5971, 5977, 7114, 8391, 10849-10850, 10855, 13263 Wehrly, T. E. 8897 Wei, D. 9448-9449 Wei, F. 7489 Wei, J. 6299 Wei, J. C. 7946

Wei, J. H. 11776 Wei, J. K. 3195, 13009 Wei, J. W. 6765, 9228 Wei, J. Z. 2720 Wei, K. 4034 Wei, L. 12126 Wei, L. C. 547 Wei, N. 10148 Wei, P. W. 10658, 13095 Wei, R. X. 12723 Wei, W. 5738 Wei, W. L. 2934 Wei, X. 4067 Wei, X. H. 5568 Wei, X. P. 12243 Wei, X. X. 9633 Wei, Y. D. 4464 Wei, Y. M. 2606, 2681 Wei, Y. Y. 7117 Wei, Z. M. 2071, 3171, 5884, 10785 Wei Dong 9448-9449 Wei Fong 7489 Wei JiaChuan 7946 Wei JianHua 11776 Wei JianKun 3195, 13009 Wei JianWen 6765, 9228 Wei Jun 6299 Wei Jun 6299
Wei JunZhi 2720
Wei LiangChou 547
Wei LiangChou 547
Wei Lin 12126
Wei Ning 10148
Wei PeiWen 10658, 13095
Wei RongXuan 12723
Wei Wei 5738
Wei Weil in 2034 Wei WenLin 2934 Wei XingHua 5568 Wei XueXin 9633 Wei YangDou 4464 Wei YaoMing 2606 Wei YiMin 2681 Wei YouYing 7117 Wei ZhiMing 2071, 3171, 5884, 10785 Weibull, J. 7657 Weibull, J. 7657 Weida, H. 9399 Weide, R. 13208, 13225 Weier, D. 4959, 7293, 7295 Weig, A. 1305 Weigand, F. 4667, 11993, 12588 12588
Weigand, S. 1733
Weigel, D. 1312, 10174, 12648, 13572, 13629
Weigel, J. C. 11721
Weigel, R. C. 10056
Weihe, A. 56
Weik, R. 10775
Weil, C. F. 293, 3552, 4488
Weilenmann, F. 185 Weilenmann de Tau, M. E. 9432 Weiler, E. W. 4262, 6502, 12624 Weiller, G. F. 4206
Weinbrenner, G. 1190
Weinman, J. J. 3694, 3696, 10367, 11911
Weir, B. J. 6001
Weir, B. S. 12674
Weisbeek, P. 3397, 8927, 11427
Weisgerber, H. 989
Weising, K. 5843, 6463, 13301
Weiss, B. 11525
Weiss, D. 7072, 8807, 12108
Weissenberg, K. von 7429
Weisshaar, B. 5231, 10067
Weissinger, A. K. 3163
Weitzenegger, T. 3388
Welander, M. 13276
Welcker, C. 2600, 7974, 7986, 7995 Weiller, G. F. 4206 7995 7995 Welham, T. 4656, 13119 Welin, B. 959, 7733 Welinder, K. G. 43, 12627 Welke, G. A. 9431, 13083 Well, E. von 9033 Wellburn, A. R. 10123 Wellendorf, H. 6293-6294, 7438, 12476 Weller, C. L. 3594, 9196

Weller, J. L. 623, 3756 Weller, S. C. 5152 Wells, B. 619, 11421 Wells, B. R. 6745 Wells, R. 6910 Welman, W. G. 9548 Welsch, R. 889 Welsh, S. L. 3703 Welty, D. E. 1026 Welty, L. E. 2725 Welty, R. E. 2719 Welz, H. G. 6726, 7959 Welzen, P. C. van 6367 Welze, H. G. 6/26, 7939 Welzen, P. C. van 6367 Wemmer, T. 675 Wen, C. K. 11322 Wen, H. C. 409 Wen, J. 3424, 6389, 9277 Wen, J. 3424, 6368 Wen, J. Q. 12753 Wen, T. J. 4501 Wen, Y. C. 885 Wen, Y. X. 12723 Wen ChiKuang 11322 Wen HongCan 409 Wen JiangQi 12753 Wen Jie 6389 Wen TsuiJung 4501 Wen YanCheng 885 Wen YuXiang 12723 Wendehenne, D. 6164 Wendel, J. F. 893, 1215, 3198, Wender, J. F. 893, 12 11151 Wendt, T. 6341 Weng, S. 5233 Weng, X. Z. 2415 Weng, Y. 905 Weng XiuZhen 2415 Wennekes-van Eden, J. 7059 Wenske, M. 6201 Went, J. L. van 1119, 4144 Went, J. van 10200 Wenzel, G. 4314 Wenzel, W. G. 8023, 9195, 11749, 11752 Werck-Reichhart, D. 8339, 13185 Were, J. 988 Were, J. 988
Werlemark, G. 4809
Werner, B. K. 4689
Werner, D. 6508
Werner, D. J. 825, 4128, 8429
Werner, T. 13624
Werner-Fraczek, J. E. 11551
Wernsman, E. A. 965, 3184
Werr, W. 10427
Wert, S. van 6441
Werteker, M. 5381 Werteker, M. 5381 Wertheim, S. J. 7128 Wery, J. 1451 Wesenberg, D. M. 1454, 3539, 5440, 10326 Wessel, M. 9806 Wessel, M. 9806 Wessel-Beaver, L. 1873 Wessels, A. B. 855 Wessels, W. G. 11650 Wessler, S. R. 11801 West, C. E. 11671 West, J. G. 8983 West, M. A. L. 10193 West, P. van 12038 West Indies Sugar Techn West Indies Sugar Technologists 6406 6406 Westedt, A. L. 9539 Wester, L. 65 Westerkamp, C. 3420 Westermann, T. 5465, 7845 Westhoff, P. 3279, 5107, 9192, 10144, 13559 Westhuizen, A. J. van der 1412 Westhuizen, M. C. van der 1550 Westin, J. 5076 Westin, J. 5076 Westman, A. L. 6077, 8525 Westphal, L. 5815-5816 Wetering, F. van de 2218 Wetten, A. C. 7074 Wettstein, D. von 5434, 7883 Wetzel, C. M. 11440 Wetzel, J. B. 2787 Wewetzer, A. 8840 Weyen, J. 4468 Weyen, G. 4752 Weyens, G. 4752 Weygand-Durašević, I. 12864

Weyhrich, R. A. 9129, 12861 Weymann, K. B. 3408 Whalen, M. C. 10567 Whallon, J. H. 10941 Wheeler, M. H. 6196 Wheeler, R. D. 9080 Wheeler, T. 4285 Wheeler, T. A. 13476 Wheeler, T. R. 2059 Whetten, R. 9943 Whetten, R. 9943 Whetten, R. W. 11401, 13503 White, A. 4100 White, A. J. 12781 White, C. 5241 White, D. B. 1622-1623, 5651, 11880 White, D. G. 3582 White, D. M. 2778-2779 White, D. W. R. 4605, 8208, 8714 8/14
White, E. E. 13517
White, F. F. 3652, 8658
White, G. 3226
White, I. M. S. 1004-1005
White, J. 4071
White, J. G. 5834
White, J. W. 3559, 3738, 3740, 4329 4329
White, L. M. 1565
White, P. J. 3577
White, P. R. 2550
White, R. A., Jr. 967
White, R. H. 9314
White, R. L. 8869
White, S. 11724
White, T. 8861
Whitehead, L. F. 13085
Whitelam, G. C. 3176, 5254, 13629 13629 13629
Whitham, S. A. 8964
Whitham, T. G. 1015
Whitkus, R. 8631
Whitlock, M. C. 95, 2375
Whitney, D. A. 3578
Whitney, N. G. 12924
Whittaker, J. C. 1246
Whitton, J. 3107
Whitwell, M. I. 3583
Wiberg, E. 10999 Wiberg, E. 10999 Wichian Pooswang 10080 Wichman, D. M. 1383-1385, 2725, 5664 2725, 5664
Wichmann, G. 12634
Wick, R. L. 2260
Wickneswari, R. 12430
Wickremasinghe, W. N. 7422
Widholm, J. 9140
Widholm, J. M. 4031, 9542, 10459, 12400
Widmaier, T. 989
Widmer, Y. 6395
Widrechner, M. P. 5157, 519 Widrlechner, M. P. 5157, 5195 Widstrom, N. W. 327, 5536, 7967, 7971, 9184-9185 Widyasari, W. B. 7350, 8602 Wieczorek-Musiał, M. 2530 Wieczorek-Musiał, M. 2530 Wiedenfeld, H. 2237 Wieërs, M. C. 4746 Wiegand, A. 4956 Wiegen, P. von 6709, 9160 Wiehe, T. 99 Wiel, C. van de 38, 12084 Wielgat, B. 1776 Wielgus, S. M. 9534 Wiemken, A. 5435, 6471 Wienand, U. 9144 Wiersma, J. V. 10250 Wiersum, K. F. 8697 Wiese, C. B. 3183 Wieser, H. 3482 Wieser, H. 3482 Wieser, H. 3676, 6863 Wightman, P. S. 8132 Wijbrandi, J. 5932, 12111 Wijk, J. van 6430 Wijk, K. J. van 3403, 4657 Wijking, S. E. 11918 Wijkings, S. E. 11918 Wijkowski, J. 2772 Wilbert, S. M. 3277 Wilcox, B. F. 9566 Wilcox, C. P. 3163 Wilcox, J. A. 597

Wilcox, J. R. 3712, 5742 Wilcox, S. 10935 Wilcox, W. F. 8415 Wilcoxson, R. D. 10250 Wilde, H. D. 11931 Wilde, W. J. J. O. de 2980 Wildi, E. 7537 Wilding, W. J. M. 5420 Wildung, D. K. 4826 Wildung, M. 4187 Wildung, M. R. 8853 Wilhelm, K. 89 Wilhelmová, N. 5914 Wilk, F. van der 1780 Wilk, F. van der 1780
Wilken, S. 10007
Wilkins, H. F. 8728
Wilkins, P. W. 4581
Wilkins, T. 13483
Wilkins, P. W. 8146
Wilkinson, G. N. 5617-5618
Wilkinson, H. H. 2770
Wilkinson, M. 2354
Wilkinson, M. J. 11003
Wilkinson, S. R. 500
Wilks, H. M. 1720
Wilkert, M. 1812, 13201 Willaert, M. 1812, 13201 Willcox, M. 11741 Willacrt, M. 1812, 15201
Willcox, M. 11741
Willckens, H. 13436
Willemsen, V. 3397
Willey, D. L. 9488
Williams, A. 739, 4763
Williams, C. 4052, 6224, 8687
Williams, C. E. 3617
Williams, E. G. 5699
Williams, E. R. 2157, 7430
Williams, E. R. 2157, 7430
Williams, E. R. 2158, 11456
Williams, K. 10213
Williams, K. 10213
Williams, M. A. 4482
Williams, M. E. 1351
Williams, M. E. 1351
Williams, M. R. 6234
Williams, P. F., Jr. 3714
Williams, P. H. 1808
Williams, P. H. 1808
Williams, R. W. 6476
Williams, W. M. 541-542, 4605, 10617
Williams, W. M. 541-542, 4605, 10617 10617 Williams, W. P. 5535, 7970, 7991, 7996, 10494, 10497
Williamson, B. 931, 9868
Williamson, J. G. 9658
Williamson, M. L. 10617
Williamson, R. E. 4265, 8937
Williamson, V. M. 1835, 4774, 5932, 13228 3932, 13228 Willingham, N. M. 12394 Willis, A. C. 13196 Willis, J. H. 12519 Willis, M. G. 12408 Willmitzer, L. 740, 952, 1765, 2943, 4691, 5019, 7755, 250, 10790, 12625 9529, 10799, 12030, 12635 Willmund, R. 8239 Willner, E. 3368, 8139, 9303 Willson, M. F. 9668 Willson, M. F. 9668
Willson, M. F. 9668
Willson, M. F. 9668
Wilmer, J. A. 10692
Wilmink, A. 1783, 8638
Wilsey, W. T. 8356
Wilson, C. A. 10031
Wilson, D. M. 3987
Wilson, J. 8709, 13155
Wilson, J. M. 3647, 6476
Wilson, J. P. 1516, 1554, 2619, 6743, 11767
Wilson, J. R. 1234, 5764
Wilson, J. R. 1234, 5764
Wilson, K. 3779
Wilson, K. A. 7640
Wilson, K. G. 7016
Wilson, K. G. 7016
Wilson, L. T. 12982
Wilson, M. R. 13630
Wilson, R. 3480
Wilson, R. 582, 1687-1688, 9429-9430, 10649
Wilson, R. K. 1101 Wilson, R. K. 1101 Wilson, R. L. 7318, 7962, 7971 Wilson, R. N. 3801 Wilson, T. 6202

Wilson, T. C. 2771

Wilson, T. J. 10168 Wilson, W. A. 3537 Wilson, W. F. 3536 Wilson, W. F. 5536 Wilson, Z. A. 63 Wilton, A. N. 502 Wiltse, C. C. 10487 Wiltshire, R. J. E. 8700 Winmer, B. 4787 Win, F. L. 4356 Win FaLan 4356 Winans, S. C. 1279 Winarno, F. G. 8387 Winarno, H. 2097, 9874 Winaryo 9874 Winaryo 98/4
Winchcombe-Forhan, C. 8639
Wind, C. 5080
Wind, R. 1948
Windels, C. E. 3725
Windes, J. M. 1391, 1393, 2400, 2479-2480 Windham, G. L. 1655, 5535, 10494 Windham, W. R. 445, 9275 Windig, J. J. 7743 Windiharto 8590, 13392 Windle, R. A. 6370 Windus, J. L. 10616 Winfield, M. O. 38, 4071 Winfield, M. O. 38, 4071 Wing, J. F. 6696 Wing, R. A. 366, 2604, 6729, 9189, 11730, 11746 Winge, H. 9905 Winge, P. 54 Wingender, E. 13624 Wingfield, B. D. 5420, 10311 Wingfield, M. J. 11178 Winicov, I. 2307, 5691 Wininger, S. 5688 Wink, M. 569, 4611 Winkel, T. 342 Winkelmann, T. 7556 Winkler, H. H. 10165 Winkler, H. H. 10165 Winkler, R. J. 10039 Winter, H. 7301 Winter, M. 4226 Winter, P. 6463, 11998, 12004, 12007 Wintz, H. 3385, 4644, 12607 Wintz, H. 3385, 4644, 12607 Wipf, D. 4203 Wipf-Scheibel, C. 3859 Wirén, N. von 3431 Wirtz, W. 1206 Wirz, J. 10135 Wise, F. C. 1233 Wise, R. P. 1497, 4496, 6682, 8977 Wiseman, B. R. 327, 7967, 7971-7972, 7984, 9185 Wisman, E. 11424 Wiśniewska, H. 1523 Wiśniewska, I. 5487 Wisniewski, M. 3897 Wissemann, V. 11245 Wit, P. J. G. M. de 7079, 13225 Witcher, D. R. 12863, 12870 Witcombe, J. R. 347, 1552, 3602, 3647, 6750, 10522, 11847 Witjaksono 8478 Witkowicz, R. 9778 Witkowicz, R. 9778
Witrzens, B. 6604
Witsenboer, H. 457, 5895
Witt, M. D. 1380-1382, 1392
Witt, U. 3963
Witte, K. de 5989, 7125
Wittenberg, J. B. 227
Wittke, W. 4265
Wittwer, R. F. 5070, 12469
Wiweger, M. 9765
Wnuk, A. 5679
Woelan, S. 11165
Woerdenbag, H. J. 1155, 4181 Woerdenbag, H. J. 1155, 4181, 12561 Woeste, K. E. 11450 Wofford, D. S. 544, 4606 Wofford, T. 4052 Wohlfarth, T. 6500, 10196 Wohlmeyer, H. 1250 Wójcicki, J. J. 7158 Wojciechowski, A. 9767 Wolde, L. 2567, 10358

Wotek, J. 7633 Wolf, A. 13221 Wolf, E. A. 1484 Wolf, K. 9025 Wolfe, S. 6998 Wolfe, A. D. 11260, 13555 Wolfe, K. W. 10403, 10418 Wolfe, R. I. 10353 Wolff, D. W. 1489, 10844 Wolff, K. 6384 Wolff, M. A. F. 3184 Wolff, R. L. 9971 Wolffe, A. P. 3387 Wolffe, A. P. 3387 Wolkenfelt, H. 5250 Wolko, B. 10687 Wolkowa, A. I. 9793 Wolniak, S. M. 9137 Wolnak, S. M. 9137 Woloszynska, M. 11971 Wolpert, J. A. 4882 Wolpert, T. J. 10337 Wolski, T. 2531, 12836-12837 Wolter, F. P. 1291, 4959, 7295 Wolters, A. M. A. 6982, 13159 Wolters, P. 1781 Wolyn, D. I. 4748, 10760 Wolyn, D. J. 4748, 10760, 13177 Wong, H. L. 2889 Wong, K. S. 10472 Wong, T. H. 4754 Wong HuiLee 2889 Wong HülLee 2889 Wong KitSum 10472 Wong TeckHiang 4754 Wongpiyasatid, A. 9928 Wongsasithorn, D. 6427 Wongvarodom, V. 297 Wonisch, A. 13514 Woo, H. H. 3750 Woo, H. R. 8946 Woo, S. H. 8109, 8111 Woo, S. S. 2604 Woo, S. S. 2604 Woo HoHyung 3750 Woo HyeRyun 8946 Woo SungSick 2604 Woo SunHee 8109, 8111 Wood SunHee 8109, 8111
Wood, B. W. 6070
Wood, C. 3435
Wood, D. A. 10082
Wood, D. T. 1633
Wood, D. W. 12613
Wood, E. D. 2808, 3713
Wood, S. 8778
Woodrock S. C. 1317 Woodcock, S. C. 1317 Woodfield, D. R. 8208 Woodfin, C. A. 2610, 10504 Woodfin, C. A. 2610, 10504 Woodrow, I. E. 8645 Woodruff, R. C. 12672 Woods, D. L. 9774 Woods, S. 9353 Woods, S. M. 4326 Woodson, W. R. 5300 Wooge, C. 12863 Woolliams, J. A. 104, 7470, 11200 Work, T. M. 4684 Worku, M. 2567, 10358 Worland, A. J. 1402, 2422, 4301, 4309, 4377, 5360, 7806, 10274, 10276, 11570 Worland, B. 5580, 5636, 6844
Worley, A. C. 118
Worley, C. K. 9876
Worley, R. E. 2008, 6070
Worrall, W. D. 3444, 5454, 10253 Worrell, R. 12433 Woś, H. 9777, 10347, 12834, 12850 Woude, K. van der 6696 Wouters, T. C. A. E. 7560 Woyessa, B. 3125 Woźna, J. 11687 Woźniak, W. 4853 Woźniak-Strzembicka, A. 11654 Wozniak-Strzembicka, A. 1169
Wratten, N. 869-870, 6084
Wratten, S. D. 2478
Wricke, G. 5815-5816, 12078
Wright, D. A. 10156
Wright, D. J. 13174
Wright, G. 3117
Wright, G. C. 8563
Wright, I. J. 5053

Wright, J. A. 7456
Wright, M. A. 13277
Wright, P. J. 9567
Wright, R. J. 12414
Wright, S. 10228
Wright, T. R. 8625, 1340513406
Wright, W. A. 3882, 9645
Wrightson Seeds Limited 36733674, 11538
Wrigley, C. W. 265, 3495, 7824
Wrischer, M. 6986
Wróblewska, B. 2539
Wszelaki, A. 12298
Wu, A. Z. 5599, 5615
Wu, B. H. 11887
Wu, B. Q. 12931
Wu, C. 372, 3663
Wu, C. B. 2150, 5040
Wu, C. G. 13180
Wu, C. Y. 383, 8357, 10530, 10532
Wu, D. H. 6840, 8079 10532 10532 Wu, D. H. 6840, 8079 Wu, D. M. 2673 Wu, D. X. 1584, 5595, 9251 Wu, D. Y. 3949 Wu, F. 11810 Wu, G. 7083 Wu, G. L. 1513, 2006, 12262 Wu, G. S. 770, 4695, 5891, Wu, G. S. 770, 4695, 5891, 12140
Wu, G. Y. 7808
Wu, H. D. 12431
Wu, H. J. 11853
Wu, H. M. 7580, 13629
Wu, H. X. 4300, 7474
Wu, H. Z. 5928, 6980
Wu, J. G. 6079, 10556
Wu, J. H. 977
Wu, J. L. 403, 11788
Wu, J. M. 4534
Wu, J. P. 5337
Wu, J. Q. 8079
Wu, J. S. 7282
Wu, J. X. 12288
Wu, J. Y. 982, 6239, 7412, 13462 Wu, J. X. 12288
Wu, J. Y. 982, 6239, 7412, 13462
Wu, J. Z. 379
Wu, K. 1293
Wu, L. B. 11858
Wu, L. P. 4812
Wu, L. Q. 978
Wu, L. S. H. 10544
Wu, L. Z. 2415
Wu, M. S 7873
Wu, M. S. 9236, 11770
Wu, P. 1604, 2671, 3644, 11799, 12238
Wu, Q. A. 10000
Wu, Q. D. 1721
Wu, Q. S. 5649
Wu, Q. T. 2937
Wu, R. 6756, 13003
Wu, R. L. 6269, 7446, 7860, Wu, R. L. 6269, 7446, 7860, Wu, R. L. 6269, 7446, 7860, 8890
Wu, S. 5344
Wu, S. F. 7489
Wu, S. M. 9434
Wu, S. P. 3818
Wu, S. T. 5605
Wu, S. X. 2415, 11642
Wu, S. Z. 6760, 8079, 9651, 10511, 10573
Wu, T. H. 13270
Wu, T. L. 9644
Wu, T. P. 8022
Wu, T. X. 4622, 9402
Wu, W. 3936
Wu, W. M. 355, 9262
Wu, X. J. 9242
Wu, X. M. 6643, 12281
Wu, X. P. 12262
Wu, X. Y. 7808, 10138, 13118
Wu, Y. 2671, 4770, 6357
Wu, Y. F. 977
Wu, Y. H. 9348, 9883
Wu, Y. J. 5992
Wu, Y. K. 5031
Wu, Y. L. 355, 9262, 9662, 10542, 10574 8890

Wu, Y. M. 9633
Wu, Y. Q. 12174
Wu, Y. R. 968, 10158
Wu, Y. T. 11171
Wu, Y. W. 6506
Wu, Y. Y. 7340
Wu, Y. Z. 10606, 11897
Wu, Z. H. 2975, 10877
Wu, Z. K. 7946
Wu, Z. P. 13094
Wu, Z. Q. 2028, 2648, 7792
Wu, Z. S. 2466, 2468
Wu AiZhong 5599, 5615
Wu BiHua 11887
Wu BoQian 12931
Wu ChangBin 5040
Wu ChangBin 5040
Wu ChangBin 5040
Wu ChangBin 5040
Wu ChangBin 5040
Wu ChangBin 5040
Wu ChangBin 5040
Wu ChangBin 5040
Wu ChangBin 5040
Wu ChangBin 5040
Wu Fan 11810
Wu FuAn 5029
Wu DongHui 6840, 8079
Wu Fan 11810
Wu FuAn 5029
Wu GaoLing 1513
Wu Gulang 7083
Wu Guang 7083
Wu Guang 7083
Wu Guang 7080
Wu GuoSheng 770, 5891, 12140
Wu GuSui 4695 12140 Wu GuSui 4695 Wu HanZhang 5928 Wu HongJi 11853 Wu HuaMei 7580 Wu HuaMei 7580 Wu HuanZhang 6980 Wu HuDie 12431 Wu HuiXia 4300 Wu JiaHe 977 Wu JiangSheng 7282 Wu JianGuo 10556 Wu JianZhong 379 Wu JingQiang 8079 Wu JingYin 982, 6239, 7412, 13462 Wu JiXiang 12288 Wu JiXiang 12288 Wu Ke 1293 Wu LianBin 11858 Wu LiangZhang 2415 Wu LiQiang 978 Wu LiRen 7867 Wu LuPing 4812 Wu MaoSen 7873 Wu LuPing 4812
Wu MaoSen 7873
Wu MaoSen 7873
Wu MioShen 11770
Wu MinSheng 9236
Wu Ping 1604, 12238
Wu QinDong 1721
Wu QinSheng 5649
Wu QiTiang 2937
Wu QuaAn 10000
Wu RongLin 7860
Wu RongLin 6269
Wu ShangZhong 6760
Wu ShangZong 10573
Wu ShengXin 11642
Wu ShengXin 2415
Wu ShengXing 2415
Wu ShiZhao 8079
Wu ShuTu 5605
Wu ShuTu 5605
Wu ShuZhi 10511
Wu SiZheng 9651
Wu TaPen 8022
Wu TianXia 4622, 9402
Wu TongLe 9644
Wu TsannHuei 13270
Wu WeiMin 355, 9262
Wu Win 3936
Wu Xiang Yu 7808, 13118 Wu WeiMin 355, 9262 Wu Win 3936 Wu XiangYu 7808, 13118 Wu XiaoJin 9242 Wu XiaoMei 6643 Wu XiaoMing 12281 Wu XiaoPing 12262 Wu XiaoYue 10138 Wu Yan 4770 Wu YanMin 9633 Wu YanYu 7340

Wu YuLiang 9662, 10542, 10574
Wu YunKang 5031
Wu YunTong 11171
Wu ZhaoHui 2975
Wu ZhaoSu 2466, 2468
Wu ZhengQing 2028, 7792
Wu ZhiQiang 2648
Wu ZhongHua 10877
Wu ZiKai 7946
Wu ZongPu 13094
Wubben, J. P. 11381
Wubben, M. 9455-9456
Wuehlisch, G. von 6285
Wuike, R. V. 13092
Wuillème, S. 3752
Wulf, A. de 1535
Wulff, B. B. H. 4772
Wulff, D. 5481
Wullems, G. J. 2932, 4026
Wünn, J. 613, 4537
Wurtele, E. S. 289
Wurtzel, E. T. 1590, 10386
Wutoh, J. G. 7027, 8306
Wycliffe, P. 11005, 11007
Wycoff, K. L. 10612
Wyk, A. E. van 9960, 13499
Wyk, B. E. van 1159, 11160, 13585
Wyman, J. 5071
Wymer, P. 10136 Wyk, A. E. van 9960, 13499
Wyk, B. E. van 1159, 11160,
13585
Wyman, J. 5071
Wymer, P. 10136
Wynne, J. C. 3983
Wypijewski, K. 5199
Wyrich, R. 9192
Wyse, D. L. 11881
Wysocka-Diller, J. 8951
Wysocka-Diller, J. W. 1316
Wysoki, M. 8864
Wysong, D. S. 11958
Wyszko, E. 5123
Xavier, D. F. 10516-10517
Xavier-Filho, J. 5788
Xena de Enrech, N. 8793, 8835
Xhuveli, L. 2254, 12597
Xi, D. W. 2016, 3091
Xi, Y. G. 1591, 10569
Xi, Y. Z. 2788
Xi DaiWen 2016, 3091
Xi YiZhen 2788
Xi YonGan 1591, 10569
Xia, A. M. 4049
Xia, B. 8881
Xia, B. L. 6108
Xia, L. F. 7503
Xia, L. Q. 4614
Xia, M. D. 9644
Xia, N. H. 2266, 5165
Xia, S. B. 6647
Xia, Y. W. 1584, 5595, 8077, 9251
Xia, Z. A. 12401
Xia, Z. P. 11829 Xia, Z. A. 12401 Xia, Z. P. 11829 Xia AiMei 4049 Xia BenLi 6108 Xia AlMei 4049
Xia BenLi 6108
Xia Bin 8881
Xia LanQin 4614
Xia LiFang 7503
Xia MingDing 9644
Xia ShanBao 6647
Xia YiJi 4501, 11468
Xia YingWu 1584, 5595, 8077, 9251
Xia ZhenAo 12401
Xia ZongPing 11829
Xian, J. K. 5888
Xian, X. C. 3936
Xian JiKai 5888
Xian XingCai 3936
Xiang, C. Y. 1040
Xiang, G. F. 9651
Xiang, Q. Y. 11260, 13555
Xiang, X. 8477

Wu YaoFang 977
Wu YaQin 12174
Wu YaQin 12174
Wu YeWen 6506
Wu YingRu 968, 10158
Wu YongJie 5992
Wu YongZhong 10606, 11897
Wu YuHu 9348
Wu YuLan 355, 9262
Wu YuLan 355, 9262
Wu YuLan 9662, 10542, 10574
Wu YunKang 5031
Wu YunCong 11171
Wu ZhaoHui 2975
Xiang WingHui 9615
Xiang MingHui 9615
Xiang MingHui 9615
Xiang Wu Yun 11260, 13555
Xiang Xu 8477
Xiang YuanHong 5614
Xiang ZhongHuai 3055, 11376
Xiao, C. H. 5979
Xiao, F. H. 8595, 12347 Xiao, F. H. 8595, 12347 Xiao, G. F. 1866 Xiao, J. F. 6643, 11558 Xiao, G. F. 1866
Xiao, J. F. 6643, 11558
Xiao, J. G. 158
Xiao, J. P. 3319
Xiao, K. 1406, 7801
Xiao, L. 504, 9650
Xiao, L. Z. 3307, 10221, 11483
Xiao, N. Y. 1866
Xiao, Q. 11897
Xiao, S. H. 975, 5413, 9078, 9708, 12759
Xiao, S. S. 4636
Xiao, S. Y. 1328, 3069
Xiao, T. J. 7503
Xiao, X. G. 730, 4897, 4902, 6004, 7148
Xiao, Y. 8861
Xiao, Y. 8861
Xiao, Y. N. 5625
Xiao, Z. Y. 11853
Xiao CenLin 5575
Xiao ChangHua 5979
Xiao FengHui 8595
Xiao GuangFei 1866 Xiao GuangFei 1866 Xiao JianFu 11558 Xiao JianFu 11558
Xiao JianFu 11558
Xiao JianGuo 158
Xiao JianGuo 158
Xiao JianPing 3319
Xiao JieFu 6643
Xiao Kai 1406, 7801
Xiao LingZhi 3307, 10221, 11483
Xiao Long 9650
Xiao NanYi 1866
Xiao Qiu 11897
Xiao ShiHe 5413, 9078, 12759
Xiao ShunHeng 9708
Xiao ShunHeng 9708
Xiao ShunYuan 1328, 3069
Xiao ShuSen 4636
Xiao SongHua 975
Xiao TiaoJiang 7503
Xiao XingGuo 730, 6004, 7148
Xiao YanNong 5625
Xiao Yu 8861 Alao XingGuo 730, 6004, 714
Xiao YanNong 5625
Xiao Yu 8861
Xiao ZhengYu 11853
Xie, C. 101, 4601
Xie, C. Q. 7651, 10216
Xie, D. X. 8934
Xie, F. D. 4616
Xie, F. L. 5038
Xie, F. X. 12927
Xie, J. H. 435, 11820
Xie, L. H. 444, 1593, 6189
Xie, M. S. 3135
Xie, M. T. 10662
Xie, Q. 9149
Xie, R. 441, 11810
Xie, S. X. 9073
Xie, W. J. 9227
Xie, X. B. 2642, 9231
Xie, Y. 7979
Xie, Y. F. 4356
Xie ChongQing 7651, 10216
Xie DaoXin 8934
Xie FangLing 5038
Xie Via Sanda S Xie DaoXin 8934
Xie FangLing 5038
Xie FuDi 4616
Xie FuXian 12927
Xie JiaHua 11820
Xie LianHui 6189
Xie LiHong 444, 1593
Xie MingTang 10662
Xie MuShui 3135
Xie Qi 9149
Xie Rong 441, 11810
Xie ShuiXan 9073
Xie WeiJun 9227 Xie WeiJun 9227 Xie XiaoBo 2642, 9231 Xie YeFeng 4356 Xiehe, T. 8052 Xin, Y. Q. 2797

Xin, Z. G. 1307, 11466 Xin, Z. Y. 3376, 5203, 9078 Xin YiQun 2797 Xin ZhanGuo 1307, 11466 Xin ZhiYong 3376, 5203, 9078, 10267 Ning, C. Z. 5037 Xing, C. Z. 5037 Xing, H. 9459 Xing, H. G. 12723 Xing, M. M. 8262 Xing, S. Y. 8722 Xing, W. J. 5272 Xing, Y. Y. 9269 Xing ChaoZhu 5037 Xing Han 9459 Xing HonGyan 12723 Xing Miao 8262 Xing ShiYan 8722 Xing WanJin 5272 Xing Yan Yan 9269 Xiong, E. H. 2463 Xiong, H. P. 11159 Xiong, L. M. 2355, 11464-11465 11405 Xiong, L. Z. 6762 Xiong, M. M. 1333 Xiong, S. Q. 3932 Xiong, X. H. 10138 Xiong, X. Y. 10954 Xiong, Z. M. 2652, 2654, 8058, 9230 Xiong, Z. T. 8815, 11259 Xiong EnHui 2463 Xiong HePing 11159 Xiong LiMing 2355, 11464 11465 Xiong MoMiao 1333
Xiong ShaoQing 3932
Xiong ShaoQing 3932
Xiong XingHua 10138
Xiong XingYao 10954
Xiong ZhenMin 2652, 2654, 8058, 9230
Xiong ZhiTing 8815, 11259
Xiou, J. C. 4801
Xiou JingChang 4801
Xu, B. 2788
Xu, B. F. 8350
Xu, C. B. 8465, 9750
Xu, C. C. 7091
Xu, C. G. 1575, 3621, 4542, 6762, 11787, 12945
Xu, C. W. 1597, 6815, 12992
Xu, D. M. 12504
Xu, F. H. 3194
Xu, F. X. 9446
Xu, G. H. 8077
Xu, G. Y. 5337
Xu, H. J. 5413, 7056, 9078, 11604, 12759
Xu, H. K. 4426
Xu, H. K. 4426
Xu, H. K. 4426
Xu, H. K. 4426 Xiong MoMiao 1333 Xu, H. K. 4426 Xu, H. L. 7559 Xu, H. M. 7004 Xu, H. P. 7936 Xu, H. Q. 9386 Xu, H. S. 12083 Xu, H. X. 2177, 9499 Xu, H. Z. 3171 Xu, J. 3340, 3394, 7804, 9225, 12465 Xu, J. B. 8353, 12076 Xu, J. B. 8353, 12076 Xu, J. C. 5844 Xu, J. L. 10569 Xu, J. P. 4198 Xu, J. T. 10090 Xu, J. W. 4551 Xu, J. Y. 464, 10570 Xu, L. J. 3526 Xu, I. I. 4420-4421 Xu, L. L. 4420-4421, 4567 Xu, L. P. 8600 Xu, L. W. 4984 Xu, M. Y. 6100 Xu, P. 1460 Xu, P. D. 6189 Xu, Q. 5976, 10175 Xu, Q. F. 3376 Xu, Q. G. 4545, 5576, 5592 Xu, Q. S. 2640, 9240 Xu, Q. X. 4797 Xu, Q. Z. 4634 Xu, R. J. 4300 Xu, R. L. 12092

Xu, R. Q. 3195, 7848, 9060, 11633 Xu, S. 101, 4601 Xu, S. C. 7867 Xu, S. D. 8053 Xu, S. J. 9383-9384 Xu, S. J. 9383-9384 Xu, S. P. 10785 Xu, S. X. 3619, 8053 Xu, S. Y. 2504, 9101 Xu, S. Z. 1260, 1513, 5269, 6525, 7651, 10216, 12661, 12668 12668
Xu, T. 6359, 7804
Xu, T. W. 5904, 10803
Xu, T. Z. 7463
Xu, W. 86
Xu, W. G. 10249
Xu, W. R. 9711
Xu, W. Y. 2800
Xu, W. Z. 11642
Xu, Y. 8683 Xu, W. Z. 11642 Xu, X. 8683 Xu, X. B. 3619, 8053 Xu, X. J. 4501 Xu, X. L. 4617, 8447 Xu, X. P. 6765, 9228, 11853 Xu, X. Y. 10249, 10806 Xu, X. Z. 9685, 11173 Xu, Y. 376, 2468, 4266, 4555, 11711 Xu, Y. B. 364, 5597 Xu, Y. B. 364, 5597 Xu, Y. G. 4420-4421 Xu, Y. H. 2797, 6901, 9101 Xu, Y. J. 10852 Xu, Y. M. 1040 Xu, Y. Q. 5040 Xu, Y. Q. 5040 Xu, Z. 10835 Xu, Z. B. 4382 Xu, Z. C. 13302 Xu, Z. D. 11324 Xu, Z. G. 5622, 13009 Xu, Z. H. 2071, 5884, 7706, 7723, 7804, 12401 Xu, Z. J. 9255 Xu, Z. N. 9662 Xu, Z. Q. 8231 Xu, Z. Y. 12281 Xu, Z. Y. 12281 Xu, Z. Y. 9444 Xu Bao 2788 Xu BingFang 8350 Xu BingFang 8350 Xu ChangBao 8465 Xu ChangCheng 7091 Xu ChenWu 1597, 6815, 12992 Xu ChuanBao 9750 Xu DuanMiao 12504 Xu FengXue 9446 Xu FuHua 3194 Xu GangYuan 5337 Xu GuangHua 8077 Xu HaiXin 9499 Xu HaiXin 9499 Xu HanQing 9386 Xu HeJin 7056 Xu HeKui 4426 Xu HengPing 7936 Xu HongZhi 3171 Xu HuaSong 12083 Xu HuiJun 5413, 9078, 11604, 12750 12759 Xu HuiLing 7559 Xu HuiMin 7004 Xu Ji 7804 Xu JiaBing 8353 Xu JianChu 5844 Xu JianLong 10569 Xu JianPing 4198 Xu Jin 12465 Xu JingTang 10090 Xu JingYou 464, 10570 Xu Jun 3394 Xu JuWei 4551 Xu LangLai 4420-4421, 4567 Xu LiJuan 3526 Xu LiJuan 3526 Xu LiPing 8600 Xu LiWen 4984 Xu MingLiang 7957 Xu PingDong 6189 Xu Qiang 5976, 10175 Xu QiaoZhen 4634 Xu QingGuo 4545, 5576, 5592 Xu QingXiou 4797 Xu QiongFang 3376, 10267 Xu QiuSheng 9240

Xu QuiSheng 2640 Xu RongQi 3195 Xu RuiJi 4300 Xu Ruili 4500 Xu RuiLing 12092 Xu RuQiang 7848, 9060, 11633 Xu ShangZhong 1513 Xu ShaoYing 2504 Xu ShiChang 7867 Xu ShiXiong 3619, 8053 Xu ShiZhong 1260, 5269, 6525, 7651, 10216, 12661, 12668 7651, 10216, 12661, Xu ShuPing 10785 Xu Tao 6359, 7804 Xu TingZhi 7463 Xu TiWei 5904, 10803 Xu Wei 86 Xu WeiGang 10249 Xu WenYing 2800 Xu WenZhen 11642 Xu WinRong 9711 Xu Xian 8683 Xu Xian 8683 Xu Xian 8683 Xu XiangLing 4617 Xu XiangYang 10249, 10806 Xu XiaoJie 4501 Xu XiLou 8447 Xu XinPing 6765, 9228, 11853 Xu XiZeng 11173 Xu XueBin 3619, 8053 Xu XueZhi 9685 Xu Yan 4555 Xu Yan 0in 5040 Xu YanQin 5040 Xu YiHua 6901 Xu Yong 2468, 4266 Xu YongGao 4420-4421 Xu YongHua 2797 Xu YouMing 1040 Xu Yuan 11711 Xu YueJin 10852 Xu YunBi 364, 5597 Xu YunBi 364, 5597 Xu ZhanYou 9444 Xu Zhen 10835 Xu ZhengJin 9255 Xu ZhenSin 9262 Xu ZhenXiu 12281 Xu ZhiBin 4382 Xu ZhiBin 4382 Xu ZhiDong 11324 Xu ZhiGang 5622, 13009 Xu ZhiHong 2071, 5884, 7706, 7723, 7804, 12401 Xu ZhongChuan 13302 Xu ZhongChuan 13302 Xu Ziongendan Xu ZiQin 8231 Xue, A. G. 7515 Xue, B. D. 5928 Xue, C. G. 6771 Xue, G. R. 10870 Xue, G. R. 10870 Xue, G. X. 8056 Xue, H. Q. 8556, 8575 Xue, H. W. 5884, 10785 Xue, J. M. 1594, 9272, 12288 Xue, J. R. 5163, 6394 Xue, P. 7095 Xue, Q. 242 Xue, Q. Z. 415, 435, 2658, 11791, 11819-11820 Xue, R. 6759, 9231 Xue, Z. T. 13276 Xue BaoDi 5928 Xue GuangRong 10870 Xue GuangXing 8056 Xue HongWei 5884, 10785 Xue HuiQin 8556, 8575 Xue JianMing 1594, 9272, Xue, G. R. 10870 Xue JianMing 1594, 9272, 12288 Xue JiaRong 5163, 6394 Xue Ping 7095 Xue QingZheng 11791 Xue QingZhong 415, 2658, 11819-11820 Xue Rui 6759, 9231 Xue ZhongTian 13276 Yabuya, T. 3298, 3300 Yacine, A. 5057 Yadav, B. 3466, 12711 Yadav, B. P. 3868 Yadav, B. R. D. 3924 Yadav, B. R. D. 3924 Yadav, I. S. 8516, 8587 Yadav, N. K. 5563 Yadav, N. R. 6807, 7041 Yadav, O. P. 6737, 8027 Yadav, P. 3320 Yadav, R. 2245, 11623

Yadav, R. C. 7041 Yadav, R. D. S. 5588 Yadav, R. K. 5417, 6110, 6950, 12338 Yadav, S. A. 2082 Yadav, S. R. 9830 Yadav, S. S. 5588 Yadav, S. S. 5588 Yadav, W. S. 13110 Yadav, Y. 7286 Yadav, Y. P. 8512 Yadava, H. S. 3598, 4466 Yadava, R. K. 174, 5371 Yadava, T. P. 2020, 8513, 8516, 8523-8524, 8587 8523-8524, 8587
Yadava, U. L. 2988, 4918
Yadegari, R. 7640
Yadrov, A. A. 10986-10987
Yae, B. W. 12153
Yae ByeongWoo 12153
Yaegashi, H. 469
Yagasaki, K. 6913
Yagbasanlar, T. 12736
Yaghoobi, J. 5932, 13228
Yahia, N. 528
Yahiaoui, N. 6265, 12393
Yai, J. B. 1431
Yai JinBao 1431
Yakir, D. 12423 Yakir, D. 12423 Yakovlev, S. Š. 9976 Yakubov, B. 10167 Yalovskaya, A. I. 559 Yalpani, N. 10488, 11739 Yamada, H. 2662, 4558 Yamada, K. 383, 10793 Yamada, M. 3611, 4934 Yamada, S. 1692, 4038, 6167 Yamada, T. 621, 631, 2876, 5759, 10615, 12024, 12120 Yamada, Y. 3165, 3938, 6550, 9878, 13425 Yamagata, H. 6839, 6907, 8242, 8244, 8794, 13073 Yamagishi, H. 711, 12063, 12065 Yamagishi, K. 10193 Yamaguchi, H. 4977, 7641, Yamaguchi, I. 222, 5585, 9246, 13427 Yamaguchi, J. 3524, 6791, 7762, 8043, 11807 Yamaguchi, K. 7105 Yamaguchi, M. 469, 4802 Yamaguchi, S. 8944 Yamaguchi, T. 10024 Yamaguchi, Y. 4544 Yamaguchi-Shinozaki, K. 90, 1323, 2356, 3367, 4220, 6516, 10167, 12656-12657 Yamaji, S. 7902 Yamakawa, K. 7092 Yamakawa, M. 13556 Yamakawa, O. 5838, 5841, 7183, 9545 Yamamori, M. 3479 Yamamoto, H. 3479 Yamamoto, K. 368, 381, 2662, 4549, 4558, 5228, 5582, 8046 Yamamoto, K. T. 1311, 4255, 11449 Yamamoto, M. 3938, 4446, 4708, 6488, 8104, 9616, 10270, 11449 Yamamoto, N. 5302, 11780, 12377 Yamamoto, T. 424, 5582, 8486, 11798, 12046 Yamamoto, Y. Y. 11426 Yamamura, H. 4928 Yamamura, S. 3425, 6325, 6327, 8336, 8789 Yaman, M. 5773 Yamanaka, S. 4230 Yamanaka, T. 7738 Yamanouchi, U. 383, 6833 Yamaoka, N. 593 Yamasaki, M. 9637 Yamasaki, N. 4077 Yamashita, I. 13556 Yamashita, S. 5112

Author Index
Yamauchi, A. 3623, 3625, 3706-3707
Yamauchi, H. 11122 Yamauchi, N. 6186
Yamazaki, K. 9223, 11580 Yamazaki, M. 909, 3994
Yamauchi, Y. 6284 Yamazaki, K. 9223, 11580 Yamazaki, M. 909, 3994 Yamazaki, T. 4142 Yamazaki, Y. 5319, 6571 Yambe, M. 7278
Van C G 2151
Yan, C. Q. 3610 Yan, C. S. 7770 Yan, F. L. 4614
Yan, G. J. 4888 Yan, H. 8353
Yan, H. H. 2652 Yan, H. M. 11848 Yan, J. 2671, 3511, 4313, 4584, 5315
Yan, J. M. 2460 Yan, J. Q. 11799, 11819 Yan, J. Y. 5669 Yan, L. F. 5761
Yan, L. F. 5761 Yan, Q. C. 11711 Yan, Q. H. 2660 Yan, Q. S. 2807, 4639, 6772,
10553
Yan, Q. Y. 9399 Yan, R. L. 10792 Yan, S. R. 9425
Yan, W. 3622, 3664, 10113
Yan, X. L. 11846, 11976 Yan, X. M. 2606
Yan, X. D. 2440 Yan, X. F. 9101 Yan, X. L. 11846, 11976 Yan, X. M. 2606 Yan, X. Q. 2654 Yan, Y. M. 5385, 7834, 9390 Yan, Y. T. 3659 Yan, Z. H. 4796 Yan, Z. L. 4793 Yan Bo 10064
Yan, Z. H. 4796 Yan, Z. L. 4793 Yan Bo 10064
Yan ChangSheng 7770 Yan ChengQi 3610
Yan ChunGeng 2151 Yan FuLin 4614 Yan Hong 8353
Yan HuiHuang 2652 Yan HuiMin 11848 Yan Ji 3511, 4313, 4584, 5315,
11887 Yan JianMin 2460 Yan JiYu 5669
Yan JuQiang 11819 Yan LongFei 5761
Yan QiChuan 11711 Yan QingShang 2807, 4639 Yan QingYan 9399
Yan QiuSheng 2660, 6772 Yan QuiSheng 10553 Yan RuLai 10792
Yan ShuRong 9425 Yan XiaoLong 11846, 11976 Yan XiMei 2606
Yan XuDong 2440 Yan XueQiang 2654 Yan YueMing 5385, 7834, 9390
Yan YueMing 5385, 7834, 9390 Yan ZhenLi 4793 Yan ZhiHong 4796
Yanagawa, Y. 9223 Yanagi, S. O. 12576 Yanagihara, S. 3617, 10562
Yanagisawa, S. 4481, 4487
Yanagisawa, T. 5585, 7810 Yanagisawa, Y. 2799 Yancheva, A. 6162 Yanchuk, A. D. 7465
Yaneshita, M. 2728, 11894 Yanev, Sh. 10261 Yáñez, E. 4683
Yang, A. D. 5416 Yang, B. 9233
Yang, B. C. 9649 Yang, B. K. 9211 Yang, C. 4350
Yang, C. D. 11858 Yang, C. H. 3823, 7036, 7736, 10178, 11453 Yang, C. S. 6764, 9736
Yang, C. S. 6764, 9736 Yang, C. Y. 9619

V D 0000
Yang, D. 2638
Vang D. C. 10063
Yang, D. B. 5625 Yang, D. C. 10063 Yang, F. Y. 4101
Yang, G. 4812
Yang, G. C. 431
Yang, G. F. 433, 3599, 3607 Yang, G. M. 507, 4590
Yang, G. M. 507, 4590
Yang G P 6762
Yang, G. S. 6081
Yang, G. W. 3055
Yang, G. S. 6081 Yang, G. W. 3055 Yang, H. 11053
Yang, H. H. 2640 Yang, H. M. 7792 Yang, H. Q. 3171
Yang, H. M. 7792
Yang, H. Q. 3171
Yang, H. Y. 4273, 6205, 7719, 8350, 12381
Vang I 3644 4801
Yang, J. 3644, 4801 Yang, J. B. 2657
Yang, J. C. 420, 9249, 11803,
12478, 12485
Yang I G 3599 9618
Yang, J. J. 31
Yang, J. L. 2704, 3511, 4313,
Yang, J. J. 31 Yang, J. L. 2704, 3511, 4313, 4353, 4584-4585, 5315, 5605,
10602, 11563, 11593-11594, 11887, 12733, 13040
Yang, J. M. 1901 Yang, J. P. 726 Yang, J. S. 3610, 11789, 13329 Yang, J. Y. 433, 3607 Yang, K. 2459
Yang, J. S. 3610, 11789, 13329
Yang, J. Y. 433, 3607
Yang, K. 2459
Yang, K. Q. 13341
Yang, K. Y. 10152
Yang, K. Z. 3135
Yang, K. Q. 13341 Yang, K. Y. 10152 Yang, K. Z. 3135 Yang, L. 7807
Yang, L. G. 1545 Yang, L. H. 7389 Yang, L. J. 8642
Vang I I 2642
Yang, L. M. 2933, 8103, 8346,
12074
Yang, L. P. 10035
Yang, L. O. 6788
Yang, M. 9888, 11459
Yang, M. 9888, 11459 Yang, M. Z. 3293 Yang, Q. 4135
Yang, Q. 4135
Yang, Q. H. 8595
Yang, Q. K. 2796, 4627, 4637, 9401, 9446, 9448-9449
Yang, Q. S. 9639
Yang, O. Y. 760, 6760, 10573
Yang, Q. Y. 760, 6760, 10573 Yang, R. F. 2151, 7576, 10052,
10772
37 0 7111 10404
Yang, S. /111, 13434
Yang, S. 7111, 13434 Yang, S. C. 9708, 10864
Yang, S. 7111, 13434 Yang, S. C. 9708, 10864 Yang, S. H. 12927
Yang, S. J. 440, 8082, 9212-
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. Q. 7797 Yang, S. R. 9255 Yang, S. Y. 7095 Yang, T. 9024, 10354 Yang, T. H. 8829 Yang, T. J. 4777 Yang, W. 6759 Yang, W. P. 9146 Yang, W. Q. 2802 Yang, W. Y. 5340 Yang, W. Y. 5340 Yang, X. 9072 Yang, X. E. 1594, 9272 Yang, X. H. 9404 Yang, X. M. 3205, 6561, 10086, 10794 Yang, X. M. 6081 Yang, X. Q. 8696 Yang, X. W. 11535
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. Q. 7797 Yang, S. R. 9255 Yang, S. Y. 7095 Yang, T. 9024, 10354 Yang, T. H. 8829 Yang, T. J. 4777 Yang, W. 6759 Yang, W. P. 9146 Yang, W. Q. 2802 Yang, W. Y. 5340 Yang, W. Y. 5340 Yang, X. 9072 Yang, X. E. 1594, 9272 Yang, X. H. 9404 Yang, X. M. 3205, 6561, 10086, 10794 Yang, X. M. 6081 Yang, X. Q. 8696 Yang, X. W. 11535
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. Q. 7797 Yang, S. R. 9255 Yang, S. Y. 7095 Yang, T. 9024, 10354 Yang, T. H. 8829 Yang, T. J. 4777 Yang, W. 6759 Yang, W. P. 9146 Yang, W. Q. 2802 Yang, W. Y. 5340 Yang, W. Y. 5340 Yang, X. 9072 Yang, X. E. 1594, 9272 Yang, X. H. 9404 Yang, X. M. 3205, 6561, 10086, 10794 Yang, X. M. 6081 Yang, X. Q. 8696 Yang, X. W. 11535
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. Q. 7797 Yang, S. R. 9255 Yang, S. Y. 7095 Yang, T. 9024, 10354 Yang, T. H. 8829 Yang, T. J. 4777 Yang, W. 6759 Yang, W. P. 9146 Yang, W. Q. 2802 Yang, W. Y. 5340 Yang, W. Y. 5340 Yang, X. 9072 Yang, X. E. 1594, 9272 Yang, X. H. 9404 Yang, X. M. 3205, 6561, 10086, 10794 Yang, X. M. 6081 Yang, X. Q. 8696 Yang, X. W. 11535
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. Q. 7797 Yang, S. R. 9255 Yang, S. Y. 7095 Yang, T. 9024, 10354 Yang, T. H. 8829 Yang, T. J. 4777 Yang, W. 6759 Yang, W. P. 9146 Yang, W. Q. 2802 Yang, W. Y. 5340 Yang, W. Y. 5340 Yang, X. 9072 Yang, X. E. 1594, 9272 Yang, X. H. 9404 Yang, X. M. 3205, 6561, 10086, 10794 Yang, X. M. 6081 Yang, X. Q. 8696 Yang, X. W. 11535
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. Q. 7797 Yang, S. R. 9255 Yang, S. Y. 7095 Yang, T. 9024, 10354 Yang, T. H. 8829 Yang, T. J. 4777 Yang, W. 6759 Yang, W. P. 9146 Yang, W. Q. 2802 Yang, W. Y. 5340 Yang, W. Y. 5340 Yang, X. 9072 Yang, X. E. 1594, 9272 Yang, X. H. 9404 Yang, X. M. 3205, 6561, 10086, 10794 Yang, X. M. 6081 Yang, X. Q. 8696 Yang, X. W. 11535
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. Q. 7797 Yang, S. R. 9255 Yang, S. Y. 7095 Yang, T. 9024, 10354 Yang, T. H. 8829 Yang, T. J. 4777 Yang, W. 6759 Yang, W. P. 9146 Yang, W. Q. 2802 Yang, W. Y. 5340 Yang, W. Y. 5340 Yang, X. 9072 Yang, X. E. 1594, 9272 Yang, X. H. 9404 Yang, X. M. 3205, 6561, 10086, 10794 Yang, X. M. 6081 Yang, X. Q. 8696 Yang, X. W. 11535
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. Q. 7797 Yang, S. R. 9255 Yang, S. Y. 7095 Yang, T. 9024, 10354 Yang, T. H. 8829 Yang, T. J. 4777 Yang, W. 6759 Yang, W. P. 9146 Yang, W. Q. 2802 Yang, W. Y. 5340 Yang, W. Y. 5340 Yang, X. 9072 Yang, X. E. 1594, 9272 Yang, X. H. 9404 Yang, X. M. 3205, 6561, 10086, 10794 Yang, X. M. 6081 Yang, X. Q. 8696 Yang, X. W. 11535
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. Q. 7797 Yang, S. R. 9255 Yang, S. Y. 7095 Yang, T. 9024, 10354 Yang, T. H. 8829 Yang, T. J. 4777 Yang, W. 6759 Yang, W. P. 9146 Yang, W. Q. 2802 Yang, W. Y. 5340 Yang, W. Y. 5340 Yang, X. 9072 Yang, X. E. 1594, 9272 Yang, X. H. 9404 Yang, X. M. 3205, 6561, 10086, 10794 Yang, X. M. 6081 Yang, X. Q. 8696 Yang, X. W. 11535
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. Q. 7797 Yang, S. R. 9255 Yang, S. Y. 7095 Yang, T. 9024, 10354 Yang, T. H. 8829 Yang, T. J. 4777 Yang, W. 6759 Yang, W. P. 9146 Yang, W. Q. 2802 Yang, W. Y. 5340 Yang, W. Y. 5340 Yang, X. 9072 Yang, X. E. 1594, 9272 Yang, X. H. 9404 Yang, X. M. 3205, 6561, 10086, 10794 Yang, X. M. 6081 Yang, X. Q. 8696 Yang, X. W. 11535
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. Q. 7797 Yang, S. R. 9255 Yang, S. Y. 7095 Yang, T. 9024, 10354 Yang, T. H. 8829 Yang, T. J. 4777 Yang, W. 6759 Yang, W. P. 9146 Yang, W. Q. 2802 Yang, W. Y. 5340 Yang, W. Y. 5340 Yang, X. 9072 Yang, X. E. 1594, 9272 Yang, X. H. 9404 Yang, X. M. 3205, 6561, 10086, 10794 Yang, X. M. 6081 Yang, X. Q. 8696 Yang, X. W. 11535
Yang, S. J. 440, 8082, 9212- 9214 Yang, S. L. 958 Yang, S. P. 9386 Yang, S. O. 7797

Yang, Z. B. 1714, 2835 Yang, Z. D. 11823 Yang, Z. L. 441, 5333, 5421, 10269

Yang WenYu 2873 Yang WuYun 5340 Yang XianMei 10794 Yang XiaoE 1594, 92 Yang, Z. P. 10578 Yang, Z. Q. 4801 Yang, Z. Y. 10870, 11787, 12598 Yang AiDong 5416 Yang BaiChun 9649 Yang Bin 9233 Yang BoKap 9211 Yang Cai 4350 Yang Cai 4350 Yang ChangDeng 11858 Yang ChangHsien 3823, 7736, 10178, 11453 Yang ChangHua 7036 Yang ChengShan 9736 Yang ChengShan 9736 Yang ChingYan 9691 Yang ChunSong 6764 Yang DeokChun 10063 Yang DingBing 5625 Yang FengYing 4101 Yang Gao 4812 Yang Gao 4812 Yang GeunMo 507, 4590 Yang GuangSheng 6081, 12274 Yang GuangWei 3055 Yang GuiFen 433, 3599, 3607 Yang GuoCai 431 Yang HeHua 2640 Yang HeHua 2040 Yang HongQuan 3171 Yang HongYuan 6205, 8350 Yang HongYun 4273, 7719 Yang HuiMin 7792 Yang JenqChuan 12478 Yang JiaLing 5605 Yang JianChang 420, 9249, 11803 Yang JianGuo 9618 Yang JiangYi 433 Yang JianGyi 3599 Yang Jiang Yi 3607 Yang Jiang Yi 3607 Yang JianJun 31 Yang JianMing 1901 Yang JianPing 726 Yang Jing 4801 Yang JinLiang 4584 Yang JinShui 3610, 11789 Yang JiuSherng 13329 Yang JuBao 2657 Yang Jun Jiang 2704 3511 Yang Junao 2057 Yang JunLiang 2704, 3511, 4313, 4353, 4585, 5315, 10602, 11563, 11593-11594, 11887, 13040 Yang Kai 2459 Yang KeQiang 13341 Yang KunZheng 3135 Yang Li 7807 Yang LianQun 6788 Yang LiGuo 1545 Yang LiHua 7389 Yang LiMei 2933, 8346, 12074 Yang LiMin 8103 Yang LiPing 10035 Yang MeiZhu 3293 Yang MeiZhu 3293 Yang Ming 9888 Yang Qian 4135 Yang QingHui 8595 Yang QingKai 2796, 4627, 4637, 9401, 9446, 9448-9449 Yang QingShan 9639 Yang QiYing 760 Yang QiYun 6760, 10573, 13016 Yang RuiFang 2151, 7576 Yang RuiFang 2151, 7576, 10052, 10772 Yang SaeJun 9212-9214 Yang Sen 7111 Yang ShaoChun 9708 Yang ShiHua 12927 Yang ShouPing 9386 Yang ShouRen 9255 Yang ShuChen 10864 Yang ShuLi 958 Yang ShuQin 7797 Yang ShuYun 7095 Yang TaeJin 4777 Yang TeHsiun 8829 Yang WanQiao 2802 Yang Wei 6759 Yang WenPeng 9146

Yang XianMei 10/94 Yang XiaoE 1594, 9272 Yang XiaoNiu 6081 Yang XiaoQuan 8696 Yang XiaoXin 2796 Yang XiaoYun 8349 Yang XingMei 10086 Yang XiuHong 9404 Yang XiWen 11535 Yang XueMei 3205 Yang YaJun 9854 Yang Yan 6249 Yang YanSheng 8608 Yang YaoChen 11833 Yang YauWen 4754, 12066 Yang Yong 4920, 4927 Yang YongGang 10802 Yang YouCai 9023 Yang Yuai 12288 Yang Yuan 3879 Yang YuePing 5100 Yang YuHong 12126 Yang YuMin 11198 Yang YuMin 11198
Yang ZhenBiao 1714, 2835
Yang ZhengLin 441
Yang ZhenYing 10870
Yang ZhongQun 4801
Yang ZhongQin 4801
Yang ZhongYi 12598
Yang ZhuPing 10578
Yang ZuLi 5421, 10269
Yang ZuoDong 11823
Yankuloff, Y. 1139
Yankulova, M. 7396
Yano H. 7265 Yano, H. 7265 Yano, M. 369, 380, 424, 1588, 2653, 4549, 5313, 5582, 6833, 8048, 10550, 11798, 6833, 8048, 10550, 1179 13302 Yano, T. 8334 Yanofsky, M. F. 49, 6493, 7707, 7940 Yanovsky, M. J. 73 Yanpaisan, W. 7581 Yao, F. Y. 3621 Yao, G. C. 1431 Yao, H. 3451 Yao, J. L. 411 Yao, J. S. 8691 Yao, J. X. 2414, 9648 Yao, K. M. 5589 Yao, K. M. 5589 Yao, M. C. 13624 Yao, P. F. 5601 Yao, P. F. 5601 Yao, Q. 9662 Yao, Q. A. 2494, 2496 Yao, Q. J. 3228 Yao, W. Y. 10788 Yao, X. F. 9750 Yao, Y. 6259 Yao, Y. G. 9618 Yao GuoCai 1431 Yao GuoCai 1431 Yao Hong 3451 Yao JiaLing 411 Yao JianXing 9648 Yao JingXia 2414 Yao JunSi 8691 Yao KeMin 5589 Yao MengChao 13624 Yao PingFei 5601 Yao Qiang 9662 Yao QingJu 3228 Yao WenYue 10788 Yao XueFeng 9750 Yao YuanGan 9618 Yapa, P. A. J. 7422 Yapi, A. 9720 Yarborough, D. E. 8863 Yashima, S. 10562, 12987 Yashiro, K. 3181 Yashiroda, H. 12378 Yashiroda, H. 12378
Yasin, M. 11822
Yassi, A. 6843
Yasuda, K. 5749
Yasui, H. 401, 8045, 8107, 10538
Yasui, T. 7810
Yasui, Y. 11859
Yasumuro, Y. 10267, 11549
Yatsenko, I. A. 11127
Yatsu, H. 11920 Yatsu, H. 11920

Yau, J. C. K. 7532 Yau, S. K. 1420 Yaver, D. S. 12134 Yaxley, J. 1715 Yazaki, J. 3816 Yazaki, K. 8830 Yazawa, S. 8107 Yazdi-Samadi, B. 12745 Ye, C. 11710 Ye, C. R. 13002 Ye, C. X. 3257, 7365, 11099 Ye, D. P. 7340 Ye, G. N. 8446 Ye, J. S. 3229, 11410 Ye, M. B. 4421 Ye, M. J. 5613 Ye, M. Z. 2673, 9711 Ye, Q. F. 1986 Ye, T. L. 330 Ye, X. G. 8251, 11604 Ye, X. S. 1040 Ye, Z. H. 3400 Ye ChangRong 13002 Yazdi-Samadi, B. 12745 Ye ChangRong 13002 Ye ChuangXing 3257, 7365, Ye Chun'e 11710 Ye DaPeng 7340 Ye JinShan 3229 Ye JiShu 11410 Ye MaoBing 4421 Ye MaoZong 9711 Ye MingJu 5613 Ye MingZhi 2673 Ye QianFa 1986 Ye TaoLing 330 Ye XingGuo 8251, 11604 Ye XinShan 1040 Ye ZhengHua 3400 Yeang, H. Y. 9931, 12430 Yearsley, J. M. 5277 Yeboah, D. K. 1967 Yeboah, N. A. 4625 Yee, J. 8955 Yee, K. M. 10193 Yee, K. M. 10193 Yee, L. K. 4939 Yeh, C. W. 3245 Yeh, F. C. 2177, 7474, 9956 Yeh, K. W. 4660, 12052 Yeh, M. S. 9816 Yeh, S. D. 13329 Yeh ChienWan 3245 Yeh KaiWun 4660 Yeh Man Shing 9816 Yeh KaiWun 4660 Yeh MauShing 9816 Yeh ShyiDong 13329 Yehezkel, A. 3843 Yellaiah, N. 2054, 3984 Yelle, S. 3789, 12871 Yellow Rock Native Nursery Yellow Rock Native Nursery Pty Ltd 1065, 13552 Yen, C. 2704, 4353, 4585, 5333, 10602, 11563, 11593-11594, 12733, 13040 Yen, C. N. 5240 Yen, C. R. 9731, 9741 Yen, D. E. 12696 Yen, H. C. 2955 Yen, Y. 2409, 4358, 11940, 13040 Yen Chi 2704, 4353, 4585, 10602, 11563, 11593-11594, 13040 Yen ChungRuey 9731, 9741 Yen Yang 11940, 13040 Yenice, N. 3114 Yeo, A. R. 2665, 5198 Yeo, H. J. 728 Yeo, S. K. 8827, 8855 Yeo, U. S. 9212, 9214 Yeo Hyeleong 728 Yeo SuKab 8827, 8855 Yeo UnSang 9212, 9214 Yeoh, H. H. 2889 Yeoh, H. H. 2889 Yerk, G. L. 5498 Yeon HockHin 2889 Yerk, G. L. 5498 Yermiyahu, U. 3489 Yesodi, V. 1102, 6350, 7549 Yetneberk, S. 6732 Yi, B. Y. 7270 Yi, G. H. 440, 9214 Yi, H. L. 9710 Yi, J. X. 760

Yi, M. L. 904 Yi, Q. M. 11829 Yi, S. H. 13518 Yi, S. Y. 9902 Yi, Z. 11770 Yi, Z. B. 5554 Yi BuYoung 7270 Yi GiHwan 9214 Yi HauLin 9710 Yi JinXin 760 Yi JinXin 760 Yi MingLin 904 Yi QingMing 11829 Yi SoYoung 9902 Yi SunHe 13518 Yi ZhiBen 5554 Yi Zhou 11770 Yiem, M. S. 1872 Yiem MyoungSoon 1872 Yildirim, A. 11645 Yıldırım, A. F. 4439 Yıldız, A. 13283 Yıldız, A. A. 13283 Yildiz, H. 3887 Yildiz, M. 9347 Yılmaz, A. 198, 4415 Yılmaz, M. 12177 Yılmazer, R. 2971 Yin, C. Y. 5513, 8684 Yin, D. 6356 Yin, D. 6356 Yin, G. D. 441 Yin, J. F. 13279 Yin, K. L. 1932, 8453, 12234 Yin, L. Q. 1589, 4721, 11021 Yin, S. H. 5013 Yin, X. H. 5013 Yin, X. Y. 3627 Yin, X. Y. 3627 Yin, Z. B. 330 Yin, Z. H. 2957 Yin, Z. J. 7801 Yin ChengYi 5513, 8684 Yin ChengYi 5513, 8684 Yin Dong 6356 Yin GuoDa 441 Yin JinFeng 13279 Yin KeLin 1932, 8453, 12234 Yin LiQing 1589, 4721, 11021 Yin LiQing 1589, 472 Yin LiRong 6031 Yin ShaoHui 5013 Yin XiaoHui 9265 Yin XinYou 3627 Yin YanHai 2637 Yin ZhenJun 7801 Yin ZhuangBing 330 Yin ZuHua 2957 Ying, C. B. 3610 Ying, C. C. 4094 Ying, C. S. 2643 Ying ChengBo 3610 Ying CunShan 2643 Yip, L. 4293 Yiu, T. J. 5725, 6904 Yiu TienJoung 5725, 6904 Yoder, J. I. 13215 Yoder, O. C. 11348 Yoganathan, A. 1590 Yokoi, M. 12930 Yokoi, S. 11838 Yokoi, S. 11838 Yokomi, R. K. 7089 Yokomizo, G. K. 9397 Yokota, A. 11122, 13425 Yokota, T. 2353, 10145 Yokota, Y. 82 Yokoyama, R. 12642 Yokozeki, Y. 12993 Yoneda, Y. 1077 Yonemaru, J. 429, 10615 Yonemori, K. 3955, 4926 Yonemori, K. 3955, 4926, 12260 Yonemoto, J. Y. 8486 Yonemoto-Kurihara, S. 927 Yonetani, A. 1510 Yonezawa, K. 8967 Yonezawa, K. 8967 Yong, W. R. 9302 Yong, Y. Y. 896 Yong, Z. 9360 Yong WooRim 9302 Yong YitYuan 896 Yong Zhan 9360 Yoo, C. M. 11933 Yoo, Y. K. 4109

Yoo ChangHyun 7620 Yoo CheolMin 11933 Yoo YongKweon 4109 Yoon, J. Y. 3852 Yoon, M. 13301 Yoon, M. K. 1801 Yoon, M. S. 10642 Yoon Jin Young 3852 Yoon MooKyoung 1801 Yoon MunSup 10642 Yordanov, Y. 9333 Yordanova, R. 9333 Yordanova, R. 9333 Yoshiaki, H. 7278 Yoshida, A. 12165 Yoshida, H. 3453, 5946, 7810, 12773 12773 Yoshida, I. 8794 Yoshida, K. 3520, 6168 Yoshida, M. 1618, 2465, 4802, 4934, 8486
Yoshida, R. 11836
Yoshida, S. 3165
Yoshida, T. 5557, 5617-5618, 6812, 8011, 8020, 8833, 8836, 9496, 10763, 11765-11766
Yoshida, Y. 9585
Yoshihara, T. 383, 10639
Yoshihira, T. 12843
Yoshii, M. 3410
Yoshikawa, H. 3817
Yoshikawa, M. 593
Yoshimaru, H. 12483
Yoshimaru, H. 12483 4934, 8486 Yoshimatu, K. 1120, 8876 Yoshimatsu, K. 1120, 8876 Yoshimoto, K. 11416 Yoshimoto, M. 5841 Yoshimura, A. 362, 401, 449, 6789, 8107 Yoshimura, K. 4745, 7045 Yoshimura, S. 6833 Yoshinaga, M. 5840, 9545 Yoshino, H. 9552 Yoshino, H. 9552 Yoshioka, H. 530 Yoshioka, N. 3410 Yoshioka, T. 5998, 6000, 12165 Yoshizumi, T. 2559 Yosikawa, H. 4741 You, C. H. 8860 You, G. X. 2633 You, M. G. 11940 You, N. S. 2645, 11796 You, R. L. 6335, 11250 You, T. F. 1916 You ChangHyun 8860 You ChangHyun 8860 You GuangXi 2633 You MinGan 11940 You NianShun 2645, 11796 You RuiLin 6335, 11250 You TianFu 1916 Youn, Y. 5059 Young, A. G. 9987 Young, C. L. 9302 Young, E. 8411 Young, E. 8411
Young, E. M. 1601
Young, G. 2498, 4467
Young, J. 3729
Young, J. C. 10209
Young, J. E. 3671
Young, K. A. 10477, 11668
Young, L. D. 10652, 13099
Young, N. D. 1695, 2780, 5120, 5211, 5744, 10636, 10660
Young, R. J. 690
Young, R. J. 690
Young, S. A. 1394, 1635, 5663
Young, S. C. 9302
Young, T. E. 3558, 9165
Young, W. C., III 491
Young, W. P. 10660
Young ChulLim 9302
Young ChulLim 9302
Younguist W. 9074
Youns, F. G. 8676
Yousefi, B. 13137
Yousif, A. K. 7206-7207, 13299
Yousif, D. P. 6694, 9131, 9169
Youssef, E. M. A. 2003
Yu. B. X. 5027 Young, E. M. 1601 Youssef, E. M. A. 2003 Yu, B. X. 5027 Yu, C. M. 11159 Yu, D. 12931

Yu, D. Q. 4696, 11266 Yu, H. 3228, 3331 Yu, H. X. 8050 Yu, H. Y. 448 Yu, I. C. 11469 Yu, J. 1590, 2144, 6215 Yu, J. C. 6615 Yu, J. H. 9752, 11702 Yu, J. W. 4778-4779 Yu, K. H. 649 Yu, L. 6311 Yu, L. 6311 Yu, L. Q. 5041 Yu, L. X. 5911 Yu, L. Y. 10325 Yu, L. Y. Y. 7235, 7567 Yu, M. D. 3055 Yu, M. H. 2093 Yu, P. T. 5100 Yu, O. 8528 Yu, Q. 8528 Yu, S. B. 3621, 4542, 6771 Yu, S. C. 1883, 13267 Yu, S. J. 7333 Yu, S. J. 7333 Yu, S. L. 8556, 12931 Yu, S. M. 7564, 8407, 8819, 10533, 11063, 11802, 12933 Yu, T. A. 13329 Yu, T. Q. 9254 Yu, T. S. 4260 Yu, W. 6454 Yu, X. D. 7722 Yu, X. M. 8407, 11630 Yu, Y. G. 1594, 9272 Yu, Y. J. 4356, 8684 Yu, Y. M. 3834 Yu, Y. M. 3834 Yu, Z. H. 10086 Yu, Z. L. 4636 Yu BiXia 5027 Yu ChunMing 11159 Yu Di 12931 Yu DiQiu 4696, 11266 Yu FuLian 9854-9855 Yu Han Yong 448 Yu HengXiu 8050 Yu Hong 3228, 3331 Yu IChing 11469 Yu JaeWoong 4778-4779 Yu JianChun 6615 Yu JianHua 9752, 11702 Yu KhinHnin 649 Yu Ling 6311 Yu LiYun 10325 Yu LongQi 5041 Yu LongXi 5911 Yu MaoDe 3055 Yu PeiTao 5100 Yu Qi 8528 Yu ShanLin 8556 Yu ShiMei 8407 Yu ShiMei 8407 Yu ShuanCang 1883, 13267 Yu ShuLiang 12931 Yu SugJong 7333 Yu SuMay 10533, 11063, 11802, 12933 Yu TienShin 4260 Yu TieQiao 9254 Yu TsongAnn 13329 Yu Wei 6454 Yu XiaoDan 7722 Yu XiuMin 8407 Yu YongGui 1594, 9272 Yu YuanJie 8684 Yu YuJun 4356 Yu YungMi 3834 Yu ZhiHe 10086 Yu ZiLin 4636 Yuai, Y. 12288 Yuan, C. Q. 3333 Yuan, C. X. 5304 Yuan, G. L. 409 Yuan, J. 973 Yuan, J. 973 Yuan, K. Z. 3880 Yuan, L. 1274 Yuan, L. P. 5570, 6771, 9242 Yuan, M. B. 9100 Yuan, M. S. 11281 Yuan, P. R. 11829 Yuan, P. Y. 8477 Yuan, O. 355, 9262, 12070 Yuan, P. Y. 8477 Yuan, Q. 355, 9262, 13079 Yuan, S. J. 6788 Yuan, S. M. 1905 Yuan, W. J. 437

Yuan, X. H. 2930 Yuan, X. P. 5631 Yuan, Y. L. 5037 Yuan, Y. M. 8796 Yuan, Y. S. 8508 Yuan, Y. X. 1883 Yuan, Z. H. 2150, 5040 Yuan, Z. L. 2646 Yuan ChangQi 3333 Yuan ChaoXing 5304 Yuan GuoLiang 409 Yuan Jun 973 Yuan KungZhong 3880 Yuan LongPing 5570, 9242 Yuan MiaoBao 9100 Yuan PeiYuan 8477 Yuan PingRong 11829 Yuan Qin 355, 9262 Yuan Quan 13079 Yuan ShouJiang 6788 Yuan ShuMing 1905 Yuan WenJing 437 Yuan XiaoPing 5631 Yuan XiHan 2930 Yuan YanSong 8508 Yuan YongMing 8796 Yuan YouLu 5037 Yuan YuXiang 1883 Yuan ZhiHui 2150, 5040 Yuan ZuoLian 2646 Yuan ZuoLian 2646 Yücel, M. 6191 Yucha, R. 2142, 7407, 13469 Yudaeva, V. E. 11092 Yue, B. 10541 Yue, P. 10661 Yue Bing 10541 Yuen, J. M. F. 4171 Yui, M. 3817 Yui, M. 3817 Yukawa, Y. 1275 Yuki, V. A. 6035 Yumisaca, F. 4683 Yun, B. W. 9546, 12051 Yun, D. J. 958, 6357, 13434 Yun, H. T. 9365-9366 Yun, J. F. 4583 Yun, K. I. 10650 Yun, R. 5738 Yun, S. G. 12843 Yun, Y. C. 11139 Yun ByungWook 9546, 12051 Yun DaeJin 958 Yun HongTae 9365-9366 Yun JinFeng 4583 Yun KwangII 10650 Yun Rui 5738 Yun SeungGil 12843 Yun SeungGil 12843 Yun YoungChae 11139 Yunes, A. N. A. 5788 Yunes, J. A. 4571 Yunhua, C. 8052 Yunus, M. 2433, 3466, 4404, 7768 Yunuskhanov, Sh. Yu. 2577 Yurgalevitch, C. 8472 Yurieva, N. O. 698 Yurku, A. I. 5537 Yurlova, E. V. 2953 Yusof, F. 12429 Yuste, J. 12225 Yusuf Zafar 6230 Yusupov, D. A. 2471 Yutko, O. 3945 Tutko, O. 3945 Yüzbaştoğlu, D. 1110 Zabaglo, A. 5822-5823 Zabala, G. 4495 Zabaleta, E. 5010, 11435 Zabeau, M. 1464, 12111 Zabel, P. 1817, 5932, 7059, 13208, 13228 Zabelina, A. D. 10042 Zabelina, A. D. 10942 Zabenkova, K. I. 12817 Zabenkova, K. I. 12817 Zaborowska, Z. 2757 Zachini, M. 1960, 3580 Zacha, V. 8798 Zachariah, T. J. 8843, 11335 Zachgo, E. A. 42 Zadorozhnaya, O. A. 5341 Zafar, Y. 6230, 8679 Zaffaroni, E. 8072 Zagdańska, B. 7852 Zagidullin, A. M. 8274

Zago, M. S. 13296 Zagorska, N. 10608 Zagórski, W. 9535 Zagrebenyev, D. 8257 Zaiger's Inc. Genetics 8423, 8432-8434 Zaim, M. 3324 Zając, T. 9778, 12841 Zakai, N. 6532 Zakai, N. 6352 Zakhariev, A. 6145, 9844 Zakharov, V. G. 169 Zakhrabekova, S. 2107 Zaki, Z. 13295 Zakinthinos, G. 6065 Zaklouta, M. 531 Zakri, A. H. 398 Zala, P. V. 11047 Zale, J. M. 11648 Zalewska, M. 7535, 7539 Zalewski, D. 11578, 11597 Zalewski, K. 2772 Zallocchi, E. M. 10669 Zamă, E. 9120 Zaman, A. 4904 Zaman, F. U. 12949, 12955, 12963, 12989 Zaman, M. 4665
Zaman, M. A. 12532
Zaman, S. K. 2668
Zambolim, L. 9534, 9870
Zambrano, J. 3946
Zambre, M. 3373, 6927
Zambre, M. A. 9474
Zambryski, P. C. 6703
Zamir, D. 1820, 3832, 5930, 7086, 12107, 13207
Zamorski, C. 2474, 2540, 11644
Zamorzaeva, I. A. 2952
Zamri, A. S. M. 12430
Zamski, E. 6906, 7086
Zamudio, S. 13565 Zaman, M. 4665 Zamudio, S. 13565 Zandvoort, P. M. van 6981 Zandvoort, P. van 1781 Zanetto, A. 8705, 10886 Zang, G. G. 5044, 8694, 12426 Zang, R. C. 10556, 11711 Zang GongGu 5044, 8694, 12426 Zang RongChun 10556, 11711 Zani, A. 12081 Zapata, C. 94, 6202, 13461 Zapata, F. J. 436 Zapata, C. 9-4, 3202, 13461
Zapata, F. J. 436
Zapata, M. 10678
Zapata, A. 10979
Zappala, A. 10979
Zappi, D. 1067
Zaprianov, S. 4457
Zapryanov, S. 5425
Zarani, F. E. 2500
Zárate, N. A. H. 708
Zárate, S. 1666
Zare, A. G. 5647
Zaremuk, R. Sh. 2999, 7152
Zargar, G. H. 12123
Zarka, D. 1079
Zarka, D. G. 5258, 7734
Zarre, S. M. 11924
Žárský, V. 5227
Zarzycka, H. 693-694 Zarzycka, H. 693-694 Zasada, J. C. 5061 Zaslonkin, V. L. 10357 Zatykó, J. M. 6988 Zavada, M. S. 1763, 6160 Zavala, M. E. 8271 Zavaleta-Mejía, E. 8799 Zavaleta-Mejia, E. 8/99 Zavalishina, A. N. 2571 Zavalishina, A. S. 10455 Zavanella, M. 11098 Zayakina, G. V. 3562 Zayed, A. 11128 Zazzerini, A. 8538 Zbieszczyk, J. 4452 Zdravković, J. 8364, 10797, 10821 10821 Żebrowska, J. 12216 Żebrowski, J. 5353 Zec, G. N. 10907 Zečević, B. 5949, 8386, 10838 Zečević, V. 7840 Zedeh, N. H. 7645

Zee, F. T. 4939 Zee, F. T. 4939
Zee, K. van 249
Zee, S. Y. 3619
Zeeman, S. C. 12643
Zeevaart, J. A. D. 5251, 5505
Zegeer, A. 13430
Zegzouti, H. 2949, 3837, 10817
Zehr, E. I. 8435
Zehr, U. B. 5552
Zehra M. 13588 Zehr, U. B. 5552 Zehra, M. 13588 Zeidan, M. 7086 Zeiger, E. 8673 Zeigler, R. S. 3347 Zeiher, C. 6212 Zeinali, H. 12886 Zeĭruk, V. N. 2883, 5803 Zeitoune, S. 5007 Zeldin, E. L. 7173, 7175 Zelenin, A. V. 2484, 8831 Zelený, V. 6340 Zeler, J. 2446 Zelig, M. 7231 Zelitch, I. 12396 Zeller, F. J. 215, 266, 1433, 7861, 9075, 9119, 10302 Zeltner, L. 8796 Zeltz, P. 230 Zemetra, R. S. 2479-2480, 12722 Zemni, H. 153 Zencirci, N. 4318, 4334, 12587 Zeng, D. 6769 Zeng, D. 6769
Zeng, D. C. 11810
Zeng, D. L. 2652, 2654
Zeng, G. P. 5889, 9574
Zeng, H. B. 10289
Zeng, J. Z. 7804
Zeng, L. 345
Zeng, L. X. 5623
Zeng, M. 10354, 10434, 10473
Zeng, S. J. 11808
Zeng, S. X. 410
Zeng, T. T. 8510
Zeng, X. C. 4932
Zeng, X. J. 8592 Zeng, X. J. 8592 Zeng, X. P. 11810 Zeng, Y. 10898 Zeng, Y. W. 3878, 6651, 6794, Zeng, Y. 12598 Zeng, Z. B. 1490, 4227 Zeng, Z. R. 4381 Zeng DaLi 2652, 2654 Zeng Dali 6769 Zeng DeChu 11810 Zeng GuoPing 5889, 9574 Zeng HanBing 10289 Zeng JunZhi 7804 Zeng LieXian 5623 Zeng ShaoXi 410 Zeng SongJun 11808 Zeng TingTao 8510 Zeng XianChun 4932 Zeng XianJun 8592 Zeng XianPing 11810 Zeng YaWen 6651, 6794, 12598 Zeng YaWin 3878 Zeng Ye 10898 Zeng ZhaoBang 1490, 4227 Zeng ZheRong 4381 Zenti, F. 12212 Žerjav, M. 1775 Zethof, J. 5115, 7546, 11269, 11874 11874
Zeuli, P. L. S. 4427
Zeven, A. C. 766, 7037
Zewdie, Y. 766, 12125
Zeyen, R. J. 2522
Zhai, H. Q. 6172, 8097
Zhai, T. 5416
Zhai, W. X. 1568
Zhai, Y. J. 5366
Zhai Huon 6172, 8097 Zhai HuQu 6172, 8097 Zhai Tong 5416 Zhai WenXue 1568 Zhai YuiJie 5366 Zhalnov, I. 11084 Zhan, J. 6615 Zhan, K. H. 189 Zhan, S. H. 12167 Zhan, Y. G. 9941

Zhan Jian 6615 Zhan KeHui 189 Zhan ShuHua 12167 Zhan ShuHua 12167 Zhan YaGuang 9941 Zhanaeva, T. A. 2211 Zhang, A. H. 1597, 6815 Zhang, B. 8691, 12426 Zhang, B. B. 4801 Zhang, B. H. 11154 Zhang, B. H. 111535 Zhang, B. H. 11134
Zhang, B. J. 11535
Zhang, B. P. 444, 1593
Zhang, B. Z. 727
Zhang, C. 3663, 6332
Zhang, C. H. 3990, 7958, 10804
Zhang, C. L. 10369
Zhang, C. Q. 3206, 9998, 10658, 13095 10658, 13095 Zhang, C. S. 1322 Zhang, C. X. 9667, 12443 Zhang, C. Y. 2439, 11219 Zhang, D. 973, 2105, 4625 Zhang, D. B 2105 Zhang, D. F. 4949 Zhang, D. M. 12174, 12231 Zhang, D. P. 10764 Zhang, D. Q. 12282 Zhang, D. S. 5513, 7043, 12075 Zhang, D. T. 3948 Zhang, D. T. 3948
Zhang, D. X. 9487
Zhang, D. Y. 2414, 10983
Zhang, F. 1689, 8517, 12140
Zhang, F. C. 3455, 4930, 7366
Zhang, F. L. 8353, 12076
Zhang, F. X. 8688
Zhang, F. Y. 2606
Zhang, G. 406, 4259, 9392 Zhang, G. 406, 4259, 9392 Zhang, G. C. 7847, 13333 Zhang, G. C. 7847, 13333 Zhang, G. D. 9404 Zhang, G. M. 3186 Zhang, G. Q. 408, 2681 Zhang, G. R. 4624, 10325 Zhang, G. Y. 978 Zhang, H. 983, 4364, 8091, 8689, 9375, 9751 Zhang, H. B. 366 Zhang, H. D. 3257 Zhang, H. G. 3469 Zhang, H. J. 10794
Zhang, H. L. 3949, 8329, 9226
Zhang, H. M. 4275, 8689, 8943
Zhang, H. N. 5649
Zhang, H. Q. 11561
Zhang, H. S. 462, 8097
Zhang, H. X. 6378, 7706
Zhang, H. Y. 7946
Zhang, J. 4626, 5625, 7411, 7873, 9097
Zhang, I. F. 6199, 6204, 6207 Zhang, H. J. 10794 Zhang, J. F. 6199, 6204, 6207, 7404, 7409 Zhang, J. H. 2193, 10090, 10658 Zhang, J. J. 1589, 4721, 10299, 11021 Zhang, J. K. 9022 Zhang, J. K. 9022 Zhang, J. L. 2105, 9269 Zhang, J. M. 4535, 9922, 10138, 11143 Zhang, J. N. 1861 Zhang, J. R. 3878, 9705, 12166, 12179 Zhang, J. S. 866, 6205, 9883 Zhang, J. W. 1043, 1056, 10864, 10888, 11215 Zhang, J. Y. 8010, 8153, 9647, Til884
Zhang, J. Z. 2797, 8816, 8950
Zhang, K. 6909
Zhang, K. D. 12262
Zhang, K. D. 12262
Zhang, K. R. 4806
Zhang, L. 966, 1711, 2105, 2522, 8075, 13098
Zhang, L. B. 4803, 9255
Zhang, L. H. 5568, 9703
Zhang, L. J. 4637, 9446
Zhang, L. J. 4637, 9446
Zhang, L. R. 770, 5891, 12140
Zhang, L. X. 10073
Zhang, L. X. 10073
Zhang, L. Y. 5552, 9073, 11853
Zhang, M. 8400, 10182, 13266, 13268

Zhang, M. C. 8655 Zhang, M. F. 2935, 9772, 10818 Zhang, M. H. 10658, 13095 Zhang, M. H. 10538, 1309; Zhang, M. Q. 10169 Zhang, M. X. 9235, 13333 Zhang, M. Y. 8055 Zhang, N. W. 4382 Zhang, N. Y. 2658, 11819 Zhang, Q. 3621, 11473, 11786, 11849 Zhang, Q. D. 11710 Zhang, Q. F. 1575, 2644, 4542, 6762, 12945 Zhang, Q. J. 4506 Zhang, Q. M. 10954 Zhang, Q. P. 7117 Znang, Q. P. 7117
Zhang, Q. Q. 9073
Zhang, Q. W. 12444
Zhang, Q. Y. 9926
Zhang, QiFa 3621
Zhang, R. 7378
Zhang, R. V. 1406, 6320 Zhang, R. X. 1406, 6239 Zhang, R. X. 2211 Zhang, S. C. 7792 Zhang, S. F. 11657 Zhang, S. H. 2548-2549, 6760 Zhang, S. L. 2333, 9639, 10859 Zhang, S. N. 4793, 13194 Zhang, S. P. 10567 Zhang, S. Q. 2642, 8649, 9231, 10788, 10856, 12402, 12410 10788, 10856, 12402, 12410
Zhang, S. S. 10064
Zhang, S. Y. 8716, 13284
Zhang, S. Z. 7848, 9060, 11633
Zhang, T. Z. 975, 2140, 12415
Zhang, W. 8763
Zhang, W. B. 3878, 12166
Zhang, W. C. 4915, 11212
Zhang, W. H. 3922
Zhang, W. P. 1215, 11021
Zhang, W. W. 2105
Zhang, W. X. 2655, 7770
Zhang, W. Z. 6967
Zhang, W. Z. 6967
Zhang, X. 410, 1453, 1905, Zhang, X. 410, 1453, 1905, 13050 Zhang, X. F. 10035 Zhang, X. G. 1576, 5590, 11689 Zhang, X. H. 2652, 2654, 6359, 6769 Zhang, X. J. 4634 Zhang, X. J. 4634
Zhang, X. K. 3093
Zhang, X. L. 5032, 9922,
10564, 12381, 12931
Zhang, X. M. 7340
Zhang, X. Q. 2660, 4584-4585,
6559, 6772, 10553, 13040
Zhang, X. T. 2802, 3378
Zhang, X. Y. 3055, 7784,
10921, 10930, 11327
Zhang, X. Z. 351, 3608, 12231 Zhang, X. Z. 351, 3608, 12231 Zhang, Y. 1841, 2482, 9082 Zhang, Y. C. 343, 9651, 10894, 11216 Zhang, Y. D. 3136 Zhang, Y. H. 11218 Zhang, Y. H. 11218
Zhang, Y. J. 6036, 12243
Zhang, Y. K. 3637, 5613, 5626, 8076, 11823, 11833
Zhang, Y. L. 8319
Zhang, Y. M. 13333
Zhang, Y. N. 5416
Zhang, Y. P. 1853, 10000
Zhang, Y. R. 6970
Zhang, Y. S. 1604, 5517
Zhang, Y. Z. 3195
Zhang, Z. 10567, 10906, 11376
Zhang, Z. E. 3319
Zhang, Z. G. 4464, 7621
Zhang, Z. H. 2660 Zhang, Z. H. 2660 Zhang, Z. J. 9249 Zhang, Z. L. 982, 2137, 2647, 12424 Zhang, Z. M. 3544, 6300, 10458 Zhang, Z. Q. 4721, 11021, 11887 Zhang, Z. R. 1914 Zhang, Z. S. 12505 Zhang, Z. W. 8477 Zhang, Z. X. 5568

Zhang, Z. Y. 4618, 8342, 9277, 9372, 9453-9454, 9459 Zhang AiHong 1597, 6815 Zhang BaoHong 11154 Zhang BaoJun 11535 Zhang BaoZhen 727 Zhang BingBing 4801 Zhang Bo 8691, 12426 Zhang BoPing 444, 1593 Zhang CaiXi 9667 Zhang CaiYing 2439 Zhang CanMing 9986 Zhang ChangQin 9998 Zhang ChangQing 3206 Zhang ChaoHui 10804 Zhang ChengHe 7958 Zhang ChunHua 3990 Zhang ChunQuan 10658, 13095 Zhang ChunNeng 1322
Zhang ChunNiao 12443
Zhang ChunYing 11219
Zhang DaBing 2105
Zhang DaPeng 10764
Zhang DePaling 12174 Zhang DeMing 12174 Zhang DeShuang 7043, 12075 Zhang DeShui 5513 Zhang DeTing 3948 Zhang DeXing 9487 Zhang DeYu 2414 Zhang Dong 2105 Zhang DongQing 12282 Zhang Dong Ya 10983 Zhang Duo 973 Zhang Fa 8517 Zhang FangCi 7366 Zhang Feng 12140 Zhang FengLan 8353 Zhang FuCang 3455 Zhang FuCuei 4930 Zhang FuXiu 8688 Zhang FuYao 2606 Zhang Gang 9392 Zhang GuangMing 3186 Zhang GuChai 13333 Zhang GuiChang 7847 Zhang GuiQuan 408 Zhang GuiRu 4624 Zhang GuiYin 978 Zhang GuoDong 9404 Zhang GuoQuan 2681 Zhang GuoRong 10325 Zhang HaiLan 3949 Zhang HangNing 5649 Zhang HanMa 4275, 8943 Zhang HeLing 8329 Zhang HongBin 366 Zhang HongDa 3257 Zhang HongSheng 462, 8097 Zhang HongXia 7706 Zhang HuaniGang 3469 Zhang HuanJia 10794 Zhang HuaXuan 6378 Zhang Hui 983, 8091, 8689, 9751 Zhang HuiLian 9226 Zhang HuiMin 8689 Zhang HuiYing 7946 Zhang J. H. 13002 Zhang JiaMing 9922, 10138, 11143 Zhang JianHu 13002 Zhang JianHua 2193 Zhang JianJun 1589, 4721, 11021 Zhang JianKui 9022 Zhang JianMing 4535 Zhang JianNong 1861 Zhang JianSu 866 Zhang JiaYan 9647 Zhang Jie 7873 Zhang JiHui 10090 Zhang JinFa 6199, 6204, 6207, 7404, 7409
Zhang Jing 9097 Zhang JingJuan 10299 Zhang JingLiu 2105, 9269 Zhang JingRu 12179 Zhang JinRen 9705 Zhang JinSong 6205, 9883 Zhang JinZheng 8816

Zhang JiYi 8010, 8153, 11884 Zhang JunHua 10658 Zhang JunRu 3878, 12166 Zhang JunWei 10888, 11215 Zhang JunWu 10864 Zhang JunZheng 2797 Zhang KeDi 12262 Zhang KuiRong 4806 Zhang LanYin 5552 Zhang LanYing 10510 Zhang Lei 2105, 13098 Zhang LiangYou 11853 Zhang LiBin 4803 Zhang LiHua 5568, 9703 Zhang LiJuan 4637, 9446 Zhang Lin 8075 Zhang Lin 3075
Zhang Lin 3075
Zhang Lin 3075
Zhang Lin 3075 Zhang LiRong 770, 5891, 12140 Zhang LiXia 10073 Zhang LiYi 9073 Zhang Long 1711 Zhang LongBu 9255 Zhang ManChao 8655 Zhang Meng 10182, 13266, 13268 Zhang MiaoXia 13333 Zhang Min 8400 Zhang MingFang 2935, 9772, 10818 Zhang MingHou 10658, 13095 Zhang MingXing 1573, 9235 Zhang MingXing 15/3, 9253 Zhang MingYong 8055 Zhang NengYi 2658, 11819 Zhang NingWen 4382 Zhang Qiang 11786 Zhang QiFa 1575, 2644, 4542, 6762, 12945 Zhang QingJi 4506 Zhang QingQin 9073 Zhang QiPei 7117 Zhang QiuMing 10954 Zhang QiWen 12444 Zhang QuanDe 11710 Zhang QunYuan 9926 Zhang RongDe 4356 Zhang RongXian 1406, 6239 Zhang RongZhi 211 Zhang ShangLong 2333, 10859 Zhang ShanQing 2642, 9231 Zhang ShaoHong 6760 Zhang ShaoLing 9639 Zhang ShaoSong 10064 Zhang ShiCheng 7792 Zhang ShiPing 10567 Zhang ShouYing 8716 Zhang ShuFen 11657 Zhang ShuNing 13194 Zhang ShunNi 4793 Zhang ShuQin 10788 Zhang ShuQun 8649, 12402, 12410 Zhang ShuZhen 7848, 9060, 11633 Zhang SongQiang 10856 Zhang SuYing 13284 Zhang TianZhen 975, 2140, 12415 Zhang Wei 8763 Zhang WeiPing 1215, 11021 Zhang WeiZhang 6967 Zhang WenBing 12166 Zhang WenCai 4915 Zhang WenHui 3922 Zhang WenWei 2105 Zhang WenXiang 7770 Zhang WenXu 2655 Zhang WinBing 3878 Zhang WinCai 11212 Zhang XianGuang 11689 Zhang XianLiang 12931 Zhang XianLong 9922, 10564 Zhang XianZhen 351 Zhang XiaoFang 10035 Zhang XiaoGuo 1576, 5590 Zhang XiaoHong 6359 Zhang XiaoHui 2652, 2654, 6769 Zhang XiaoYong 3055 Zhang XingTan 2802, 3378

Zhang XingYan 11327 Zhang XinQuan 4584-4585, 11887, 13040 Zhang XiuYing 10921, 10930 Zhang XiZhong 3608 Zhang Xu 410, 1905 Zhang Xu 410, 1905 Zhang XueJiang 4634 Zhang XueKun 8510 Zhang XueLin 5032 Zhang XueMei 7340 Zhang XueQin 6772, 10553 Zhang XueQing 2660 Zhang XueYong 7784 Zhang YanLing 8319 Zhang YanPing 1853, 10000 Zhang YanRong 6970 Zhang YanSheng 5517 Zhang YiCi 9651 Zhang YiMin 13333 Zhang YinDong 3136 Zhang YongChun 10894, 11216 Zhang YongShong 1604 Zhang YouKai 5626 Zhang YuaNen 5416 Zhang YuanJi 6036 Zhang YuHe 11218 Zhang YunChang 343 Zhang YunChang 343 Zhang YunKang 3637, 5613, 8076, 11823, 11833 Zhang YuZong 3195 Zhang ZaiXing 5568 Zhang Ze 11376 Zhang ZeMin 3544, 10458 Zhang ZhanWei 8477 Zhang ZhaoLan 2647 Zhang Zhen 10567 Zhang Zhen 10567 Zhang ZhenLin 12424 Zhang ZhenLing 982 Zhang ZhiE 3319 Zhang ZhiE 3319
Zhang ZhiGuang 7621
Zhang ZhiHong 2660
Zhang ZhiQi 4721, 11021
Zhang ZhiSheng 12505
Zhang ZhiYong 4618, 9372, 9453-9454, 9459 Zhang ZhiYun 8342 Zhang ZhongLin 2137 Zhang ZhongMing 6300 Zhang ZhongRen 1914 Zhang ZiGuo 4464 Zhang ZuJian 9249 Zhangqian, L. 8052 Zhao, B. 2671, 12355 Zhao, C. 2802 Zhao, C. X. 7559 Zhao, C. Z. 11858 Zhao, D. G. 10851 Zhao, G. Z. 5028 Zhao, H. J. 9891 Zhao, H. J. 9891 Zhao, H. X. 11583 Zhao, H. Y. 1545, 2141, 12931 Zhao, J. 2238 Zhao, J. D. 13118 Zhao, J. X. 5030 Zhao, J. Y. 11015, 12282 Zhao, J. Z. 7397 Zhao, L. J. 10035 Zhao, L. J. 10035 Zhao, L. L. 11604 Zhao, L. L. 11604 Zhao, L. M. 8694 Zhao, L. N. 5044, 12426 Zhao, L. S. 11173 Zhao, L. Y. 3195 Zhao, M. 298, 4493, 11703 Zhao, M. F. 2657 Zhao, M. K. 8127 Zhao, R. J. 9425 Zhao, R. L. 8389 Zhao, R. M. 7397 Zhao, R. S. 9649 Zhao, S. 13268 Zhao, S. C. 2993 Zhao, S. G. 1606 Zhao, S. N. 4381 Zhao, S. W. 2798, 9399, 11231 Zhao, S. X. 5591 Zhao, T. J. 5724, 9400, 11940, 13064 Zhao, T. Z. 4953 Zhao, W. 9941 Zhao, W. H. 12931 Zhao, X. C. 3480

Zhao, X. H. 5631 Zhao, X. L. 10249 Zhao, X. P. 11151 Zhao, X. Y. 1990, 6328 Zhao, Y. 8517, 9100, 9922, 10064 Zhao, Y. C. 10064 Zhao, Y. J. 7723 Zhao, Y. L. 4506, 10396 Zhao, Y. M. 977 Zhao, Y. Q. 9640 Zhao, Y. Y. 4350 Zhao, T. T. 4530 Zhao, Z. J. 11800 Zhao, Z. Y. 10376 Zhao ChengZhang 11858 Zhao ChongXin 7559 Zhao Cun 2802 Zhao DianGuo 10851 Zhao GuoZhong 5028 Zhao HaiYan 1545 Zhao HaiYing 12931 Zhao HongJuan 9891 Zhao HongJuan 9891
Zhao HuiXian 11583
Zhao JianYi 11015, 12282
Zhao JianZhou 7397
Zhao JinDong 13118
Zhao Jun 2238
Zhao JunXia 5030
Zhao LeLian 11604
Zhao Li 13118 Zhao LianYuan 3195 Zhao LiJie 10035 Zhao LiMing 8694
Zhao LiNing 5044, 12426
Zhao LinSen 11173
Zhao Ming 298, 4493, 11703 Zhao MingFu 2657 Zhao MingKun 8127 Zhao RongJuan 9425 Zhao RongLe 8389 Zhao RongMin 7397 Zhao RongShan 9649 Zhao SheGen 1606 Zhao Sheng 13268 Zhao ShiWei 11231 Zhao ShiXu 5591 Zhao ShuangNing 4381 Zhao ShuWen 2798, 9399 Zhao SongChao 2993 Zhao TingZhou 4953 Zhao TuanJie 5724, 9400, 11940, 13064 Zhao Wen 9941 Zhao WenHui 12931 Zhao XianLin 10249 Zhao XiaoYi 6328 Zhao XinHua 5631 Zhao XinPing 11151 Zhao XueYuan 1990 Zhao Yan 9100 Zhao Yang 10064 Zhao Yian 9922 Zhao YingQi 9640 Zhao YongChang 10064 Zhao YongLiang 4506 Zhao YuanMing 977 Zhao YuJu 7723 Zhao Yun 8517 Zhao YunYun 4350 Zhao ZhiJun 11800 Zharavina, D. A. 10887 Zharkikh A. 3233 Zhdanov, V. V. 808, 2982 Zheleznov, A. V. 481 Zheljazkov, V. 1139, 1154, 1204 Zheljazkova, E. 1204 Zhen, H. 6840, 8079 Zhen, M. 5046 Zhen Hai 6840, 8079 Zhen Mei 5046 Zheng 375 Zheng, A. K. 12265 Zheng, C. 12521 Zheng, C. C. 10008 Zheng, C. M. 13094 Zheng, C. Q. 8691, 12426 Zheng, D. 4497 Zheng, D. S. 6561 Zheng, G. C. 6359, 8655

Zheng, G. H. 3000, 6668 Zheng, G. Y. 8389 Zheng, H. Q. 7723 Zheng, H. W. 8517 Zheng, J. B. 2606 Zheng, J. K. 409, 441, 11810 Zheng, K. L. 1578, 1606, 3609, 8042, 8058, 9226, 10542, 10562, 10568, 11794 Zheng, L. P. 4522 Zheng, Q. 2899 Zheng, S. H. 3716 Zheng, S. L. 11846 Zheng, S. Q. 3401, 4984, 5979, 13288 Zheng, S. T. 6108 Zheng, S. X. 2151, 3211, 7576, Zheng, X. A. 2131, 3211, 7376, 10052, 10772 Zheng, X. H. 2645, 11796 Zheng, X. Q. 3136, 9825, 9922, 10138 The control of the co Zheng CuiMing 13094 Zheng Guang Yu 8389 Zheng GuoChang 6359, 8655 Zheng GuoHua 3000 Zheng HongWu 8517 Zheng HuiQiong 7723 Zheng JiaKui 409, 441, 11810 Zheng JinBo 2606 Zheng KangLe 3609, 8042, 8058, 9226, 10542, 10562, 10568 Zheng KanLe 1606 Zheng LiPing 4522 Zheng ShaoHui 3716 Zheng ShaoLing 11846 Zheng ShuQi 13288 Zheng ShuTai 6108 Zheng SiXiang 2151, 3211, 7576, 10052, 10772 Zheng SuQin 3401, 4984 Zheng SuQiu 5979 Zheng SuQiu 5979
Zheng XiangHua 2645, 11796
Zheng XiaoYing 763
Zheng XueQin 3136, 9825, 9922, 10138
Zheng YongLian 2570, 4954
Zheng YongQi 6282
Zheng YongChan 2066
Zheng YouChuan 444, 1593 Zheng YouLiang 11563 Zheng ZhenWei 4554 Zheng ZhiLiang 7224 Zheng Zuo 2641 Zhi, H. J. 4567, 9372 Zhi, Y. B. 904 Zhi HaiJian 4567, 9372 Zhi YuBao 904 Zhidkova, E. N. 7272 Zhilin, S. G. 1361 Zho, X. M. 2682 Zho XiaoMin 2682 Zhong, B. X. 2636 Zhong, D. B. 2643 Zhong, D. X. 4534, 9210 Zhong, J. 2415 Zhong, J. 2415
Zhong, K. 1398
Zhong, M. 12570
Zhong, M. M. 5738
Zhong, R. 3092, 3400, 6090
Zhong, S. B. 2414
Zhong, W. H. 12442, 12462
Zhong, W. J. 4721, 11021
Zhong, X. B. 7059
Zhong BoXiong 2636
Zhong DaiBin 2643
Zhong DaXing 4534, 9210 Zhong DaXing 4534, 9210 Zhong Jie 2415

Zhong Kang 1398
Zhong Min 5738
Zhong Rong 3092, 6090
Zhong ShaoBin 2414
Zhong WeiHua 12442, 12462
Zhong WeiJin 4721, 11021
Zhong XiaoBo 7059
Zhou, B. L. 6239
Zhou, B. W. 2028, 8528
Zhou, C. 5046, 12381
Zhou, C. F. 1431, 10299
Zhou, C. H. 6054, 10036
Zhou, D. 8001, 12462
Zhou, D. F. 1714 Zhou, D. F. 1714 Zhou, D. X. 5249 Zhou, G. F. 1901, 4545 Zhou, G. H. 7873 Zhou, G. Q. 3620 Zhou, H. 3382, 4386, 10421 Zhou, H. R. 9685 Zhou, H. S. 2566 Zhou, H. Y. 7365, 10766 Zhou, J. 2673, 10877 Zhou, J. M. 2071, 8091, 9604 Zhou, K. D. 409, 2646, 5581 Zhou, K. D. 409, 2040, Zhou, K. L. 2640, 9218 Zhou, L. 10155 Zhou, L. C. 8528 Zhou, M. F. 2804 Zhou, M. L. 1401 Zhou, M. L. 1401 Zhou, N. 11467 Zhou, P. H. 4426, 10552 Zhou, Q. S. 12167 Zhou, R. 5344 Zhou, R. 3344 Zhou, R. H. 1905 Zhou, R. M. 1825 Zhou, S. B. 3229 Zhou, S. C. 9215 Zhou, S. C. 9215 Zhou, S. J. 8688, 13075 Zhou, S. L. 6389 Zhou, S. Z. 13358 Zhou, W. B. 7116 Zhou, W. H. 396 Zhou, W. J. 12723 Zhou, W. J. 12/23 Zhou, W. X. 5576 Zhou, W. Z. 1928 Zhou, X. 2141 Zhou, X. K. 254 Zhou, X. R. 2873, 9570, 11270 Zhou, Y. 6200, 6819, 7859, Zhou, Y. 6200, 6819, 7859, 10249, 10557
Zhou, Y. F. 12126
Zhou, Y. H. 11776
Zhou, Y. J. 7056
Zhou, Y. J. 7056
Zhou, Y. L. 5169, 12243
Zhou, Y. P. 6819
Zhou, Y. X. 1788, 3166, 12043
Zhou, Z. 1569
Zhou, Z. J. 5570
Zhou, Z. J. 9570
Zhou, Z. J. 472
Zhou, Z. L. 472
Zhou, Z. Y. 10563
Zhou BaoLiang 6239
Zhou BiWen 2028, 8528
Zhou CaoFei 1431 Zhou CaoFei 1431 Zhou Chang 8350 Zhou ChangHe 6054 Zhou ChaoFei 10299 Zhou ChaoHong 10036 Zhou Cheng 5046 Zhou Da 12462 Zhou DaFeng 1714 Zhou GuangFang 1901 Zhou GuangHe 7873 Zhou GuangQia 3620 Zhou GuoFeng 4545 Zhou Guoreng 4345 Zhou HaiYing 10766 Zhou HaiYun 7365 Zhou Hao 3382 Zhou HongSheng 2566 Zhou HuiRu 9685 Zhou J. T. 10929 Zhou JianMin 9604 Zhou JianTao 10929 Zhou Jie 2673 Zhou JiMing 2071 Zhou Jin 10877 Zhou JunMa 8091 Zhou KaiDa 409, 2646, 5581 Zhou KunLu 2640, 9218 Zhou Lan 10155

Zhou LeCong 8528 Zhou MaoFan 2804 Zhou MeiLan 1401 Zhou Nan 11467 Zhou PuHua 4426, 10552 Zhou QiaoSheng 12167 Zhou RuiHua 1905 Zhou RunMei 1825 Zhou ShanZi 13358 Zhou ShaoChuan 13016 Zhou ShiLiang 6389 Zhou ShouBiao 3229 Zhou SiJun 8688, 13075 Zhou WeiBo 7116 Zhou WenHua 396 Zhou WenJuan 12723 Zhou WenXin 5576 Zhou WinZhi 1928 Zhou XiaoRong 11270 Zhou XiKang 254 Zhou XiRong 9570 Zhou XueRong 1280, 2873 Zhou Yang 10249 Zhou YeFang 12126 Zhou Yi 6819 Zhou YiHua 11776 Zhou Yong 10557 Zhou YongJian 7056 Zhou YuanXiang 1788, 3166, 2hou YuLing 5169 Zhou YuLing 5169 Zhou YuPing 6819 Zhou ZhaoLan 472 Zhou ZheKun 7463 Zhou ZheKun 7463 Zhou ZhiJiang 9570 Zhou ZhongYi 10563 Zhu, C. S. 8252, 9357, 13065 Zhu, C. X. 3932 Zhu, D. Y. 805 Zhu, F. 3092, 6090, 8643 Zhu, F. S. 2720 Zhu, F. T. 12805 Zhu, G. 6249 Zhu, G. F. 9752 Zhu, G. L. 8817 Zhu, G. R. 12185 Zhu, H. 411 Zhu, H. 411 Zhu, H. Y. 6185 Zhu, J. 1594, 2504, 3644, 7717, 8049, 9101, 9261, 9272, 10556, 11799, 12050, 12931 Zhu, J. B. 5379 Zhu, J. C. 9752 Zhu, J. H. 457 Zhu, J. K. 2355, 6907, 10210, 11464-11465 Zhu, J. J. 2680, 4534 Zhu, J. L. 2680, 4534 Zhu, J. Q. 10671 Zhu, J. W. 6328 Zhu, L. 6205 Zhu, L. 6205 Zhu, L. B. 5169, 10086 Zhu, L. H. 405, 462, 1568, 2646, 2677, 5581, 6769, 6802, 8097, 9230, 11778 Zhu, L. S. 9708 Zhu, L. Y. 10803 Zhu, N. D. 11099 Zhu, Q. H. 5027 Zhu, Q. S. 420, 1597, 9249, 11803 11803 Zhu, S. L. 12152 Zhu, W. 2460, 2463 Zhu, W. F. 5599 Zhu, W. H. 9073 Zhu, W. M. 2930, 13462 Zhu, W. P. 9503 Zhu, W. S. 6056 Zhu, X. 12445 Zhu, X. D. 1606, 2652, 2654, 6769, 9252 Zhu, X. F. 58 Zhu, X. Q. 3228 Zhu, X. T. 2645, 11796 Zhu, X. Y. 6760, 6840, 10573 Zhu, Y. 472, 2638 Zhu, Y. 4/2, 2638 Zhu, Y. C. 409 Zhu, Y. G. 439, 1576, 2802, 5590, 11779, 11789 Zhu, Y. J. 3998, 12716 Zhu, Y. L. 459, 13194 Zhu, Y. X. 6551, 9891, 13118

Zhu, Y. Y. 10788
Zhu, Z. 472, 2930, 13462
Zhu, Z. D. 9450
Zhu, Z. H. 2459
Zhu, Z. L. 9685
Zhu, Z. M. 5203
Zhu, Z. Q. 5203, 7753
Zhu, Z. S. 12262
Zhu, Z. T. 7445
Zhu, Z. W. 444, 1593
Zhu, Z. Y. 6030
Zhu ChengSong 8252, 9357, 13065 13065 T3065
Zhu ChuanXiang 3932
Zhu Dao Yu 805
Zhu Feng 3092, 6090, 8643
Zhu FengSui 2720
Zhu FengTai 12805
Zhu Gai 6249
Zhu Gare Rei 13185 Zhu GengRui 12185 Zhu GuangLian 8817 Zhu GuoFa 9752 Zhu GuoFa 9752 Zhu Hong 411 Zhu Ji 12050 Zhu Jia 12931 Zhu JiaHui 457 Zhu Jian 7717 Zhu JianJun 7724 Zhu JianKang 2355, 6907, 10210, 11464-11465 Zhu JiaQian 10671 Zhu JinBao 5379 Zhu JinBao 5379 Zhu JinChao 9752 Zhu JinLiang 2680
Zhu JinLong 4534
Zhu JinLong 4534
Zhu JinNen 6328
Zhu Jun 1594, 2504, 9261, 9272, 10556
Zhu LanBao 5169, 10086
Zhu LianShu 9708
Zhu LiHong 462, 8097
Zhu LiHuang 405, 1568, 2646, 2677, 5581, 6769, 6802, 9230, 11778
Zhu Ling 6205
Zhu Long Ying 10803
Zhu NianDe 11099
Zhu QianHao 5027
Zhu QingSen 420, 1597, 9249, 11803
Zhu-Shimoni, J. X. 48, 7389, Zhu JinLiang 2680 Zhu-Shimoni, J. X. 48, 7389, 7713
Zhu Wei 2460, 2463
Zhu WeiFang 5599
Zhu WeiMing 2930
Zhu WeiSheng 6056
Zhu WeiSheng 6056
Zhu WeiSheng 6056
Zhu WeiMing 13462
Zhu XiaoQin 3228
Zhu XiaoQin 3228
Zhu XiaoYuan 6760, 6840, 10573, 13016
Zhu XiongTao 2645, 11796
Zhu XuDong 1606, 2652, 2654, 6769, 9252
Zhu XuFen 58 7713 Zhu XuFen 58 Zhu YingGuo 439, 1576, 5590, 11779, 11789 Zhu YongChuan 409 Zhu YongLan 459 Zhu YouGuang 2802 Zhu Yu 472 Zhu Yu 47/2
Zhu YueLin 13194
Zhu YunJi 12716
Zhu YuNin 15716
Zhu YuXian 6551, 9891, 13118
Zhu YuYing 10788
Zhu Zhen 472, 2930, 8657, 13462 Zhu ZhenDong 9450 Zhu ZhiHua 2459 Zhu ZhiHua 2459
Zhu ZhiQing 5203, 7753
Zhu ZhiTi 7445
Zhu ZhiWei 444, 1593
Zhu ZiShou 12262
Zhu ZiShou 12262
Zhu ZiYing 6030
Zhuang, B. C. 2788
Zhuang, C. X. 408
Zhuang, E. J. 9662
Zhuang, J. J. 11389

Zhuang, J. Y. 1578, 1606, 8058, 9226, 10542, 10562, 10568, 11794 Zhuang, Q. S. 4323 Zhuang, S. Q. 11013 Zhuang, S. Y. 6208 Zhuang, Y. 10457 Zhuang BingChang 2788 Zhuang ChuXiong 408 Zhuang Enli 966 Zhuang EnJi 9662 Zhuang EnJi 9662 Zhuang JieYun 1606, 8058, 9226, 10542, 10562, 10568 Zhuang ShaoYi 6208 Zhuang ShunQi 11013 Zhuang Yuan 10457 Zhuge, H. Q. 8453, 12234 Zhuge HongQing 8453, 12234 Zhuzhzhalova, T. P. 11086 Ziauddin, A. 4306, 4748 Ziaullah 10989 Ziegenhagen, B. 6297, 13515 Ziegenhagen, B. 6297, 13515 Ziehe, M. 6256 Zieliński, R. 8141 Zierwogel, B. 10665 Žigová, Z. 4463 Zik, M. 11423 Zilberstein, A. 84 Žiľková, J. 8129 Zimmerman, C. 6201 Zimmerman, R. H. 1908, 2988, 6313 Zimmerman, S. 1206 Zimmermann, A. 13074 Zimmermann, F. J. P. 6749 Zimmermann, S. 8315, 13442 Zimmermann, U. 7724 Zimmermann Filho, A. A 10774 10774
Zimniak-Przybylska, Z. 4642
Zimnoch-Guzowska, E. 7005
Zinck, I. 3028
Zink, D. 567
Zinkernagel, V. 5896
Zinoni, F. 6581, 6598
Zinser, C. 12472
Zipf, A. 6203, 7410, 12701, 13468
Zironi, R. 4878
Zitterl-Eglseer, K. 1156
Ziv, G. 7231
Ziv, M. 7450, 7589, 7628, 11278
Živanović, T. 10790 Živanović, T. 10790 Živanović, T. B. 9125 Živić, J. 8616-8617, 8619 Zivy, M. 1418 Ziyakaeva, K. R. 8274 Zizumbo, D. 11040 Zizumbo-Villarreal, D. 8541, 12320 12320 Žldovec, V. 2929 Zlobin, Yu. A. 114 Zlokolica, M. 10238 Zobel, I. 1179 Zobel, R. W. 5653, 8990, 11510 Zofia, G. 12829 Zofia, G. 12829 Zoghbi, M. G. B. das 13590 Zoghlami, A. 514 Zohary, D. 11288, 12693 Zohdy, N. M. 3203 Zok, S. 8306 Zoldoš, V. 9946, 9953, 12450 Żołobowska, L. 13167 Zong, X. P. 4806 Zong, XuePu 4806 Zoni, C. 746 Zonia, L. E. 11701 Zook, M. 1327 Zorić, D. 7834, 9390 Zorin, M. 4854 Zorin, M. 4854 Zorinyants, S. E. 7794, 7798, 9042 Zoro Bi, I. 11965 Zorzoli, R. 9803 Zottini, M. 2961 Zou, J. J. 9448-9449 Zou, J. S. 1405, 2644 Zou, Q. 1425 Zou, S. H. 6715 Zou, Y. 4333

Zou, Y. B. 5571
Zou JiangShi 405
Zou JiJun 9448-9449
Zou Qi 1425
Zou YingBin 5571
Zoubenko, O. 2123
Zoundjihékpon, J. 7020
Zounis, S. 2451
Zourelidou, M. 11397
Zrenner, R. 9524
Zrůst, J. 13163
Zryd, J. P. 4161
Zuanazzi, J. 1654
Zuanazzi, J. A. S. 11903
Zubair, M. 6210
Zubko, M. K. 11509
Zuev, N. M. 11085, 11087
Zuffrano, M. 7362
Zugo, C. 8052
Zuhair, Y. 7802
Zujeva, G. V. 9973
Zuker, A. 1091, 2213, 3219, 3249, 7525
Zukowska, E. 5822-5823
Zűñiga, J. J. 299
Zuo, Q. Y. 12185
Zuo, Y. S. 441
Zuo QinYuan 12185
Zuo YongShu 441
Zuofa, K. 1976
Zupančič, A. 1196, 3314
Żurawski, H. 11636
Zute, S. 2521
Żvinienė, N. 1203
Zwart, R. 13604
Zwatz, B. 1477
Zwerger, K. 6881
Zwick, M. S. 2604, 6729, 11746
Zwierzykowska, E. 11016
Zwierzykowski, Z. 11870
Zwingelberg, H. 1417, 5384
Zwirn, P. 5224
Zyl, J. L. van 11178
Zypman, S. 7589
Zyprian, E. 1948, 3916, 7198
Zyrd, J. P. 1221

## SUBJECT INDEX

Aveimoschus	Abscisic acid cont.	ACC oxidase
genetic resources 9558	Carica papaya, genetic transformation	Cucumis melo
taxonomy 9558	9583	gene expression 1854, 3857, 8393
Abelmoschus esculentus		
	Fagus sylvatica 1003	genetic engineering 1854
Amrasca biguttula biguttula 5981	gene expression, reviews 8907	genetic transformation 3855, 8393
bhendi yellow vein mosaic bigeminivirus	Helianthus annuus, mutations 12301	Lycopersicon esculentum
3867-3868	Hordeum vulgare 3521	gene expression 1824, 4760
inbreeding depression 12141	gene expression 322, 13003	genetic engineering 1824
Meloidogyne incognita 13271	genetic engineering 13003	genetic transformation 1824, 9606
planting date 3866	Lycopersicon esculentum 9594, 12098	Nicotiana plumbaginifolia, genetic trans-
pruning 3866		formation 1824
	gene expression 748, 4770, 5920,	
seeds 795	8374, 9583	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
variety classification 7119	genetic engineering 9583	tion 1854, 3857
yield components	mutations 741	Pisum sativum, gene expression 10685
genotype environment interaction	Nicotiana tabacum	ACC oxidoreductase
10857	gene expression 2356, 3178	Ananas comosus, gene expression 12256
heritability 795, 10857	genetic transformation 3178, 9583	Carica papaya
heterosis 2981, 9629		gene expression 13326
	Oryza sativa	
yield components 12141	gene expression 3641, 10529, 11781,	genetic transformation 13326
Abelmoschus manihot, biotechnology 12703	11839, 13003	Lycopersicon esculentum
Abelmoschus tuberculatus, genetic resources		gene expression 2957, 10817
3865	genetic markers 457	genetic transformation 12093
	genetic transformation 13003	
Abies	molecular genetics 454	nucleotide sequences 10817
chromosome morphology 9962		Malus pumila
fertilization 9983	nucleotide sequences 11781	gene expression 13277
	restriction fragment length polymor-	
interspecific hybridization 9983	phism 457	nucleotide sequences 13277
microsatellites	Picea glauca	Nicotiana glutinosa
chloroplast genetics 6297		gene expression 12379
polymerase chain reaction 6297	gene expression 8717	nucleotide sequences 12379
	genetic transformation 11202	
Abies alba, somatic embryogenesis 4082	Pinus taeda	ACC synthase
Abies amabilis, isoenzymes, genetic varia-		Ananas comosus, gene expression 12256
tion 4096	gene expression 4091	Arabidopsis thaliana, mutations 11450
Abies concolor	nucleotide sequences 4091	
	Solanum tuberosum, genetic transforma-	Carica papaya
cultivars	tion 9583	gene expression 13326
New Mexico Azul 6296		genetic transformation 13326
New Mexico Verde 6296	Triticum aestivum 3468, 3493	Cucumis sativus
	gene expression 11202	
Abies equitrojani, polymorphism,	genetic engineering 11202	gene expression 3862
isoenzymes 12479		nucleotide sequences 3862
Abies fraseri, somatic embryogenesis 5079	Zea mays 10459	Lycopersicon esculentum
	gene expression 322, 3560, 3564,	
Abies grandis	3567, 5505, 9140, 10529	gene expression 2950, 2957, 4760,
isoenzymes, genetic variation 4095	genetic markers 5531, 10454	8371
monoterpene synthases		genetic transformation 2950, 12093
gene expression 3243	mutations 3566, 5505	Oryza sativa, gene expression 10563
	nucleotide sequences 5505	
nucleotide sequences 3243	Abscission	Phalaenopsis, gene expression 12541
provenance trials 4095		Pisum sativum
Abies kawakamii	Citrus sinensis	gene expression 10681
	gene expression 8468	nucleotide sequences 10681
chloroplast genetics 12478	nucleotide sequences 8468	
embryology 12478	Lycopersicon esculentum, gene expres-	Solanum tuberosum
pollen 12478		gene expression 3787
random amplified polymorphic DNA	sion 5916	nucleotide sequences 3787
	reviews 6448	Acca sellowiana, genetic resources 7246
12478	Sambucus nigra	
restriction fragment length polymorphism		Accessory chromosomes
12478	gene expression 8461	Allium schoenoprasum 1339
Abies procera	nucleotide sequences 8461	Brachycome dichromosomatica, polymer-
	Acacia	ase chain reaction 3268
outcrossing 2181	chromosome number 7455	
population genetics 2181		Secale cereale 1339
Abies sachalinensis	evolution 4076, 7455	chromosome transmission 6689
isoenzymes	pollination 4076	DNA hybridization 5466
	Acacia aulacocarpa	fluorescence in situ hybridization 267
clines 1049	isoenzymes, genetic distance 1012	
genetic distance 1049		Sorghum bicolor 5308
polymorphism 1049	outcrossing 1012	Triticum aestivum, DNA hybridization
Abnormal development	Acacia auriculiformis	5466
	cuttings 11190	Zea mays 6707, 9150, 10409-10410
Cocos nucifera 13374	interspecific hybridization 11190	
Elaeis guineensis, fruits 13371		chromosome transmission 10408
Fragaria ananassa 1930	Acacia karroo, peroxidases 2163	Zea mays (popcorn) 5308
	Acacia mangium	Acer macropterum, taxonomy 7463
Lycopersicon esculentum, gene expres-	cuttings 11190	
sion 10815		Acer medogense, taxonomy 7463
Nicotiana tabacum 2117	genetic transformation 6275	Acer nigrum, taxonomy, random amplified
nucleotide sequences 2117	interspecific hybridization 11190	polymorphic DNA 8710
	restriction fragment length polymorphism	Acer palmatum, cultivars 5089
Abscisic acid		
Actinidia deliciosa 9682	13497	Acer platanoides
Arabidopsis thaliana	Acacia saligna, salinity, in vitro selection	DNA 11191
gene expression 4770, 11127, 11420	12456	dormancy 11191
gene expression 4770, 11127, 11420	Acacia senegal	germination 11191
molecular genetics 7726		
mutations 1308, 5251, 7723, 7726,	pollen 9955	seeds, storage 11191
7729, 8953, 10192, 11127	pollination 9955	Acer pluridens, taxonomy 7463
1.411	Acanthopanax koreanum	Acer pseudoplatanus
nucleotide sequences 11420		
phosphatidylinositol-4-phosphate 5-	somatic embryogenesis 4180	DNA 11191
kinase	tissue culture 4180	dormancy 11191
	Acanthoscelides obtectus, Phaseolus vulgaris	germination 11191
gene expression 12656		seeds, storage 11191
nucleotide sequences 12656	1709, 4652, 6938	
Brassica napus (rape), gene expression	Acanthosyris annonagustata, taxonomy	Acer rubrum, Empoasca fabae, clonal varia-
13357	11193	tion 4080

Acer saccharum, taxonomy, random ampli-	Actinidia cont.	Actinidia deliciosa cont.
fied polymorphic DNA 8710	breeding 1953	storage 4898-4899
Aceria tosichella	conferences 5173	sucrose-phosphate synthase
Triticum aestivum	buds 1959, 4895	gene expression 7211
chromosome translocation 11640	chromosome number 4888	nucleotide sequences 7211 tissue culture 842, 4896
DNA hybridization 11640  Aceria tulipae	cold resistance 3922 development 1958-1959, 4895	variety classification, random amplified
Elymus, chromosome translocation 4441	flowering 1958	polymorphic DNA 4886
Triticum aestivum, chromosome translo-	flowers 4895	xyloglucan:xyloglucosyl transferase
cation 4441	growth regulators 3922	gene expression 12242
Acetoacetyl-CoA reductase	isoenzymes	nucleotide sequences 12242
Zea mays	genetics 4900	Actinidia eriantha
gene expression 5495	polymorphism 9681	polyploidy 6036 protoplast culture 12243
genetic transformation 5495  Acetobacter, Saccharum officinarum 3435,	paclobutrazol 3922 phylogeny, chloroplast genetics 7213	somaclonal variation 6036, 12243
4993	somaclonal variation 1961	Actinidia kolomikta
Acetolactate synthase	taxonomy 9681	genetic transformation 7210
Beta vulgaris (sugarbeet), somaclonal	chloroplast genetics 7213	interspecific hybridization 4897
variation 13405	restriction fragment length polymor-	protoplast culture 4897
Brassica campestris	phism 4900	protoplast fusion 4897
genetic variation 3966	Actinidia arguta interspecific hybridization 4896	Actinidia polygama
polymerase chain reaction 3966  Brassica napus (rape) 3966	random amplified polymorphic DNA	interspecific hybridization 4897 protoplast culture 4897
genetic variation 3966	4887	protoplast fusion 4897
polymerase chain reaction 3966	protoplast culture 4897	Aculus schlechtendali, Malus pumila 8417
Brassica oleracea	tissue culture 4896	Acyl-(acyl-carrier-protein) deasaturase
genetic variation 3966	Actinidia chinensis (see also Actinidia	Helianthus annuus
polymerase chain reaction 3966	deliciosa)	gene expression 12304
Acetyl-CoA C-acyltransferase	breeding 1954 cultivars	nucleotide sequences 12304
Zea mays gene expression 5495	Chinabelle 12240	Acyl carrier protein
genetic transformation 5495	K1-91 1955	Gossypium hirsutum
Acetyl-CoA carboxylase	Pollichina 12240	genetic transformation 13460 nucleotide sequences 2138
Årabidopsis thaliana	ethylene, gene expression 13302	Acyl carrier protein synthase
gene expression 1301	growth regulators, gene expression 13302	Arabidopsis thaliana
nucleotide sequences 1301	isoenzymes, polymorphism 9681	gene expression 7342
Brassica napus (rape)	sex genetic markers 13303	genetic transformation 7342
gene expression 871 nucleotide sequences 871	molecular genetics 4892	Brassica napus, genetic transformation
Nicotiana tabacum	random amplified polymorphic DNA	13389
gene expression 1301	4890	Cuphea hookeriana
genetic transformation 1301	sex chromosomes 4890	gene expression 13389 genetic engineering 13389
Triticum aestivum	Actinidia deliciosa	Cuphea pulcherrima
gene mapping 4341	abscisic acid 9682	gene expression 13389
genetic engineering 4340 nucleotide sequences 4341	auxins, genetic transformation 7212 biotechnology 1956	genetic engineering 13389
Achillea	breeding 1954	Cuphea wrightii
azulene 1178	conferences 2272	gene expression 7342-7343
chloroplasts 1153	cold resistance 4902	genetic engineering 7342
genetic resources 1178	cultivars	nucleotide sequences 7343 Acyl-CoA desaturase
interspecific hybridization 12558	Jinyang-1 12241	Arabidopsis thaliana
outcrossing 1152 polyploidy 1153	MontCap 4885 cytokinins, genetic transformation 3426	gene expression 4270
seed production 1152	drought resistance 9682	nucleotide sequences 4270
self incompatibility 1152, 12558	evolution 9681	Acylglycerol-3-phosphate acyltransferase
Achillea monticola, interspecific hybridiza-	flowering, artificial selection 4894	Brassica napus (rape), genetic transfor-
tion 1152	growth period 4885	mation 4959, 7293
Achillea pratensis, interspecific hybridization	growth regulators 9682	Limnanthes douglasii, genetic engineer- ing 4959
1152 Acid phosphatase	genetic transformation 3426 habit	Acyltransferases
Brassica carinata 878	genetic transformation 7212	Arabidopsis thaliana, genetic engineering
Brassica juncea 878	somaclonal variation 1960	11838
Brassica napus (rape) 878	hermaphroditism	Oryza sativa, genetic transformation
genetic transformation 3089	genetics 4893	11838
Lycopersicon esculentum, linkage 2960	mutations 9680	Acyrthosiphon kondoi, Medicago sativa 6878
Nicotiana tabacum, genetic engineering 3089	interspecific hybridization 4896	Adaptability (see Stability)
Oryza sativa 10552	random amplified polymorphic DNA 4887	Adenine, Volvariella diplasia, induced mut
Zea mays, genetics 7952	isoenzymes, polymorphism 9681	tions 4202
Acidovorax avenae, Zea mays 2596	nutrients 4901	Adenine phosphoribosyltransferase
Aconitum jaluense, interspecific hybridiza-	phosphorus 4901	Arabidopsis thaliana
tion 4174	plant composition 4901	gene mapping 5243
Aconitum japonicum, interspecific hybridi-	pollination 1957	mutations 5243
zation 4174  Aconitum variegatum, nomenclature 13591	artificial selection 4894	Adenosine diphosphate-ribose
Acorus calamus, tissue culture 4179	polyamines 4889 potassium 4901	Arabidopsis thaliana, gene expression 4770
Acrachne sundararajii, taxonomy 4589	protoplast culture 2983, 4897, 10954	Lycopersicon esculentum, gene expres-
Acremonium, Festuca arundinacea 1634	protoplast 2005, 4077, 10954	sion 4770
Acremonium cucurbitacearum	quality 4898-4899	Adenosinetriphosphatase
Cucumis melo 1860, 5960	ripening	Arabidopsis thaliana
Cucurbitaceae 5960	gene expression 7211	gene expression 3385, 10209
Actin Arabidopsis thaliana	nucleotide sequences 7211	genetic engineering 2339
gene expression 10157	rootstocks 12146 sex 4889	nucleotide sequences 4241
gene mapping 10162	genetics 4893	Beta vulgaris (sugarbeet) mitochondrial genetics 11075
genetics 10170	mutations 9680	nucleotide sequences 11075
mutations 10157, 10170	techniques 4891	Brassica campestris, molecular genetics
Pisum sativum, gene expression 5761	soil pH	7039
Vicia faba 8262	in vitro selection 1962	Brassica juncea 3103
Actinidia biotechnology 13301	somaclonal variation 1962 somaclonal variation 1961	Brassica oleracea, molecular genetics

Adenosinetriphosphatase cont.	Aegilops cont.	Aegilops tauschii cont.
Brassica oleracea (cauliflowers)	seed testing 5352	genomes 2485
gene expression 5882	spikelets, heterosis 11577	gliadin 11661
nucleotide sequences 5882	spring and winter habit, genetics 4370	glucan branching enzyme, gene mapping
Fagus crenata	taxonomy 11619	2483
mitochondrial genetics 11183	tillering, heterosis 11577	
restriction fragment length polymor-		glutenins 11661
phism 11183	toxic substances 7920	Heterodera avenae
	triticale, intergeneric hybridization 12838	gene mapping 2486
Nicotiana plumbaginifolia	Triticum, intergeneric hybridization 5403	nucleotide sequences 2486
gene expression 9895	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Hordeum vulgare, intergeneric hybridiza
genetic engineering 9895	tion 2412, 4373, 4397, 5350, 11577	tion 3515
Nicotiana tabacum	Triticum durum, intergeneric hybridiza-	interspecific hybridization 6569
gene expression 5010, 6166	tion 11577, 11660	isoenzymes 11661
genetic transformation 9895	vernalization, genetics 4370	genetic variation 6650
mitochondrial genetics 5010	zinc, chromosome addition 4373	microsatellites 3511
Oryza sativa 2673	Aegilops caudata	population genetics 6650
gene expression 6767, 9223	parthenogenesis 159	
		Pratylenchus thornei 1445
mitochondrial genetics 6767	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Pseudocercosporella herpotrichoides
Petunia, molecular genetics 6350	tion 159	4427
Sorghum bicolor 4519	tubulin 159	Puccinia recondita 3502
gene expression 4521	Aegilops comosa	restriction fragment length polymorphism
mitochondrial genetics 4521	chromosome addition 12774	5333
nucleotide sequences 4521	chromosome banding 2485	ribulose-bisphosphate carboxylase
Triticum aestivum 202	chromosome translocation, restriction	gene expression 7808
mitochondrial genetics 4366	fragment length polymorphism 9021	nucleotide sequences 7808
nucleocytoplasmic interaction 4366	genomes 2485	Tilletia indica
Triticum timopheevii	restriction fragment length polymorphism	genetic markers 5415
mitochondrial genetics 4366	12774	restriction fragment length polymor-
nucleocytoplasmic interaction 4366	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	phism 5415
Zea mays	tion 9021, 12774	triticale, intergeneric hybridization 1368
gene expression 2555	Aegilops crassa	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza
mitochondrial genetics 2555	chromosome banding 2485	tion 1424, 2459, 3473, 7808
Adenosylhomocysteinase	genomes 2485	Triticum turgidum, intergeneric hybridi-
Nicotiana tabacum	triticale, intergeneric hybridization 7920	zation 3507, 5415
gene expression 4021	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	unreduced gametes 1368
genetic transformation 4021	tion 4368	Aegilops triuncialis
Adenosylmethionine decarboxylase,	Aegilops cylindrica	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza
Pharbitis nil, gene expression 8794	chromosome addition 9020	tion 10309
Adenylyl cyclase, Nicotiana tabacum, nucle-	female fertility 12722	Triticum turgidum, intergeneric hybridi-
otide sequences 4035	Hordeum vulgare, intergeneric hybridiza-	zation 10309
	tion 2501	Aegilops umbellulata
Adesmia, fatty acids, chemotaxonomy 6900		
Adiantum capillus-veneris	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	chromosome addition 4364
phytochrome	tion 9020, 12722	chromosome banding 2484
gene expression 1292	Aegilops juvenalis	gene mapping 4364
genetic engineering 1292	anther culture 4386	restriction fragment length polymorphism
Adoxa, phylogeny, ribosomal DNA 6316	Dasypyrum villosum, Triticum, interge-	4364
Aechmea, taxonomy 6341	neric hybridization 4386	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza
Aegilops	triticale, intergeneric hybridization 7920	tion 4364
aluminium 7920	Aegilops kotschyi	Aegilops uniaristata, Triticum aestivum,
chromosome breakage, genetics 10271	cytoplasmic male sterility 4369	intergeneric hybridization 1423
	parthenogenesis 159	Aegilops variabilis, Triticum aestivum, inter
DNA hybridization 11546	peroxidases 4369	generic hybridization 5340
evolution		Aegilops ventricosa
mitochondrial genetics 195	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	
restriction fragment length polymor-	tion 159, 4369	chromosome number 11558
phism 195, 6631	tubulin 159	cytoplasmic male sterility 4369
transposable elements 6631	Aegilops markgrafii	peroxidases 4369
genetic distance 9027	chromosome addition 4365	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza
genetic resources 11529	microsatellites 4365	tion 4369
gliadin 11619	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Triticum durum, intergeneric hybridiza-
glucose-6-phosphate isomerase, genetic	tion 4365	tion 11558
variation 6620	Aegilops mutica, amplified fragment length	Aegle marmelos
Heterodera 12769	polymorphism 2401	somatic embryogenesis 850
internodes, heterosis 11577	Aegilops ovata	tissue culture 850
	chromosome addition 6611	Aeschynomene, chromosome number 1667
Leptosphaeria nodorum, nucleocytoplas-	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Aeschynomene evenia, grazing, germplasm
mic interaction 5403	tion 6611	releases 2771
lysine 5310		Aesculus glabra, genetic transformation
male sterility, genetics 10271	Aegilops speltoides	
Mayetiola destructor 12775	amplified fragment length polymorphism	3372
nomenclature 5422, 11620	2401	Aesculus hippocastanum
nucleotide sequences 11546	chromosome banding 11562	cryopreservation 9958
photosynthesis 5350	chromosome pairing 11562	tissue culture 9958
protein disulfide-isomerase	Erysiphe graminis	Aflatoxins, Gossypium hirsutum, genetic
gene mapping 11552	chromosome substitution 4429	engineering 2144
restriction fragment length polymor-	chromosome translocation 214	Agapanthus africanus
nhiam 11552	random amplified polymorphic DNA	calmodulin 12518
phism 11552	4429	pollen 12518
proteins 5310	Fusarium, chromosome translocation 214	Agapanthus praecox, cultivars, Snowstorm
Puccinia recondita 11651		10007
Puccinia striiformis 11651	phylogeny, repetitive DNA 4346	Agaricus
quality 5310	Puccinia recondita, chromosome translo-	
random amplified polymorphic DNA	cation 214	development 10088
12773	ribosomal DNA, nucleotide sequences	genetic resources 10081
recombination, restriction fragment length	6605	RNA polymerase, mitochondrial genetic
polymorphism 5421	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	1219
repetitive DNA	tion 214, 4429, 11562	spores 4200
nucleotide compage 2/45	Aegilops tauschii	taxonomy 3344, 4200
nucleotide sequences 3445	amylose, genetics 10287	Agaricus bisporus
restriction fragment length polymor-		cellulose, molecular genetics 3337
phism 3445	chromosome banding 2485, 3511	
ribulose-bisphosphate carboxylase 5350	drought resistance, nucleocytoplasmic	colour, genetics 10089
salinity, cytoplasmic inheritance 11639	interaction 2459	development, mitochondrial genetics
Secale cereale, intergeneric hybridization	embryo culture 3515	7619
4352	Erysiphe graminis, genetics 1444	gene mapping 3338

Aldehyde oxidase

Arabidopsis thaliana gene expression 10179

Fragaria vesca, genetic transformation 6023

Agrostis stolonifera cont. Agaricus bisporus cont. Agrobacterium tumefaciens cont. herbicides 2205 glutamate-ammonia ligase gene expression 1279 genetic transformation 1276, 1278-1281, isoenzymes gene expression 1223 genetic variation 11891 nucleotide sequences 1223 8924, 11408 polymorphism 11891 books 2281 lawns and turf 2204 reviews 1277 gene expression 10082 Glycine max, genetic transformation 3715, 11930 salinity 9314 nucleotide sequences 10082 mitochondrial genetics 3340, 4198-4199 polyploidy 11340 Sclerotinia homoeocarpa 1645 Air pollution Hordeum vulgare, genetic transformation artificial selection 10123 Pseudomonas tolaasii 13611 pyrroline-5-carboxylate dehydrogenase gene expression 1224 Lycopersicon esculentum 13221 Betula pendula 13491 Malus pumila, genetic transformation 2988, 9636 Buddleja 1071 nucleotide sequences 1224 restriction fragment length polymorphism 3340, 4198-4199 soil types 13611 forest trees, conferences 13617 Nicotiana tabacum, genetic transformation 3373, 4023, 9896, 13437 Fragaria ananassa 835 Medicago sativa 536 Nicotiana tabacum 3183, 8648 Picea abies 9981-9982, 13514-13515 Oryza sativa, genetic transformation wide hybridization 3338

Agaricus wrightii, taxonomy 3344 Pinus nigra 9972 Phaseolus acutifolius, genetic transforma-Pinus ponderosa, mathematics 1044 Pinus sylvestris 3240, 9972-9973 genetics 13508 Populus 12454, 13495 tion 3373 Agastache rugosa anthocyanins, genetics 5157 isoenzymes, genetics 5157 malate dehydrogenase, genetics 5157 Rosa 11246 Rubus arcticus, genetic transformation 12201 Populus tremuloides 1009, 13496 Triticum aestivum 204 Agave angustifolia Solanum tuberosum gene expression 9520 domestication 4058 Ajuga reptans, roots, polymerase chain reaction 13556 genetic transformation 9520 gene banks 4058 genetic resources 4058 Spinacia oleracea, genetic transformation 3820 Alabama argillacea, Gossypium 6240 Agave fourcroydes domestication 4058 Tabernaemontana pandacaqui, genetic Alachlor transformation 4173 Sorghum bicolor 12916 gene banks 4058 Zea mays gene mapping 5548, 8009 mathematics 8009 genetic resources 4058 Triticum aestivum, genetic transformation 8992 Agave sisalana, tissue culture 8690 Ageratum conyzoides
Oryza glaberrima 4569
Oryza sativa 4569 Ulmus pumila, genetic transformation 9896 restriction fragment length polymorphism 5548
Albizia julibrissin Vitis 6034 Agglutinins Vitis amurensis 1947 Vitis vinifera 1947 Galanthus nivalis, genetic engineering isoenzymes 7460 Vitis yenshanensis 6034 self incompatibility 7460 10531 Agrobacterium vitis Vitis 1946 Albizia procera Glycine max, nucleotide sequences 4619 Oryza sativa chromosome aberrations 5065 Vitis amurensis 1947 Vitis vinifera 1947, 8456 Agrocybe aegerita fructification gene expression 10531, 11853 gamma radiation 5065 Albugo candida genetic transformation 10531, 11853 Brassica juncea 12292 Aglaonema genetic variance 3099 cultivars April in Paris 1128
Compact Maria 8821
Pride of Sumatra 1130
Queen of Siam 1128
Rembrandt 1129
Silver Queen Compact 8822 gene expression 10083 nucleotide sequences 10083 mitochondrial genetics 7618 Albumins Helianthus annuus, gene expression 2032 Nicotiana tabacum Agronomy, Prunus dulcis 10986 gene expression 13120 Agropyron (see also Elymus) cultivars, CD-II 1635 Gibberella zeae 501 genetic transformation 13120 Pisum sativum, gene expression 13120 Vicia 4642 Aglaonema commutatum, cultivars, Jubilee Vicia 4042
Vicia faba 3736
Vicia kalakhensis 3736
Alchemilla, chromosome number 4175
Alcohol dehydrogenase Green 1127 ideotypes 11884 phylogeny, random amplified Agmatine Avena sativa, genetic engineering 5459 Nicotiana tabacum polymorphic DNA 8153 taxonomy 6870 gene expression 5459 Agropyron cristatum Arabidopsis thaliana gene expression 1296, 10158 genetic transformation 10158 genetic transformation 5459 drought resistance, artificial selection 1620 Agonis flexuosa nutritive value 8131 cultivars nucleotide sequences 378 yield components, heritability 1636 yields 8131 Jervis Bay Afterdark 12490 Southern Wonder 1057 Hordeum spontaneum natural selection 12783 Agropyron desertorum competitive ability 6868 drought resistance, artificial selection Agrobacterium rhizogenes nucleotide sequences 12783 Antirrhinum majus, genetic transformation 6347 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 10315 1620 Capsicum annuum 5952 Lycopersicon esculentum experimental design 6868 Datura arborea, genetic transformation gene expression 13213 Agropyron tsukushiense 11247 genetic transformation 13213 Datura sanguinea, genetic transformation 11247 Kengyilia laxiflora, intergeneric hybridi-Nicotiana plumbaginifolia zation 13040 gene expression 10158 Gentiana, genetic transformation 3269 Kengyilia rigidula, intergeneric hybridigenetic transformation 10158 Nicotiana tabacum zation 11887 Nicotiana tabacum gene expression 13438 Agrostemma githago gene expression 948, 12375 ribosome-inactivating proteins 12700 genetic transformation 935, 6181, promoters 12375 13412 RNA 12700 nucleotide sequences 2382 Agrostis molecular genetics 935 Oryza sativa, nucleotide sequences 378 Rauvolfia serpentina, genetic transformation 6377 chromosome number 6873 Pisum sativum drought resistance 10004 gene expression 10158 heat resistance 10004 Solanum aviculare, genetic transformagenetic transformation 10158 tion 11329 Agrostis alpina Zea luxurians, nucleotide sequences chromosome number 2731 taxonomy 2731 Agrobacterium tumefaciens 11723 Arabidopsis thaliana Zea mays Agrostis capillaris genetic transformation 1299, 1302, gene expression 1485 nucleotide sequences 11723 cultivars 9297 Harri 2384 6469, 12613, 12621 nucleotide sequences 4248 Zea parviglumis, nucleotide sequences 11723 Cajanus cajan, genetic transformation lawns and turf 4130 Aldehyde dehydrogenase 653 Agrostis rupestris chromosome number 2731 taxonomy 2731 Capsicum annuum 5952 Nicotiana tabacum Chrysanthemum morifolium, genetic transformation 12514 gene expression 947 Agrostis stolonifera nucleotide sequences 947 Eucalyptus globulus 998 cultivars 9297

Mariner 9314

genetic transformation 504, 5646

Aldehyde oxidase cont.	Allium cont.	Allium cepa cont.
Arabidopsis thaliana cont.	protoplast culture 5861	nutrients 722
nucleotide sequences 10179	Pseudomonas marginalis 9567	ovule culture 5874, 7033
Zea mays	Pseudomonas viridiflava 9567	Penicillium islandicum 9566
gene expression 4479	random amplified polymorphic DNA	Phoma terrestris 1799
nucleotide sequences 4479  Aldolase	4725	photoperiodism 3810, 7032
Solanum tuberosum	techniques 3379 ribosomal DNA 7029	pollination 135, 10778 polyploidy 1795
gene expression 9524	seeds 1797	potassium, chromosome aberrations 2928
genetic engineering 9524	taxonomy 9564	protoplast culture 4732
nucleotide sequences 9524	chloroplast genetics 9565	protoplast fusion 5863, 9563
Aleurites fordii, quantitative traits, mul-	random amplified polymorphic DNA	Pseudomonas marginalis 9567
tivariate analysis 12342 Aleyrodidae, Datura wrightii 8839	4733	Pseudomonas viridiflava 9567
Alfalfa mosaic alfamovirus	restriction fragment length polymor- phism 9565	quality 721, 5875, 5878
Glycine latifolia 595	Allium aflatunense, tissue culture 10781	radionuclides 13188 random amplified polymorphic DNA
Medicago 8198	Allium ampeloprasum	2923
Medicago coerulea 8198	chromosome banding 4727	roots 2927
Medicago falcata 8198	chromosome morphology 2925	Sclerotium cepivorum 8343
Medicago murex, genetics 2744	cytoplasmic inheritance 5863	seed production 10778
Medicago polymorpha, genetics 2744 Trifolium pratense, genetics 5702	cytotaxonomy 4727	seeds, storage 4722
Alismataceae, pollen, evolution 8342	DNA hybridization 9563 interspecific hybridization 714	selenium 722 somatic embryogenesis 10779
Alizarin, Rubia tinctorum 1214	polyploidy 2925	storage 721, 5875, 9566
Alkaloids	protoplast fusion 5863, 9563	Thrips tabaci 8344
Ancistrocladus korupensis 1149	tissue culture 10781	tissue culture 3812, 10779
Eschscholzia californica	Allium ascalonicum	toxic substances, chromosome aberrations
gene expression 7522	chromosome morphology 5865	2928, 12070
nucleotide sequences 7522	DNA 5865	variety trials 5857-5859, 10773
Lycopersicon esculentum 10820 molecular genetics, reviews 11413	tissue culture 5865	yields 7032  Allium commutatum
Pelargonium 2198	Allium atroviolaceum chromosome banding 4727	chromosome banding 4727, 7030
Alkanes, Araucaria araucana 12486	cytotaxonomy 4727	chromosome morphology 7030
Alleles (see Genetics)	Allium cepa	cytotaxonomy 4727
Allelopathy	Alternaria porri 1800	Allium fistulosum
Oryza sativa 3640, 3664	aneuploidy 1795	chromosome aberrations 2924
Trifolium repens, germination 8213	anthocyanins, gene location 720	chromosome addition 2926
Allergens Alstroemeria	aroma 722 Aspergillus niger 9566	formaldehyde 2924 genomes
genetics 11285	breeding 5852, 5856, 10774	DNA hybridization 4724
heritability 11285	bulbs 3812	repetitive DNA 4724
Arachis hypogaea, genetic engineering	carbaryl, chromosome aberrations 12070	interspecific hybridization 714, 4724
3119	carbetamide 4726	mutagens 2924
Brassica campestris, molecular genetics	cell division 2927, 4726	Pseudomonas marginalis 9567
11011	chromosome aberrations 2368, 10222,	Pseudomonas viridiflava 9567
Cryptomeria japonica 11211 Cynodon dactylon, nucleotide sequences	10777, 13188 techniques 10220	riboflavin 2924  Allium giganteum
5668	chromosome addition 2923	interspecific hybridization 7029
genetic transformation 32	chromosome morphology 3806	ribosomal DNA 7029
Glycine max, genetic engineering 3119,	chromosome pairing 3806	Allium grayi, phylogeny, random amplified
8241	colour 1796	polymorphic DNA 12069
Hevea brasiliensis	cultivars 6549, 11506	Allium magicum, nomenclature 13190-1319
gene expression 12429 nucleotide sequences 12429	EPAGRI 362-Crioulo Alto Vale 10774	Allium nigrum, nomenclature 13190-13191 Allium nutans, chromosome morphology
Holcus lanatus	EPAGRI 363-Superprecoce 10774	5864
gene expression 6875	Phule Safed 2922	Allium porrum
nucleotide sequences 6875	Ranniĭ Rozovyĭ 2387	cultivars, Asgeos 2387
Phleum pratense, nucleotide sequences	Zolotnichok 2387	hybrid seed production 5862
4586	cytoplasmic inheritance 5863	variety trials 13186
Prunus avium	cytoplasmic male sterility	Allium ramosum, cultivars 6549 Allium roseum, nomenclature 13190
genetic engineering 1920 nucleotide sequences 1920	chloroplast genetics 716 genetics 5867	Allium roylei
Alliin, Allium sativum 3809	mitochondrial genetics 7031	genomes
Alliin lyase, Allium sativum, genetic engi-	polymerase chain reaction 5868, 7031	DNA hybridization 4724
neering 10775	development	repetitive DNA 4724
Allium	gene expression 5871	interspecific hybridization 4724
breeding 5849-5850	nucleotide sequences 5871 DNA, techniques 10220	Allium sativum alliin 3809
conferences 4208 centres of diversity 5848	DNA hybridization 9563	alliin lyase, genetic engineering 10775
diseases 5881	flavanoids 1798	breeding 5851-5852, 5855
DNA, evolution 7034	flavonoids, gene location 720	bulbs 3812
DNA hybridization 4725	gametoclonal variation, random amplified	chromosome morphology 715
evolution 10782	polymorphic DNA 12071	cultivars 11506
reviews 13187	gamma radiation 10220, 10777	development 3808 diseases 13192
gene banks 5873	gene banks 4722 gene flow 135	dormancy 5870
genetic distance 4733 genetic markers 5861	gene mapping 2923, 4723	fertility 715
reviews 13187	genetic markers 1796	fructans 3809
genetic resources 5191, 5848, 5854	genetic resources 5853	genetic resources 3805
genetics, conferences 4208	genomes	genetic transformation 10776
germination 1797	DNA hybridization 4724	growth period 3807
interspecific hybridization 3811, 7029	repetitive DNA 4724	in vitro culture 13189
isoenzymes, genetic variation 3811	haploidy 5874 herbicides 4726	isoenzymes, polymorphism 5869 male sterility 5866
ornamental value 3813	in vitro culture 13189	random amplified polymorphic DNA
pests 5881 phylogeny	induced mutations 2368, 10220, 10777	4728
chloroplast genetics 5879	interspecific hybridization 714, 4724	meiosis 715
random amplified polymorphic DNA	Listeria denitrificans 9566	morphology 4730
5880	Listeria monocytogenes 9566	plant composition 4729
restriction fragment length polymor-	mutagens 10222, 13188	Pseudomonas marginalis 9567 Pseudomonas viridiflava 9567
phism 5879	nucleolus organizer 1795	2 DOUGOTTO NO TO TOUGHT OF TOO

		Aluminium cont.
Allium sativum cont.	Alstroemeria cont.	and the second s
quality 4730	cultivars <i>cont</i> .	Arabidopsis thaliana cont.
artificial selection 5876-5877	Starkrist 8810	mutations 87, 1321, 10206, 10208
seed production 5866	Violetta 1108	Cajanus cajan 12013
	Zanta 1108	Coleus blumei 2229
tissue culture 3812, 4731, 10780		Festuca arundinacea 10593
variety trials 5860	DNA 13575	
yield correlations 5870, 5872	embryo culture 3297, 8812	Glycine max 8990, 11955
Allium schoenoprasum	flowers 7553	artificial selection 9443
accessory chromosomes 1339	genetic resources 4146, 8809	heritability 9443
	interspecific hybridization 3297, 8812	* Hordeum vulgare 2396, 8995
cytoplasmic male sterility 717		
genetics 718	repetitive DNA, fluorescence in situ	gene mapping 2517
restriction fragment length polymor-	hybridization 3295	genetics 2517
phism 719	tissue culture 2224, 10030	Oryza sativa 8093, 11845
interspecific hybridization 714	Alstroemeria aurea	combining ability 2671, 11844
male sterility, restriction fragment length	embryology 1109	heritability 2671
	interspecific hybridization 1109	
polymorphism 719		in vitro selection 2670
Allium ursinum	nectar 7554	multivariate analysis 8094
lectins	pollination 10029	somaclonal variation 2670
gene expression 713	sexual reproduction 12535	Phaseolus vulgaris 5752
nucleotide sequences 713	Alstroemeria pelegrina	gene expression 6929
Allium vavilovii, cytoplasmic male sterility,	embryology 1109	Secale cereale
chloroplast genetics 716	interspecific hybridization 1109	gene mapping 6691
Allocasuarina verticillata	Alterantive oxidase	random amplified polymorphic DNA
Frankia, genetic transformation 7464	Oryza sativa	6691
nodulation, genetic transformation 7464	gene expression 3614	Sorghum bicolor 9199
Alloploidy (see Intergeneric hybridization;	nucleotide sequences 3614	triticale 2396, 7920
Interspecific hybridization; Polyploidy)	Alternaria	artificial selection 7921
Alnus acuminata	Chrysanthemum morifolium 6344	heritability 11689
isoenzymes	Malus pumila 8414	in vitro selection 4406
genetics 1019	Alternaria alternata	
		Triticum aestivum 203, 1421, 1428, 239
polymorphism 1019	Citrus 851	3487, 3489, 7847, 7853, 11632
Alnus glutinosa	Fragaria ananassa 12223	chromosome addition 6691
nodulation	Lycopersicon esculentum	chromosome substitution 1423
gene expression 4079	genetics 12110	
		gene expression 11637
nucleotide sequences 4079	induced mutations 12110	genetics 2461, 3491
Alnus hirsuta	Malus pumila	germplasm releases 1427
gynoecium 2168	artificial selection 12159	in vitro selection 4406
leaves 2168	in vitro selection 5998	
Alnus nitida	induced mutations 5998	nucleotide sequences 11637
		Zea mays 319-320, 7951, 8990, 12892
isoenzymes, genetic variation 7461	mutations 12159	artificial selection 5529
morphology 7461	Phaseolus vulgaris 6935	gene mapping 5529
Alocasia	Pyrus pyrifolia 6000	
esterases 9552	Sesamum indicum 13387	restriction fragment length polymor-
	Alternaria brassicae	phism 5529
isoenzymes 9552		Alysicarpus vaginalis, cold resistance 1671
phylogeny 9552	Brassica 5892	Amanita muscaria
Alocasia macrorrhiza	Brassica (Chinese cabbages)	
Helicoverpa armigera, genetic engineer-	combining ability 8353	betalain, gene expression 4161
ing 968	heritability 8353	betalains
		gene expression 1221
proteinase inhibitors, genetic engineering	Brassica juncea 8527	nucleotide sequences 1221
968	Alternaria brassicicola	DOPA dioxygenase, gene expression
Alocypha bimaculata, Sesamum indicum,	Brassica nigra 8525	
genetic variance 6111	Brassicaceae 8525	4161
Aloe	Raphanus sativus, gene expression 12067	Amaranthus
chemotaxonomy 2152, 11160		dormancy 3665
	Alternaria burnsii, Cuminum cyminum, in	genetic resources 8113
flavonoids 11160	vitro selection 8851	
phenolic compounds 2152	Alternaria cucumerina, Cucumis melo 5963	germination 3665
pollen 12428	Alternaria dauci, Daucus carota, genetics	isoenzymes, genetic variation 1619
taxonomy 12428	9541	proteins 481
Aloe aristata		quantitative traits, multivariate analysis
	Alternaria helianthi	4573
chromosome transmission 3306	Helianthus 7314	
DNA hybridization 3306	Helianthus annuus 2044-2045	random amplified polymorphic DNA
Gasteria lutzii, intergeneric hybridization	Alternaria linicola, Linum usitatissimum	1619, 4570
3306	(linseed) 2031	seeds 481
		taxonomy 481
Aloe barbadensis	Alternaria porri, Allium cepa 1800	Amaranthus cruentus
cell division 4059	Alternaria solani	
chromosome morphology 4059	Lycopersicon esculentum 7076-7078,	crop density 11866
Alopecurus pratensis	13223	cultivars, Kerala Red 5099
chlorophyll 10599	heritability 12113	tissue culture 5642
colour 10599		yield components, stability 13029
	Alternaria triticina	
morphology 6876	Triticum aestivum 11643	Amaranthus edulis
soil types 6876	genetics 3496	mutagens 2684
Alpinia, taxonomy 10033	Alternative oxidase	phosphoenolpyruvate carboxylase,
Alpinia purpurata, Etlingera elatior, interge-		induced mutations 2684
	Arabidopsis thaliana	
neric hybridization 2208	gene expression 1290	photosynthesis, induced mutations 2684
Alstroemeria	nucleotide sequences 1290	sodium azide 2684
allergens	Zea mays	Amaranthus hypochondriacus
genetics 11285	molecular genetics 10378	chlorophyll a/b binding protein, genetic
		transformation 400
heritability 11285	polymerase chain reaction 10378	transformation 480
anthocyanins 7553	Altitude	crop density 11866
breeding 11270	Cryptomeria japonica 1055	photosynthesis, gene expression 2683
chromosome banding 13575	Echinochloa crus-galli 12922	tissue culture 480
colour 7553		
	Fragaria virginiana 832	yield components
cultivars	Hevea brasiliensis 11166	multivariate analysis 6853
Evita 1104	Lycopersicon hirsutum 10823	stability 11867, 13029
First Love 7550	Oryza sativa 3603, 3645	Amaranthus tricolor
Ilona 8811	Pinus brutia 2174	
		Celosia argentea, protoplast fusion
Kristina 8810	Aluminium	12526, 13562
Little Star 1105	Aegilops 7920	Celosia cristata, protoplast fusion 3825
Little Sun 1106	Arabidopsis thaliana	photosynthesis, gene expression 2683
Stalona 8811	gene expression 11463	
Stapula 1107		yield components, heterosis 2945
Diapaia 1107	gene mapping 10206	Amaryllis, chromosome morphology 5118

7.7		
mblyopyrum mutica	Amplified fragment length polymorphism	α-Amylase cont.
Erysiphe graminis	cont.	Hordeum vulgare, gene expression 3524,
chromosome substitution 4429 random amplified polymorphic DNA	Daucus carota cont.	7762
4429	phylogeny 12046	Oryza sativa
gliadin 11619	Dicorynia guianensis 6472 Echium vulgare, techniques 2321	gene expression 4564, 6791, 7762,
taxonomy 11619	Elaeis guineensis, fruits 13371	8043, 10533, 11802, 11807, 12933
Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Eucalyptus globulus 9943	genetic transformation 10533, 12933
tion 4429	Eucalyptus tereticornis 9943	molecular genetics 11802
melanchier	Eucalyptus urophylla, outcrossing 2155	Secale cereale, genetics 2527
apomixis 9645	Glycine max 573	triticale, genetics 7913
interspecific hybridization 9645	Hippophae rhamnoides, techniques 2321	Triticum aestivum
melanchier alnifolia	Hordeum spontaneum, salinity 1456	gene mapping 9078
fruits 7142	Hordeum vulgare 232, 6659, 7892	genetics 167-168
quality 7142	Erysiphe graminis 1464	Zea mays, mutations 9165
variety classification, random amplified	phytic acid 11668	β-Amylase
polymorphic DNA 6001	Puccinia hordei 10331	Hordeum spontaneum
melanchier bartramiana	Puccinia striiformis 4467	genetics 11676
morphology 3882	quantitative traits 10331	nucleotide sequences 11676
population genetics 3882	salinity 1457	Hordeum vulgare 1453
reproduction 3882	variety classification 229, 2497	genetics 11676
melanchier laevis	yield components 7877	nucleotide sequences 11676
morphology 3882	Humulus lupulus 5160	Secale cereale, nucleotide sequences
population genetics 3882 reproduction 3882	Lens culinaris 11991	3538
melanchier sanguinea, variety classifica-	Lolium perenne, variety classification	Amylases
	6861, 8142	Hordeum vulgare, gene mapping 6655
tion, random amplified polymorphic DNA 6001	Malus pumila, variety classification 12152	Nicotiana tabacum, genetic transformation 6902
mine oxidase (copper-containing)	Manihot, taxonomy 1791	Pisum sativum, genetic transformation
Arabidopsis thaliana	Medicago sativa 10605	6902
gene expression 6473	Miscanthus 5672	Vicia narbonensis, genetic transformation
nucleotide sequences 6473	Oryza 11777	6902
mino acids	Oryza sativa 8049	Amylopectin, Zea mays, mutations 9172
Arabidopsis thaliana	cytoplasmic male sterility 10540	Amylose
gene expression 8938	flooding 456	Aegilops tauschii, genetics 10287
mutations 8938	Petunia 7546	Oryza sativa
Arachis hypogaea 13379	Petunia hybrida	artificial selection 6813
Cocos nucifera 6099	fertility 11269	gene expression 9269
Glycine max 2799	techniques 5115	genetics 8077, 10556, 12989
Glycine soja 1688	Phalaenopsis, variety classification 7491	nucleotide sequences 8077, 9269
Gossypium hirsutum 6229	Picea abies 7477	Setaria italica, genetics 11758
Medicago sativa 10611	Poa pratensis, parthenogenesis 11874	Solanum tuberosum
Oryza sativa 9273, 10560	Populus 4072	gene expression 3790
Sphenostylis stenocarpa 3782	Populus deltoides 7453	genetic transformation 3790
Triticum aestivum 7870	Populus nigra 4071-4072, 7453	Triticum aestivum
Vigna unguiculata 663, 13143	Populus trichocarpa 7453	genetics 7810
Zea mays, β-glucosidase 10443	Prunus persica	mutations 3464
minopeptidase	Meloidogyne incognita 12197	Triticum durum, genetics 10287
Hordeum vulgare	Meloidogyne javanica 12197	Zea mays 3576
gene location 10321	variety classification 10920	β-Amyrin
linkage 10321	Rhododendron simsii, variety classifica-	Panax pseudoginseng
miprofos-methyl	tion 7491	gene expression 13584 nucleotide sequences 13584
Atropa belladonna, induced mutations	Rosa, variety classification 7491	Anacardium occidentale
3179 Nicotiana plumbacinifolia	Salix alba, interspecific hybridization 5064	cultivars
Nicotiana plumbaginifolia induced mutations 3179	Salix fragilis, interspecific hybridization	Dharashree 10993
mutations 13444	5064	Sulabha 10993
Nicotiana sylvestris, induced mutations	Salix rubens, interspecific hybridization	Ullal-4 3078
3179	5064	UN-50 3078
mmonia, Hordeum vulgare, mutations 235	Senecio jacobaea, techniques 2321	Vengurla 7 10994
mmonium	Solanum, phylogeny 6995	growth period, combining ability 9753
Lycopersicon esculentum, genetics 9592	Solanum tuberosum	habit 7262
Lycopersicon hirsutum, genetics 9592	Globodera pallida 1781, 12041	pollination 7260
moracia rusticana, Verticillium dahliae	Phytophthora infestans 10749, 13172	quality 7262
2267	variety classification 9518	variety trials 10992
morphophallus, taxonomy 3804	Triticum aestivum 2401, 5334, 7787,	yield components, inbreeding depression
mphicarpaea bracteata	9012, 11550	9754
Bradyrhizobium	chromosome pairing 6610	Ananas
evolution 13062	colour 11617	gene banks 9719
genetics 2770	quality 11617	restriction fragment length polymorphism
ecotypes 1756	Triticum boeoticum, phylogeny 2454	9721
isoenzymes, genetic variation 2770	Vaccinium 7174	tissue culture 7235
leaves 1756	Vitis vinifera 12229	Ananas bracteatus Gibberella fujikuroi, genetics 9729
morphology 1756	Vouacapaoua americana 6472	leaves, genetics 9729
nodulation, genetics 2770	Zea mays 5482, 6706, 10363, 10371, 10414	Ananas comosus
taxonomy 1756	Amrasca biguttula	ACC oxidoreductase, gene expression
mplified fragment length polymorphism	Gossypium hirsutum, induced mutations	12256
Aegilops mutica 2401	9928	ACC synthase, gene expression 12256
Appendix Specific Appendix Specific Appendix Specific Spe	Solanum macrocarpon 13233	breeding 9720
Annona cherimola 8486 Arabidopsis thaliana 6472, 8931	Solanum viarum 13233	cell division 6060
flowering 10184	Amrasca biguttula biguttula, Abelmoschus	development, tissue culture 13319
photoperiodism 10184	esculentus 5981	forage 3946
Arachis hypogaea 901	Amygdalus (see Prunus)	fruits, gene expression 12256
Asparagus officinalis, sex 7050	Amylase inhibitors, Triticum aestivum,	gamma radiation 1995
Capsicum annuum 4779, 7096	genetic engineering 5335	genotype environment interaction 9728
Cichorium intybus 4753	α-Amylase	Gibberella fujikuroi, genetics 9729
Cocos nucifera 7321	Arabidopsis thaliana, mutations 12643	incompatibility 9722
Daucus, phylogeny 12046	Avena 264	isoenzymes
Daucus carota	cereals, molecular genetics 1369	induced mutations 9724
carotenoids 5818	Elymus hispidus, gene mapping 9078	polymorphism 7234

Ananas comosus cont.	Angiosperms cont.	Anther culture cont.
isoenzymes cont.	development 6546	Brassica oleracea 4738, 8351-8352 Brassica oleracea (broccoli) 7038, 1207
somaclonal variation 7234, 9724	molecular genetics 10140	Brassica oleracea (cabbages) 7040
leaves, genetics 9729	evolution 5294, 6546, 12684	
morphology	chloroplast genetics 2323	Brassica pekinensis 1806
induced mutations 9724	nucleotide sequences 5295	Bupleurum falcatum 8833 Capsicum annuum 7098, 9616
somaclonal variation 9724	flowers 5294	Xanthomonas vesicatoria 13235
nuclei 6060	genetics 4288	cereals, reviews 5309
ovule culture 9726	nucleotide sequences 5295	Cichorium intybus 7052
plant disorders 3947	phylogeny 10140	Cucurbita pepo 9626
pollen germination 1995	genetic resources 7655	Dasypyrum villosum 4386
polyploidy 6061	hydroxyproline-rich glycoproteins,	Glycine max 579, 8251
Pratylenchus brachyurus 9730	reviews 1342	Gossypium 13467
quality 3946	isoenzymes, genetic variation 120	Helianthus annuus 13367
artificial selection 9727	phylogeny, genetic markers 3424	Hevea brasiliensis 12431
regenerative ability 13320	pollen 12682 techniques 1359	Hordeum 4449
seeds 9725	A	Hordeum bulbosum 4449
tissue culture 6061, 9725, 13320	pollen germination 8976	Hordeum vulgare 250, 2507, 3526, 445
transposable elements, nucleotide	pollination 118, 12682 evolution 119	6666, 9099-9100, 10324-10325,
sequences 13318 variety classification 9722	ribonucleases, evolution 122	11672
computer programming 9723	self compatibility 12684	genetics 7894
Anatomy	self incompatibility	multivariate analysis 7880
Betula pendula, induced mutations 9935	evolution 122	Hypericum 1174
Dendrobium 1122	mathematics 4287	Lilium longiflorum 1118
Lycopersicon esculentum 9610	reviews 116	Linum usitatissimum (flax) 2150
Maxillaria 11316	sexual reproduction 118	Linum usitatissimum (linseed) 12295
Pinus sylvestris, induced mutations 9935	ultraviolet radiation 8976	Malus pumila 7130
Quercus robur, induced mutations 9935	Angophora costata, cultivars, Little Gumball	Medicago sativa 10608
Triticum aestivum 164	11229	Nicotiana tabacum 11125, 12403
Ancistrocladus korupensis	Angophora exul, taxonomy 5048	Oenothera hookeri 7540
alkaloids 1149	Angophora inopina, taxonomy 5048	Oenothera picensis 7540
genetic resources 1149	Anigozanthos	Oryza glaberrima 6801
isoenzymes, genetic variation 1149	interspecific hybridization 13557	Oryza rufipogon 4562
Androecium	mutations 13557	Oryza sativa 435-436, 440, 1589, 2661,
angiosperms 6546	somatic embryogenesis 7538	2666, 4561-4562, 5587, 5611, 678
Oryza sativa 9240	tissue culture 7538	6799, 6801, 6805, 6807, 9236,
Andrographis paniculata	Anigozanthos manglesii, breeding 7517,	10555, 11819, 12985
andrographolide 7582	8764	gene mapping 6802
morphology 7582	Anisogramma anomala, Corylus avellana,	genetic markers 6802
Andrographolide, Andrographis paniculata	genetics 2009	genetics 6800, 10554
7582	Annexins	Secale cereale 269
Andropogon gerardii	Medicago sativa	Solanum chacoense 10744
pollination 11888	gene expression 11899	Solanum phureja 10744
sex 11888	nucleotide sequences 11899	Sorghum bicolor 8020
Anemone coronaria, polyploidy 11284	Annona, phylogeny, restriction fragment	Tripsacum dactyloides 11717
Anethum graveolens	length polymorphism 4934	triticale 3541, 10343, 11688, 12845
cultivars 5299	Annona cherimola	Triticum 4386, 11603
Salyut 2387	amplified fragment length polymorphism	nucleocytoplasmic interaction 5374
essential oils 1144	8486	Triticum aestivum 178, 180-181, 2436-
genetic resources 1144	interspecific hybridization 7249	2437, 4306, 4357, 4383, 4385,
Aneuploidy	isoenzymes	5343, 5373, 5375, 5377, 10283,
Allium cepa 1795	linkage 9737	11565, 11605
Avena sativa 4469	polymorphism 7249	colchicine 12739
Beta vulgaris (sugarbeet)	variety classification 7249, 8486	cold resistance 5390
gene mapping 924	Annona squamosa	combining ability 2438, 4387
restriction fragment length polymor-	artificial selection 9736	heritability 2438
phism 924	interspecific hybridization 7249	proline 12739
Cenchrus ciliaris 9318	isoenzymes, polymorphism 7249	temperature 12739
Diospyros kaki 3952	variety classification 7249	Triticum durum 4384
Festuca arundinacea 5660	Annual habit	Vitis vinifera 12237
germplasm releases 10590	Beta maritima, genetics 7357	Zea mays 5519, 10470, 11717
Glycine max 5732, 9384	Beta vulgaris (sugarbeet), genetics 7357	Zingiber officinale 8847
Gossypium hirsutum 7405	Annuals	Antheraea pernyi
Hordeum, backcrossing 4354	male sterility 2216	Citrus maxima, genetic transformation
Hordeum vulgare 2500 Lilium 10036	toxic substances 2216	9705
	Anoectochilus formosanus	Citrus sinensis, genetic transformation
Lolium perenne 10588	interspecific hybridization 5132	9705
Lotus tenuis 3700	random amplified polymorphic DNA	Anthers 11487
Oryza sativa 401	5132	Arabidopsis thaliana
techniques 9236	Anoectochilus koshunensis	gene expression 11419
Phaseolus 6928	interspecific hybridization 5132	nucleotide sequences 11419
Plantago ovata 12556	random amplified polymorphic DNA	techniques 11419
Senecio 6329	5132	Brassica chinensis 5885
Sorghum bicolor, fluorescence in situ	Anoxia	Brassica napus (rape) 13358
hybridization 6729	Hordeum vulgare, molecular genetics	Hordeum vulgare 5433
Triticum aestivum 4358, 7797	12793	Lilium longiflorum, gene expression 413
backcrossing 4354	Lycopersicon esculentum	Nicotiana tabacum
gliadin 9046 glutenins 9046	gene expression 3836	gene expression 3173, 12390
	nucleotide sequences 3836	genetic transformation 3173
Puccinia recondita 9076 Triticum durum 9018	Oryza sativa	mutations 12390
Triticum durum 9018	gene expression 455, 3613	Oryza sativa
Vicia faba, linkage 6922	nucleotide sequences 3613	gene expression 389, 3614
Angelica archangelica, breeding 2231 Angelica dahurica, cultivars, Baekji-1 8855	Zea mays	nucleotide sequences 389, 3614
Angelica lianescens tayonomy 10075	gene expression 12891	Petunia hybrida
Angelica lignescens, taxonomy 10075	nucleotide sequences 12891	gene expression 7548
Angelica sinensis cell culture 11339	Anther culture 1360, 9740	nucleotide sequences 7548
somatic embryogenesis 11339	Aegilops juvenalis 4386	Silene latifolia
Angiosperms	Asparagus officinalis 10798  Brassica campostris (turnins) 1806	gene expression 4138
androecium 6546	Brassica campestris (turnips) 1806	nucleotide sequences 4138
and occurrence of the second	Brassica napus (rape) 7265, 7290, 8518	Triticum aestivum 9019

A 4T		
Anthers cont.	Antibodies cont.	Apiocarpella (see also Ascochyta)
Vigna angularis 9503	Solanum tuberosum cont.	Apioideae
Zea mays, mutations 10439	genetic transformation 8638, 13158	phylogeny
Anthesis (see Flowering)	Antifreeze proteins	
Anthocyanin synthase, Pharbitis purpurea		chloroplast genetics 9540
12516	Solanum tuberosum	nucleotide sequences 9540
	gene expression 688	Apium graveolens
Anthocyanins	genetic transformation 688	celery mosaic potyvirus 13200
Agastache rugosa, genetics 5157	Antigastra catalaunalis, Sesamum indicum	cultivars, Yuqin 5894
Allium cepa, gene location 720	3992, 6112, 8586	
Alstroemeria 7553		parsnip yellow fleck sequivirus 13200
	Antioxidants, Nicotiana tabacum 12404	Septoria apiicola 13200
Antirrhinum majus, genetic engineering	Antirrhinum	Apoaequorin
11266	development, gene expression 3419	Nicotiana plumbaginifolia
Brassica juncea, induced mutations 7276	flowering, gene expression 3419	
Lycopersicon esculentum, mutations 744	Antirrhinum majus	gene expression 13429
Mimulus cardinalis 3277		genetic transformation 13429
	Agrobacterium rhizogenes, genetic trans-	Apomixis 5281
Mimulus lewisii 3277	formation 6347	Amelanchier 9645
molecular genetics 11517	anthocyanins, genetic engineering 11266	
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	bilanafos, genetic transformation 13570	Beta vulgaris (sugarbeet) 925
tion 11266		Boehmeria silvestrii 8694
	binding proteins	Brachiaria brizantha, gene mapping
Oryza sativa	gene expression 7543	10596
genetics 6786, 8066	nucleotide sequences 7543	Brachiaria ruziziensis, gene mapping
pleiotropy 8066	corolla 11267	
Perilla frutescens	development 13572	10596
		crops 7753
gene expression 3994	gene expression 2220, 11268	Garcinia scortechinii 858
genetics 909	nucleotide sequences 11268	gene mapping 11498
nucleotide sequences 3994	dihydrokaempferol 4-reductase	Hypericum perforatum 10057
Petunia hybrida	gene expression 1099	
gene expression 6696		Malus
	genetic engineering 1061, 1099	genetic markers 2991
mutations 5116	flavonoids, gene expression 7545	random amplified polymorphic DNA
nucleotide sequences 6696	flowering, gene expression 2220	2991
Pharbitis purpurea	flowers 13571	
mutations 3271	genetic transformation 7544	Manihot dichotoma 12049
		Manihot esculenta 10761, 12049
restriction fragment length polymor-	leaves 13572	Manihot glaziovii 12049
phism 3271	lignin, gene expression 7545	Medicago falcata, genetic markers 8180
Pisum sativum	naringenin-chalcone synthase, genetic	
gene expression 4655	engineering 1061, 4033	Medicago sativa
genetic transformation 10367	pollination 11267, 13571	mutations 2736
		random amplified polymorphic DNA
mutations 4655	tissue culture 6347	2736
Populus alba 7451	transcription factors	restriction fragment length polymor-
Populus glandulosa 7451	gene expression 11268	
Sarracenia purpurea, mutations 12545	nucleotide sequences 11268	phism 2736
Trifolium repens, genetic transformation		nomenclature 6539
	transposable elements, nucleotide	Oryza sativa 411
10367	sequences 5112	Paspalum 506
Vitis vinifera	yield correlations 2221	
gene expression 10948	Antirrhinum tortuosum	Paspalum dilatatum 9317
nucleotide sequences 10948	pollen 10025	Paspalum juergensii 9317
		Paspalum malacophyllum 9317
Zea mays	pollen germination 10025	Paspalum notatum
gene expression 2573, 3564, 3569,	Antisense RNA	random amplified polymorphic DNA
6696, 10367, 11697	genetic transformation 7701	
genetic engineering 6695, 10367	Manihot esculenta, genetic transformation	1641
genetics 1506, 1508, 3569	12047	restriction fragment length polymor-
		phism 1641
molecular genetics 11697	Nicotiana tabacum	Paspalum plicatulum 6874
mutations 3564, 11704	gene expression 13423	
nucleotide sequences 280, 6696	genetic transformation 13423	Paspalum simplex 6874
transposable elements 280	Solanum tuberosum	restriction fragment length polymor-
	gene expression 13159, 13162	phism 5671
Anthonomus grandis, Nicotiana tabacum,		Pennisetum squamulatum, gene mapping
genetic transformation 6190	genetic transformation 13159, 13162	10515
Anthonomus rubi, Fragaria ananassa,	Antitrogus consanguineus, Saccharum	
genetics 4870	officinarum 6135	Poa pratensis, random amplified
Anthranilate N-benzoyltransferase	Antiviral proteins	polymorphic DNA 487
		Rubus moluccanus 6014
Dianthus caryophyllus	Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Secale cereale 9122
gene expression 4135	tion 2123	Sorghum bicolor, genetics 2606
nucleotide sequences 4135	Phytolacca americana	9
Anthranilate synthase	gene expression 3325, 7588	statistics 11479
Arabidopsis thaliana, gene expression	genetic engineering 2123	Thinopyrum distichum 9122
	nucleotide sequences 3325, 7588	Tripsacum 328, 1537, 10415, 10425
6515		Tripsacum dactyloides
Nicotiana tabacum	Aonidiella aurantii, Rosa 13541	
gene expression 12400	Aphelandra pulcherrima	gene mapping 5549
nucleotide sequences 12400	hybridization, multivariate analysis 10049	genetics 5550
	phylogeny, multivariate analysis 10049	restriction fragment length polymor-
Anthranilic acid, Zea mays, mutations		phism 5549-5550
10439	Aphelenchoides fragariae, Fragaria	Zea mays 10415, 10425-10426
Anthriscus, taxonomy 7596	ananassa 6024	
Anthurium	Aphididae, Triticum aestivum 4438	Apple chlorotic leaf spot trichovirus
Radopholus citrophilus, in vitro selection	Aphidoidea	Prunus avium 12174
		Prunus persica 12174
11265	Lactuca sativa 8363	Prunus (plums) 12174
Radopholus similis 13568	Zea mays 7964	
Anthurium andraeanum	Aphis craccivora	Apple scar skin viroid, Malus 8416
genetic transformation 13520	Arachis hypogaea 8582	Aproaerema modicella, Arachis hypogaea
	Lablab purpureus 6979	7331
tissue culture 1133		Aquaporin
Xanthomonas axonopodis 11264	Phaseolus vulgaris 8273	
Anthurium scherzerianum, somatic embryo-	Trigonella corniculata 10066	Arabidopsis thaliana, gene expression
genesis 7536	Trigonella foenum-graecum 10066	7724
	Vigna unguiculata 1742-1743	Helianthus annuus
Antibiotics, Capsicum annuum 765		gene expression 3113
Antibodies	Aphis gossypii	
Nicotiana tabacum	Chrysanthemum morifolium 13569	nucleotide sequences 3113
gene expression 2100, 8638, 13442	Cucumis melo 5965	Mesembryanthemum crystallinum, genetic
genetic engineering 11110	genetics 1864, 3860	engineering 6167
genetic transfermation 2100 11110		Nicotiana tabacum
genetic transformation 2100, 11110,	Aphis pomi, Malus pumila 8417	
13442	Apiaceae	gene expression 6167
Solanum tuberosum	development 5886	genetic transformation 6167
gene expression 13158	flowers 5886	Spinacia oleracea, gene expression 8359
01		

Aquaporin cont.	aquaporins, gene expression 1305	chloroplasts
Zea mays gene expression 12877-12878	arginine decarboxylase, induced muta-	gene expression 10144, 10205
nucleotide sequences 12877	tions 3404	mutations 10144
Aquaporins, Arabidopsis thaliana, gene	artificial selection 11415	nucleotide sequences 10205, 11429
expression 1305	ascorbate peroxidase, nucleotide	chlorsulfuron, genetic transformation
Aquilegia	sequences 43	12634
gene flow, chloroplast genetics 1081	aspartate aminotransferase	choline oxidase, genetic transformation
phylogeny, molecular genetics 3288	gene mapping 10185	8957 chromatin 12619
Aguilegia canadensis, self pollination 12520	induced mutations 10185 aspartate kinase, gene expression 7713	chromosome elimination 4948
Arabidopsis development, gene expression 80	ATP/ADP transporter	chromosome morphology 6487
incompatibility 877	gene expression 10165	chromosome translocation, genetic trans-
Nematoda, genetics, books 2285	nucleotide sequences 10165	formation 10160
transposable elements, gene expression	auxin binding proteins	chromosome walking 42
7705	gene expression 7706	circadian rhythm, gene expression 2338
Arabidopsis griffithiana, transposable ele-	genetic engineering 7706	Cochliobolus carbonum, mutations 1327
ments 5234  Arabidopsis pumila, transposable elements	auxins 46 2780 8045	cold gene expression 4276
5234	gene expression 46, 2789, 8945 genetic transformation 46, 2789,	molecular genetics 1325
Arabidopsis thaliana	10172	nucleotide sequences 4276
abscisic acid	genetics, reviews 5252	cold resistance 4277
gene expression 4770, 11127, 11420	induced mutations 10172	gene expression 89, 5258, 7732-7734,
molecular genetics 7726	mutations 70, 4247, 4274, 8952,	10205, 10240, 11464, 11466,
mutations 1308, 5251, 7723, 7726,	10176, 11449	12657
7729, 8953, 10192, 11127 nucleotide sequences 11420	nucleotide sequences 7727, 8945	gene tagging 7733
phosphatidylinositol-4-phosphate 5-	bacteria	genetic transformation 2358, 7733, 8957
kinase	gene mapping 8960	induced mutations 2358, 10205
gene expression 12656	nucleotide sequences 8960 benzyladenine 7722	mutations 11466
nucleotide sequences 12656	binding proteins	nucleotide sequences 10205, 12657
ACC synthase, mutations 11450	gene expression 54, 5223, 6517,	4-coumarate-CoA ligase
acetyl-CoA carboxylase	11443, 13101	gene expression 2343
gene expression 1301	gene mapping 5223	genetic transformation 2343
nucleotide sequences 1301 actin	nucleotide sequences 54, 11425,	cryptochrome 7710
gene expression 10157	11432, 13101 histin mutations 7730	gene expression 7719
gene mapping 10162	biotin, mutations 7730 biotin synthase, mutations 7730	genetic transformation 7719 nucleotide sequences 7719
genetics 10170	Brassica napus (rape)	cucumber mosaic cucumovirus
mutations 10157, 10170	intergeneric hybridization 4948	genetics 3410
acyl carrier protein synthase	protoplast fusion 4948, 11017	mutations 3410
gene expression 7342	brassinolide	cyclase
genetic transformation 7342 acyl-CoA desaturase	gene expression 10145	gene expression 11457
gene expression 4270	mutations 2353	nucleotide sequences 11457
nucleotide sequences 4270	brassinosteroids	cyclin-dependent kinase inhibitors
acyltransferases, genetic engineering	gene expression 1318 genetics 1319	gene expression 12616 nucleotide sequences 12616
11838	mutations 1319, 6506-6507	cyclins
adenine phosphoribosyltransferase	nucleotide sequences 1318	gene expression 4272
gene mapping 5243 mutations 5243	calcium	nucleotide sequences 4272
adenosine diphosphate-ribose, gene	gene expression 7732	cyclophilin
expression 4770	mutations 6498	gene expression 4242
adenosinetriphosphatase	calmodulin, gene expression 11443	nucleotide sequences 4242
gene expression 3385, 10209	carbohydrates, gene expression 6497 cauliflower mosaic caulimovirus	phylogeny 4242 cyclophilins 12613
genetic engineering 2339	genetic transformation 3409	cysteine proteinases, gene expression
nucleotide sequences 4241 Agrobacterium tumefaciens	genetics 91	10197
genetic transformation 1299, 1302,	cell death, genetic transformation 3408	cytochrome-c oxidase
6469, 12613, 12621	cell division 12631	gene expression 3385, 12622
nucleotide sequences 4248	gene expression 2948, 3428, 7714	mitochondrial genetics 12622
alcohol dehydrogenase	genetics 6514	cytochrome P-450
gene expression 1296, 10158	mutations 3395, 11451 nucleotide sequences 2948	gene expression 10145, 12633 nucleotide sequences 12633
genetic transformation 10158	cells	cytochrome P-450 monooxygenase
nucleotide sequences 378 aldehyde oxidase	gene expression 12633	gene expression 6507
gene expression 10179	genetic engineering 7385	nucleotide sequences 6507
nucleotide sequences 10179	mutations 12632	cytochromes
alternative oxidase	nucleotide sequences 12633	nucleotide sequences 8926
gene expression 1290	cellulose	restriction fragment length polymor-
nucleotide sequences 1290	gene expression 8936-8937	phism 8926
aluminium	molecular genetics 4264 mutations 8936-8937	cytokinins
gene expression 11463 gene mapping 10206	nucleotide sequences 4264	gene expression 4256, 11442 molecular genetics 71
mutations 87, 1321, 10206, 10208	cellulose synthase, nucleotide sequences	mutations 71, 4256, 10239
amine oxidase (copper-containing)	4265	nucleotide sequences 4256, 11442
gene expression 6473	centromeres, molecular genetics 3386	2,4-D 11449
nucleotide sequences 6473	chalcone isomerase, gene expression 81	genetics 6521
amino acids	chaperonins, nucleotide sequences 3385	mutations 6521
gene expression 8938 mutations 8938	chitinase gene expression 7737	defensins
amplified fragment length polymorphism	genetic transformation 7737	gene expression 5261
6472, 8931	chlorophyll 11509	nucleotide sequences 5261 desaturases
α-amylase, mutations 12643	gene expression 6509	gene expression 7728
anthers	mutations 6509	nucleotide sequences 7728
gene expression 11419	chlorophyll a/b binding protein, gene	desiccation, genetic transformation 7575
nucleotide sequences 11419	expression 626, 2347, 3403, 5257,	development 11439
techniques 11419 anthranilate synthase, gene expression	6496	gene expression 41, 60, 66, 77, 1323,
6515	chloroplast genetics 11416 gene expression 5232	2345-2346, 3419, 5249, 6476,
aquaporin, gene expression 7724	nucleotide sequences 5232	6511, 7715-7716, 7718, 10148, 10180, 10193-10194, 10199,
	1	.0100, 10175-10174, 10179,

rabidopsis thaliana cont.	Anahidansia thaliana annt	Anakidamia di Timo
development cont.	Arabidopsis thaliana cont. A little transfer of fatty acids	Arabidopsis thaliana cont.
		gibberellic acid
gene expression <i>cont</i> .	gene expression 1307, 3996, 7342,	gene expression 10186
11434, 11444, 11447, 12637,	12647	mutations 10186
12642	genetic engineering 12647	gibberellin 3-β-dioxygenase, gene expres-
gene mapping 10191	genetic transformation 3996, 7342	sion 11456, 12640
genetic transformation 41, 5245,	genetics 6521	gibberellins
7718, 8059, 11196	mutations 1307, 6521, 10177, 12644	gene expression 6479, 6481, 10174,
genetics 4254, 4269, 5250	ferrochelatase	11456, 12640
reviews 1316	gene expression 12617	genetics 5246
induced mutations 2351, 5245, 8950,	nucleotide sequences 12617	mutations 78, 3399, 4261, 5246,
10189-10190	restriction fragment length polymor-	6481, 8944, 11455
modifiers 10189	phism 12617	nucleotide sequences 3399, 6479
molecular genetics 6504	fertility	globulins
mutations 62, 66, 76, 78, 83, 1315,	mutations 12636	molecular genetics 10196
2345-2346, 2353, 4254, 4257,	nucleotide sequences 12636	mutations 10196
4263, 4269, 5249-5250, 6501,	ferulate-5-hydroxylase	glucan branching enzyme
7716, 10178, 10180, 10191,		gene expression 11431
10200, 11421, 11447, 11453,	gene expression 11461	nucleotide sequences 11431
12637, 12642	genetic transformation 11461	glucose-1-phosphate adenylyltransferase
reviews 1316, 2344	flavonoids	gene expression 4260
nucleotide sequences 66, 7715-7716,	gene expression 8941	mutations 4260
10180, 10199, 11421	genetics 82	nucleotide sequences 4260
polymorphism 12652	induced mutations 82	
transposable elements 5239	mutations 6490	glucosinolates, natural selection 2362
dimethylallyl <i>trans</i> transferase	flowering	β-glucuronidase
gene expression 4238	amplified fragment length polymor-	gene expression 11918
	phism 10184	genetic markers 11918
nucleotide sequences 4238 diseases	DNA methylation 12651	glutamate decarboxylase, nucleotide
	gene expression 66, 77, 1312, 3419,	sequences 11423
gene mapping 2359, 6518	10174, 10181, 10194-10195,	glutamate synthase
mutations 3408, 6519	10198, 11446	gene expression 4271, 10173
nucleotide sequences 6518	gene mapping 136, 880, 10184	mutations 4271
polymerase chain reaction 6518	genetic transformation 1312, 10174	nucleotide sequences 4271, 10173
restriction fragment length polymor-	genetics 6510	glutamine amidotransferase
phism 6518	genotype environment interaction	gene expression 11457
DNA binding proteins	12655	nucleotide sequences 11457
chloroplast genetics 5222	induced mutations 6475, 10190	glutathione
gene expression 41, 2332, 2345,	molecular genetics 11446	gene expression 11472
2356, 5222, 5237, 8925, 8927,	mutations 66, 83, 2354, 3398, 4273,	nucleotide sequences 11472
10148, 11427, 12625, 12657	8948, 10178, 10215, 11453	glutathione peroxidase
genetic transformation 41, 5222		gene expression 4278
nucleotide sequences 2345, 2356,	nucleotide sequences 66, 10198	nucleotide sequences 4278
5237, 8925, 8927, 12625, 12657	restriction fragment length polymor-	glutathione transferase
DNA hybridization 42	phism 880	gene expression 6515, 10152
chromosome morphology 5242	flowers 5256	nucleotide sequences 10152
DNA ligase, nucleotide sequences 7709	gene expression 4258, 6493, 13513	glycine-tRNA ligase
DNA methylation 3398, 10151	gene mapping 10191	induced mutations 12635
mutations 5235	genetic engineering 13513	nucleotide sequences 12635
DNA repair	genetic transformation 13512	glyoxalase
gene expression 59, 5228, 5232	genetics 4269, 12648	gene expression 53
induced mutations 5240, 6486	mutations 4269, 10178, 10191	nucleotide sequences 53
mutations 8955	nucleotide sequences 4258, 6493	green fluorescent protein
nucleotide sequences 4253, 5228,	polymorphism 12652	gene expression 11918
5232	formaldehyde dehydrogenase, nucleotide	genetic markers 11918
dormancy	sequences 378	growth period
gene expression 6503	fungi	epistasis 67
nucleotide sequences 6503	gene expression 5261	gene mapping 67
drought resistance 3367	nucleotide sequences 5261	mutations 3398
gene expression 90, 1323, 2357,	Fusarium oxysporum	random amplified polymorphic DNA
12657	gene expression 8962	67
genetic transformation 6516	genetics 8963	growth regulators 7722
	galactinol synthase, gene expression	gene expression 46, 2789, 4256,
nucleotide sequences 12657	10240	7721, 8945, 10174, 11127,
phosphatidylinositol-4-phosphate 5-	gamma radiation 11433	11456, 12650
kinase	gene expression 2334, 3387, 4233, 4247,	
gene expression 12656	4250, 10151, 12615	genetic transformation 46, 2789 genetics 5246
nucleotide sequences 12656	mutations 4239	
ecotypes 1329, 12654	techniques 55, 10147	molecular genetics 71, 7726
elongation factors	gene mapping 1295, 3388, 5226, 6474,	mutations 71, 1308, 3399, 4255-4256,
gene expression 3391	8929, 8931, 8935, 10146, 10166,	4261, 4274, 5246, 5251, 5253,
nucleotide sequences 3391	12270	7721, 7723, 7726, 7729, 8944,
embryo sac, mutations 10201, 11437	books 13629	10176, 10192, 11127, 11454-
epidermis	databases 5233	11455, 12650, 12653
gene expression 10182	reviews 5238	nucleotide sequences 3399, 4256,
mutations 74	gene tagging 2335, 6475	8945, 12650
Erysiphe cichoracearum		guanosine diphosphate
gene mapping 1328	genetic engineering 11416 genetic transformation 3387, 4248, 5006,	gene expression 5227
genetics 1328	6475, 6484, 7707, 8924, 11433	nucleotide sequences 5227
mutations 11471		haemoglobin 5247
Erysiphe cruciferarum	genomes 12619	heat shock
gene mapping 1328	geranylgeranyl pyrophosphate synthase	gene expression 10204
genetics 1328	gene expression 58, 889	genetic transformation 5259, 10204
ethyl methanesulfonate 2351, 2358, 3400,	nucleotide sequences 58	heat shock proteins
3404, 5240, 6486, 10189-10190	geranyl <i>trans</i> transferase	gene expression 88, 3393, 3406,
ethylene	gene expression 4238	11127
gene expression 12650	nucleotide sequences 4238	genetic engineering 88
mutations 5253, 7393, 11450, 11454,	germination	mutations 11127
12650	gene expression 6499	nucleotide sequences 3406
nucleotide sequences 12650	mutations 1306	height, mutations 6506-6507
ethylene receptor	germins	herbicides
gene expression 12639	gene expression 52	gene expression 11472
nucleotide sequences 12639	nucleotide sequences 52	genetic transformation 12634
	-	

Arabidopsis thaliana cont.	Arabidopsis thaliana cont.	Arabidopsis thaliana cont.
herbicides <i>cont</i> .	lipid transfer proteins, nucleotide	oleosins gene expression 68, 4941
genetics 6521	sequences 11429	genetic engineering 4941
mutations 1330, 6521, 10215	lipids	ornithine decarboxylase, induced muta-
nucleotide sequences 11472	gene expression 6494 mutations 6494	tions 3404
Heterodera schachtii gene expression 3411	nucleotide sequences 6494	ornithine-oxo-acid aminotransferase
genetic transformation 6520	lysine-ketoglutarate reductase	gene expression 10207
histidine, molecular genetics 12630	gene expression 48, 3389	nucleotide sequences 10207
histidine-tRNA ligase	nucleotide sequences 48, 3389	outcrossing 12634
gene expression 12628	male sterility	ovules, mutations 62, 11437
genetic engineering 12628	gene expression 63	oxidoreductases
nucleotide sequences 12628	gene mapping 5243	gene expression 6509
histones	genetic engineering 63	mutations 6509
gene expression 2340, 9136	mutations 63, 5243, 11438	oxophytodienoate-reductase
genetic transformation 9136	meiosis	gene expression 6502
homeotic genes	gene expression 5241, 6488	nucleotide sequences 6502
gene expression 13513	nucleotide sequences 5241, 6488	paraquat, mutations 10215
genetic engineering 13513	Meloidogyne incognita	pathogenesis-related proteins
genetic transformation 13512	gene expression 3411	gene expression 2360, 7735, 8958,
homoserine dehydrogenase, gene expres-	genetic transformation 6520	10212, 10214, 12614, 12659
sion 7713	meristems, genetics 3397	genetic transformation 10212
hydroperoxide dehydratase, gene expres-	methyl jasmonate	mutations 2360, 8958, 10214
sion 12624	gene expression 7721	pectate lyase
IAA 11449	mutations 7721	gene expression 47
mutations 4255, 4274, 12653	methyltransferases	nucleotide sequences 47
induced mutations 11433	genetic transformation 12651	pectins, mutations 11436
inflorescences	nucleotide sequences 8930	peptidases
gene expression 2342, 6500	microsatellites 2331, 11417	gene expression 4240
genetic transformation 2342	polymerase chain reaction 57	nucleotide sequences 4240
induced mutations 10189	polymorphism 57	Peronospora parasitica
modifiers 10189	microtubules, mutations 6498	genetics 8959
mutations 2342, 6500, 11451	mitochondrial genetics 6477	mutations 1327, 2360, 8959
nucleotide sequences 6500	molecular genetics 2333, 4244, 4485,	peroxidases, nucleotide sequences 12627
initiation factors	10149, 10166	peroxiredoxins
gene mapping 6468	books 13629	gene expression 6503
nucleotide sequences 6468	morphology	nucleotide sequences 6503
injuries, gene expression 3407, 10203,	genetic transformation 5236	phenylalanine ammonia-lyase, gene expression 6515
12624, 12659 insects, natural selection 2362	induced mutations 5236	phosphate transporters, nucleotide
internodes	molecular genetics 11422	sequences 2329
gene expression 12642	mutations 11422	phosphatidylcholine desaturase 12641
mutations 12642	mutagens 2351, 2358, 3400, 3404, 5240,	phosphodiesterase
ion transport	6486, 10189-10190	gene expression 50
gene expression 7710	NAA 11449	nucleotide sequences 50
nucleotide sequences 7710	NADH dehydrogenase (ubiquinone), gene	phospholipase D
iron, gene expression 3405	expression 11435	gene expression 3401, 4246
isocitrate dehydrogenase	NADPH-cytochrome-c2 reductase	genetic engineering 3401
gene expression 5230	gene expression 44	nucleotide sequences 4246
nucleotide sequences 5230	nucleotide sequences 44	phosphoprotein phosphatase
isoenzymes	naringenin-chalcone synthase	gene expression 4249, 6476
gene mapping 10183	DNA methylation 1297	molecular genetics 7726
linkage 10183	gene expression 81, 1297, 5231,	mutations 7726
isopentenyl diphosphate isomerase	10161 modifiers 10161	nucleotide sequences 4249
gene expression 4245	modifiers 10161	photolyases
nucleotide sequences 4245	nucleotide sequences 5231 nectaries 7717	gene expression 5228
jasmonates	neutron radiation 7738, 11460	induced mutations 6486
gene mapping 8934	nitrate reductase	mutations 8955
mutations 8934	gene expression 7722	nucleotide sequences 5228
nucleotide sequences 8934	genetic transformation 4259	photoperiodism
jasmonic acid 11470	mutations 7722	amplified fragment length polymor-
gene expression 3407, 10203	nitrates	phism 10184
kaurene synthase	gene expression 4275	gene expression 10198
mutations 8944	genetic transformation 8943	gene mapping 10184
nucleotide sequences 8944 kinases	molecular genetics 8940	genetic engineering 3176
gene expression 10155	nucleotide sequences 4275	mutations 8948
nucleotide sequences 10155	nitric oxide, gene expression 11468	nucleotide sequences 10198
kinesin, gene expression 3428	nitrilase	photoreceptors, induced mutations 11460 photosynthesis
latitude 12654	gene expression 2348, 4262	gene expression 72, 1309, 2350
leaves	genetic transformation 2348	induced mutations 7731
gene expression 1320	mutations 2348	molecular genetics 7725
mutations 1320, 4263, 12645	nucleotide sequences 4262	mutations 2350, 10177, 11452
nucleotide sequences 4263	nitrogen	nucleotide sequences 4504
Leptosphaeria maculans 8956	gene expression 6478	phototropism
light	mutations 10202	gene expression 7720
gene expression 626, 2345, 6495,	natural selection 10202	mutations 7720
6505, 8927, 10148, 11426,	nucleotide sequences 6478	phytoalexins, mutations 1327
11431, 11441, 11447-11448,	nodulation, molecular genetics 570	phytochrome 3396
12637	norflurazon, mutations 1330	gene expression 65, 2352, 6499,
gene mapping 11441	nucleotide sequences 6469, 6477, 7708,	10187, 11441
genetic transformation 11448	7711, 12615, 12623	gene mapping 73, 11441
genetics 8949	mathematics 10169	genetic engineering 3176
molecular genetics 11422	nutrients	genetic transformation 1292
mutations 83, 2345, 4273, 8949,	gene expression 3405, 4275, 11462	genetics 8949
11422, 11441, 11447, 11452,	genetic transformation 8943	mutations 65, 73, 75, 1306, 1311,
12637	genetics 11465	3402, 4266, 8949, 10187, 1144
reviews 5254	molecular genetics 8940	phytoene desaturase
lignin	mutations 10202, 11465	gene expression 889, 11440
gene expression 2343, 11461	natural selection 10202	mutations 11440
genetic transformation 2343, 11461	nucleotide sequences 4275, 11462	phytoene synthase, gene expression 880

rabidopsis thaliana cont. plant embryos gene expression 2346, 7715-7716,	Arabidopsis thaliana cont.  pyrroline-5-carboxylate reductase, gene	Arabidopsis thaliana cont. squalene synthase 4252
7718, 10171, 10193, 11434,	expression 1304 pyrroline-5-carboxylate synthetase	starch, mutations 12643 stearoyl-CoA desaturase
11444 genetic transformation 7718, 10171	gene expression 84, 1322, 2357	gene expression 2341 confor
induced mutations 12635	genetic engineering 1322 genetic transformation 1322	genetic engineering 2341 stems
lethals 6492	mutations 84	gene mapping 3400
mutations 2346, 3395, 6492, 6501, 7716, 12632	pyruvate, orthophosphate dikinase gene expression 1499	induced mutations 3400 sterol glucosyltransferase
nucleotide sequences 7715-7716,	genetic transformation 1499	gene expression 1291
12635 plant hairs	Pythium mastophorum 11470 quantitative traits	nucleotide sequences 1291
gene expression 10188, 11455	epistasis 67	sterol methyl-transferases gene expression 11458
gene mapping 10188 · mutations 10188	gene mapping 67	nucleotide sequences 11458
natural selection 2362	random amplified polymorphic DNA 67	stomata 1308 gene expression 1314
Plasmodiophora brassicae, genetic trans-	Ralstonia solanacearum 7736, 10213	genetic transformation 2349
formation 5262 pollen 11439	rapamycin gene expression 13101	genetics 6513, 11459 mutations 1314, 2349, 11459
gene expression 47, 63, 11419, 11435	nucleotide sequences 13101	stress 8956
genetic engineering 63 mutations 61, 63, 10201, 11436,	recombination 5229 genetic engineering 49	gene expression 86, 2355, 10152, 10167, 10175, 12658
11438	induced mutations 2337	genetic engineering 12658
nucleotide sequences 47, 11419 techniques 11419	repetitive DNA, chromosome morphology 5242	genetic transformation 2355
pollen germination 6489, 6491	restriction fragment length polymorphism	nucleotide sequences 10167, 1017 sucrose, gene expression 11431
induced mutations 5244	8933, 10213, 11415 ribgrass mosaic tobamovirus 1329	sugarcane bacilliform badnavirus, gen
mutations 74, 6490 polyembryony, induced mutations 8950	ribonucleases, genetic transformation	expression 12612 sugars
polymerase chain reaction 8929	11507 ribosomes	gene expression 2350
polypeptides gene expression 8939	gene expression 3391	mutations 2350 temperature, gene expression 72
nucleotide sequences 8939	nucleotide sequences 3391	thionins
polyploidy 3396 polyubiquitin, nucleotide sequences 45	RNA binding proteins, gene expression 2338	gene expression 8962
population genetics 8933	RNA editing 1294	nucleotide sequences 8962 tissue culture 8954
potassium	gene expression 12622 mitochondrial genetics 12622	tobacco etch potyvirus
genetic engineering 7385 genetics 11465	RNA polymerase	gene mapping 8964 genetics 8964
mutations 11465	gene expression 6485 nucleotide sequences 56, 1298, 6485,	tobacco mosaic tobamovirus, induced
potassium transporters gene expression 4268	10154	mutations 7738 toxic substances
nucleotide sequences 4267-4268	roots gene expression 4275, 6511	gene expression 6517, 11463, 126
proline 3367 gene expression 84, 90	genetic transformation 1300, 8943	gene mapping 10206 genetic engineering 12658
mutations 84	genetics 3397 reviews 1316	mutations 87, 1321, 10206, 10208
promoters	induced mutations 3404, 5244	trans-cinnamate 4-monooxygenase
gene expression 11448 genetic transformation 11448	molecular genetics 6504, 8940 mutations 1311, 4257, 11421	gene expression 44 nucleotide sequences 44
proteasomes, nucleotide sequences 10163	reviews 1316, 2344	transcription factors
protein kinase gene expression 64, 3392, 4235,	nucleotide sequences 4275, 11421 saccharopine dehydrogenase	gene expression 6481, 8928, 1015 genetic transformation 10159
4243, 4272, 5225, 7735	gene expression 48, 3389	mutations 6481, 8952
nucleotide sequences 64, 3392, 4235, 4243, 4272, 5225, 11418	nucleotide sequences 48, 3389	nucleotide sequences 8928, 10150 transfer RNA
protein phosphatase	salicylic acid gene expression 2360	gene expression 51, 4237
gene expression 8932 mutations 7729	genetic transformation 3408	genetic engineering 51, 4237 nucleotide sequences 4237
nucleotide sequences 8932	mutations 1326, 2360 salinity 10207	transport proteins
protein-tyrosine-phosphatase	gene expression 84, 1323, 2357,	gene expression 11462
gene expression 10175 nucleotide sequences 10175	10211 genetics 11465	nucleotide sequences 11462 transposable elements 5234
proteinase inhibitors	mutations 84, 11465	gene expression 3394, 4040, 1016
genetic engineering 6520 genetic transformation 6520	nucleotide sequences 10210-10211 seedlessness, genetic transformation	gene mapping 7712 gene tagging 4234
proteinases, gene expression 1323	11507	genetic transformation 2330, 2336
proteins evolution 1293	seeds gene expression 6503, 10199, 11420,	4040, 7712, 10164, 11424 molecular genetics 3552
gene expression 3390, 4236, 5248,	12647	mutations 4261
6480, 6482-6483, 6508, 10171,	genetic engineering 12647	nucleotide sequences 3394, 10156 trehalose
11428, 11445, 12620, 12626 gene mapping 12629	genetics 82, 4254 induced mutations 82	genetics 8942
genetic transformation 10171	mutations 76, 4254	molecular genetics 8942
mutations 12629 nucleotide sequences 1293, 3390,	nucleotide sequences 6503, 10199, 11420	trehalose-phosphatase gene expression 6471
4236, 4251, 5248, 6480, 6482-	self incompatibility, gene mapping 11012	nucleotide sequences 6471
6483, 6508, 7721, 10153, 11428, 11445, 12620, 12626	senescence gene expression 1310, 3401, 8946-	trehalose-6-phosphate synthase gene expression 6470
protochlorophyllide reductase	8947	nucleotide sequences 6470
gene expression 85	genetic engineering 3401 molecular genetics 1313	tropisms gene expression 11430
genetic transformation 85  Pseudomonas syringae	mutations 69, 1313	genetics 79
gene expression 8961, 10214, 11467-	nucleotide sequences 8946-8947	mutations 79, 8951 nucleotide sequences 11430
11469 genetic transformation 252, 5260	sex, gene expression 60 somatic embryogenesis, mutations 10200	tryptophan
genetics 8959	spermidine synthase	gene expression 12649 mutations 12649
mutations 1327, 2360, 8959, 10214, 11469	gene expression 6550 nucleotide sequences 6550	nucleotide sequences 12649
nucleotide sequences 5260	spermine, induced mutations 2351, 6512	tubulin, gene expression 10168

Arabidopsis thaliana cont.	Arachis hypogaea cont.	seeds 11047
turnip crinkle carmovirus	cultivars <i>cont.</i> ICGV92234 2053	genotype environment interaction
gene expression 2361	ICGV92234 2053	13378
genetic transformation 2361		germplasm releases 2054, 11048
ubiquinones, gene expression 8930	Luhua-14 8556	mutations 2058
ubiquitin, mutations 10176	Luhua-15 8555 NC12C 3985	senescence, induced mutations 12327
ubiquitin conjugating enzymes	Orfei 11045	sodium azide 12327
gene expression 5224	Rositsa 11046	somatic embryogenesis 8568
nucleotide sequences 5224	Southwest Runner 9812	storage 8564
UDPglucose 4-epimerase, gene expres-	Stella 2051, 11044	temperature 2059
sion 6497	SunOleic 95R 3118	tissue culture 2056-2057, 8569, 9815-
ultraviolet radiation 1324, 4948, 5240,	TKG19A 8554	9816
7731 development 12646	Veronica 2052, 11052	tomato spotted wilt tospovirus 3988
	VRI4 8551	gene expression 11053
gene expression 12638 uroporphyrinogen-III methyltransferase	Cylindrocladium crotalariae 3985	genetic transformation 11053
gene expression 1317	diseases 2060	genetics 11053
nucleotide sequences 1317	germplasm releases 2061	variety trials 3117, 8546-8550, 9810
variegation 11509	DNA fingerprinting 901	water balance 8563
vernalization	dormancy, germplasm releases 2054	X radiation 8559
DNA methylation 12651	drought resistance 8574-8575	yield components 11049
gene mapping 880	in vitro selection 11051	combining ability 12328-12329
mutations 8948	Empoasca kraemeri 6106	epistasis 6101
restriction fragment length polymor-	ethyl methanesulfonate 7326, 8560-8561,	genotype environment interaction
phism 880	8566, 9813-9814, 12327	6101-6102
water balance, gene expression 7724	evolution 7327	heritability 9814
waxes, mutations 5255	fatty acids 4982, 13379	induced mutations 8560-8561, 8566,
X radiation, induced mutations 1303,	germplasm releases 11048	9813-9814
2337	flowering, gene expression 12325	multivariate analysis 2055
Xanthomonas campestris, gene expres-	fungi 3121, 11049	stability 12332
sion 7737	gamma radiation 4981, 8566, 8577,	yield correlations 12331
xanthophylls, mutations 11452	9813-9814	yields, stability 11050
Xiphinema diversicaudatum, gene expres-	gene banks, mathematics 9811	Arachis palustris, chromosome number
sion 3411	genetic resources 2060, 4979, 9809	12324
xylem	genetic transformation 8557-8558	Arachis praecox, chromosome number
gene expression 7533	genomes 7327	12324
genetic transformation 7533	germination 8564	Arachis stenosperma, DNA fingerprinting
xyloglucan endotransglycosylase, nucleo-	germplasm releases 3983-3984, 11043-	3986
tide sequences 12618	11044	Aralia cordata, tissue culture 5140
zinc	groundnut rosette assistor luteovirus	Araucaria araucana, alkanes 12486
gene expression 11462	13381	Araujia sericofera, tissue culture 6314
nucleotide sequences 11462	groundnut rosette umbravirus 8580,	Arbutus unedo
Arabinogalactans	13381	fruits 9686
Medicago sativa	growth period 8565	genetic resources 9686
gene expression 10606	multivariate analysis 12330	Arcelin, Phaseolus vulgaris 1709, 10672
nucleotide sequences 10606	heat resistance 2059	Arcelins
Arabis lyrata, microsatellites 2331	induced mutations 4981, 8559, 8577	Phaseolus vulgaris
Arabis mosaic nepovirus	insects 8581	DNA hybridization 13106
Vitis berlandieri, genetic transformation	iron 8573	nucleotide sequences 13106
7209	lasers 4981	Archaeology
Vitis rupestris, genetic transformation	leaves 2062	Manihot esculenta 13179
7209	genetics 12326	Oryza sativa 448, 2664, 11800
Vitis vinifera, genetic transformation	mutations 12326	Zea mays 10479
7209	Leptosphaerulina crassiasca, germplasm	Arecaceae
Arabis petraea, microsatellites 2331	releases 11052	taxonomy
Arachis, interspecific hybridization 4980	Meloidogyne arenaria 6105	books 12591
Arachis duranensis, DNA fingerprinting	molecular genetics 7325	random amplified polymorphic DNA
3986	morphology 8567	13498
Arachis glabrata	mutagens 7326, 8560-8561, 8566, 9813-	Argania spinosa
genetic resources 902	9814, 12327	flowering 12341
morphology 902 yield components 902	Mycosphaerella arachidis 8576, 8579	genetic markers 12340
	germplasm releases 11052	isoenzymes 12340
Arachis hypogaea	Mycosphaerella berkeleyi 2062, 6104,	pollination 12341
allergens, genetic engineering 3119 amino acids 13379	8579 genetics 7330	Arginine, Oryza sativa 4551
amplified fragment length polymorphism	germplasm releases 11052	Arginine decarboxylase
901	in vitro selection 8577	Arabidopsis thaliana, induced mutations 3404
Aphis craccivora 8582	nitrogen fixation	
Aproaerema modicella 7331	combining ability 6103	Avena sativa
Aspergillus flavus, artificial selection	germplasm releases 3120	gene expression 11680
3987	heterosis 7328	genetic engineering 5459, 11680 Nicotiana tabacum
Aspergillus niger 8578	nodulation 8567, 8572	
breeding 900, 8574, 9810	genetic transformation 7329	gene expression 5459
economics 3982	pests, germplasm releases 2061	genetic transformation 5459 Oryza sativa
chlorophyll	phenolic compounds 7331	
genetics 12326	photoperiodism	gene expression 11680 genetic transformation 11680
induced mutations 7326	combining ability 903	Argyranthemum
mutations 12326	genetic variance 903	centres of origin 4140
chlorosis 8573	pollen germination 8562	phylogeny, molecular genetics 4140
chromosome aberrations 4981	Puccinia arachidis, germplasm releases	Argyranthemum frutescens
colchicine 9813-9814	11052	cultivars
cultivars	quality 13380	Abby Belle 13542
Chipego 2050	genetic engineering 8570	Amy Belle 13542
GG13 8553	random amplified polymorphic DNA	Annie Petite 13544
GG20 8552-8553	8559	Beth 13545
GG5 8553	restriction fragment length polymorphism	Christy Belle 13546
ICGV-SM83005 2050	7327	Elly Belle 13547
ICGV-SM85048 2051	roots 8567	Holly Belle 13548
ICGV-SM86715 2052	genetic transformation 7329	Julie Anna 13549
ICGV92196 2053	rotations 8571	M5/01 13549
ICGV92206 2053	Sclerotinia minor 3122	M5/06 13547
		ALLO TO TOTAL

rgyranthemum frutescens cont.	Artificial selection cont.	Artificial selection cont.
cultivars cont.	Beta vulgaris (sugarbeet) cont.	Glycine max cont.
M5/10 13544	Erysiphe betae 6155	drought resistance 591
M5/12 13543	forage 9832	growth period 8252
M6/02 13542	monogerm seeds 3144	harvest index 10647
M6/07 13546	quality 11090	Heterodera glycines 9458
M6/08_13548	sugars 9832, 11090	mathematics 9357
Sugar Button 8766	Brassica campestris	nitrogen fixation 1690
Sugar Lace 8767	glucosinolates 8526, 12294	nodulation 1690
Summer Eyes 8768	thioglucosidase 8526	proteins 11943
Tanja 4134	Brassica campestris (turnip rape)	quality 1686, 8252, 10647
ristolochia bahiensis, taxonomy 10050	fruits 7287	roots 9443
ristolochia dalyi, taxonomy 10050	male sterility 11013	seeds 3718, 9401
ristolochia indica, tissue culture 6381	Brassica carinata	toxic substances 9443
rmillaria	erucic acid 7294	yield components 4627-4629
Prunus persica 8418	fatty acids 7294	yields 572, 11943, 13065
Prunus (plums) 8418	Brassica juncea	Gossypium
rmoracia rusticana	fruits 7287	drought resistance 6222
Brassica oleracea, protoplast fusion 4734	glucosinolates 887	heat resistance 6222
Verticillium dahliae 5166	turnip mosaic potyvirus 12293	quality 6211, 6222
rnebia euchroma, shikonin, in vitro selec-	Brassica napus (rape)	yields 9925
tion 1165	cold resistance 6089	Gossypium hirsutum
roma	erucic acid 9771	Fusarium oxysporum 13481
Allium cepa 722	glucosinolates 9771	Verticillium dahliae 13481
Citrus sinensis 8470	linolenic acid 2024	Hedysarum coronarium
Fragaria ananassa 4852, 4856	self incompatibility 9771	flowering 5714
Fragaria vasca 4852	Brassica napus (swedes), Plasmodi-	yields 5714
Fragaria vesca 4852	ophora brassicae 3801	Helianthus annuus
Oryza sativa 8064	Brassica pekinensis	drought resistance 4973
genetics 1595-1596, 10559	ideotypes 10794	Sclerotinia sclerotiorum 13369
pleiotropy 1596 Vitis vinifera 3918, 3920	turnip mosaic potyvirus 10794  Bromus inermis, nutritive value 11892	vigour 11028
aromatic-L-amino acid decarboxylase		Helianthus argophyllus, drought resistance 4973
Catharanthus roseus	Capsicum annuum cold resistance 770	Hevea brasiliensis 11164
gene expression 5136	Ralstonia solanacearum 10840	stress 11172
genetic engineering 5136	shade 770	Hordeum vulgare 225
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	tobacco mosaic tobamovirus 10841	Cochliobolus sativus 12801
tion 5136	Carum carvi	drought resistance 12801
rrhenatherum elatius	carvone 1202	haploidy 7878
polyploidy 3684	essential oils 1202	quality 5440
shade 3684	Cassia angustifolia, yield components	salinity 248
rtemisia annua	13587	stability 12785
artemisinin, artificial selection 1184,	Cicer arietinum	stress 12785
8837	nodulation 647	Ipomoea batatas
dimethylallyltranstransferase, nucleotide	source sink relations 6553	growth period 2902
sequences 2234	stress 6553	starch 2902
essential oils 4194	yield components 643, 6950	yield components 10763
artificial selection 1163, 1184	Citrullus lanatus, colour 1866	Ipomoea trifida, roots 5840
flowering, artificial selection 1163	Citrus 9702	Ixiolirion tataricum 11276
geranyltranstransferase, nucleotide	Coffea arabica 9863	Juglans regia 3076
sequences 2234	quality 9870	Lens culinaris 10695
rtemisia herba-alba	Coffea canephora 4998, 9859	yield components 5767, 8284
cytotaxonomy 9296	Crambe abyssinica 7337	Lilium, Fusarium oxysporum 11292
polyploidy 9296	crops, computer programming 2293	Linum usitatissimum (flax), male sterility
rtemisia mutellina	Cucumis sativus	983
breeding 8659	flowers 2978	Linum usitatissimum (linseed) 4964
domestication 8659	sex 2978	Lolium perenne
rtemisia pallens	yield components 10849	cold resistance 11881
gamma radiation 5156	yields 10849-10850	quality 11881
induced mutations 5156	Cucurbita moschata	Lotus tenuis, unreduced gametes 13054
rtemisinin, Artemisia annua, artificial	drought resistance 13256	Lycopersicon, yields 2953
selection 1184, 8837	fruits 13246	Lycopersicon esculentum
rtificial defoliation (see Defoliation)	heat resistance 13256	quality 10826
rtificial selection 7652	yield components 13246	Ralstonia solanacearum 10826
Actinidia deliciosa	Cymbopogon flexuosus, essential oils	Macrotyloma uniflorum, yield compo-
flowering 4894	10074	nents 12018
pollination 4894	Dactylis glomerata	Malus pumila
Agropyron cristatum, drought resistance	forage 490-492	Alternaria alternata 12159
1620	seed production 490-492	ascorbic acid 5994
Agropyron desertorum, drought resistance	Elymus hispidus, yield components 3680	rootstocks 8406 Venturia inaequalis 808-809, 9635
1620	Elymus smithii, drought resistance 1620	
air pollution 10123	Eucalyptus, wood properties 999	Manihot esculenta, yield components 9543
Allium sativum, quality 5876-5877	Eucalyptus grandis 8698	mathematics 3, 4218-4219, 5186, 7651,
Ananas comosus, quality 9727	Eucalyptus urophylla 8698 Festuca arundinacea	12592
Annona squamosa 9736	calcium 500	Medicago sativa 517
Arabidopsis thaliana 11415	magnesium 500	carbohydrates 6886
Arachis hypogaea, Aspergillus flavus 3987	potassium 500	Colletotrichum trifolii 8170
Artemisia annua	forest trees 13488	Ditylenchus dipsaci 8196
artemisinin 1184, 8837	models 12434	dormancy 13046
essential oils 1163, 1184	Fragaria ananassa	forage 11901
	quality 4816	grazing 5685-5686
flowering 1163 Avena sativa	Verticillium dahliae 3911	ideotypes 5685-5686
barley yellow dwarf luteovirus 1479	yield components 4816, 7186	inflorescences 8182
drought resistance 262	fruit crops, diseases 5985	morphology 11901
roots 262	genetic markers 1246	Phytophthora megasperma 8170
Beta maritima 11071	statistics 7686	proteins 5687
Beta vulgaris 8609	Ginkgo biloba 6299	quality 5687, 8188
Beta vulgaris (sugarbeet) 8608, 11071	Gladiolus, Fusarium oxysporum 11292	regenerative ability 8186
beet yellows closterovirus 6155	Glycine max	Sclerotinia trifoliorum 538, 4600,
Cercospora beticola 6155	aluminium 9443	5694

30

Artificial selection cont.	Artificial selection cont.	Artificial selection cont.  Zea mays cont.
Medicago sativa cont. seed production 8192	Secale cereale computer programming 2293	dry matter 300
seeds 524, 8185	quality 2529	Eldana saccharina 8007
somatic embryogenesis 8186	Sesamum indicum, seeds 2067	Gibberella fujikuroi 5539
tannins 8188	Setaria italica, yield components 6736	Gibberella zeae 5539
yields 8181-8182	Setaria sphacelata 11756	growth period 1504, 2576, 9161 Helicoverpa zea 9184
medicinal plants, secondary metabolites	Sinapis alba, glucosinolates 887 Solanum tuberosum 4683, 8307	inflorescences 306, 12880
1141 Musa 9691	Empoasca fabae 697	insects 2600
mutations	heat resistance 12035	lignin 3588
reviews 10131	Leptinotarsa decemlineata 697	lodging 9161, 11708
techniques 10131	Nematoda 10753	maize yellow stripe tenuivirus 7953,
Narcissus, Fusarium oxysporum 11292	Phytophthora infestans 4697	7961 mathematics 12859
Nicotiana tabacum 11125	seasonal growth 5804 stress 5804	maysin 9184
lodging 12403 nucleotide sequences	statistics 7653	moisture content 1505
reviews 10131	stress, reviews 14	mycoplasma-like organisms 7961
techniques 10131	toxic substances, reviews 14	nitrogen 318, 5525
Oenothera lamarckiana	Trifolium incarnatum	nutrients 318, 5525, 5532 oils 6718
linolenic acid 908	Fusarium oxysporum 1655 Meloidogyne incognita 1655	Ostrinia furnacalis 8001
seeds 908	Trifolium pratense 4601	Ostrinia nubilalis 1534, 3588, 7994
Origanum, essential oils 2256 Oryza sativa 3601, 3631, 9206-9207,	Trifolium repens	phenolic compounds 1534
9209, 11771	leaves 9335	prolificacy 7939, 11707
amylose 6813	soil toxicity 1658	Puccinia sorghi 5543
cold resistance 3646-3647, 11837,	stems 3695, 10618	quality 3574 roots 300, 11708
11847	triticale aluminium 7921	Sesamia calamistis 8007
drought resistance 11841	toxic substances 7921	Spodoptera frugiperda 7986, 7995-
germination 11847, 13006 inflorescences 9242	Triticum aestivum 5321, 6563, 8996	7996
Magnaporthe grisea 8102	Cochliobolus sativus 11647	Striga hermonthica 11744
male sterility 6777, 9242	cold resistance 5392-5393	toxic substances 5529
palatability 6813	drought resistance 209, 9064	waterlogging 5480 yield components 317-318, 1480,
photosynthesis 3646	endosperm 10292 flowering 6619	1482, 3546, 7930, 7932, 9129,
salinity 13006	Fusarium culmorum 12757	9168-9169, 10355
tillering 5597 yield components 1586, 10551	Gibberella zeae 2466, 2468, 11642	yields 5508, 11690
yields 6749	harvest index 6622	Zea mays (sweetcorn) 10348
Panicum virgatum, growth period 9203	height 6619	Artocarpus, phylogeny, restriction fragment
Paspalum notatum, yield components	leaves 5354	length polymorphism 3955  Artocarpus altilis
9311	Leptosphaeria nodorum 12757 Mycosphaerella graminicola 12757	breeding, books 10104
Passiflora edulis 856	nutrients 9056	genetic resources 4929
Passiflora quadrangularis 856 Pennisetum glaucum 11766	Oulema melanopus 10310	books 10104
cytoplasmic male sterility 6737	phosphorus 9056	Artocarpus heterophyllus
Persea americana, Phytophthora cin-	photosynthesis 5354	cryopreservation 125
namomi 1998	plant hairs 10310	genetic resources 7245 quality 7245
Phaseolus vulgaris 9472, 11963	Puccinia graminis 10300 Puccinia recondita 222, 4431, 10300,	Artocarpus utilis, genetic resources 12261
crop mixtures 9475	11647	Asarum
diseases 11977 drought resistance 5753	Puccinia striiformis 11647	dioecy 8795
heat resistance 5749	quality 10292, 12744	flowers 8795
pests 11977	source sink relations 6553	taxonomy 8795
phaseolin 1707	sprouting 10252 stomata 5354	Ascochyta (see also Didymella; Mycosphaer- ella; Phoma)
Picea abies 13511	stress 6553	Ascochyta fabae
height 6293	vernalization 4378	Lens, genetics 2845
mathematics 5076 wood properties 6293	yield components 6564, 7768, 11599	Lens culinaris 1725-1726
Picea sitchensis, quantitative traits 12476	yields 209, 6622, 10244	genetics 2845
Pinus taeda	Triticum durum	Vicia faba 2813
development 1029	chlorophyll 9039 drought resistance 9039	Ascochyta lentis, Lens culinaris 3762, 13130 Ascochyta rabiei
height 1029, 11200	yields 9039	Cicer arietinum 2848, 3765, 5770-5772,
Pisum sativum, forage 11987	Tulipa, Fusarium oxysporum 11292	5775-5777, 6954, 12000-12003,
Platanus occidentalis, ornamental value 2164	Tulipa fosteriana, tulip breaking	12006
Poa pratensis	potyvirus 11313	genetic markers 12004, 12007, 12588
drought resistance 6114	Tulipa gesneriana, tulip breaking potyvirus 11313	genetics 8287, 13139 germplasm releases 1729
transpiration 6114	Valeriana officinalis, essential oils 12561	Ascorbate peroxidase
Prunus armeniaca	Vetiveria zizanioides, essential oils 3332	Arabidopsis thaliana, nucleotide
cold resistance 7147 flowering 7147	Vicia faba	sequences 43
Prunus dulcis 9743	tannins 13103	Brassica napus (rape), gene expression
Pseudotsuga menziesii	trypsin inhibitors 13103	7298 Cucumis melo
girth 11208	Vigna unguiculata, habit 5783 Vitis, seedlessness 8447	gene expression 778
height 11208	Vitis vinifera 12224	nucleotide sequences 778
Pyrus pyrifolia, rootstocks 1914	seedlessness 3044	Cucurbita
quantitative traits 1, 3361	Zea mays 2546, 3548, 5475, 9125, 9127,	gene expression 7105
Ricinus communis, habit 13383 Rosa chinensis, height 11244	9130, 10353, 12861	nucleotide sequences 7105
Saccharum	aluminium 5529 Busseola fusca 8003	Fragaria ananassa
quality 6116, 6127	carbohydrates 3588	gene expression 9671
yield components 6116	Chilo partellus 7998, 8003, 11742	nucleotide sequences 9671  Glycine max
Saccharum officinarum 3132	Colletotrichum graminicola 5539	gene expression 11929
computer programming 3131	crop mixtures 11726	nucleotide sequences 11929
moisture content 4992 quality 4991, 6126, 6128, 8598,	Dalbulus maidis 7953	Nicotiana tabacum 11122
11067	Diabrotica virgifera 8004 Diatraea grandiosella 7992, 7996	gene expression 8650
sucrose 4992, 8597-8598	Diatraea saccharalis 7992	Pisum sativum, nucleotide sequences 43 Spinacia oleracea
yield components 4991, 6117, 13396	drought resistance 2593, 5532, 11731	gene expression 4745

Ascorbate peroxidase cont.	Asplenium	Atractylodes lancea cont.
Spinacia oleracea cont.	interspecific hybridization 11325	random amplified polymorphic DNA
nucleotide sequences 4745, 7045  Ascorbic acid	polyploidy 11325	3331
Lycopersicon esculentum, heterosis 12106	taxonomy 6403  Asplenium trichomanes, chloroplast genetics	Atrazine  Cicer arietinum, in vitro selection 1673
Malus pumila, artificial selection 5994	11323	1674, 5778
Triticum aestivum 4421	Aster, sex 7529	Cyamopsis tetragonoloba, in vitro selec
Ascotis selenaria, Glycine max 2810, 9462 Asparagus	Aster ascendens, genetic variation,	tion 1673
chloroplast genetics 4747	isoenzymes 12517 Aster falcatus	Nicotiana tabacum random amplified polymorphic DNA
nucleotide sequences 4747	genetic variation, isoenzymes 12517	6192
phylogeny, restriction fragment length	interspecific hybridization 12517	somaclonal variation 6192
polymorphism 4751 taxonomy	Aster occidentalis	Solanum melongena
chromosome number 12550	genetic variation, isoenzymes 12517 interspecific hybridization 12517	in vitro selection 762 induced mutations 762
embryology 12550	Asteraceae, microsatellites, nucleotide	Vigna unguiculata, in vitro selection
Asparagus densiflorus	sequences 3107	1673-1674
protoplast culture 4163 protoplasts 4163	Asteridae evolution 11502	Atriplex canescens, tissue culture 3667 Atropa belladonna
tissue culture 4163	flowers 11502	amiprofos-methyl, induced mutations
Asparagus officinalis	Astracantha marashica, taxonomy 11924	3179
anther culture 10798 cell culture 7051	Astragalus	Nicotiana plumbaginifolia, protoplast
chromosome aberrations 10798	nomenclature 6901 taxonomy 3703, 9348, 11922	fusion 3179 tubulin, induced mutations 3179
Gibberella fujikuroi, in vitro selection	chloroplast genetics 2767	Atylosia scarabaeoides, Cajanus cajan, inte
13202	ribosomal DNA 2767	generic hybridization 1735
hybrid varieties 7048 meiosis 10798	Astragalus adsurgens	Autopolyploidy (see Polyploidy)
Phomopsis asparagi 5897	chromosome morphology 11920 genetic resources 11920	Auxin binding proteins
pollen, techniques 4748	polyploidy 11920	Arabidopsis thaliana
protoplast culture 4749	protoplast culture 5716	gene expression 7706
protoplasts 4750 random amplified polymorphic DNA	tissue culture 8233  Astragalus beypazaricus, taxonomy 11923	genetic engineering 7706 crops, molecular genetics 3425
9579	Astragalus bibullatus, isoenzymes, polymor-	Nicotiana tabacum
sex	phism 10627	gene expression 5015
amplified fragment length polymor-	Astragalus canadensis, cultivars, Sunrise	genetic transformation 7706
phism 7050 gene mapping 7050	13059 Astragalus conjunctus, taxonomy 3703	nucleotide sequences 5015  Raphanus sativus
somaclonal variation 12086	Astragalus dipodurus, taxonomy 11924	gene expression 8336
somatic embryogenesis 12086	Astragalus molybdenus	genetic engineering 8336
variety classification, random amplified	taxonomy	Auxins
polymorphic DNA 12085 variety trials 7048-7049	chloroplast genetics 2767 ribosomal DNA 2767	Actinidia deliciosa, genetic transformation 7212
yield components, heritability 2941	Astragalus neocarpus, taxonomy 5718	Arabidopsis thaliana
yield correlations 2941	Astragalus nigrifructus, taxonomy 11923	gene expression 46, 2789, 8945
Aspartate aminotransferase  Arabidopsis thaliana	Astragalus serpentinicola, taxonomy 3704 Astrebla lappacea	genetic transformation 46, 2789, 10172
gene mapping 10185	cultivars	genetics, reviews 5252
induced mutations 10185	104C 8156	induced mutations 10172
Glycine max	Yanda 8156	mutations 70, 4247, 4274, 8952, 10176, 11449
gene expression 9371 nucleotide sequences 9371	Astrebla pectinata, cultivars, Turanti 8155 Asulam	nucleotide sequences 7727, 8945
Hordeum vulgare	Saccharum 2083	Daucus carota
gene location 10321	Solanum tuberosum, genetic transforma-	gene expression 2789
linkage 10321	tion 4705  Atalantia, graft hybridization 10968	genetic transformation 2789, 4620 gene expression 2313, 12608
molecular genetics 24 Pennisetum glaucum 6738	Atalantia ceylanica	Glycine max
Pisum sativum 10691	citrus tristeza closterovirus, restriction	gene expression 2789, 9424
Vicia sativa 10691	fragment length polymorphism 4917	genetic engineering 2789
Aspartate-ammonia ligase	somatic embryogenesis 850 tissue culture 850	genetic transformation 4620  Lycopersicon esculentum
Glycine max cell culture 13073	Xanthomonas axonopodis 3942	gene expression 10813
gene expression 13073	Atalantia monophylla, Xanthomonas axono-	mutations 10813
nucleotide sequences 13073	podis 3942	Nicotiana tabacum 4035 gene expression 2115, 8637, 9877,
Medicago sativa gene expression 530	Atherigona, Panicum miliaceum 341 Atherigona approximata, Pennisetum	13431
genetic transformation 530	glaucum 5564	genetic transformation 12401
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Atherigona soccata	mutations 2115, 2119, 5016
tion 2832	Sorghum bicolor combining ability 339	nucleotide sequences 8637, 9877  Prunus persica, nucleotide sequences
Pisum sativum, gene expression 2832 Vicia faba	plant composition 2616	10924
gene expression 10668	Atmospheric pollution (see Air pollution)	roots, reviews 11508
nucleotide sequences 10668	ATP synthase, Mesembryanthemum crystal-	Solanum melongena, somaclonal variation 13231
Aspartate kinase Arabidopsis thaliana, gene expression	linum, gene expression 8824 ATP/ADP transporter	Trifolium repens, gene expression 8211
7713	Arabidopsis thaliana	Avena
Nicotiana tabacum	gene expression 10165	α-amylase 264
gene expression 7713	nucleotide sequences 10165	genetic resources 12806 germination 263
genetic transformation 7713  Aspergillus flavus	Atractylodes essential oils 1151	height, genetics 9118
Arachis hypogaea, artificial selection	phylogeny	interspecific hybridization 5462
3987	chloroplast genetics 12562	isoenzymes 11681
Zea mays 5535-5536, 7956	restriction fragment length polymor-	proteins 5462 seeds 263-264
combining ability 7957 genetics 3582	phism 12562 polymerase chain reaction 8829	Avena barbata
Aspergillus niger	F	
Allium cepa 9566	random amplified polymorphic DNA	environment 6677
Attium cepu 9500	1151	stress 6677
Arachis hypogaea 8578	1151 restriction fragment length polymorphism	stress 6677  Avena byzantina, avenin, genetics 10335
Arachis hypogaea 8578  Aspergillus parasiticus, Phoenix dactylifera 2000  Aspidistra hekouensis, taxonomy 12549	1151	stress 6677

A state of	4	Azolla microphylla
Avena eriantha cont.	Avena sativa cont.	
interspecific hybridization 6636	genotype mixtures 5464	nitrogen 10091
Avena fatua	β-glucan 140	nutrients 10091
clethodim 4473	genetics 11683	variety trials 10091
clodinafop 4473	height	Azorhizobium, Sesbania rostrata 9350
dormancy	gene mapping 1474	Azospirillum
gene expression 1475	genetics 9118	cereals, genetic engineering 3435
nucleotide sequences 1475	restriction fragment length polymor-	Saccharum officinarum 4993
		Azulene, Achillea 1178
Erysiphe graminis 1476	phism 1474	
fenoxaprop-P 4473	interspecific hybridization 5462, 9118,	B chromosomes (see Accessory
herbicides 4473	10336	chromosomes)
interspecific hybridization 9118	Meloidogyne javanica 12816	Bacillus thuringiensis
plant embryos	nutrients 4373	Diospyros kaki, genetic transformation
gene expression 1475	oat golden stripe furovirus 6683	3073
		genetic engineering, reviews 4222, 7683
nucleotide sequences 1475	oat mosaic bymovirus 6683	genetic transformation 1267
sethoxydim 4473	peroxidases, genetics 6678	
Avena insularis	Phomopsis phaseoli 5463	Glycine max, genetic transformation 461
chromosome pairing 10336	photoperiodism, genetic engineering 3176	Gossypium, genetic transformation 6232
interspecific hybridization 10336	phytoalexins, gene expression 2522	6233, 6238, 7412
morphology 10336		Gossypium hirsutum
Avena magna	phytochrome	genetic engineering 6242
	gene expression 4470	genetic transformation 982, 5030-
chromosome pairing 10336	genetic engineering 3176, 3534, 4470	
interspecific hybridization 10336	proteins 5462	5031, 6239, 7415-7416, 8674,
Avena maroccana	Puccinia coronata 5453, 5464, 6681,	8687, 9927, 12424
chromosome pairing 6636	12815	Juglans regia, genetic transformation
genomes 6636		6069
interspecific hybridization 6636	chromosome translocation 3536	Nicotiana tabacum
	gene mapping 6682	gene expression 2099
Avena nuda	genetics 1477-1478, 3536-3537	
chromosome pairing 6636	restriction fragment length polymor-	genetic transformation 2099, 7397
genomes 6636	phism 6682	Oryza sativa
interspecific hybridization 6636		genetic engineering 471
Meloidogyne javanica 12816	Puccinia graminis	genetic transformation 11855
Avena sativa	gene expression 10338	Petunia hybrida, genetic transformation
	genetics 4315, 12815	3294
agmatine, genetic engineering 5459	quality 6680, 11682	
aneuploidy 4469	random amplified polymorphic DNA	Solanum melongena, genetic transforma-
arginine decarboxylase	5461	tion 7093-7094
gene expression 11680		Solanum tuberosum, genetic transforma-
genetic engineering 5459, 11680	roots, artificial selection 262	tion 698, 9539
avenin 4471	seeds	Zea mays
	random amplified polymorphic DNA	
genetics 6678, 10335	5461	gene expression 9182
barley yellow dwarf luteovirus 5453	storage 7906	genetic transformation 326, 1535,
artificial selection 1479	sowing date 7908	3587, 9182
mathematics 7765		polymerase chain reaction 6727
breeding 1468	sterol glucosyltransferase	Backcrossing
chromosome addition	gene expression 1291	Capsicum, cucumber mosaic cucumoviru
	nucleotide sequences 1291	1848
polymerase chain reaction 12868	sugarcane bacilliform badnavirus, gene	
techniques 12868	expression 12612	Hordeum
chromosome banding 4469	tissue culture 7907	aneuploidy 4354
chromosome pairing 10336		fertility 4354
Cochliobolus sativus 3535	variety classification 265, 4471, 6678	Trifolium ambiguum 541
Cochliobolus victoriae, genetics 10337	random amplified polymorphic DNA	Trifolium repens 541
cold resistance 7908	11519	Triticum aestivum 143
	variety trials 260, 2520, 4296, 6675,	
commelina yellow mottle badnavirus,	7764, 9116-9117	aneuploidy 4354
gene expression 5457	vernalization, gene mapping 261	fertility 4354
cultivars 4296		height 7812
AC Assiniboia 12811	vomitoxin 4311	Puccinia striiformis 5417
AC Juniper 5456, 12807	yield components 5460	Zea mays 7922
AC Mustang 1469	multivariate analysis 6679	Bacteria
	yield correlations 2521	
Chairman 3533	yields, heterosis 6676	Arabidopsis thaliana
characteristics 12809	Zea mays, intergeneric hybridization	gene mapping 8960
Classic 5453		nucleotide sequences 8960
Dallas 5454	4469	Citrus maxima, genetic transformation
Graza-68 12811	zinc 4373	9705
Hotham 12812	Avenin	Citrus sinensis, genetic transformation
Hytest 12810	Avena byzantina, genetics 10335	9705
Jerry 1471	Avena sativa 4471	
	genetics 6678, 10335	crops
OAC Paisley 5455	Avicennia alba	genetic engineering 7682
Paul 1472		molecular genetics 11380
Prista-2 5452	random amplified polymorphic DNA	genetic engineering 1258
Rodgers 1473	3225	genetics 2310
Settler 12808	restriction fragment length polymorphism	in vitro selection, reviews 11497
Vasse 12813	3225	Bacterial artificial chromosomes
Villu 2384	Avicennia marina	
	random amplified polymorphic DNA	Glycine max 10636
WAOAT0396 12813		Oryza sativa 366
WAOAT0421 12812	3225	Bactris gasipaes
Whitestone 1470	restriction fragment length polymorphism	breeding, books 10109
drought resistance, artificial selection 262	3225	genetic resources, books 10109
Erysiphe graminis 266, 1476	Avicennia officinalis	Bamboos
gene expression 2522	random amplified polymorphic DNA	
gene location 9119	3225	DNA 7609
		evolution 6410
forage 260	restriction fragment length polymorphism	genetic resources 6394, 7608
Fusarium culmorum 4311	3225	phylogeny
gene banks 1467	Awns, Elymus sibiricus, genetics 2722	chloroplast genetics 4197, 7614-761;
gene expression 12814	Azadirachta indica	restriction fragment length polymor-
genetic distance, restriction fragment	azadirachtin 8840	
length polymorphism 4303	cryopreservation 125	phism 7614-7615
	cryopicservation 125	taxonomy 6393, 6410
genetic engineering, phytochrome 4073		
genetic resources 1467	somatic embryogenesis 5144, 8841	Bambusa arundinacea
	tissue culture 7589, 8840	Bambusa arundinacea cytokinins 7612
genetic transformation 5458, 7905, 12814	tissue culture 7589, 8840	cytokinins 7612
		cytokinins 7612 flowering 7612-7613
genetic transformation 5458, 7905, 12814	tissue culture 7589, 8840 yield components, multivariate analysis	cytokinins 7612

Bambusa arundinacea cont.	Doom wellow manage water	D 4 44 .
tissue culture 7613	Bean yellow mosaic potyvirus	Beta maritima cont.
Man at a second	Gladiolus, genetic transformation 7558	development 11088
Bambusa bambos, taxonomy 5165	Phaseolus vulgaris 9480	genetic resources 13401
Bambusa edulis, tissue culture 10077	Beet 1 alphacryptovirus, Beta vulgaris	interspecific hybridization 7357, 11071
Bambusa oldhamii, tissue culture 13610	(sugarbeet) 4997	latitude 11088
Bambusa ventricosa, flowering 7611	Beet 2 alphacryptovirus, Beta vulgaris	
Bambusa vulgaris		Meloidogyne, germplasm releases 2093
	(sugarbeet) 4997 deed to go and the	microsatellites 6147
flowering 1216	Beet curly top hybrigeminivirus, Beta vul-	population genetics 6147
sterility 1216	garis (sugarbeet) 11096	restriction fragment length polymorphism
tissue culture 5162	Beet necrotic yellow vein furovirus	3146, 6147
Bambuseae, ribosomal DNA, polymerase	Beta maritima, genetics 2091	sexual reproduction, chloroplast genetics
chain reaction 1215	Beta vulgaris, genetics 2087	13401
Banana streak badnavirus, Musa 10961-		
10062	Beta vulgaris (sugarbeet) 930, 3154,	Beta nana, transposable elements, nucleotide
10962	8610, 11098	sequences 7355
Banksia	chromosome translocation 929	Beta patellaris
breeding 7492	gene location 929	chromosome addition 2087
isoenzymes, genetic variation 1060	gene mapping 3157	interspecific hybridization 929, 6157
Phytophthora cinnamomi 13527	genetic engineering 3153	Beta procumbens
tissue culture 13527	genetic markers 9853	chromosome addition 2087
	genetic transformation 6148	interspecific hybridization 929, 6156-
Banksia menziesii, pollen, storage 2194		6157
Banksia spinulosa, seeds 3256	genetics 2091-2092	
Baptisia lactea	germplasm releases 2092, 3156	Beta vulgaris
gene flow 9346	Nicotiana benthamiana 2126	artificial selection 8609
interspecific hybridization 9346	Beet western yellows luteovirus, Beta vul-	beet necrotic yellow vein furovirus,
Baptisia sphaerocarpa	garis (sugarbeet) 2090	genetics 2087
gene flow 9346	Beet yellows closterovirus	Cercospora beticola, genetics 2087
	Beta vulgaris (sugarbeet) 2090	chromosome addition 2087
interspecific hybridization 9346		
Barbados, reports, West Indies Central	artificial selection 6155	DNA hybridization 11076
Sugar Cane Breeding Station 10093	Begonia, pollination 12534	gene banks 11071
Barley mild mosaic bymovirus	Begonia elatior, somaclonal variation 6554	haploidy 8609
Hordeum vulgare 1465	Bemisia argentifolii	herbicides
gene mapping 4468	Cucurbita maxima 1873	genetics 8625
	Cucurbita moschata 1869, 1873	in vitro selection 8625
genetic markers 6673	Cucurbita pepo 1873	Heterodera schachtii, genetics 2087
restriction fragment length polymor-		
phism 4468	Gossypium 980, 6235-6236	imidazolinone
Barley yellow dwarf luteovirus	Lycopersicon esculentum 7089	genetics 8625
Avena sativa 5453	Lycopersicon hirsutum 13230	in vitro selection 8625
artificial selection 1479	Medicago sativa, heritability 2745	mitochondrial genetics 11076
mathematics 7765	Bemisia tabaci	Polymyxa betae, genetics 2087
	Cucumis melo 1863, 5966	restriction fragment length polymorphism
Elymus elongatus, chromosome addition	Lycopersicon esculentum 3845	3146
6648	Benincasa hispida, cultivars, Shannong-1	seeds, polyploidy 8617
Elymus hispidus	7117	taxonomy 11091
chromosome substitution 2476		taxonomy 11091
fluorescence in situ hybridization	Benomyl, Lentinula edodes 12578	transposable elements, nucleotide
2476	Benzodiazepines, Solanum tuberosum 5801	sequences 7355
	Benzylacetate	yields, polyploidy 8617
gene mapping 9078	Clarkia breweri	Beta vulgaris (beetroots)
restriction fragment length polymor-	gene expression 10017	betalain
phism 2476	nucleotide sequences 10017	genetics 2919
Hordeum vulgare 1466, 9114	Benzyladenine, Arabidopsis thaliana 7722	mutations 2919
gene mapping 10332		
genetic markers 10332	Berberine	cultivars 5299
genetics 6674	Eschscholzia californica	cytoplasmic male sterility 2918
	gene expression 5101	folic acid
linkage 10332	nucleotide sequences 5101	heritability 712
mathematics 7765	Berberis, nomenclature 6318, 7510	reciprocal effects 712
nucleotide sequences 6672	Berberis lycium, taxonomy 12508	fungi 12366
polymerase chain reaction 6672,	Bergaptol O-methyltransferase, Petrose-	glutamate-ammonia ligase, gene expres-
10332		sion 9554
Triticum aestivum 2475	linum crispum, gene expression 7594	
chromosome addition 6648	Bertholletia excelsa	morphology 10771
chromosome substitution 2476-2477	methionine, genetic transformation 10996	nitrates, genotype environment interaction
	random amplified polymorphic DNA	8338
fluorescence in situ hybridization	3960	nutritive value 10771
2476	Beta 6148	Pythium debaryanum 12366
gene expression 7873	Cercospora beticola 11097	yields, stability 11092
gene mapping 9078	cytoplasmic male sterility 11082	Beta vulgaris (fodder beet)
genetic transformation 7873	development 926	breeding 5847
germplasm releases 2477	evolution 926	fungi 12366
mathematics 7765		ovule culture 9846
	genetic resources 5191, 6141	
restriction fragment length polymor-	conferences 11344	polyploidy 9846
phism 2476	interspecific hybridization 6148	Pythium debaryanum 12366
Barley yellow mosaic bymovirus	phylogeny	yields, stability 11092
Hordeum vulgare 1465, 5451, 12805	nucleotide sequences 9852	Beta vulgaris (sugarbeet)
genetic markers 6673	random amplified polymorphic DNA	acetolactate synthase, somaclonal varia-
genetics 9113	9852	tion 13405
restriction fragment length polymor-		adenosinetriphosphatase
	ribosomal DNA 9852	
phism 9113	protoplast fusion 6148	mitochondrial genetics 11075
Bauhinia	Rhizoctonia solani 11097	nucleotide sequences 11075
phylogeny	Beta lomatogona, transposable elements,	aneuploidy
chloroplast genetics 6250	nucleotide sequences 7355	gene mapping 924
nucleotide sequences 6250	Beta maritima	restriction fragment length polymor-
Bauhinia brevipedicellata, taxonomy 12427	annual habit, genetics 7357	phism 924
		annual habit, genetics 7357
Bean common mosaic necrosis potyvirus,	artificial selection 11071	
Phaseolus vulgaris, germplasm releases	beet necrotic yellow vein furovirus,	apomixis 925
1706	genetics 2091	artificial selection 8608, 11071
Bean common mosaic potyvirus	cytoplasmic male sterility	beet 1 alphacryptovirus 4997
Phaseolus vulgaris 6932	gene mapping 11081	beet 2 alphacryptovirus 4997
genetics 612	mitochondrial genetics 11081	beet curly top hybrigeminivirus 11096
germnlasm releases 1706	random amplified polymorphic DNA	beet necrotic yellow vein furovirus 930,
germplasm releases 1706		3154, 8610, 11098
Bean golden mosaic bigeminivirus	11081	chromosome translocation 929
Phaseolus vulgaris 1701	restriction fragment length polymor-	
genetics 10679	phism 11081	gene location 929

Beta vulgaris (sugarbeet) cont.	Beta vulgaris (sugarbeet) cont.	Betula pendula cont.
beet necrotic yellow vein furovirus cont.	malic enzyme, genetic markers 11086	pathogenesis-related proteins, gene
gene mapping 3157	mitochondrial genetics 8613	expression 11174
genetic engineering 3153	monogerm seeds 3149, 9847	phosphate translocator
genetic markers 9853	artificial selection 3144	gene expression 993
genetic transformation 6148	genetics 6151, 7361	nucleotide sequences 993
genetics 2091-2092	morphology 11085, 11087	proteins 5049
germplasm releases 2092, 3156	inbreeding 3151	stress 13491
beet western yellows luteovirus 2090	Nematoda, genetic markers 9853	tissue culture 5049
beet yellows closterovirus 2090	nitrogen fixation 11093	Betula platyphylla
artificial selection 6155	nucleotide sequences 8613	cultivars, Fargo 6263
biosafety, genetic transformation 12360	nutrients 9849, 11094	pollen germination 9941
breeding 3141-3142, 3144, 6138, 7352,	ovule culture 9845-9846, 9850	Bhendi yellow vein mosaic bigeminivirus
9834	parthenogenesis 6150	Abelmoschus esculentus 3867-3868
history 6139-6140, 7353	photosynthesis 9849	Bibliographies
cell culture 8620, 11089	gene expression 2088	crops, diseases 3368
cell division 6149	pollination 7360	taxonomy 2280
gene expression 13399-13400	genetic markers 3152	Bilanafos
Cercospora beticola 3154, 11096	polyploidy 6149, 7358, 8608, 9843, 9846	Antirrhinum majus, genetic transforma-
artificial selection 6155		tion 13570
chromosome translocation 929	protein kinase, nucleotide sequences 3147	Gossypium barbadense, genetic transfor
gene location 929		mation 4054
chromosome addition 6157	protoplast culture 4996, 8620	Gossypium hirsutum, genetic transforma
colour 6153	Pythium debaryanum 12366	tion 4054
Corticium rolfsii 2089, 8624	quality 11085, 12365	Hordeum vulgare, genetic transformation
cryopreservation 12364	artificial selection 11090	7766
* .*	combining ability 8619	Oryza sativa, genetic transformation
cultivars 2085, 8986, 11074	genetics 8619	4568, 10366
Elite 9840	in vitro selection 11089	
Khibrid-917 6145	random amplified polymorphic DNA	Phaseolus vulgaris, genetic transforma-
Mighty 2086	3145	tion 11968
cytochrome-c oxidase	restriction fragment length polymorphism	Sorghum bicolor, genetic transformation
mitochondrial genetics 3148	3145	10510
restriction fragment length polymor-	Rhizoctonia solani 2089, 8624	Triticum aestivum, genetic transformation
phism 3148	germplasm releases 3155	7766
cytoplasmic male sterility 6152, 7359,	rhizosphere 11093	Binding proteins
8618, 11080, 11082-11083	roots 8616, 8618, 11087	Antirrhinum majus
genetics 4005	seed production 3150, 6138, 7360	gene expression 7543
germplasm releases 3155		nucleotide sequences 7543
inbreeding 4004	restriction fragment length polymor-	Arabidopsis thaliana
mitochondrial genetics 3148, 4004,	phism 927	gene expression 54, 5223, 6517,
12363	seedlings 6153	11443, 13101
polymerase chain reaction 12363	seeds 923	gene mapping 5223
restriction fragment length polymor-	soil water 11084	nucleotide sequences 54, 11425,
phism 3148	sowing date 7362, 9836	11432, 13101
DNA repair 923	stability 8622	Brassica campestris
Erysiphe betae, artificial selection 6155	sugars 8616	gene expression 2012
forage, artificial selection 9832	artificial selection 9832, 11090	nucleotide sequences 2012
	combining ability 11077-11078	
fructans, genetic transformation 13402	heterosis 11078	Brassica napus (rape)
fungi 12366	tissue culture 928, 4006	gene expression 6078
gene banks 3143	variety trials 2084, 4003, 6142-6144,	nucleotide sequences 6078
gene expression 12361	7362, 8610-8612, 9835-9839,	Daucus carota, genetic transformation
gene flow, genetic transformation 12360	11072-11073, 12355-12358, 12365	4620
gene mapping 3145, 8615	wide hybridization 9843	Glycine max
genetic engineering 8614, 9842	yield components	gene expression 5729
genetic transformation 7354, 7356,	combining ability 8619, 9831	genetic transformation 4620
12359, 12361	genetics 8619	nucleotide sequences 5729, 11936
genetics 9833		Hordeum vulgare, nucleotide sequences
history 7353	yield correlations 8618	6658
genotype environment interaction, com-	yields 11098	molecular genetics 6459
puter programming 8623	combining ability 11077-11078	mutations 12705
germination 3149, 6154, 9848, 11084	genetic markers 11086	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
β-glucanase	genotype environment interaction	tion 7543, 12401
gene expression 9841	8621	Oryza sativa, gene expression 5223,
nucleotide sequences 9841	heterosis 11078	5577, 11839
α-glucosidase, nucleotide sequences 922	stability 11092	Pisum sativum, mitochondrial genetics
glufosinate, genetic transformation 6148	Beta webbiana, interspecific hybridization	9485
glyphosate, genetic transformation 6148	6157	Prunus persica, nucleotide sequences
growth period 3149-3150	Betaine	10924
haploidy 9844-9845, 9847	Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Spinacia oleracea, nucleotide sequence
heat resistance 11095	tion 7390	9575
herbicides 11084	Spinacia oleracea 1811	Vicia faba
	Betalain	
genetic engineering 3153	Amanita muscaria, gene expression 4161	gene expression 13101
genetic transformation 6148	Beta vulgaris (beetroots)	nucleotide sequences 13101
somaclonal variation 13405-13406	genetics 2919	Zea mays
Heterodera schachtii 13403-13404		gene expression 8008
chromosome translocation 929	mutations 2919	nucleotide sequences 8008
fluorescence in situ hybridization	Portulaca grandiflora, genetic transfor-	Biochemistry, books 11353
6157	mation 4161	Biodiversity 10116
gene location 929	Betalains	Biomass, Triticum aestivum 160
genetics 6156	Amanita muscaria	Biosafety 4229, 5217, 6467, 10136, 10139
molecular genetics 2094, 6156	gene expression 1221	11393, 11414
hybrid seed production 11079, 12362	nucleotide sequences 1221	Beta vulgaris (sugarbeet), genetic trans
hybrid varieties 6145-6146	Betula, Melampsoridium betulinum 4062	formation 12360
in vitro selection 9851	Betula pendula	Brassica 7266
interspecific hybridization 929, 6156-	air pollution 13491	
6157, 7357, 11071	anatomy, induced mutations 9935	Brassica campestris, gene flow 11003
isoenzymes, genetic markers 3152, 11086	chromosome aberrations 9935	Brassica juncea, genetic transformation
legislation 12356		7269
linkage 8615	drought resistance, gene expression 9942	Brassica napus, gene flow 11003
	injuries, gene expression 7429	Brassica hapus (rape) 9763, 11002,
malate dehydrogenase, genetic markers	ozone 13491	12272
3152, 11086	gene expression 9942	genetic transformation 9764

Pionofoty and	TO 10 11 11 11 11 11 11 11 11 11 11 11 11	
Biosafety cont. Capsicum annuum 6551	Blandfordia grandiflora	Books cont.
chloroplast genetics 7699	germination 10026	Cleome gynandra
crops 7637, 8988, 12701	inbreeding depression 10026 outcrossing 10026	breeding 10105
gene flow 6452	somatic embryogenesis 7538	genetic resources 10105
genetic engineering 34	tissue culture 7538	Conservation of plant genetic resources in vitro 13627
genetic transformation 5205, 5221,	Blechnum spicant, in vitro culture 3309	
6452, 6461, 6466	Bletilla striata	Crop improvement: stress tolerance 764
forest trees 12440	cryopreservation 1120	crops biotechnology 8876
genetic transformation 27, 1288, 6426,	embryo culture 1120	breeding 7647
7699, 10134-10135, 11411, 12604	Boehmeria	genetic resources 8876
books 3356	gibberellic acid 5044	induced mutations 10114
conferences 11349	growth regulators 5044	Nematoda, genetics 2285
Glycine max, genetic engineering 4292	morphology 12426	pests, genetic engineering 1240
Helianthus annuus 7305 Lycopersicon esculentum 6551	sex 5044	seed production 3358
Nicotiana tabacum 6551	taxonomy 12426	somaclonal variation 10114
Oryza sativa 3611, 6551	Boehmeria nivea chromosome number 2151	Crown gall: advances in understanding
Solanum tuberosum, Leptinotarsa decem-	cytology 3211	interkingdom gene transfer 1276-
lineata 10754	cytomixis 12425	1281, 1302, 2281
Sorghum bicolor, genetic transformation	genetic resources 8691	Descriptors for grapevine 10112
3439	heterosis 6249	Descriptors for yam 11355
Triticum aestivum, genetic transformation	pollen 12425	development, molecular genetics 13626
3439	polyploidy 2151, 3211	Dictionary of plant genetics and molecu
viruses 3370	yield correlations 11159	lar biology 8878
genetic engineering 2311	Boehmeria silvestrii	Dioscorea, genetic resources 11355 diseases, molecular genetics 5182
Zea mays, genetic engineering 4292, 4480	apomixis 8694	embryology, molecular genetics 2279
Biotechnology 2322, 2326, 4226, 4229,	embryology 8694	Encyclopaedia of seed production of
6450, 6462, 7694	Bolting, Foeniculum vulgare 4188	world crops 7643
Abelmoschus manihot 12703	Books	Encyclopedia of rhododendron species
Actinidia 13301	A molecular approach to primary metab- olism in higher plants 1239	8873
Actinidia deliciosa 1956	Advances in insect control: the role of	Eragrostis tef
books 2277, 3355, 3357, 3359, 4213,	transgenic plants 1240	breeding 10106
7644	Agrobacterium tumefaciens, genetic	genetic resources 10106
Brassica oleracea (cauliflowers) 10783	transformation 2281	evolution 3353, 13630
Carica papaya 13321	Andean roots and tubers: ahipa, arra-	Evolutionary biology of plants 3353
Colocasia esculenta 12703	cacha, maca and yacon 10111	Fagopyrum esculentum
conferences 7634	Arabidopsis 13629	breeding 10108
crops	Nematoda, genetics 2285	genetic resources 10108
books 8876	Arabidopsis thaliana	Fodder plant resources of the Ukrainian
conferences 7636	gene mapping 13629	flora 2283
reviews 12702	molecular genetics 13629	fodder plants
yields 8869 Cucumis melo 12133	Artecarrus altilis	genetic resources 2283
economics 1286	Artocarpus altilis breeding 10104	plant introduction 2283 Fungal pathogenesis in plants and crops
forest trees 985, 7425, 13489	genetic resources 10104	5182
fruit crops 12142	Bactris gasipaes	fungi, molecular genetics 5182
fungi, reviews 10127	breeding 10109	Genetic engineering 1259, 1261, 1268-
genetic resources, reviews 7	genetic resources 10109	1270, 1282, 1285, 2011, 2284
Gossypium, books 13625	biochemistry 11353	genetic engineering 2284, 4212, 5183-
Hordeum vulgare, quality 12789	biotechnology 2277, 3355, 3357, 3359,	5184, 13624
Humulus lupulus 12789	4213, 7644	Genetic engineering: principles and met
Ipomoea batatas 2899	legislation 8877 Biotechnology in agriculture and forestry.	ods 13624
legislation, books 887/		Genetic engineering with PCR 5184
Malus pumila 1896, 7125 Manihot esculenta 2888	Cotton. 13625 Breadfruit: Artocarpus altilis (Parkinson)	genetic resources 1241, 5181, 13627
Musa 13305-13306	Fosberg 10104	genetic transformation, biosafety 3356
ornamental bulbs, reviews 11278	breeding 2278, 8875, 10113	genetic variation 2278
ornamental plants 11217	Buckwheat: Fagopyrum esculentum	genetics 1241 Genetics, cytogenetics and breeding of
pathogens 12600	Moench 10108	crop plants 7646
Piper methysticum 12703	Cactaceae, genetic resources 6414	Genome structure and function 4213
pollen 1358	Cactus and succulent plants: status sur-	genomes, molecular genetics 4213
books 2282	vey and conservation action plan	Gossypium, biotechnology 13625
Populus, books 8874	6414	Gossypium hirsutum
Saccharum officinarum 2077	Cat's whiskers: Cleome gynandra L.	breeding 7646
Solanum tuberosum 12703	10105 Cellular and molecular aspects of plant-	genetics 7646
stress 2317	nematode interactions 1264-1266,	Grass pea: Lathyrus sativus L. 10107
subtropical fruits, conferences 13622	1783, 1835, 2094, 2285	Handbook of peach and nectarine vari-
Theobroma cacao 4011 Triticum aestivum 4344	Cellular and molecular biology of plant	eties 11354
tropical fruits, conferences 13622	seed development 7640	in vitro culture 13627
Biotin, Arabidopsis thaliana, mutations 7730	Ceratonia siliqua	induced mutations 12590
Biotin synthase, Arabidopsis thaliana, muta-	breeding 1244	Intellectual property rights in agricultura biotechnology 8877
tions 7730	genetic resources 1244	International Cocoa Germplasm Databas
Bipolaris (see Cochliobolus; Drechslera)	cereals	7368-7373
Bipolaris sacchari	breeding 7646	Lathyrus sativus
Pennisetum purpureum 6741	cultivars 6556	breeding 10107
Saccharum officinarum 6133	genetics 7646	genetic resources 10107
Biserrula pelecinus	Cereals variety handbook: 1998 NIAB recommended lists of cereals 6556	Lupin. Lupinus L. 13623
cultivars	Changing landscape of plant sciences	Lupinus, genetic resources 13623
Casbah 2762 MOR99 2762	7645	Medicago sativa, seed production 8872
Bixa orellana	Chenopodium	metabolism, molecular genetics 1239
breeding 1142	breeding 10110	Methods for risk assessment of trans-
genetic resources 1142	genetic resources 10110	genic plants II 3356
Black spot, Solanum tuberosum 5809, 8318	Chenopods: Chenopodium spp. 10110	Methods in plant biochemistry and
Blackeye cowpea mosaic potyvirus	Chinese agricultural research 7784, 7807,	molecular biology 11353
Vigna unguiculata 10717	7841, 7873, 8042, 8058, 8238,	Metroxylon sagu
germplasm releases 1741	8346, 8608	breeding 1243 genetic resources 1243
Blaeria spicata, nomenclature 4116	Chinese Agricultural Sciences 8875	genetic resources 1243

ooks cont.	Wanday their betany history and culture	glucosinolates 7044, 9786
Micropropagation, genetic engineering	Vandas: their botany, history, and culture	genetic engineering 12286
and molecular biology of <i>Populus</i>	4214	genetics 12286
8874	Vitis, genetic resources 10112	reviews 9784
molecular genetics 7644, 11353	Borago officinalis	
techniques 4215	ethyl methanesulfonate 10058	incompatibility 877
Molecular genetics of plant development	germination 1161	interspecific hybridization 2014
13626	mutagens 10058	leaves, genetics 1801
Molecular systematics 1245	seed production, induced mutations	Lipaphis erysimi 5893
Molecular tools for screening biodiversity	10058	ovule culture 1802
4215	seeds, storage 1161	photosynthesis 6082
Musa, breeding 7648	Boron	phylogeny 7266
Musalogue: a catalogue of Musa germ-	Brassica napus (rape) 12288	chloroplast genetics 12287
plasm 3354	Triticum aestivum 4415-4416	nucleotide sequences 12066, 12287
Mutation breeding 12590	Triticum durum 1420, 4415	Pieris brassicae 3101
ornamental succulent plants, genetic	Boronia heterophylla	Plutella xylostella 8530
resources 6414	flowering 8741	pollen germination, techniques 8350
Oryza sativa, genetics 7641	flowers 8741	polyploidy 6082
Peach palm: Bactris gasipaes Kunth	Boronia megastigma	protoplast culture, reviews 6086
10109	essential oils 8741	protoplast fusion, reviews 6086
Perspectives of forest genetics 6252-	flowering 8741	quality, molecular genetics 2023
6260, 6278, 6281, 6295, 6412	flowers 8741	random amplified polymorphic DNA
physiology 10113	volatile compounds 4195	11006
Plant biotechnology and tissue culture	Boronia purdieana	repetitive DNA 6077
3355	flowering 8741	salinity, in vitro selection 3097
Plant biotechnology education program-	flowers 8741	seeds 12281
mes 2277	Bothriochloa insculpta, genetic resources	self incompatibility
Plant breeding and whole-system crop	1638	molecular genetics 9571, 12276
physiology 10113	Bothriochloa pertusa, genetic resources	reviews 4739
	1638	Sinapis, intergeneric hybridization 1319
plant embryos, molecular genetics 7640 Plant molecular biology 3359	Botryosphaeria dothidea, Vaccinium ashei	statistics, random amplified polymorph
		DNA 12296
Plant molecular biology and biotechnol-	7180 <b>Botryosphaeria obtusa,</b> Malus pumila 3877	taxonomy 4717, 7266
ogy 7644	Botryosphaeria ribis, Mangifera indica 3071	
Plant reproduction 10115		tissue culture 8519
Plant virology protocols: from virus iso-	Botryosphaeria stevensii, Juniperus 2192	ultrastructure 12281
lation to transgenic resistance 6413	Botryotinia (see Sclerotinia)	variegation 11509
pollen, biotechnology 2282	Botrytis (see also Sclerotinia)	water balance 7299
Pollen biotechnology for crop production	Botrytis cinerea	Brassica alboglabra, tissue culture 12077
and improvement 1248, 1283, 1338,	Cucumis sativus, genetic transformation	Brassica campestris
1344-1358, 1360, 1495-1496, 2282	774, 4790	acetolactate synthase
polymerase chain reaction 5184	Fragaria ananassa 1933	genetic variation 3966
Populus, biotechnology 8874	Lycopersicon esculentum, genetic trans-	polymerase chain reaction 3966
Practical applications of plant molecular	formation 10828	adenosinetriphosphatase, molecular gen
biology 3357	Malus pumila 8414	ics 7039
proteins, genetic engineering 6415	Vitis vinifera 1951, 4882	allergens, molecular genetics 11011
Quantitative and ecological aspects of	Botrytis ricini, Ricinus communis 12333	binding proteins
plant breeding 2278	Bougainvillea, chromosome aberrations 3255	gene expression 2012
Recombinant proteins from plants 6415	Brachiaria brizantha	nucleotide sequences 2012
reproduction 10115	apomixis, gene mapping 10596	biosafety, gene flow 11003
Rhododendron, taxonomy 8873	interspecific hybridization 10596	carbon dioxide 7283
root crops	Zulia entreriana 1646	Ceutorhynchus assimilis 3970
breeding 10111	Brachiaria ramosa	chromosome addition 726
genetic resources 10111	genetic resources 5567	chromosome morphology, fluorescence
Route maps in gene technology 4212	yield components 5567	situ hybridization 7278
Routine postharvest screening of	Brachiaria ruziziensis	colour, genetics 726
banana/plantain hybrids 7648	apomixis, gene mapping 10596	Crambe abyssinica, intergeneric hybrid
Saccharum officinarum	interspecific hybridization 10596	zation 8509, 9768
breeding 7646	Brachycome dichromosomatica, accessory	cultivars, AOC Boreal 6074
genetics 7646	chromosomes, polymerase chain reac-	cytoplasmic male sterility
salinity 13628	tion 3268	genetics 726
Science of the rice plant: genetics 7641	Bracteantha, cultivars, Nullarbor Flame	molecular genetics 7039
Seed production 3358	_ 8788	development 8509
Seed production of lucerne 8172, 8178,	Bracteantha bracteata	Diplotaxis tenuisiliqua, intergeneric
8872	cultivars	hybridization 11009
seeds, molecular genetics 7640	Argyle Star 13551, 13554	dormancy 874
Solanum	Lemon Colourburst 13552	embryo culture 11009
genetic resources 1242	Menindee Magic 13553	evolution 8526
taxonomy 1242	Spectrum 3265	fertilization 8509
Solanum nigrum	Bradyrhizobium	gene mapping 3088
genetic resources 1242	Amphicarpaea bracteata	germination 874
taxonomy 1242	evolution 13062	glucosinolates
Somaclonal variation and induced muta-	genetics 2770	artificial selection 8526, 12294
tions in crop improvement 10114	Faidherbia albida 1024	pleiotropy 8526
Species: the units of biodiversity 9531,	Glycine max 588, 2801, 3721, 8254,	glutathione reductase
13630	11954	genetic engineering 9792
Strategies for improving salt tolerance in	gene expression 13085	nucleotide sequences 13349
higher plants 13628	genetics 1692	glycoproteins, nucleotide sequences
stress 7642	nucleotide sequences 13085	12279
Subcellular biochemistry. Volume 29:	Brassica	heat resistance 11021
Plant-microbe interactions 8879	Alternaria brassicae 5892	interspecific hybridization 726, 873-87
Sustainable use of genetic resources	biosafety 7266	3801, 7039, 7283, 9767
under the Convention on Biological	chlorophyll 11509	isoenzymes
Diversity 5181	colour, genetics 1801	genetic variation 2019, 3966
taxonomy 7645	Delia floralis 7044	polymerase chain reaction 3966
molecular genetics 1245	Delia radicum 7044	Moricandia arvensis, intergeneric hybr
Tef: Eragrostis tef (Zucc.) Trotter 10106	development, genetics 1801	ization 7273
The doubly green revolution 5183	drought resistance 7299	pathogenesis-related proteins, molecula
The genosphere 1241	fatty acids 13360	genetics 8529
The palm trees of Eldorado 12591	gene banks 9756	pests 8526
Tropical plant breeding 7647	genetic resources 9756, 13347	plant embryos 8509
Vanda, breeding 4214		

Donat to the second sec		
Brassica campestris cont.	Brassica carinata cont.	Brassica juncea cont.
pollination 873	ethyl methanesulfonate 7294	Erucastrum abyssinicum, intergeneric
polyploidy 11021	fatty acids	hybridization 2022
proteinases, nucleotide sequences 9770	artificial selection 7294	erucic acid 12285
protoplast culture 12284	germplasm releases 11019	genetics 7284
Raphanus sativus, intergeneric hybridiza-	induced mutations 7294	
tion 1802, 2013-2014		Erysiphe cruciferarum, genetics 2029
	genetic transformation 4943	esterases 878
restriction fragment length polymorphism	hirudin, genetic transformation 4944	ethyl methanesulfonate 7276, 11010,
3088	interspecific hybridization 2029, 7300,	13359
seed production 2019	9773, 11016	fatty acids 12285
seeds 874	linolenic acid 882	fertilization 8509
self incompatibility	mixoploidy 6079	flavonoids 12292
dominance 7279	mutagens 7294	fruits
gene expression 2018		
gene mapping 11012	Orychophragmus violaceus, intergeneric	artificial selection 7287
	hybridization 6079	mutations 7286
nucleotide sequences 2018, 9770,	peroxidases 878	Fusarium oxysporum 1808
12279	photosynthesis 7300	gamma radiation 5887
sowing date 9780	quality, genetic transformation 4944	gene flow, genetic transformation 726
taxonomy 7296	seeds 9773	genomes 7284
thioglucosidase	genetics 6085	glucosinolates 8527
artificial selection 8526	xenia 11016	
pleiotropy 8526		artificial selection 887
yield components, heritability 9780	sowing date 9780	glutamate-cysteine ligase
Brassica campestris (sarson)	yield components, heritability 9780	gene expression 7297
	yield correlations 878, 881	nucleotide sequences 7297
colchicine 8506	Brassica chinensis	glutathione
colour, xenia 11016	anthers 5885	gene expression 9791
induced mutations 8506	cold resistance 10792	nucleotide sequences 9791
interspecific hybridization 11016	cultivars, Dwarf Resistant-4 13194	growth regulators 9772
mutagens 8506		
seeds, xenia 11016	cytoplasmic male sterility 5885, 8349,	haploidy 7301
self incompatibility	9570	heavy metals
gene expression 3964	development 5885	gene expression 7297
	Fusarium oxysporum 1808	nucleotide sequences 7297
restriction fragment length polymor-	genetic transformation 2930	interspecific hybridization 2029, 2935,
phism 3964	isoenzymes 4736	3100, 7284, 7287, 7301, 9773,
yield components, heterosis 8516	nutrients 2937	9798, 11022, 13355
Brassica campestris (toria)		
variety trials 11000	phylogeny 5890	isoenzymes 3103
yield components, combining ability	polyploidy 4721	leaves, induced mutations 11010
2020	quality	Leptosphaeria maculans 7301, 9798
	genetic variance 5889	gene mapping 11022
Brassica campestris (turnip rape)	heritability 5889	genetics 886
Ceutorhynchus assimilis, genetic transfor-	random amplified polymorphic DNA	restriction fragment length polymor
mation 11023	4736	phism 11022
cultivars	Raphanus sativus, intergeneric hybridiza-	Lygus lineolaris 8531
Hysyn111 3084	tion 4735-4737	
Hysyn120 CS 3085		male sterility 4953
cytoplasmic male sterility 8507	stomata 4737	Mamestra configurata 887
flowering	temperature 8349	methane methylsulfonate 13359
	tissue culture 4721	mitochondrial genetics 12273
gene mapping 880	turnip mosaic potyvirus 1808	mixoploidy 6079
restriction fragment length polymor-	yield components	Moricandia arvensis
phism 880	genetic variance 9574	intergeneric hybridization 13354
fruits, artificial selection 7287	<u> </u>	protoplast fusion 13354
gametocides 8507	heritability 9574	
gene flow 135	heterosis 9574	morphology, multivariate analysis 110
interspecific hybridization 7287, 13355	Brassica (Chinese cabbages)	mutagens 7276, 11010, 13359
isoenzymes, genetic variation 11015	Alternaria brassicae	nitrogen 8522
	combining ability 8353	nutrients 883-884, 8522
male sterility	heritability 8353	oils
artificial selection 11013	Plasmodiophora brassicae, genetics 1809	heterosis 8514
genetics 11013	Brassica fruticulosa	inbreeding depression 8514
oryzacystatin, genetic transformation		Orychophragmus violaceus, intergener
11023	embryo culture 2917	
pollination 135	interspecific hybridization 9767	hybridization 6079
proteinase inhibitors, genetic transforma-	Raphanus sativus, intergeneric hybridiza-	ovule culture 2022, 9768
tion 11023	tion 2917	peroxidases 878
quality 9789	Brassica juncea	phenolic compounds 8527
	acid phosphatase 878	photoperiodism 3965
vernalization	adenosinetriphosphatase 3103	photosynthesis 7285, 8512
gene mapping 880	Albugo candida 12292	Phyllotreta cruciferae 887
restriction fragment length polymor-		plant composition 8523-8524
phism 880	genetic variance 3099	
zinc methyl arsenate 8507	Alternaria brassicae 8527	plant embryos 8509
Brassica campestris (turnips)	anthocyanins, induced mutations 7276	Plutella xylostella 887, 8530
anther culture 1806	biosafety, genetic transformation 7269	pollen culture 3967
cytochrome-c oxidase	cadmium	quality, techniques 8521
	gene expression 9791	Raphanus sativus, intergeneric hybridi
gene mapping 7016	nucleotide sequences 9791	tion 1802, 2013-2014, 4735, 473
mitochondrial genetics 7016		salinity 8523-8524
nucleotide sequences 7016	chromosome number 8505	
Fusarium oxysporum 1808	colour 9773	in vitro selection 4960
interspecific hybridization 1801, 3817	genetics 7284	seeds 9773
isoenzymes, genetics 9569	Crambe abyssinica, intergeneric hybridi-	mutations 7286
polyploidy 7017	zation 8505, 8509, 9768	sowing date 3965, 9780
	cytoplasmic male sterility 2935, 3103,	stomata 4737
turnip mosaic potyvirus 1808	9772, 13354	taxonomy 7296
Brassica carinata		turnip mosaic potyvirus 1808
acid phosphatase 878	development 8509	
colour 9773	Diplotaxis catholica	artificial selection 12293
genetics 6085	intergeneric hybridization 12273	variety classification, random amplifie
xenia 11016	protoplast fusion 12273	polymorphic DNA 11001
drought resistance 7300	Diplotaxis erucoides, intergeneric hybrid-	yield components 13355
	ization 7275	genetic variance 8511, 8513, 8515
erucic acid	drought resistance, in vitro selection	heritability 9780
artificial selection 7294		induced mutations 5887, 13359
induced mutations 7294	4960	vield correlations 879 981 7385 739
Erysiphe cruciferarum, genetics 2029	earliness, induced mutations 5887	yield correlations 878, 881, 7285, 728
esterases 878	embryo culture 8505	8512, 8523

Brassica juncea cont. yields	colour cont.	growth period, induced mutations 852
heterosis 8514	genetics 7282, 7284	growth regulators
inbreeding depression 8514	linkage 9774	gene expression 8503, 13357
zinc 883-884	Crambe abyssinica, intergeneric hybridi-	genetic transformation 8503
Brassica maurorum	zation 8509	haploidy 3095, 7301, 9771, 9796, 122 heat shock 875
embryo culture 2917 Raphanus sativus, intergeneric hybridiza-	cultivars 869-870, 3086 AGA94-18 8500	heat shock proteins, gene expression
tion 2917	BLN884 8497	6083, 13350
Brassica napus	BLN900 8499	Helicoverpa zea
acyl carrier protein synthase, genetic	Castor 12269	genetic transformation 888, 13365
transformation 13389	Ericka 9760	natural selection 888
biosafety, gene flow 11003	Garnet 9761	herbicides gene expression 3971
breeders' rights 11004 cauliflower mosaic caulimovirus	Grouse 8497 Karoo 8498	gene flow 872, 3102
gene expression 7302	Monty 8499	genetic transformation 872, 3102,
genetic transformation 7302	Ning A6 13348	3971, 4946, 6090, 11002
Ceutorhynchus assimilis 3970	Range 8500	random amplified polymorphic DN
chlorsulfuron 13352	Selkirk 9758	4946
chromosome pairing 7277	Sterling 9762	hybrid seed production 4949 hydroxymethylpyrimidine kinase, nucl
Crambe abyssinica, intergeneric hybridization 9768	Sunrise 9759 TI1 8501	tide sequences 12271
cysteine proteinases, gene expression	TI1 Pinnacle 8501	incompatibility, induced mutations 122
3968	TI10 8502	interspecific hybridization 873-874, 31
cytoplasmic male sterility 8510	TI7 8498	3102, 7284, 7301, 9767, 9798,
Diplotaxis catholica, intergeneric hybridi-	cytokinins	11022
zation 7277	gene expression 8503	iron 7298
genetic engineering 3080, 6552	genetic transformation 8503	isoenzymes 7281, 9766 genetic variation 2019, 3966, 1101
Hirschfeldia incana, intergeneric hybridization 13352	cytoplasmic male sterility 3091, 4949, 6081, 8507, 13348	polymerase chain reaction 3966
hybrid seed production 7267	gene expression 4951	jacalin
genetic transformation 7267	gene mapping 12278	gene expression 13356
injuries	genetic markers 13353	nucleotide sequences 13356
gene expression 12291	mitochondrial genetics 876, 4951	ketoacyl-CoA synthase
genetic engineering 12291	polymerase chain reaction 876	gene expression 13357 linkage 6087
male sterility 7267 gene mapping 4954	random amplified polymorphic DNA 6080, 9769, 12278	nucleotide sequences 6087
genetic transformation 7267	restriction fragment length polymor-	lectins
random amplified polymorphic DNA	phism 12274, 12278	gene expression 13356
4954	Dasineura brassicae 9797	nucleotide sequences 13356
random amplified polymorphic DNA	development 8509, 12280	Leptosphaeria maculans 2026, 7301,
11004	dormancy 874	9796, 9798, 9898
seeds, genetic transformation 13389 somaclonal variation 6554	erucic acid 13351 artificial selection 9771	gene mapping 4961, 11022 genetic markers 3100, 13364
sowing date 9780	gene mapping 9774, 9790	genetics 13362
stress	genetic transformation 7295	random amplified polymorphic DN
gene expression 3968, 12291	genetics 7284	3100
genetic engineering 12291	induced mutations 8520	restriction fragment length polymo
temperature 8510	linkage 6087, 9774	phism 11022
variety classification 11004 yield components, heritability 9780	nucleotide sequences 6087, 9790 esterases 878	linoleic acid gene mapping 11018
Brassica napus (rape)	ethyl methanesulfonate 9788	random amplified polymorphic DN
abscisic acid, gene expression 13357	fatty acids 10999	11018
acetolactate synthase 3966	gene expression 7251, 9785, 13357	linolenic acid, artificial selection 2024
genetic variation 3966	genetic engineering 9785	malate dehydrogenase
polymerase chain reaction 3966	reviews 11020	mitochondrial genetics 3963
acetyl-CoA carboxylase gene expression 871	genetic transformation 4958, 7251, 10999	nucleotide sequences 3963 male sterility 8508
nucleotide sequences 871	induced mutations 8520, 9788	genetic transformation 3092
acid phosphatase 878	techniques 9787	genetics 2016
genetic transformation 3089	fertilization 8509	germplasm releases 2016
acylglycerol-3-phosphate acyltransferase,	flowering	mechanical damage 9794
genetic transformation 4959, 7293	gene mapping 880	Meligethes aeneus 9797
anther culture 7265, 7290, 8518 anthers 13358	restriction fragment length polymor-	Moricandia nitens, intergeneric hybrid
Arabidopsis thaliana	phism 880 forage 4957	zation 11008 mutagens 9788
intergeneric hybridization 4948	gametocides 8507-8508	napin
protoplast fusion 4948, 11017	gamma radiation 8520, 12275	gene expression 11005, 11007
ascorbate peroxidase, gene expression	gene expression	genetic transformation 11005
7298	glycine decarboxylase 11008	nectar 9775
binding proteins	photosynthesis 11008	nutrients 883-884, 12288
gene expression 6078 nucleotide sequences 6078	gene flow 2017, 9763, 11002	oils
biosafety 9763, 11002, 12272	gene mapping 12270 genetic engineering 6075	genetic engineering 6088, 7292 genetic transformation 10997
genetic transformation 9764	genetic markers 9766	oleosins, gene expression 4950
boron 12288	genetic transformation 7265, 8504, 9765	Orychophragmus violaceus, protoplast
breeding 7281, 8494, 9757	genomes 3087, 7284	fusion 7274
economics 3081	genotype environment interaction, statis-	outcrossing 13351
history 3081-3082	tics 12289	ovules, techniques 12277
bromoxynil, genetic transformation 6090 Ceutorhynchus 9797	germination 874	oxalates 2028
chloroplast genetics 7270	glucose oxidase, genetic transformation 9898	oxalic acid 8528
chromosome elimination 4948	glucosinolates 2025	Peronospora parasitica, genetics 3969 peroxidases 878
chromosome pairing 3090	artificial selection 9771	gene expression 13363
cold resistance 9793	glufosinate	genetic transformation 13363
artificial selection 6089	gene expression 3971	photosynthesis 8512
chloroplast genetics 12290	gene flow 872	phytosterols 10998
gene expression 12290 germplasm releases 3098	genetic transformation 872, 3971,	plant embryos 8509, 12280
colour 3093	6441, 12272 glutathione reductase, genetic transforma-	Plasmodiophora brassicae 2027
gene mapping 9774	tion 9792	Plutella xylostella

Brassica napus (rape) cont.	Brassica napus (rape) cont.	Brassica oleracea (cabbages)
Plutella xylostella cont.	yield components cont.	anther culture 7040
natural selection 888	multivariate analysis 12282	cultivars 2386
pollen 875	yield correlations 878, 881, 8512, 9776,	cytoplasmic male sterility 10788
gene expression 4026, 4950	9778	genetic transformation 10785
genetic engineering 4026	zinc 883-884	genomes 3087
storage 6089, 13361	zinc methyl arsenate 8507	hybrid seed production 2931, 8346
pollen culture 2021, 3095, 9781-9782	Brassica napus (swedes)	insects 4743
pollen germination 4952	breeding, history 2887	male sterility
pollination 873, 2017	interspecific hybridization 3801	genetics 8346
proteins, polymorphism 7281	Plasmodiophora brassicae, artificial	random amplified polymorphic DNA
protoplast culture 12283	selection 3801	12074
Pyrenopeziza brassicae, genetic markers	yields, heterosis 4709	Plutella xylostella 1810
13364	Brassica nigra	pollen, nucleotide sequences 13196
quality 9775, 9789	Alternaria brassicicola 8525	protoplast culture 5888
genetic engineering 6088	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
genetic transformation 10997	chromosome morphology, fluorescence in	protoplasts 7042
heterosis 9779	situ hybridization 7278	ribosomal DNA, gene location 3087
techniques 9787	flowers, natural selection 4955	self incompatibility 12073
	gene mapping 7271	nucleotide sequences 13196
random amplified polymorphic DNA 7268	herbicides, gene flow 3102	Thrips 8355
	interspecific hybridization 3100, 3102,	Thrips tabaci 8354, 8356
Raphanus raphanistrum, intergeneric	7300	ultraviolet radiation 7042
hybridization 872, 3102, 12272	restriction fragment length polymorphism	Xanthomonas campestris 10793
Raphanus sativus, intergeneric hybridiza-	7271	yield components, heritability 10790
tion 4947	seeds, natural selection 4955	yield correlations 10790
regenerative ability 9783	Xanthomonas campestris 8525	Brassica oleracea (cauliflowers)
ribosomal DNA, gene location 3087	Brassica oleracea	adenosinetriphosphatase
ribosomes	acetolactate synthase	gene expression 5882
gene expression 10535	genetic variation 3966	nucleotide sequences 5882
mitochondrial genetics 10535	polymerase chain reaction 3966	biotechnology 10783
ribulose-bisphosphate carboxylase	adenosinetriphosphatase, molecular genet-	breeding 10783
chloroplast genetics 12290	ics 7039	cadmium, genetic transformation 3816
gene expression 12290		calmodulin
Sclerotinia sclerotiorum 2028, 8528	anther culture 4738, 8351-8352	gene expression 5882
techniques 9795	Armoracia rusticana, protoplast fusion	nucleotide sequences 5882
seed production 2019	4734	centres of origin 10791
seeds 874, 3093	chloroplasts 4738	
	chromosome addition 726	cultivars 2386, 6549, 10784
gene expression 6083, 11007 genetics 7282	chromosome morphology, fluorescence in	ecotypes 10789
	situ hybridization 7278	galactonolactone dehydrogenase, nucleo-
selective fertilization 6089	cold resistance 1807	tide sequences 4740
self incompatibility 4952	colour, genetics 726	gene mapping 12072
artificial selection 9771	cytoplasmic male sterility	genetic markers 9568
gene expression 7280	genetics 726	hybrid varieties 10784
shedding 9794	molecular genetics 7039	linkage 12072
Sinapis alba, intergeneric hybridization	diseases 2938	metallothionein, genetic transformation
3102	Erucastrum abyssinicum, intergeneric	3816
somaclonal variation 8517	hybridization 2022	Pieris brassicae, genetic transformation
somatic embryogenesis 7290, 9781-9782	gene banks 2929, 3814	5199
gene expression 13357	genetic resources 5191	Plutella xylostella 13199
space flight 879	genetic transformation 5884	proteinase inhibitors, genetic transforma-
stability, mathematics 885	glycoproteins, nucleotide sequences	tion 5199
stearic acid	12279	proteins
gene expression 7251		gene expression 8345
genetic transformation 7251	haploidy 8352	nucleotide sequences 8345
synthetic varieties 7268	hybrid seed production 2933 interspecific hybridization 726, 2938,	restriction fragment length polymorphism
temperature, storage 13361		12072
thiamin-phosphate pyrophosphorylase,	3100, 7039, 7300, 9767	tissue culture 7041
nucleotide sequences 12271	isoenzymes	toxic substances, genetic transformation
thioesterases	genetic variation 3966	3816
gene expression 7251, 9785	polymerase chain reaction 3966	trypsin inhibitors
	male sterility, genetics 2933	gene expression 12052
genetic engineering 9785	oleosins	genetic transformation 12052
genetic transformation 7251	gene expression 2932	variety trials 723
thioglucosidase	nucleotide sequences 2932	yield components
gene expression 4945	ovule culture 2022	
nucleotide sequences 4945	pollen	combining ability 727 genetic variance 727
tissue culture 8517	gene expression 2932	heritability 1804
tocopherols 10998	nucleotide sequences 2932	
toxic substances 7298	polyploidy 4738	Brassica oleracea (kale)
transposable elements	Raphanus sativus, intergeneric hybridiza-	Erucastrum abyssinicum, intergeneric
gene expression 3962	tion 1802	hybridization 10786
molecular genetics 3962	Rhizoctonia solani 4742	fertility 10786
trierucin, genetic transformation 7295	self incompatibility	interspecific hybridization 3801
tropisms, genetic transformation 879		kinases
ultraviolet radiation 4948	gene expression 2936	gene expression 725
variety classification 3966, 7268	genetics 3815	molecular genetics 725
random amplified polymorphic DNA	nucleotide sequences 12279	ovule culture 10786
6084	somatic embryogenesis 8351	Plasmodiophora brassicae 3801
variety trials 3083, 6073, 8495	variety trials 7035	pollination 8347
statistics 8496	Xanthomonas campestris 13198	random amplified polymorphic DNA
vernalization	Brassica oleracea (broccoli)	7037
gene mapping 880	anther culture 7038, 12075	self incompatibility
restriction fragment length polymor-	chlorophyll 13197	gene expression 725
phism 880	cytoplasmic male sterility 2934	molecular genetics 725
wide hybridization 3090, 13351	ĎNÁ 10787	Brassica oleracea (kohlrabi)
	enzymes 13197	cauliflower mosaic caulimovirus, moleci
reviews 7272	haploidy 7038	lar genetics 4047
xylanases, genetic transformation 6076	hybrid seed production 1803	variety trials 12088
yield components	pollen culture 1805, 7043	Brassica oxyrrhina
combining ability 3094, 7288, 9777,	polyploidy 10787	carbon dioxide 7283
13348	RNA polymerase, gene expression 5883	embryo culture 2917
genetic variance 3094	vield components, genetics 9573	interspecific hybridization 7283

Brassica oxyrrhina cont.	Breeding cont.	Breeding cont.
Raphanus sativus, intergeneric hybridiza-	Ananas comosus 9720	Helianthus annuus 4965-4967
tion 2015, 2917	Angelica archangelica 2231	Hevea brasiliensis 11163, 11165
Brassica pekinensis	Anigozanthos manglesii 7517, 8764	conferences 11350
anther culture 1806	Arachis hypogaea 900, 8574, 9810	history 6416-6417, 6444-6446
cell division 724	economics 3982	conferences 7639
cultivars 2386	Artemisia mutellina 8659	Hordeum vulgare 2488, 5423
Weibai-1 7036	Artocarpus altilis, books 10104	history 2487
ethylene 12076	Avena sativa 1468	mathematics 9084
Fusarium oxysporum 1808	Bactris gasipaes, books 10109	Humulus lupulus 3335
genomes 3087	Banksia 7492	Ilex paraguariensis 9907-9910
heat 724	Beta vulgaris (fodder beet) 5847	conferences 10100
heat resistance	Beta vulgaris (sugarbeet) 3141-3142,	Ipomoea batatas 2897 mathematics 703
combining ability 5891	3144, 6138, 7352, 9834	Juglans regia 3076, 10987
genetic variance 5891	history 6139-6140, 7353	Lathyrus sativus, books 10107
ideotypes, artificial selection 10794	Bixa orellana 1142	legislation 2301
interspecific hybridization 1801, 2935,	books 2278, 8875, 10113	Lens culinaris 9492
3817	Brassica napus (rape) 7281, 8494, 9757 economics 3081	Linum usitatissimum (flax) 3207
isoenzymes 4736	history 3081-3082	Lolium multiflorum 6860
genetics 9569 male sterility, genetics 8348	Brassica napus (swedes), history 2887	Lolium perenne 2690
phylogeny 5890	Brassica oleracea (cauliflowers) 10783	Lupinus albus 553
Plasmodiophora brassicae, random	Camellia sinensis 13407-13408	Lycopersicon esculentum 10812
amplified polymorphic DNA 3817	Cannabis sativa 3210, 5043, 7419	Malus pumila 1896, 3870-3871, 5986,
pollen 724	Capsicum 12089	7122, 12149
random amplified polymorphic DNA	Capsicum annuum 5941	Mangifera indica 7228
4736	Carya illinoinensis 7257	conferences 8864
Raphanus sativus, intergeneric hybridiza-	Ceratonia siliqua, books 1244	Manihot esculenta 1964
tion 4735-4737	cereals 2391, 4294-4295, 11514	Medicago 518
regenerative ability 12076	books 7646	Medicago sativa 513, 2692-2693
pollen culture 4741	reports 1230	medicinal plants 1138-1140, 1142, 13583
ribosomal DNA, gene location 3087	Chenopodium, books 10110	conferences 1231
self incompatibility, fluorescence in situ	Chenopodium quinoa, conferences 7630	Melissa officinalis 2231
hybridization 9572	Cicer arietinum 634	Mentha piperita 2231
stomata 4737	Citrus 6046	Metroxylon sagu, books 1243
storage, pollen 13193	Cleome gynandra, books 10105	Miscanthus sacchariflorus 3334
turnip mosaic potyvirus 1808	Cocos nucifera 6098	Miscanthus sinensis 3334
artificial selection 10794	Coffea canephora 8627	Musa 1963-1964, 1974, 3056, 6038,
Brassicaceae	computer programming 7662	9689-9690, 10960, 13305
Alternaria brassicicola 8525	conferences 7625	books 7648
development 5886	crops 2288-2289, 2384-2385, 6548,	conferences 2271
diseases 2938	11364, 11371, 11514	Myrtaceae, conferences 7626
flowers 5886	books 7647	Nicotiana tabacum 11103
glycoproteins	computer programming 1249	Orchidaceae 4152-4153
polymerase chain reaction 10770	history 2383	Origanum 2248, 2250
restriction fragment length polymor-	Daucus carota 5811	ornamental bulbs, conferences 11352
phism 10770	conferences 7631	ornamental orchids 2225
incompatibility 877	Desmanthus virgatus 8227	ornamental plants 3248, 5085, 6301-
interspecific hybridization 2938	Dioscorea 2910	6302, 6304, 8728-8729
random amplified polymorphic DNA, techniques 3379	Dioscorea alata 2909	conferences 8865
self incompatibility	Diospyros, conferences 4207	Oryza sativa 347-348, 350, 2640, 3600,
gene expression 134	economics 2287	3602, 4534, 5570-5571, 6745-6746,
polymerase chain reaction 10770	Elacis 12318	6748, 6812, 9208 history 3599
restriction fragment length polymor-	Elaeis guineensis 896, 12317 Epidendrum ilense 4154	Paeonia, history 11221
phism 10770	Epidendrum pseudepidendrum 4154	Paeonia rockii 11220
taxonomy, chloroplast genetics 132	Eragrostis tef, books 10106	Panicum maximum 482
Xanthomonas campestris 8525	essential oil plants, conferences 1231	pathogens 6438
Brassinolide	Eucalyptus globulus 7431	Pelargonium zonale 6306
Arabidopsis thaliana	Fagopyrum esculentum 5639	Pennisetum glaucum 10513
gene expression 10145	books 10108	Persea americana 9733
mutations 2353	Fagopyrum tataricum 5639	pests 7684
Brassinosteroids	fatty oil plants 3079	Phalaenopsis 4155, 12537
Arabidopsis thaliana	conferences 12586	Phalaris arundinacea 3334
gene expression 1318	Festuca pratensis 2686, 2690	Phaseolus vulgaris 604, 1699, 11963
genetics 1319	fodder legumes 2685, 4575, 8226	history 1698
mutations 1319, 6506-6507	fodder plants 2685, 2688, 2695, 8118-	Phleum pratense 2686, 2690
nucleotide sequences 1318	8124	Pinus elliottii 1028, 8861
Brassolaeliocattleya, genetic transformation	conferences 3346, 8870	Pinus taeda 8861, 12462
13520	economics 2689	Pisum sativum 616, 2829
Breeders' rights 9-10, 12, 2296-2300, 6424,	history 2689	Pleurotus ostreatus 10080
6429-6430, 7665, 7668, 7670, 8888-	forest trees 985, 1028, 6253, 6412, 8862	Primula 6306
8889, 10120	computer programming 1249	Protea, conferences 7635
Brassica napus 11004	Fragaria, reviews 4808	Prunus (apricots) 8419
crops 7667, 10121	Fragaria ananassa 3025, 3909, 4815,	Prunus armeniaca 3001-3002, 13283
genetic transformation 11, 6423	4817-4820, 4822-4826, 10942-	Prunus avium 820
mathematics 7671	10943, 12208-12209	history 3888
Rosa 2199	conferences 5175	Prunus cerasifera 10895
techniques 7671	Glycine max 571, 4616, 4621-4622,	Prunus (cherries) 6008, 12180
Zea mays 10350  Breading 2, 6420, 7650, 7654, 7744, 11303	8237, 9395	Prunus domestica 7156
<b>Breeding</b> 2, 6420, 7650, 7654, 7744, 11393	history 13064	Prunus dulcis 8489
Actinidia 1953	Gossypium 6193	Prunus mume 9648
conferences 5173	conferences 6407-6408, 7638, 13618	Prunus persica 3883, 10907-10909,
Actinidia chinensis 1954 Actinidia deliciosa 1954	history 13445-13446, 13450-13451	10936
conferences 2272	Gossypium barbadense, history 2130,	conferences 12589
Allium 5849-5850	13448-13449 Gassynium historium 0015, 0018	history 3891
conferences 4208	Gossypium hirsutum 9915, 9918 books 7646	Prunus (plums) 3883
Allium cepa 5852, 5856, 10774	history 2130, 13447, 13475	Prunus salicina 7148, 10895
Allium sativum 5851-5852, 5855	grain legumes 565	Prunus simonii 7148
Alstroemeria 11270	grasses 2697-2698, 2703, 4575	Prunus ussuriensis 7148
	B. 40000 2071-2070, 2100, 4010	Pseudotsuga menziesii 1051

reeding cont.	Bromoxynil cont.	Caffeate O-methyltransferase cont.
Pyrus 810	Gossypium, genetic transformation 6243	Nicotiana tabacum cont.
Pyrus communis, history 7138	Gossypium hirsutum, genetic transforma-	genetic transformation 3182
reviews 6458	tion 8664	Populus tremuloides
Rhododendron 5086	Trifolium subterraneum	gene expression 11186
root crops, books 10111	gene flow 4608	genetic transformation 11186
Rosa 3259 Rubus 3023	genetic transformation 4608	Caffeine
Rubus fruticosus 8438	Bromus	Camellia ptilophylla 7365
Rubus idaeus	isoenzymes	Coffee bengalensis 8628
history 3900	genetic distance 11890 polymorphism 11893	Coffee canephora 8628
reviews 4808	phylogeny	Coffee liberica, genetics 6159, 9871
Saccharum, history 6115	nucleotide sequences 2729	Coffea pseudozanguebariae, genetics 6159, 9871
Saccharum officinarum 2073, 4988-4989,	ribosomal DNA 2729	Trigonella foenum-graecum 6386
6118, 11056	taxonomy 11893	Triticum aestivum 2410
books 7646	Bromus cabrerensis, taxonomy 8161	Caffeoyl-CoA O-methyltransferase
conferences 1234	Bromus catharticus, taxonomy 10601	Nicotiana tabacum
history 11055	Bromus erectus, carbon dioxide 3668	gene expression 5018
reviews 912	Bromus hordeaceus	nucleotide sequences 5018
Salix viminalis 6270	competitive ability 11889	Cajanus, interspecific hybridization 8290
Satureja hortensis 1191	isoenzymes 11889	Cajanus cajan
Secale cereale 2523	Bromus inermis	Agrobacterium tumefaciens, genetic
Sesamum indicum, techniques 2063	forage, heritability 11872	transformation 653
Solanum melongena 12089	nutritive value, artificial selection 11892	aluminium 12013
Solanum tuberosum 9530, 12019	Bromus nervosus, taxonomy 8161	Atylosia scarabaeoides, intergeneric
conferences 11351	Browning, Malus pumila 3874	hybridization 1735
Sorghum bicolor 5551, 10499	Bruckenthalia, nomenclature 1069	canopy 12008
conferences 13621	Bruguiera gymnorrhiza	carbohydrates 2850
statistics 7662 Stylosanthes 8220-8221	compatibility 7459	cold resistance 6959
conferences 10097	fertility 7459	cultivars, IPH732 652  Cydia critica 13142
Taxus baccata 1054	Bryonia cretica, ribosome-inactivating pro-	DNA 13141
temperate fruits 2982, 4792, 5982	Buchloe dactyloides	drought resistance 2850
conferences 11345	cultivars, Tatanka 2726	embryo culture 5781
Trifolium 2692	polyploidy 9320	Flemingia bracteata, intergeneric hybridi-
Trifolium hybridum 2690	Tridiscus sporoboli 8165	zation 8290
Trifolium pratense 2686, 2690, 2693,	Trionymus 8165	Flemingia macrophylla, intergeneric
8200	Buddleja	hybridization 8290
Trifolium repens 2693, 5696, 8200, 8202	air pollution 1071	forage 2849
triticale 2531, 12833-12834	ozone 1071	Fusarium udum 2851-2852, 3767
Triticum aestivum 143, 165, 1373-1374,	Buds	germplasm releases 10523
2397, 2428, 3440, 4317, 4319,	Actinidia 1959, 4895	growth period, genetics 8289
4322-4324, 4326-4327, 4329, 4331-	Pinus sylvestris 12471	habit
4334, 4336, 5322, 6565, 6570,	Saccharum	genetics 8289, 8291
7767, 7833, 8999-9000, 10243,	genetics 13394	linkage 8291
11524-11526, 11533	mutations 13394	haploidy 12012
conferences 5179, 8866-8867	Bulbs	height
history 160, 164, 1372, 2399, 4318,	Allium cepa 3812	genetics 8291
4321, 4328, 4337, 7787, 7843	Allium sativum 3812	linkage 8291
Triticum durum 165, 4335, 11527 history 4316	Lilium, storage 1115	insects 1739, 8294 interspecific hybridization 8290
Triticum spelta, conferences 7630	Lilium henryi, storage 1115 Lilium longiflorum, storage 1115	iron 12013
tropical fruits 9687-9688	Bunium persicum, yield correlations 7591	leaves, genetics 8289
Tulipa 6360	Bupleurum falcatum	male sterility, germplasm releases 10523
Vaccinium 7171-7172	anther culture 8833	Melanagromyza obtusa 5782
conferences 8863	chromosome number 8833	Meloidogyne incognita 660
Vaccinium ashei 3024	saikosaponin 8836	nucleic acids 655
Vaccinium vitis-idaea 7170	Busseola fusca	nutrients 12013
Valeriana officinalis 2231	Zea mays 7999, 9183	outcrossing
Vanda, books 4214	artificial selection 8003	germplasm releases 10713
vegetables 9557, 9560, 10234	Buxus, taxonomy 12458	mutations 10713
conferences 11351	Cabbage leaf curl bigeminivirus, Nicotiana	Pennisetum glaucum, crop mixtures 3766
Vicia faba 600, 8265, 11960	tabacum, genetic transformation 4043	phosphorus 12013
history 601, 2812	Cacopsylla pyricola, Pyrus communis 1915	Phytophthora drechsleri 1737
Vicia sativa 2754	Cactaceae, genetic resources, books 6414	pigeonpea sterility mosaic virus 658, 2851
Vigna angularis 665 Vigna subterranea 1746	Cadmium  Prassica iumosa	combining ability 6960
conferences 2275	Brassica juncea gene expression 9791	genetics 659, 1738, 8289, 8293
Vigna unguiculata 661, 6969	nucleotide sequences 9791	pollen culture 12012
Vitis 3036	Brassica oleracea (cauliflowers), genetic	proline 2850
Vitis rotundifolia 3035	transformation 3816	proteins 654, 6956
Vitis vinifera 1935, 1938, 13291	Mimulus guttatus	germplasm releases 1735
history 7197	modifiers 2217	quality, germplasm releases 1735
Zea mays 276, 2542, 2544-2545, 3544,	pleiotropy 2217	Rhynchosia bracteata, intergeneric
5474, 5478, 9170, 10349, 10352,	Nicotiana tabacum	hybridization 8290
11719, 12860	gene expression 7388	seed aging 654-655
computer programming 3543	genetic transformation 7388	seeds 6956
history 2547, 9126, 11729	Phaseolus vulgaris 8268	somaclonal variation 10714
Ziziphus sativa 12262	Triticum, genetics 210	stress 2850
remia lactucae	Triticum durum 9065	tissue culture 5780, 10715 variety trials 652, 1734, 1736, 2849
Lactuca sativa 8362	genetics 3461	Xanthomonas campestris 2852
genetics 5896	germplasm releases 1409  Caesalpinia, taxonomy 6317	yield components
mutations 3823	Caesalpinia echinata, inbreeding, random	combining ability 4671, 5779, 6960,
romheadia, phylogeny 6367	amplified polymorphic DNA 10076	12010
romheadia finlaysoniana dihydrokaempferol 4-reductase	Caffeate <i>O</i> -methyltransferase	genetic variance 4671, 12011
gene expression 12539	Lolium perenne	genotype environment interaction
nucleotide sequences 12539	gene expression 6862	6958
romoxynil	nucleotide sequences 6862	heritability 3766, 6957, 12009, 12011
Brassica napus (rape), genetic transfor-	Nicotiana tabacum	heterosis 657, 12010
mation 6090	gene expression 3182	yield correlations 656, 1736, 3766, 8292

Calamagrostis, taxonomy 10583	Camellia	Cantharellus, phylogeny, molecular genetics
Calamagrostis canescens, interspecific	chromosome morphology 7504	5171
hybridization 1640	cultivars, Sweet Jane 3253	Capsaicin
Calamagrostis carchiensis, taxonomy 10583	evolution 3257	Capsicum annuum 8387
Calamagrostis ecuadoriensis, taxonomy	pollen 9855	Capsicum frutescens 8387
10583	taxonomy 11234	Capsicum pubescens 12125
	ultrastructure 9855	Capsanthin
Calamagrostis fulgida, taxonomy 10583		Capsicum annuum
Calamagrostis llanganatensis, taxonomy	Camellia chrysantha	gene expression 5902
10583	colour, genetics 11231	
Calamagrostis porteri, sexual reproduction	flowers, genetics 11231	genetic engineering 5902
10597	interspecific hybridization 11231	Lycopersicon esculentum, genetic trans-
Calamagrostis stricta, interspecific hybridi-	Camellia crassicolumna, taxonomy 7366	formation 5902
zation 1640	Camellia grijsii, oils 905	Capsella bursa-pastoris, random amplified
Calamagrostis teretifolia, taxonomy 10583	Camellia japonica	polymorphic DNA 4754
	colour, genetics 11231	Capsicum
Calamintha nepeta	flowers, genetics 11231	breeding 12089
essential oils 4196		chimaeras 6988
menthone 4196	interspecific hybridization 11231	cucumber mosaic cucumovirus 1847,
Calcium	tissue culture 6315, 8742	9619
Arabidopsis thaliana	translocation 4007	
gene expression 7732	Camellia ptilophylla	backcrossing 1848
mutations 6498	caffeine 7365	cultivars, Longjiao-1 10835
Festuca arundinacea, artificial selection	somatic embryogenesis 11099	DNA 4781
500	theobromine 7365	gene banks 5938
	tissue culture 11099	genetic distance 4778
Gossypium hirsutum 6205	Camellia reticulata, tissue culture 8742	hybrid varieties 10835
Nicotiana plumbaginifolia	Camellia sasangua	ideotypes 5954
gene expression 13429		mechanical harvesting 5954
genetic transformation 13429	cultivars	Meloidogyne hapla 1850
Oryza sativa 11790	Paradise Audrey 3250	Meiotaogyne napia 1830
Phaseolus vulgaris 4647	Paradise Helen 3251	pepper mottle potyvirus 12128
Populus nigra, tissue culture 7449	Snowcloud 3252	Phytophthora capsici 5957
Populus trichocarpa, tissue culture 7449	Camellia sinensis	Polyphagotarsonemus latus 1851
Solanum gourlayi 13164	breeding 13407-13408	potato Y potyvirus 12128
	chlorophyll 2095	restriction fragment length polymorphism
Solanum kurtzianum 13164	cryopreservation 125	4778
Solanum microdontum 13164	cultivars	tissue culture 6988
Vigna unguiculata 9499		tobacco etch potyvirus 12128
Calendula officinalis	Fufong Tea 1365	
flowers 11256	PC165 13409	tobacco mosaic tobamovirus 1847, 5958
genetic resources 906	PC168 13409	tomato mosaic tobamovirus 1847
oils 906	PC185 13409	tomato spotted wilt tospovirus 5959
triterpenoids 1156	DNA, techniques 9854	Verticillium dahliae 7054
	fluorescence 2095	viruses, genetics 772
yields 11256	genetics 13407	Xanthomonas vesicatoria 3851, 10839
Calliandra calothyrsus	quality 2095	genetics 4783
isoenzymes, genetic variation 7462	rootstocks 13409	Capsicum annuum
provenance trials 3224		
Callose, Zea mays 320	somatic embryogenesis 12367	Agrobacterium rhizogenes 5952
Callosobruchus chinensis, Cicer echinos-	variety classification, random amplified	Agrobacterium tumefaciens 5952
permum, germplasm releases 1733	polymorphic DNA 7364	amplified fragment length polymorphism
	variety trials 7363	4779, 7096
Callosobruchus maculatus, Vigna unguicu-	Campanula medium	anther culture 7098, 9616
lata 5788, 10718		
lata 5788, 10718 Calluna vulgaris	cultivars	antibiotics 765
lata 5788, 10718	cultivars Champion Blue 1076	antibiotics 765 biosafety 6551
lata 5788, 10718 Calluna vulgaris	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers)	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443  Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443  Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658  Lycopersicon esculentum, gene expres-	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443  Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882  Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658  Lycopersicon esculentum, gene expression 4759	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443  Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882  Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658  Lycopersicon esculentum, gene expression 4759	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome aberrations 2968 chromosome 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443  Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658  Lycopersicon esculentum, gene expression 4759  Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443  Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882  Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658  Lycopersicon esculentum, gene expression 4759  Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443  Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658  Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Canavalia rosea, nomenclature 13152	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella;	Cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria)	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Canavalia rosea, nomenclature 13152	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome apairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic	Cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443  Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658  Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula ratural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Canavalia rosea, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443  Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658  Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895	Cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene expression 5915 Camelina sativa	Cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213 taxonomy 3214	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetic sold provided the sequences 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Linjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834 Ruza 2387
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene expression 5915 Camelina sativa ethyl methanesulfonate 4987	cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213 taxonomy 3214 Canopy	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834 Ruza 2387 dimethyl sulfate 1843
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene expression 5915 Camelina sativa ethyl methanesulfonate 4987 fatty acids, induced mutations 4987, 9820	Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Champanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula selection 4136 polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula salesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Canavalia rosea, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213 taxonomy 3214 Canopy Cajanus cajan 12008	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834 Ruza 2387 dimethyl sulfate 1843 diseases 12119
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene expression 5915 Camelina sativa ethyl methanesulfonate 4987 fatty acids, induced mutations 4987, 9820 gamma radiation 7341, 9820	Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213 taxonomy 3214 Canopy Cajanus cajan 12008 Coffea arabica 3159	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834 Ruza 2387 dimethyl sulfate 1843 diseases 12119 DNA, techniques 1841
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene expression 5915 Camelina sativa ethyl methanesulfonate 4987 fatty acids, induced mutations 4987, 9820 genetic resources 906	Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Champanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula selection 4136 polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula salesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Canavalia rosea, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213 taxonomy 3214 Canopy Cajanus cajan 12008	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834 Ruza 2387 dimethyl sulfate 1843 diseases 12119 DNA, techniques 1841
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene expression 5915 Camelina sativa ethyl methanesulfonate 4987 fatty acids, induced mutations 4987, 9820 gamma radiation 7341, 9820	Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213 taxonomy 3214 Canopy Cajanus cajan 12008 Coffea arabica 3159	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834 Ruza 2387 dimethyl sulfate 1843 diseases 12119 DNA, techniques 1841 drought resistance, in vitro selection 771
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene expression 5915 Camelina sativa ethyl methanesulfonate 4987 fatty acids, induced mutations 4987, 9820 genetic resources 906	Cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213 taxonomy 3214 Canopy Cajanus cajan 12008 Coffea arabica 3159 Glycine max 9418 Hordeum vulgare 2394	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834 Ruza 2387 dimethyl sulfate 1843 diseases 12119 DNA, techniques 1841 drought resistance, in vitro selection 771 ethyl methanesulfonate 765, 1843
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene expression 5915 Camelina sativa ethyl methanesulfonate 4987 fatty acids, induced mutations 4987, 9820 genetic resources 906 glucosinolates 8588	Cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213 taxonomy 3214 Canopy Cajanus cajan 12008 Coffea arabica 3159 Glycine max 9418 Hordeum vulgare 2394 genetics 5353	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834 Ruza 2387 dimethyl sulfate 1843 diseases 12119 DNA, techniques 1841 drought resistance, in vitro selection 771 ethyl methanesulfonate 765, 1843 fibrillin, gene expression 9615
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene expression 5915 Camelina sativa ethyl methanesulfonate 4987 fatty acids, induced mutations 4987, 9820 genetic resources 906 glucosinolates 8588 linolenic acid, induced mutations 4987, 7341	Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Canavalia rosea, nomenclature 13152 Canavalia rosea, nomenclature 13152 Canavalia sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213 taxonomy 3214 Canopy Cajanus cajan 12008 Coffea arabica 3159 Glycine max 9418 Hordeum vulgare 2394 genetics 5353 induced mutations 5353	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834 Ruza 2387 dimethyl sulfate 1843 diseases 12119 DNA, techniques 1841 drought resistance, in vitro selection 771 ethyl methanesulfonate 765, 1843 fibrillin, gene expression 9615
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene expression 5915 Camelina sativa ethyl methanesulfonate 4987 fatty acids, induced mutations 4987, 9820 genetic resources 906 glucosinolates 8588 linolenic acid, induced mutations 4987, 7341 mutagens 4987	Cultivars Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Cannabis sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213 taxonomy 3214 Canopy Cajanus cajan 12008 Coffea arabica 3159 Glycine max 9418 Hordeum vulgare 2394 genetics 5353 induced mutations 5353 triticale 2394	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834 Ruza 2387 dimethyl sulfate 1843 diseases 12119 DNA, techniques 1841 drought resistance, in vitro selection 771 ethyl methanesulfonate 765, 1843 fibrillin, gene expression 9615 fruits genetic markers 5947
lata 5788, 10718  Calluna vulgaris grazing, natural selection 3666 habit, natural selection 3666 isoenzymes 6312 outcrossing 11230 self incompatibility 11230  Calmodulin  Agapanthus africanus 12518 Arabidopsis thaliana, gene expression 11443 Brassica oleracea (cauliflowers) gene expression 5882 nucleotide sequences 5882 Hordeum vulgare, nucleotide sequences 6658 Lycopersicon esculentum, gene expression 4759 Nicotiana tabacum gene expression 9891 genetic transformation 13439 Saccharum officinarum, nucleotide sequences 9825 Triticum aestivum, gene expression 9024 Calochortus nuttallii, tissue culture 1112 Calonectria (see also Monographella; Nectria) Calopogonium mucunoides, genetic resources 6895 Calyx, Lycopersicon esculentum, gene expression 5915 Camelina sativa ethyl methanesulfonate 4987 fatty acids, induced mutations 4987, 9820 genetic resources 906 glucosinolates 8588 linolenic acid, induced mutations 4987, 7341	Champion Blue 1076 Champion Pink 1076 Campanula microdonta flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 Campanula punctata flowers, natural selection 4136 pollination, natural selection 4136 random amplified polymorphic DNA 12515 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula rotundifolia, pollination 3275 Campanula takesimana, random amplified polymorphic DNA 12515 Campanumoea pollen 3289 taxonomy 3289 Camptotheca acuminata hydroxymethylglutaryl-CoA reductase gene expression 1166 nucleotide sequences 1166 tissue culture 2237 Canavalia gladiata, genetic resources 4679 Canavalia maritima, nomenclature 13152 Canavalia rosea, nomenclature 13152 Canavalia rosea, nomenclature 13152 Canavalia sativa breeding 3210, 5043, 7419 gene banks 3210, 5042 induced mutations 7419 quality 3213 sex 3213 taxonomy 3214 Canopy Cajanus cajan 12008 Coffea arabica 3159 Glycine max 9418 Hordeum vulgare 2394 genetics 5353 induced mutations 5353	antibiotics 765 biosafety 6551 breeding 5941 capsaicin 8387 capsanthin gene expression 5902 genetic engineering 5902 capsorubin gene expression 5902 genetic engineering 5902 carotenoids 9617 gene expression 9615 catalase, nucleotide sequences 12120 cellulase gene expression 10837 nucleotide sequences 10837 chromosome aberrations 2968 chromosome pairing 5945 colchicine 5946 cold resistance 3850, 5940 artificial selection 770 colour 9617 genetic markers 5947 genetics 5947 cucumber mosaic cucumovirus 12130 genetic transformation 773 cultivars 5899-5900, 5942 Charleston Hot 1839 Dempsey 1840 Lianjiao-1 7095 NewMex Piñata 10834 Ruza 2387 dimethyl sulfate 1843 diseases 12119 DNA, techniques 1841 drought resistance, <i>in vitro</i> selection 771 ethyl methanesulfonate 765, 1843 fibrillin, gene expression 9615

apsicum annuum cont.	Capsicum chinense	Carica cont.
	cupsicum cititicitisc	
Fusarium oxysporum 7101	chromosome pairing 5945	isoenzymes, genetic variation 853
gamma radiation 2968	fruits, genetics 12121	taxonomy, random amplified
gene mapping 4779, 5943	heterosis 5945	
genetic resources 5939		polymorphic DNA 853
	interspecific hybridization 5945, 10841,	Carica cauliflora
genetic transformation 4780, 6551	12121	genetic markers 13322
glutamate dehydrogenase 10836	Meloidogyne încognita 1849	interspecific hybridization 3950, 13322
grafting 13236	polyploidy 5945	papaya ringspot potyvirus 3950
haploidy 9616	temperature 12127	Carica papaya
	A.	
heterosis 5945	tomato spotted wilt tospovirus, genetics	abscisic acid, genetic transformation
hybrid varieties 5899, 5942	12127	9583
ideotypes 5954	Capsicum frutescens	ACC oxidoreductase
induced mutations 2968	capsaicin 8387	
		gene expression 13326
interspecific hybridization 5945, 10841,	cold resistance 3850	genetic transformation 13326
12121	heat resistance 9618	ACC synthase
isoenzymes 763	leaves 9618	gene expression 13326
genetics 5948	pepper mild mottle tobamovirus, genetics	genetic transformation 13326
light 12707	7102	biotechnology 13321
male sterility 12124	pollination 3850	embryo culture 4918, 13323
mechanical harvesting 5954	proline 9618	genetic markers 13322
Meloidogyne incognita 1839	Capsicum lanceolatum, chromosome pairing	growth regulators, genetic transformatio
	5944	9583
genetics 9620		
germplasm releases 2972	Capsicum pubescens	interspecific hybridization 3950, 13322-
N-methyl-N-nitrosourea 765	capsaicin 12125	13323
morphology, multivariate analysis 766	fruits 12125	isoenzymes
morphology, multivariate allarysis 700	plant composition 12125	genetic variation 853
mutagens 765, 1843		
pepper mottle potyvirus 12128	Xanthomonas vesicatoria 10839	genetics 13325
pepper veinal mottle potyvirus 12129	Capsorubin	polymorphism 13325
peroxidases 763	Capsicum annuum	papaya ringspot potyvirus 3950, 9732
	gene expression 5902	genetic transformation 4919, 13327-
genetics 5948		
pests 12119	genetic engineering 5902	13329
Phytophthora capsici 1846, 2971, 12126,	Lycopersicon esculentum, genetic trans-	ripening
	formation 5902	gene expression 13326
13236	Carbaryl, Allium cepa, chromosome aberra-	genetic transformation 13326
genetics 5956		
male sterility 4785	tions 12070	sex, genetic markers 13324
nucleocytoplasmic interaction 4785	Carbetamide, Allium cepa 4726	somatic embryogenesis 13375
	Carbohybdrates, crops, genetic transforma-	superoxide dismutase, nucleotide
techniques 3852	tion 7755	sequences 7238
Phytophthora nicotianae 1846		
pollen 10836	Carbohydrates	taxonomy, random amplified
pollination 3850	Arabidopsis thaliana, gene expression	polymorphic DNA 853
political 5050	6497	tissue culture 4918
polyploidy 5945-5946	Cajanus cajan 2850	Carica pentagona, tissue culture 7239
potato M carlavirus, gene mapping 3854	crops, genetic engineering 8989	Carica pubescens, tissue culture 7239
potato Y potyvirus 12128, 12130		
gene mapping 3854	Cymbopogon jwarancusa 7604	Carmichaelia, phylogeny 10001
	Medicago sativa, artificial selection 6886	<b>β-Carotene</b> , Lycopersicon esculentum, hete
protected cultivation 5899	Nicotiana tabacum 3185	osis 2954
protoplast culture 3848	Oryza sativa 12971	Carotenes
quality 3849		
haploidy 5953	Pisum sativum 568	Hordeum chilense, gene location 11522
	Solanum tuberosum, genetic transforma-	Ipomoea batatas 5841
Ralstonia solanacearum 1845, 5955	tion 4690	Manihot esculenta 2894
artificial selection 10840	Triticum aestivum 5389	Triticum aestivum chromosome addition
	Triticum aestivum 5389	Triticum aestivum, chromosome addition
random amplified polymorphic DNA	Tulipa, gene expression 11308	11522
random amplified polymorphic DNA 7096		11522 Carotenoids
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777	Tulipa, gene expression 11308	11522
random amplified polymorphic DNA 7096	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays	11522 Carotenoids Capsicum annuum 9617
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165	11522 Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic trans-	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165	11522 Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic trans-	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella yulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella grandiflora 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genetic variance 2047, 11039
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella grandiflora 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 vield components 764	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella grandiflora 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 vield components 764	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838,	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases Pisum sativum	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi carvone, artificial selection 1202
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123 genetic variance 5951, 10838	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases Pisum sativum gene expression 1715	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi carvone, artificial selection 1202 essential oils 1144, 1197
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases Pisum sativum	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi carvone, artificial selection 1202 essential oils 1144, 1197 artificial selection 1202
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123 genetic variance 5951, 10838 heritability 767, 4782, 7097	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella yulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases Pisum sativum gene expression 1715 nucleotide sequences 1715	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi carvone, artificial selection 1202 essential oils 1144, 1197
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123 genetic variance 5951, 10838 heritability 767, 4782, 7097 heterosis 5949, 8386, 12122	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases Pisum sativum gene expression 1715 nucleotide sequences 1715 Carboxylesterase, Pennisetum glaucum	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi carvone, artificial selection 1202 essential oils 1144, 1197 artificial selection 1202 flowering, genetics 1195
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123 genetic variance 5951, 10838 heritability 767, 4782, 7097 heterosis 5949, 8386, 12122 induced mutations 1843	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases Pisum sativum gene expression 1715 nucleotide sequences 1715 Carboxylesterase, Pennisetum glaucum 6738	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi carvone, artificial selection 1202 essential oils 1144, 1197 artificial selection 1202 flowering, genetics 1195 fruits 1193
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123 genetic variance 5951, 10838 heritability 767, 4782, 7097 heterosis 5949, 8386, 12122 induced mutations 1843 yield correlations 768, 2970, 5950	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases Pisum sativum gene expression 1715 nucleotide sequences 1715 Carboxylesterase, Pennisetum glaucum 6738 Carboxypeptidases, Triticum aestivum, gene	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi carvone, artificial selection 1202 essential oils 1144, 1197 artificial selection 1202 flowering, genetics 1195 fruits 1193 genetic resources 1144
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123 genetic variance 5951, 10838 heritability 767, 4782, 7097 heterosis 5949, 8386, 12122 induced mutations 1843	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases Pisum sativum gene expression 1715 nucleotide sequences 1715 Carboxylesterase, Pennisetum glaucum 6738	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi carvone, artificial selection 1202 essential oils 1144, 1197 artificial selection 1202 flowering, genetics 1195 fruits 1193 genetic resources 1144 genetic transformation 5151
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123 genetic variance 5951, 10838 heritability 767, 4782, 7097 heterosis 5949, 8386, 12122 induced mutations 1843 yield correlations 768, 2970, 5950 yields 12119	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases Pisum sativum gene expression 1715 nucleotide sequences 1715 Carboxylesterase, Pennisetum glaucum 6738 Carboxypeptidases, Triticum aestivum, gene	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi carvone, artificial selection 1202 essential oils 1144, 1197 artificial selection 1202 flowering, genetics 1195 fruits 1193 genetic resources 1144 genetic transformation 5151 germination 1161
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123 genetic variance 5951, 10838 heritability 767, 4782, 7097 heterosis 5949, 8386, 12122 induced mutations 1843 yield correlations 768, 2970, 5950 yields 12119 apsicum baccatum	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveria bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases Pisum sativum gene expression 1715 nucleotide sequences 1715 Carboxylesterase, Pennisetum glaucum 6738 Carboxypeptidases, Triticum aestivum, gene expression 12726 Carica embryo culture 13323	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 genetic engineering 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi carvone, artificial selection 1202 essential oils 1144, 1197 artificial selection 1202 flowering, genetics 1195 fruits 1193 genetic resources 1144 genetic transformation 5151
random amplified polymorphic DNA 7096 techniques 4777 regenerative ability 5952 roots 2969 salinity 1844 seed testing 763 shade, artificial selection 770 somatic embryogenesis 12707 superoxide dismutase gene expression 7100 nucleotide sequences 7100 systemin gene expression 4293 nucleotide sequences 4293 tissue culture 769, 5952, 7099, 12124 tobacco etch potyvirus 12128 genetics 3853 tobacco mosaic tobamovirus 5958 artificial selection 10841 genetics 10841 transposable elements, molecular genetics 1842 variety trials 5940, 13234 Verticillium dahliae 3849 Xanthomonas campestris, genetics 4784 Xanthomonas vesicatoria, anther culture 13235 yield components 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123 genetic variance 5951, 10838 heritability 767, 4782, 7097 heterosis 5949, 8386, 12122 induced mutations 1843 yield correlations 768, 2970, 5950 yields 12119	Tulipa, gene expression 11308 Vicia faba 568 Zea mays artificial selection 3588 mutations 9165 Carbon, Nicotiana tabacum, genetic transformation 950 Carbon dioxide Brassica campestris 7283 Brassica oxyrrhina 7283 Bromus erectus 3668 Dactylis glomerata 3671 fodder plants 3669 Pinus banksiana 1036 Prunella grandiflora 3668 Prunella vulgaris 3668 Raphanus raphanistrum 7024 Triticum aestivum 7803 Carbon monoxide, Sorghum bicolor 2613 Carbonate dehydratase Flaveia bidentis gene expression 13560 genetic transformation 3282, 13560 Nicotiana tabacum gene expression 11119, 13560 genetic engineering 3282, 13560 Zea mays gene expression 2563 nucleotide sequences 2563 Carboxy-lyases Pisum sativum gene expression 1715 nucleotide sequences 1715 Carboxylesterase, Pennisetum glaucum 6738 Carboxypeptidases, Triticum aestivum, gene expression 12726	Carotenoids Capsicum annuum 9617 gene expression 9615 Cucumis sativus gene expression 7110, 9628 nucleotide sequences 7110 Daucus carota, amplified fragment length polymorphism 5818 gene expression, reviews 11384 Nicotiana benthamiana gene expression 9893 nucleotide sequences, reviews 11384 Petunia 8808 Zea mays 7950 Carpomya vesuviana, Ziziphus mauritiana 13338 Carthamus tinctorius heterosis, reviews 4975 Uroleucon compositae 8539 yield components combining ability 11039 genetic variance 2047, 11039 genotype environment interaction 12316 heritability 2047 heterosis 4976 yield correlations 2047 Carum carvi carvone, artificial selection 1202 essential oils 1144, 1197 artificial selection 1202 flowering, genetics 1195 fruits 1193 genetic resources 1144 genetic transformation 5151 germination 1161

Carum carvi cont.	Catechol oxidase cont.	Cell culture cont.
seeds 1194	Nicotiana tabacum cont.	Populus alba 1008
storage 1161	nucleotide sequences 5012	Saccharum 3139
tissue culture 5151	Catharanthus roseus	Saccharum spontaneum 3139
Carvone, Carum carvi, artificial selection	aromatic-L-amino acid decarboxylase	Solanum aviculare 7581
1202	gene expression 5136	Spinacia oleracea 730 Triticum timopheevii 7798, 9042
Carya illinoinensis	genetic engineering 5136 cell division	Zea mays 10365
breeding 7257 cold resistance, techniques 1255	gene expression 5134	Cell cycle
flowering 6070	nucleotide sequences 5134	Dactylis glomerata 3671
Monellia caryella 7258	cyclins	Nicotiana tabacum, gene expression
variety trials 865, 2008	gene expression 8828	11107
Caryopsis (see Seeds)	nucleotide sequences 8828	Pisum sativum
Cassava African mosaic bigeminivirus,	cyclophilins, gene expression 1158	gene expression 6944
Nicotiana benthamiana, genetic trans-	cytokinins, genetic transformation 1157	nucleotide sequences 6944
formation 8654	17-O-deacetylvindoline O-acetyltransfer-	Cell death, Arabidopsis thaliana, genetic
Cassia angustifolia	ase, nucleotide sequences 11330	transformation 3408 Cell division
cultivars, Sona 3317	DNA binding proteins gene expression 6326	Allium cepa 2927, 4726
yield components artificial selection 13587	nucleotide sequences 6326	Aloe barbadensis 4059
multivariate analysis 5138, 13587	ethyl methanesulfonate 10055	Ananas comosus 6060
Cassia javanica	gamma radiation 10055	Arabidopsis thaliana 12631
evolution 5292	growth regulators, genetic transformation	gene expression 2948, 3428, 7714
flowers 5292	1157	genetics 6514
Castanea	hyoscyamine dioxygenase, nucleotide	mutations 3395, 11451
morphology 4937	sequences 1150	nucleotide sequences 2948
phylogeny, random amplified	induced mutations 10055	Beta vulgaris (sugarbeet) 6149
polymorphic DNA 10991	isopentenyl transferase, genetic transfor-	gene expression 13399-13400  Brassica pekinensis 724
Castanea dentata	mation 1157	A .
Cryphonectria parasitica, gene mapping 866	N-methyl-N-nitrosourea 10055 mutagens 10055	Catharanthus roseus gene expression 5134
interspecific hybridization 866	NADPH-ferrihemoprotein reductase	nucleotide sequences 5134
isoenzymes, genetic variation 12268	gene expression 3318	Cypripedium fasciculatum 1121
random amplified polymorphic DNA	nucleotide sequences 3318	Glycine max, gene expression 6170
12268	nutrients	Hordeum vulgare, mutations 5444
Castanea mollissima	gene expression 2236	Lycopersicon esculentum
Cryphonectria parasitica, gene mapping	nucleotide sequences 2236	gene expression 2948
866	phosphates	nucleotide sequences 2948
cultivars, Yimeng Duanzhi 9750	gene expression 2236	Medicago sativa 8176
everbearing habit 9752	nucleotide sequences 2236	gene expression 523
interspecific hybridization 866 isoenzymes, polymorphism 9751	protein kinase, genetic transformation 12559	nucleotide sequences 523
Castanea sativa	strictosidine synthase	Nicotiana tabacum 11115, 12388 gene expression 3428, 5009, 6170,
cultivars	gene expression 5136	13417
Castagna Gentile 3077	genetic engineering 4173, 5136	genetic transformation 5009
Marrone di Roccafluvione 3077	Cathaya argyrophylla, isoenzymes, genetic	mutations 2119
Pallante 3077	variation 9986	Oenothera biennis 1085
Primutica 3077	Cattleya, genetic transformation 10039	Oryza sativa, gene expression 1572
genetic resources 12176, 12267	Cauliflower mosaic caulimovirus	Picea abies 9977-9978
genetic transformation 4936	Arabidopsis thaliana	Pinus sylvestris 9970
nutritive value 3957	genetic transformation 3409	Pinus taeda 9968
random amplified polymorphic DNA 8492	genetics 91  Brassica napus	Pisum sativum
taxonomy, random amplified	gene expression 7302	gene expression 3750
polymorphic DNA 12451	genetic transformation 7302	nucleotide sequences 3750  Quercus robur 9946
tissue culture 4938	Brassica oleracea (kohlrabi), molecular	Secale cereale 3429
Casuarina equisetifolia, salinity, in vitro	genetics 4047	Sesbania rostrata
selection 3232	Nicotiana bigelovii, genetic transforma-	gene expression 2769, 5720
Casuarina glauca	tion 7394	nucleotide sequences 5720
Frankia, genetic transformation 7464	Caustis blakei, domestication 8825	Triticum aestivum 3429, 4359, 6615
nodulation, genetic transformation 7464	Cecidophyopsis ribis, Ribes nigrum 3905	Triticum timopheevii 7798, 9042
Catalase	Cedrela odorata	Vicia faba 3429
Capsicum annuum, nucleotide sequences 12120	genetic resources 7457	Zea mays
Gossypium hirsutum	genetic variation, random amplified polymorphic DNA 8709	gene expression 6703, 6709, 9137,
gene expression 12396	tissue culture 1021	9149 induced mutations 10395
genetic engineering 12396	Cedrus atlantica, terpenoids 2191	molecular genetics 9149
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Cedrus libani, terpenoids 2191	mutations 10418
tion 11122, 12396, 13436	Celery mosaic potyvirus, Apium graveolens	techniques 10403
Oryza	13200	Cells
evolution 11828	Cell culture	Arabidopsis thaliana
nucleotide sequences 11828	Angelica sinensis 11339	gene expression 12633
Secale cereale, gene expression 270	Asparagus officinalis 7051	genetic engineering 7385
Zea mays, gene expression 1498 Catalogues	Beta vulgaris (sugarbeet) 8620, 11089	mutations 12632
gene banks 11356-11357	Coffea arabica 931 Daucus carota 1789, 3798-3799, 9542	nucleotide sequences 12633
Musa, genetic resources 3354	techniques 699	Coprinus cinereus, mutations 5170
plant introduction 11356-11357	Elaeis guineensis, globulins 13372	molecular genetics 6460 conferences 10101
Solanum tuberosum, genetic markers	Festuca rubra 6856	Nicotiana tabacum 5019
6981	Glycine max, aspartate-ammonia ligase	genetic transformation 7385
Triticum aestivum, genetics 5336, 11554	13073	Phaseolus vulgaris 3738
Catechol O-methyltransferase, Zea mays,	Lilium longiflorum 4151, 7561, 11300	Pisum sativum, molecular genetics 1717
nucleotide sequences 290	Lolium perenne 6856	Zea mays 3558
Catechol oxidase	Nicotiana glauca 8620	mutations 11691
Citrus reticulata 9711	Nicotiana tabacum 4036	nucleotide sequences 11691
Citrus unshiu 9711	Oryza sativa 4553, 6766	Cellulase
Lycopersicon esculentum, gene expression 4769	plastids 12986	Capsicum annuum
Malus pumila, nucleotide sequences 9637	promoters 12986 RNA polymerase 12986	gene expression 10837
Nicotiana tabacum	RNA polymerase 12986 Pinus taeda 9968	nucleotide sequences 10837
gene expression 5012	Platycerium bifurcatum 4164	Lycopersicon esculentum, gene expres-
0	1 to journal of arcaiant +104	sion 5916

ellulase cont.	Cercospora beticola cont.	Chalcone reductase cont.
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Beta vulgaris (sugarbeet) 3154, 11096	Petunia hybrida
tion 824	artificial selection 6155	gene expression 4145
Pinus radiata	chromosome translocation 929	genetic transformation 4145
gene expression 8715	gene location 929	Chalcone synthase (see Naringenin-chalcon
nucleotide sequences 8715	Cercospora sequoiae, Juniperus 2192	synthase)
Populus alba, gene expression 1008	Cercospora sojina	Chamaecrista fasciculata
Prunus persica	Glycine max 4637, 9446, 13091	evolution 5292
gene expression 824	genetics 9449	flowers 5292
nucleotide sequences 824	random amplified polymorphic DNA	Chamaecyparis formosensis, chromosome
Volvariella diplasia, induced mutations	9448	morphology 7486
2268, 4202	Cercospora zeae-maydis, Zea mays 3583	Chamaecyparis obtusa
ellulose	Cercosporella rubi, Rubus fruticosus, herita-	DNA 7485
Agaricus bisporus, molecular genetics	bility 1927	interspecific hybridization 11209
3337	Cereals	paternal effects 11209
Arabidopsis thaliana	α-amylase, molecular genetics 1369	polyploidy 7485
gene expression 8936-8937	anther culture, reviews 5309	Chamaecyparis pisifera
molecular genetics 4264 mutations 8936-8937	Azospirillum, genetic engineering 3435	interspecific hybridization 11209
nucleotide sequences 4264	breeding 2391, 4294-4295, 11514	paternal effects 11209
Gossypium hirsutum	books 7646	Chamaecyparis thyoides, isoenzymes,
molecular genetics 4264	reports 1230 centres of diversity 11513	genetic variation 4100
nucleotide sequences 4264	chromosome morphology 4304	Chamaedaphne calyculata, cultivars 5089, 13522
molecular genetics 1268	evolution 399	Chamelaucium, cultivars, Crystal 4104
ellulose glucosyltransferase, Gossypium	cold resistance 5312	Chamelaucium megalopetalum, pollination
hirsutum, nucleotide sequences 6198	conferences 6405	8739
ellulose synthase, Arabidopsis thaliana,	cultivars 4294	Chamelaucium uncinatum
nucleotide sequences 4265	books 6556	cultivars, Cascade Brilliance 13524
elosia argentea	evolution	pollination 8739
Amaranthus tricolor, protoplast fusion	gene mapping 2395	Chamomilla recutita
12526, 13562	nucleotide sequences 11518	chromosome banding 8831
cultivars, Bombay Yellow Gold 1075	flowering	cultivars, Flora 1138
elosia cristata, Amaranthus tricolor, proto-	gene mapping 136	essential oils 1154, 1164
plast fusion 3825	genetics 4309	habit 1164
enchrus ciliaris	forage 2392	Chaperonins
aneuploidy 9318	gene banks 12698	Arabidopsis thaliana, nucleotide
chromosome pairing 9318-9319	gene mapping 7758, 7760, 8042, 12709	sequences 3385
polyploidy 9319	genetic engineering 4302	Nicotiana tabacum, gene expression 617
yield components, heritability 13038	genetic markers, conferences 7624	Zea mays, gene expression 3561
yield correlations 13038	genetic resources 11515	Chelone, cytotaxonomy 12531
entres of diversity	genetic transformation 2393, 5306, 12710	Chemicals (see under individual chemical
Allium 5848	reviews 1367	names; Fungicides; Gametocides;
cereals 11513	genetics, books 7646	Growth regulators; Herbicides;
Cicer arietinum 4667	genomes 139	Mutagens; Nutrients; Pesticides; Plant
crops 12692	evolution 399	composition; Toxic substances)
Lolium perenne 8139	heterosis 12711	Chemotaxonomy 10233
Spondias tuberosa 2002	molecular genetics 139, 7757	Adesmia, fatty acids 6900
entres of origin 11358	nucleotide sequences 8039	Aloe 2152, 11160
Argyranthemum 4140	databases 374	Cicer 11995
Brassica oleracea (cauliflowers) 10791	phylogeny, molecular genetics 7763	Cimicifuga 3285
Fagopyrum 11860	Pisum sativum, crop mixtures 2829	Diospyros 4926 Encephalartos 13519
Ferula kingdon-wardii 3333	plant hairs 1371	Erythroxylum coca 4178
Ferula licentiana 3333 Phaseolus vulgaris 3738, 9478	Puccinia recondita 1371, 6560	Erythroxylum novogranatense 4178
entromeres, Arabidopsis thaliana, molecu-	Pyrenophora graminea 5314 quality, genetic engineering 4307	Eucalyptus 4063
lar genetics 3386	repetitive DNA 7759	Foeniculum vulgare 1199
entrosema, isoenzymes, genetic variation	stress, genetics 4309	Ilex 4108
5715	Tilletia tritici 5314	Iris 1113
entrosema brasilianum	transposable elements 7759	Onobrychis arenaria 6899
cultivars, Oolloo 3702, 8229	Ustilago segetum 5314	Onobrychis montana 6899
variety trials 6896	variety trials 2392	Onobrychis viciifolia 6899
entrosema pubescens, cultivars, Cardillo	Cereus peruvianus	Pelargonium 2198
6897	isoenzymes	Peucedanum 8838
ephaelis ipecacuanha, genetic resources	gene expression 1131	Pinus 9971
12551	somaclonal variation 1134	Pinus brutia 2176
ephalosporium (see also Hymenula;	techniques 1132	flavonoids 3238
Phialophora)	malate dehydrogenase, gene expression	Pinus eldarica, flavonoids 3238
ephalosporium maydis, Zea mays 7955	1131	Pinus halepensis 2176
ephalostachyum, taxonomy 5163	stress 1131	flavonoids 3238
ephus cinctus, Triticum aestivum 1383	tissue culture 1131	Pinus mugo 3239
erasus (see Prunus)	Ceutorhynchus, Brassica napus (rape) 9797	Pinus pinaster 9971
eratocystis fimbriata	Ceutorhynchus assimilis	Pinus sylvestris 3239
Ipomoea batatas, techniques 13180	Brassica campestris 3970	Pinus uncinata 3239
Mangifera indica 8474	Brassica campestris (turnip rape), genetic	Vicia 4642
eratonia siliqua	transformation 11023	Vicia faba 3736
breeding, books 1244	Brassica napus 3970	Vicia kalakhensis 3736
cultivars, Rojal 7248	Chaboissaea	Vigna lobatifolia 13150
genetic resources, books 1244	phylogeny	Vigna vexillata 13150 Chenopodium
tissue culture 2003	chloroplast genetics 2730	breeding, books 10110
eratopetalum gummiferum, quality 1065	restriction fragment length polymor-	genetic resources, books 10110
eratopteris richardii	phism 2730  Charameter genetic resources 10882	leaves 5643
development, nucleotide sequences 11322	Chaetobromus involucratus taxonomy	taxonomy 5643
DNA methylation 4204	Chaetobromus involucratus, taxonomy 13039	Chenopodium quinoa
eratozamia mexicana	Chalcone isomerase, Arabidopsis thaliana,	breeding, conferences 7630
chromosome morphology 7487	gene expression 81	cytoplasmic male sterility 9293
fluorescence in situ hybridization 7487	Chalcone isomerase naringenin 3-diox-	gene banks 6851, 8112
ercospora (see also Mycosphaerella;	ygenase, Pharbitis purpurea 12516	growth period, stability 4572
Pseudocercospora)	Chalcone reductase	morphology, multivariate analysis 6851
ercospora beticola	Medicago sativa, genetic engineering	salinity 8114
Beta 11097 Beta vulgaris, genetics 2087	4145	sapogenins 6855
Dela vargario, Schedes 2001		

Chloroplast genetics cont.

Chenopodium quinoa cont.	Chlorophyll cont.	Chloroplast genetics cont.
variety trials 6852	Brassica 11509	Beta maritima, sexual reproduction
Chiasmata (see Crossing over)	Brassica oleracea (broccoli) 13197	13401
Chilling requirement, Prunus persica 3022,	Camellia sinensis 2095	biosafety 7699
9659, 10925	Coffea arabica 4008	Brassica, phylogeny 12287
Chilo agamemnon, Zea mays 8002	Coffea canephora 4008	Brassica napus (rape) 7270
Chilo auricilius	Dactylis glomerata 8128	cold resistance 12290
Saccharum 12354	Festuca 8128	ribulose-bisphosphate carboxylase
Saccharum officinarum 12354	Festuca pratensis, mutations 498, 2717	12290 Brassicaceae, taxonomy 132
Chilo partellus	gene expression 6447	Chaboissaea, phylogeny 2730
Sorghum bicolor 1550, 11752	Ginkgo biloba, gene expression 4081	Chusquea, phylogeny 4197
Zea mays 324-325, 7965, 7981	Glycine max	Clerodendrum, phylogeny 3258
artificial selection 7998, 8003, 11742 reviews 7976	genetics 9400, 9402 linkage 9380	Clinopodium, taxonomy 10071
Chilo suppressalis	mutations 9400, 9402	Coffea, phylogeny 8629
Oryza sativa	Gossypium hirsutum, genetics 975	crops 4230, 10130
genetic engineering 471	Hordeum vulgare	Cucumis sativus 5974
genetic transformation 11854	induced mutations 4450, 10318	Dalechampia, phylogeny 11491
Chiloglottis trapeziformis, interspecific	mutations 236, 4453, 7883	Daucus carota, phylogeny 5830, 9540
hybridization 7565	Lens culinaris, induced mutations 1723	development 11400
Chiloglottis valida, interspecific hybridiza-	Lolium perenne 8128	Diospyros, phylogeny 12260 Eleusine, taxonomy 5566
tion 7565	Lycopersicon esculentum	Eucalyptus, phylogeny 7436
Chimaeras	genetics 5914	Fabaceae
Capsicum 6988 Cryptanthus 4162	induced mutations 4762	phylogeny 569, 1670, 5723
genetics 1366	Nicotiana tabacum 11509	taxonomy 2768
Gossypium barbadense 9920	Oryza sativa	Ferocactus, phylogeny 6375
Morus 9683	genetics 9251 induced mutations 9235, 9251	genetic transformation 10142, 11411
Potentilla 6310	somaclonal variation 6804	Glycine soja 11938
Ricinus communis, inflorescences 4985	Phleum pratense 8128	Gossypieae, phylogeny 3198
Solanum 6988	Pinus pinaster, gene expression 4081	Gossypium, phylogeny 3198
Chimonanthus, taxonomy 11234	Pisum sativum, mutations 11981	grasses, phylogeny 9299
Chionaspis pinifoliae, Pinus sylvestris 6289	Saccharum 6123	growth regulators 5202
Chitinase	Solanum tuberosum	Hordeum vulgare, RNA polymerase 2
Arabidopsis thaliana	genetics 13165	Iris, taxonomy 5120 Lathyrus
gene expression 7737 genetic transformation 7737	restriction fragment length polymor-	phylogeny 9349
Cucumis sativus	phism 13165	taxonomy 9349
gene expression 7113	Sorghum bicolor, mutations 333	Leucaena, taxonomy 2768
genetic transformation 774, 4790	Theobroma cacao, lethals 8630	light 5202
Daucus carota, gene expression 10759	Triticum aestivum, mutations 2425, 12728	Liquidambar, phylogeny 9959
Glycine max	Triticum durum, artificial selection 9039	Lotus, evolution 560
gene expression 4625	Vigna mungo, induced mutations 6974,	Lotus corniculatus, evolution 560
nucleotide sequences 4625	10724	Malus, phylogeny 3875
Nicotiana sylvestris	Vigna radiata, induced mutations 667	monocotyledons, phylogeny 2320
gene expression 3168	Zea mays 298, 1520	Musa 3926
genetic transformation 3168	induced mutations 10406	Nicotiana tabacum 939, 9879 gene expression 5004
Nicotiana tabacum gene expression 4031, 9889, 12405,	mutations 10449	NADH dehydrogenase 3164
13414	Chlorophyll a/b binding protein	photosynthesis 4020, 13425
genetic engineering 3696	Amaranthus hypochondriacus, genetic	RNA polymerase 13419
genetic transformation 4031, 8658,	transformation 480	Orchis, phylogeny 6368
11120, 13414	Arabidopsis thaliana, gene expression	Oryza 8991
mutations 11120	626, 2347, 3403, 5257, 6496	Oryza sativa 387, 4230, 5578
Oryza sativa	Lycopersicon esculentum, gene expression 13212	Paeonia, phylogeny 1095
gene expression 4790, 9224	Nicotiana tabacum	Paspalum dilatatum, taxonomy 511
gene location 4549	gene expression 2112	Paspalum notatum, taxonomy 511
genetic engineering 4790	genetic transformation 6496	Pelargonium, phylogeny 12507
genetics 4549	Pisum sativum	Penstemon 13555
nucleotide sequences 9224	gene expression 480, 626	Phaseolus, phylogeny 11975
Psophocarpus tetragonolobus gene expression 8305	genetic engineering 480	Pinus banksiana, statistics 1030
nucleotide sequences 8305	Triticum aestivum, gene expression 6496	Pinus contorta, statistics 1030 Pinus flexilis, gene flow 1033
Rosa hybrida, genetic transformation	Zea mays, gene expression 4500	Pinus pinaster 13505
12510	Chloroplast genetics 31, 10231	Pinus resinosa 11197
Solanum tuberosum	Abies, microsatellites 6297	Poa hartzii, evolution 6857
gene expression 3795	Abies kawakamii 12478	Poaceae 8991
nucleotide sequences 3795	Actinidia	phylogeny 485
Trifolium repens	phylogeny 7213	Psilanthus, phylogeny 8629
gene expression 3696	taxonomy 7213 Allium	Quercus
genetic transformation 3696	phylogeny 5879	geography 2159
Vitis labruscana, genetic transformation 7208	taxonomy 9565	phylogeny 2159
Vitis vinifera, genetic transformation	Allium cepa, cytoplasmic male sterility	Quercus petraea 7437
7208	716	gene flow 9945
Zea mays, genetic engineering 4031	Allium vavilovii, cytoplasmic male steril-	geography 9945 Quercus robur 7437
Chloris gayana	ity 716	gene flow 9945
cultivars	angiosperms, evolution 2323	geography 9945
Finecut 8157	Apioideae, phylogeny 9540	Rubus, phylogeny 6015
Nemkat 8158	Aquilegia, gene flow 1081	Satureja, taxonomy 10071
Topcut 8159	Arabidopsis thaliana 11416	Scilla, taxonomy 11290
digestibility 4588	DNA binding proteins 5222	Sinapis alba, RNA polymerase 4962
Chlorophyll	gene expression 5232	Solanum
Alopecurus pratensis 10599	nucleotide sequences 5232	phylogeny 1766-1767, 2964
Arabidopsis thaliana 11509 gene expression 6509	Asplanium trichomanes 11323	taxonomy 12117
mutations 6509	Asplenium trichomanes 11323 Astragalus, taxonomy 2767	Solanum bulbocastanum, taxonomy 1
Arachis hypogaea	Astragalus molybdenus, taxonomy 2767	Solanum cardiophyllum, taxonomy 1'
genetics 12326	Atractylodes, phylogeny 12562	Solanum melongena
induced mutations 7326	bamboos, phylogeny 4197, 7614-7615	phylogeny 2964 taxonomy 12117
mutations 12326	Rauhinia phylogeny 6250	Calaman takan coos

hloroplast genetics cont.	Chromosome aberrations cont.	Chromosome addition cont.
Solanum tuberosum cont.	Allium cepa 2368, 10222, 10777, 13188	Triticum aestivum 268, 2406, 4364-4365,
viruses 5795	carbaryl 12070	5340, 5344, 6611, 7793, 9020,
Solanum (tuberous species)	potassium 2928	9095, 12774
phylogeny 1768 viruses 5795	techniques 10220	aluminium 6691
Spinacia oleracea 2940, 8357	toxic substances 2928, 12070	barley yellow dwarf luteovirus 6648
statistics 1030	Allium fistulosum 2924	carotenes 11522
Stylosanthes	Arachis hypogaea 4981	DNA hybridization 2414 nutrients 3542
phylogeny 11919	Asparagus officinalis 10798	Puccinia recondita 3506
taxonomy 11919	Betula pendula 9935 Bougainvillea 3255	toxic substances 6691
Thymus vulgaris 8854	Capsicum annuum 2968	zinc 3542, 4373
Turnera ulmifolia 9819	Cuphea tolucana 9821	Triticum durum 2408
Zea mays 1486, 2556, 9143	Cuphea wrightii 9821	Zea mays
Zoysia 2728	Elymus canadensis 4583	polymerase chain reaction 12868
hloroplast processing enzyme	Elymus sibiricus 4583	techniques 12868
Nicotiana tabacum	Ginkgo biloba 6300	Chromosome banding
gene expression 13423	Glycine max 5732	Aegilops comosa 2485
genetic transformation 13423	Hemerocallis citrina, sterility 10027	Aegilops crassa 2485
hloroplasts	Lilium 10036	Aegilops speltoides 11562
Achillea 1153	Nicotiana tabacum, induced mutations	Aegilops tauschii 2485, 3511
Arabidopsis thaliana	4025	Aegilops umbellulata 2484
gene expression 10144, 10205 mutations 10144	Nigella damascena 3272	Allium ampeloprasum 4727
nucleotide sequences 10205, 11429	Nymphaea 10052	Allium atroviolaceum 4727
Brassica oleracea 4738	Oryza sativa 1573	Allium commutatum 4727, 7030 Alstroemeria 13575
Hamatocactus setispinus, induced muta-	Passiflora amethystina 4933	Avena sativa 4469
tions 3308	Passiflora edulis 4933	Chamomilla recutita 8831
Hordeum vulgare, mutations 4453	Phlox drummondii 7528	Cucumis sativus 7108, 13259
Nicotiana tabacum	Picea abies 9981-9982, 13514	Deschampsia flexuosa 5675
gene expression 3165, 12380	Pinus nigra 9965, 9972	Deschampsia stricta 5675
genetic engineering 3165	Pinus sylvestris 9935, 9970, 9972-9973	Elymus hispidus 5338, 10267
nucleotide sequences 3165	Populus 9951	wheat streak mosaic rymovirus 4436
Oenothera	Populus balsamifera 9950	Hordeum vulgare 233
mutations 1079	Populus deltoides 9950	Hystrix coreana 5673
restriction fragment length polymor-	Populus trichocarpa 9950	Hystrix patula 5673
phism 1079	Quercus robur 9935, 9946	Malus sikkimensis 5987
Oryza sativa	reviews 12680-12681	Medicago caerulea 2735
gene expression 3624, 10534	Secale cereale 6690, 10342, 11684	Medicago falcata 2735
nucleotide sequences 384, 10534	Solanum villosum 5135	Medicago sativa 6883
Raphanus sativus	Sorghum bicolor 8010	Nelumbo nucifera 10772
gene expression 8337	Tradescantia induced mutations 3307	Ornithogalum 7552 Paeonia delavayi 7503
nucleotide sequences 8337  Secale cereale, mutations 12820	techniques 10221	Paeonia rockii 6311
Zea mays, mutations 1510	Trigonella foenum-graecum 6386	Paeonia suffruticosa 6311
Chlorosis	triticale 10342	Picea abies 9976
Arachis hypogaea 8573	Triticum aestivum 2411, 5341, 6615,	Picea omorika 9976
Cicer arietinum, genetics 650	10342	Psathyrostachys huashanica 9316
Glycine max, gene mapping 5735	Triticum durum 5341	Psathyrostachys juncea 2720, 9316
Lens culinaris, genetics 10703	Vicia faba 10666	Sternbergia candida 6354
Phaseolus vulgaris 8267	Zea mays 11718	Sternbergia fischeriana 6354
Vigna radiata 671	induced mutations 10395, 10405,	Thinopyrum distichum 2408
hlorsulfuron	10407	Triticum aestivum 10267, 11562
Arabidopsis thaliana, genetic transforma-	Zephyranthes 6355	wheat streak mosaic rymovirus 4436
tion 12634	Chromosome addition	Triticum durum 2408, 5338
Brassica napus 13352	Aegilops, zinc 4373	Zea mays 9151, 10402, 10410
Cichorium intybus	Aegilops comosa 12774	Chromosome breakage
gene expression 732	Aegilops cylindrica 9020	Aegilops, genetics 10271 Tradescantia hirsutiflora 11324
in vitro selection 732	Aegilops markgrafii 4365	Tradescantia subacaulis 11324
Linum usitatissimum (flax), genetic trans- formation 3208	Aegilops ovata 6611	Triticum aestivum 2411
Triticum aestivum 12771	Aegilops umbellulata 4364	genetics 10271
Cholera toxin, Solanum tuberosum, genetic	Allium cepa 2923	Chromosome elimination
transformation 3786	Allium fistulosum 2926	Arabidopsis thaliana 4948
Cholesterol oxidase, Nicotiana tabacum,	Avena sativa	Brassica napus (rape) 4948
genetic transformation 6190	polymerase chain reaction 12868	Elymus sibiricus 2405
holine monooxygenase	techniques 12868	Lotus corniculatus 8217
Spinacia oleracea	Beta patellaris 2087	Medicago sativa 8217
gene expression 1811	Beta procumbens 2087	Secale cereale 9122
nucleotide sequences 1811	Beta vulgaris 2087 Beta vulgaris (sugarbeet) 6157	Solanum acaule 12024
holine oxidase, Arabidopsis thaliana,	Brassica campestris 726	Solanum tuberosum 12024
genetic transformation 8957	Brassica oleracea 726	Thinopyrum distichum 9122
holine-phosphate cytidylyltransferase	Elymus, zinc 4373	Chromosome fragments (see Aneuploidy)
Pisum sativum	Elymus elongatus 5340	Chromosome maps (see Gene mapping; Linkage)
gene expression 9488	barley yellow dwarf luteovirus 6648	Chromosome morphology
nucleotide sequences 9488  horeutis pariana, Malus 5999	Elymus farctus 5340	Abies 9962
thromatids (see also Sister chromatid	Hordeum vulgare 2501	Allium ampeloprasum 2925
exchange)	Leymus racemosus 2406, 7793	Allium ascalonicum 5865
hromatin	Lycopersicon esculentum 2878, 12096	Allium cepa 3806
Arabidopsis thaliana 12619	Oryza sativa 8050, 10538	Allium commutatum 7030
gene expression 7692	DNA hybridization 8045	Allium nutans 5864
Nicotiana plumbaginifolia 7382	Psathyrostachys juncea 5344	Allium sativum 715
Phaseolus vulgaris, gene expression	Secale cereale 268	Aloe barbadensis 4059
10670	nutrients 3542	Amaryllis 5118
Pisum sativum, peptides 11979	zinc 3542	Arabidopsis thaliana 6487
Zea mays 3555, 5504, 10488, 12619	Solanum tuberosum 2878, 5799	DNA hybridization 5242
hromatomyia horticola, Pisum sativum	Thinopyrum distichum 2408	repetitive DNA 5242
10693, 13127	triticale nutrients 3542	Astragalus adsurgens 11920 Brassica campestris, fluorescence in situ
hromosome aberrations 5273	zinc 3542	hybridization 7278
Albizia procera 5065	LINE JJTL	

Arachis palustris 12324

Chromosome pairing cont. Chromosome morphology cont.

Brassica nigra, fluorescence in situ
hybridization 7278 Chromosome number cont. Lolium perenne 6865 Arachis praecox 12324 Lolium temulentum 5657 Asparagus, taxonomy 12550 Lycopersicon esculentum, mutations 5913 Boehmeria nivea 2151 Brassica oleracea, fluorescence in situ Lycoris africana 11281 Lycoris radiata 11281 Brassica juncea 8505 hybridization 7278 Camellia 7504 Bupleurum falcatum 8833 Mammillaria 2228, 6374, 7571 Ceratozamia mexicana 7487 Chrysanthemum morifolium, Den-Oenothera picensis 2209 Oenothera villaricae 2209 dranthema shiwogiku 1084 Colocasia esculenta 5844 cereals 4304 evolution 399 Oryza 9237 Chamaecyparis formosensis 7486 Citrus 1987, 6049 Crambe abyssinica 8505 Oryza sativa, gene mapping 4297 Paspalum chaseanum 6874 Crinum defixum 12532 Crinum pratense 12532 Dactylis glomerata 6858 Clematis orientalis 2195 Paspalum dilatatum 9317 Clematis vitalba 2195 Paspalum juergensii 9317 Clematis viticella 2195 Coffea arabica 12370 Crinum defixum 12532 Elaeis guineensis, somaclonal variation 897 Paspalum malacophyllum 9317 Elymus grandis 4584 essential oil plants 6376 Faidherbia albida 7455 Pinus sylvestris 9970 Crinum pratense 12532 Cucumis sativus 7108, 13259 Cupressaceae 9989 Pisum sativum 2831 reviews 11485 gymnosperms 6280 Helianthus schweinitzii 3115 Ribes 9670 Cymbopogon jwarancusa 7601 Dasypyrum villosum 8160 Dendranthema morifolium 8832 Rubus nikaii 1926 Hippeastrum 12533 Rubus parvifolius 1926 Hordeum vulgare, somaclonal variation Rubus phoenicolasius 1926 Drosera 12546 241 Saccharum 2078 Secale cereale 3450, 5307, 8993, 10266, Elymus grandis 4584 Fritillaria persica 2223 Gossypium 3194 Huernia 7572 Hypericum perforatum, somaclonal variation 10056 11561 DNA hybridization 272, 10266 gymnosperms 5081 Hemerocallis forrestii 8815 Hemerocallis multiflora 8815 mutations 10266 triticale 5307 Lilium 10036 Marrubium vulgare 2232 Triticum aestivum 155, 1399, 3450, 4349, 10266, 11562 amplified fragment length polymorphism 6610 medicinal plants 6376 Melocactus 10045 Monarda 7602 Musa 1972 Hemerocallis plicata 8815 Hibiscus asper, evolution 8693 Hibiscus cannabinus, evolution 8693 phism 6610 DNA hybridization 154, 272, 10266 gene mapping 4297 genetics 9017 Hibiscus surattensis, evolution 8693 Hippeastrum 5118-5119 Nelumbo nucifera 10772 Oryza 6773 Oryca sativa, somaclonal variation 6804
Paspalum 5674
Phaseolus 6928
Phleum pratense 6858
Picea 6279 Hordeum vulgare 2499 Huernia 7572 mutations 10266 Hystrix coreana 5673 Hystrix patula 5673 Triticum araraticum 10268 Triticum durum 11561, 11564 Juniperus deppeana 7486 Larix 9962 Triticum monococcum 10268 Pinus 6279 Triticum sphaerococcum 4349 Lens culinaris 10700 Poa alpina 488 Triticum timopheevii 4349 Libocedrus macrolepis 7486 Polymnia sonchifolia 8341 Vigna radiata 10721 Potentilla peduncularis 2214 Prosopis 7455 Rubus 7162, 10939, 12202 Salix 9953 Lycopersicon esculentum, fluorescence in Vigna umbellata 10721 situ hybridization 7059 Melocactus 10045 Zea 10394 Zea mays 2568 Mexipedium xerophyticum 3304 induced mutations 10406 Microcycas calocoma 7487 Monarda 7602 Secale cereale 5307 Sesbania 9345 Zea mexicana 2568 Zephyranthes 6355 Sorghum bicolor 8011 Stapelia 7572 Stultitia 7572 Musa 6042 Chromosome substitution Nelumbo nucifera 10772 Aegilops speltoides, Erysiphe graminis 4429 Oryza meyeriana 437 Oryza sativa 399, 3618 Paeonia rockii 6311 Thymus 6391 Amblyopyrum mutica, Erysiphe graminis 4429 *Tripsacum* 4516 triticale 274, 5307, 10343 Dasypyrum villosum, Triticum aestivum, Erysiphe graminis 5413 Elymus hispidus 12725 Paeonia suffruticosa 6311 Phalaris coerulescens 503 Phaseolus 6928 Triticum durum 11558 Triticum timopheevii, somaclonal varia-tion 7794 Elymus hispidus 12725
barley yellow dwarf luteovirus 2476
Gossypium barbadense, quality 7409
Secale cereale 268
triticale, glutenins 7919
Triticum 6613
Triticum aestivum 268, 11563, 12725
aluminium 1423
barley yellow dwarf luteovirus 24762477
cold registance 6637, 11630 Picea 9962 Picea abies 9975 Ulmus 6273 Zea mays, techniques 6708 Zingiber officinale 12564 Pinus 9962, 9967 Pinus sylvestris 9969 Plantago lessingi 6378 Chromosome pairing
Aegilops speltoides 11562 Secale cereale, fluorescence in situ hybridization 2526 Allium cepa 3806 Sesbania 9345 Avena eriantha 6636 Sorghum bicolor 5308, 8011 Avena insularis 10336 cold resistance 6637, 11630 Erysiphe graminis 4429 Gibberella zeae 1431 Stapelia 7572 Avena magna 10336 Sternbergia clusiana 1110 Avena maroccana 6636 Sternbergia colchiciflora 1110 Stultitia 7572 Avena nuda 6636 glutenins 3471
Pseudocercosporella herpotrichoides Avena sativa 10336 Taxodiaceae 9989 Brassica napus 7277 techniques 10119 Brassica napus (rape) 3090 11645 Tradescantia pallida 12547 Capsicum annuum 5945 quality. 3471 Trigonella foenum-graecum 11334 Triticum durum 153 Capsicum chinense 5945 salinity 1424 Capsicum lanceolatum 5944 secalins 2528 Triticum timopheevii, somaclonal variation 7794 Cenchrus ciliaris 9318-9319 spring and winter habit 1407, 9034 Coffea arabica 12370 vernalization 9032, 9034 Valeriana jatamansii 7580 Valeriana officinalis 7580 Zea mays 9151, 10412, 12872 Zea mays (popcorn) 5308 Zingiber officinale 12564 Chromosome number Acacia 7455 Actividia 4898 Dasypyrum villosum 11561 yield components 1407 Dendranthema morifolium 8832 Triticum dicoccoides 3481 Dendranthema morifolium 8832
Diplotaxis catholica 7277
Elymus 6871
DNA hybridization 154
Festuca arundinacea 6865
Glycine max, linkage 9380
Gossypium 12413
Gossypium hirsutum 9919, 12413
Hordeum marinum 8993
Hordeum vulgare, gene mapping 4297
Kengyilia rigidula 11887
Lathyrus 5712
Leymus 6871 Triticum durum 3481 quality 3481 Triticum spelta spring and winter habit 9034 vernalization 9034 Actinidia 4888 Triticum turgidum, yield components Aegilops ventricosa 11558 3462 Aeschynomene 1667 Chromosome translocation 110 Agrostis 6873 Aegilops comosa, restriction fragment length polymorphism 9021 Agrostis alpina 2731 Agrostis rupestris 2731 Aegilops speltoides Alchemilla 4175 Leymus 6871 Erysiphe graminis 214 Fusarium 214

Lolium multiflorum 5657

Chromosome translocation cont.	Chrysanthemum morifolium cont.	Cicer arietinum cont.
Aegilops speltoides cont. Puccinia recondita 214	Aphis gossypii 13569 colour	growth period, mutations 642
Arabidopsis thaliana, genetic transforma-	mutations 10010	height, mutations 642 Helicoverpa armigera 651
tion 10160	random amplified polymorphic DNA	genetics 8287
Avena sativa, Puccinia coronata 3536	10010	germplasm releases 1732
Beta vulgaris (sugarbeet)	Dendranthema shiwogiku	herbicides, in vitro selection 1673-1674,
beet necrotic yellow vein furovirus 929	chromosome number 1084	5778
Cercospora beticola 929	intergeneric hybridization 1084, 10013	induced mutations 13135
Heterodera schachtii 929	flowers	insects, genetic markers 13138 interspecific hybridization 638, 6955
Elymus, Aceria tulipae 4441	mutations 10010	iron, genetics 650
Elymus hispidus, wheat streak mosaic	random amplified polymorphic DNA	irrigation 1727
rymovirus 4436	10010	isoenzymes, polymorphism 8235
Gossypium hirsutum 7405 Hordeum vulgare 4451	Frankliniella occidentalis 2219	leaves, genetics 11994, 13136
Melilotus 9337	induced mutations 1083 leaves 1083	maleic acid 5776-5777
Muscari comosum 11283	Puccinia horiana 6346	Meloidogyne incognita 1731 microsatellites 4667, 6463
Nicotiana repanda 946	Septoria chrysanthemella 6344	monocrotophos, in vitro selection 1673
Nicotiana tabacum 946	variety trials 1074	mutagens 2846, 10710, 13135
Pennisetum glaucum 11762	Chrysodeixis acuta, Glycine max 6918	nitrogen 647
Pisum sativum 2834, 11980	Chrysodeixis includens, Glycine max, genet-	nodulation 4668, 6953
polymorphism 94 Psathyrostachys juncea 5344	ics 11959  Chrysonogon clonal variation random	artificial selection 647
Secale cereale 2525, 3450	Chrysopogon, clonal variation, random amplified polymorphic DNA 12570	genetics 9494 nutrients 647
DNA hybridization 272	Chusquea	nutritive value 3705
restriction fragment length polymor-	flowering 6395	ovule culture 638
phism 4362	genetic resources 6396	pathogenesis-related proteins 5775
selection 94	phylogeny 6396	phytoalexins 4670, 6954
Tripsacum dactyloides 11717 triticale 273	chloroplast genetics 4197	pollen germination 639
Triticum aestivum 6559	Chusquea perotensis, taxonomy 3336 Cicer	Pratylenchus thornei 13140 quality 3705, 10709
Triticum 5339	chemotaxonomy 11995	induced mutations 10710
Triticum aestivum 3450, 4360, 5344	cold resistance 4669	radiation 10710
Aceria tosichella 11640	fungi 4669	respiration, induced mutations 2846
Aceria tulipae 4441	germination 635	restriction fragment length polymorphism
DNA hybridization 272	Heterodera ciceri 4669	4667
Erysiphe graminis 214 Fusarium 214	insects 4669 isoflavones 11995	Rhizobium 4668, 6953 salinity 2847, 3764
genetic markers 9016, 10270	seed production 635	somatic embryogenesis 646
gliadin 12723	Cicer arietinum	source sink relations, artificial selection
glutenins 9049, 12723	Ascochyta rabiei 2848, 3765, 5770-5772,	6553
growth period 5357	5775-5777, 6954, 12000-12003,	stems, mutations 641
polymerase chain reaction 9016	12006	stress, artificial selection 6553
Puccinia recondita 214 quality 2447, 9050	genetic markers 12004, 12007, 12588 genetics 8287, 13139	tissue culture 645-646, 3763-3764 tubulin
restriction fragment length polymor-	germplasm releases 1729	gene expression 10707
phism 4362, 9021, 11549	atrazine, in vitro selection 1673-1674,	nucleotide sequences 10707
water balance 163	5778	variety classification, molecular genetics
wheat streak mosaic rymovirus 4436,	breeding 634	11993
11640 yield components 163, 5357, 9050,	centres of diversity 4667 chlorosis, genetics 650	variety trials 648 yield components
12734	cold resistance	artificial selection 643, 6950
Triticum durum, glutenins 9049	genetic markers 13138	genotype environment interaction
Triticum turgidum 6566	germplasm releases 1729	9493, 10708, 10712
yield components 3462	colour	heritability 10708
Zea mays 10413-10414, 11717	genetics 13136	multivariate analysis 5773
endosperm 10392 Chromosome transmission	mutations 641 cultivars	stability 9493, 11996 yield correlations 644, 5774, 13137
Aloe aristata 3306	Barichhola-4 13132	yields, stability 6952, 10711
Elymus sibiricus 4352	Barichhola-5 13133	Cicer echinospermum, Callosobruchus
Gasteria lutzii 3306	Barichhola-6 13134	chinensis, germplasm releases 1733
Lycopersicon esculentum 5799	chickpeas 13131	Cicer pinnatifidum
Saccharum 2078	Dwelley 5770	interspecific hybridization 638
Secale cereale, accessory chromosomes 6689	Myles 5772 Sanford 5771	ovule culture 638  Cicer reticulatum, interspecific hybridization
Silene pratensis, sex chromosomes 10014	development	6955
Triticum aestivum 5342, 7797	gene expression 637, 10707	Cichorium endivia
Zea mays, accessory chromosomes 10408	induced mutations 2846	interspecific hybridization 5898
Chromosome walking	nucleotide sequences 637, 10707	variety trials 733-734
Arabidopsis thaliana 42	diseases, genetic markers 11998	Cichorium intybus amplified fragment length polymorphism
Glycine max 9375	drought resistance 1728, 11997 embryo culture 645	4753
Heterodera glycines 5744 Chromosomes	ethyl methanesulfonate 2846	anther culture 7052
Glycine max, techniques 9383	flowering, genetics 640	chlorsulfuron
Hordeum vulgare, telomerase 11521	flowers	gene expression 732
Secale cereale, techniques 7909	genetics 11994	in vitro selection 732
Zea mays, telomerase 11521	mutations 641 formothion, <i>in vitro</i> selection 1673	cultivars 6549 cytoplasmic male sterility
Chrysanthemum (see also Dendranthema)	fungi 648	mitochondrial genetics 2942
Frankliniella occidentalis 2218 genetic resources 8763	Fusarium oxysporum 649, 4670, 8288	restriction fragment length polymor-
nomenclature 4141	gene mapping 6955, 11999	phism 2942
taxonomy 6340	genetic markers 1730, 12005	fructans, genetic transformation 5435
Chrysanthemum frutescens, Uredo 5111	genetics 8287, 9495	gene mapping 5898
Chrysanthemum indicum	germplasm releases 1729	genetic transformation 4752
genetic transformation 12512	linkage 11999 random amplified polymorphic DNA	harvesting date 3824 herbicides
tissue culture 12512 Chrysanthemum morifolium	1730, 11999, 12005	gene expression 732
Agrobacterium tumefaciens, genetic	repetitive DNA 6955	in vitro selection 732
transformation 12514	gamma radiation 2846	incompatibility 12087
Alternaria 6344	genetic transformation 636, 6951	interspecific hybridization 5898

Cichorium intybus cont.	Citrullus lanatus cont.	Citrus limonia
inulin 731	tissue culture 774	interspecific hybridization 6051
levansucrase, genetic transformation 5435	watermelon mosaic 2 potyvirus	leaves 6051
nitrogen 9580	germplasm releases 5968	Poncirus trifoliata, intergeneric hybridi
nutrients 9580	8389	zation 3068
random amplified polymorphic DNA	Citrus	rootstocks 3068
4753, 7052	Alternaria alternata 851	Citrus maxima
sugars 731	artificial selection 9702	Antheraea pernyi, genetic transformation
variety trials 13203	breeding 6046	9705
Cimicifuga	chromosome morphology 1987, 6049	bacteria, genetic transformation 9705
chemotaxonomy 3285	citrus tristeza closterovirus, gene map-	citric acid
fatty acids 3285	ping 3069	genetic markers 6053
seeds 3285	cryopreservation 849, 4913, 7226	genetics 6053
Cimicifuga nanchuanensis, flowering 6335	cultivars *	cultivars
Cinara cupressi	Winling Gaocheng 3935	Hongxinyou 3934
Cupressus lusitanica 4099	Wuhe Xuegan 12250	Longdu Zaoxiangyou 9703
genetics 4102	Deuterophoma tracheiphila 12255	Pomelit 845
heritability 4102	Diaprepes abbreviatus 6057	Shuyou 10965
Cinnamomum burmannii, nomenclature	embryo culture 7226	Citrus meletensis, evolution 7227
7607	essential oils 3941	Citrus nobilis, interspecific hybridization
Cinnamomum heyneanum, nomenclature	fruits 9708	10969
7607	glycoproteins 12255	Citrus paradisi
Cinnamomum kanehirae, isoenzymes,	graft hybridization 10968	flavanones 3940
genetic variation 1020	habit 9708	interspecific hybridization 3940-3941
Cinnamomum zeylanicum	in vitro culture 9710	isoflavone reductase
quality 13595	interspecific hybridization 9702, 12251	gene expression 7222
yields 13595	male sterility, nucleocytoplasmic interac-	nucleotide sequences 7222
Cinnamoyl-CoA reductase	tion 3938	Penicillium digitatum 7222
Eucalyptus gunnii	molecular genetics 2333	ultraviolet radiation 7222
gene expression 5052	multivariate analysis, essential oils 6052	Citrus reticulata
genetic engineering 5052	nomenclature 10972	catechol oxidase 9711
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Phaeoramularia angolensis 4916	cultivars
tion 5052		Egan-1 3933
Zea mays	Phyllocnistis citrella 3943, 6056	Pengjia-39 1986
gene expression 12865	phylogeny	Tay1 8465
nucleotide sequences 12865	random amplified polymorphic DNA	cytology 848
Cinnamyl-alcohol dehydrogenase	9707	fruits, storage 3939
Eucalyptus gunnii	restriction fragment length polymor-	genetic markers 10967
gene expression 6265	phism 9707	insects
nucleotide sequences 6265	Phytophthora nicotianae 6054	gene expression 9713
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	polyembryony 9702	genetic transformation 9713
tion 12393	polyploidy 9710	ovule culture 8469
Petroselinum crispum	Poncirus trifoliata, intergeneric hybridi-	protoplast fusion 848
gene expression 7598	zation 3069	quality 9711
nucleotide sequences 7598	protoplast fusion 4911, 12251	seeds, storage 3939
Pinus sylvestris, gene expression 12472	random amplified polymorphic DNA	taxonomy 10967
Populus	9704, 10969, 12251	tissue culture 1989
gene expression 7448	ribonucleases, genetic transformation	Citrus sinensis
genetic transformation 7448	11507	abscission
Zea mays	rootstocks 3943	
gene expression 10436	seedlessness, genetic transformation	gene expression 8468
nucleotide sequences 10436	11507	nucleotide sequences 8468
Circadian rhythm	taxonomy 4914	Antheraea pernyi, genetic transformation 9705
Arabidopsis thaliana, gene expression	tissue culture 9709	aroma 8470
2338	Tylenchulus semipenetrans 6055	hootoria ganatia transformation 0705
gene expression 8901	Xanthomonas axonopodis 3942	bacteria, genetic transformation 9705
Cistus, cultivars 5089	yields 9708	cold resistance 4915
	Citrus aurantifolia, genetic transformation	cryopreservation 4913
Cistus ladanifer, flavonoids 1211 Citric acid	9706	cultivars
Citrus maxima	Citrus aurantiifolia	Fengyuan 91-1 3932
	gene banks 13315	Nai 92-1 3936
genetic markers 6053	genetic transformation 846	Navel-4 1984
genetics 6053	tissue culture 1989	Rohde Summer Navel 10966
Citropsis gabunensis	Citrus aurantium	Yuechi 78-1 1985
somatic embryogenesis 850	citrus tristeza closterovirus	Yueyin-2 3936
tissue culture 850 Citrullus colocynthis	gene expression 847	Yueyin-3 3936
	genetic transformation 847	embryo culture 7225
genetic transformation 784	embryo culture 12254	esterases, polymorphism 7223
restriction fragment length polymorphism	essential oils 8467	Fortunella crassifolia, intergeneric
2976	flavanones 3940	hybridization 4915
tissue culture 784	interspecific hybridization 6051	fruits 9712
Citrullus lanatus		gene expression 1988
colour	isoenzymes 8467	nucleotide sequences 1988
artificial selection 1866	leaves 6051	genetic transformation 4910
genetics 1866, 5967	plant embryos 12254	β-glucanase
cultivars, Jixigua-4 2975	variety classification 8467	gene expression 8468
Fusarium oxysporum 13245	Citrus clementina	nucleotide sequences 8468
genetic resources 13245	interspecific hybridization 3941, 6048	interspecific hybridization 6048, 6051
glucose-1-phosphate adenylyltransferase	protoplast fusion 6048	leaves 6051
gene expression 10846	Citrus deliciosa, interspecific hybridization	nucleolus organizer 10971
nucleotide sequences 10846	3941, 10969	pectinesterase
gynoecium 13244	Citrus depressa	gene expression 8466
heat shock proteins	flavanones 3940	nucleotide sequences 8466
gene expression 4787	interspecific hybridization 3940	peroxidases 7224
nucleotide sequences 4787	Citrus exocortis viroid, Lycopersicon	Poncirus trifoliata, intergeneric hybrid
peroxidases 8389	esculentum, gene expression 5926	zation 6050
Phytophthora capsici 12132	Citrus halimii, tissue culture 4912	protoplast fusion 6048
pollination 1865, 7104	Citrus jambhiri	quality 7221, 9712
polyploidy 1865	cytology 848	
restriction fragment length polymorphism	protoplast fusion 848	ribosomal DNA, DNA hybridization 6050
2976	Citrus latifolia, gene banks 13315	ripening
sex 13244	Citrus limon, gene banks 13315	ripening

citrus sinensis cont.	Cleome gynandra	Coconut lethal yellowing, Cocos nucifera
nucleotide sequences 1988	breeding, books 10105 genetic resources, books 10105	12320 Cocos nucifera
somatic embryogenesis 7224 thiamin	Clerodendrum, phylogeny, chloroplast genetics 3258	abnormal development 13374 amino acids 6099
gene expression 1988	Clethodim, Avena fatua 4473	amplified fragment length polymorphism
nucleotide sequences 1988	Clianthus, phylogeny 10001	7321
tissue culture 4910, 8470 variety classification	Clianthus puniceus gynoecium 12503	breeding 6098 clines 899
esterases 12253	pollination 12503	coconut lethal yellowing 12320
peroxidases 12253	Climate	embryo culture 13374
yields 7221	Helianthus annuus 9804	fruits 899
Citrus sunki	Pinus banksiana 1036	multivariate analysis 12320
interspecific hybridization 6051 leaves 6051	Prunus avium 3889 temperate fruits, conferences 11345	genetic resources 6098, 7320 peptidases 11040
Severinia buxifolia, intergeneric hybridi-	Triticum aestivum 6599, 12731	peroxidases 11040
zation 10970	Zea mays 12890	Pestalotiopsis palmarum 6099
Citrus tristeza closterovirus	Clines	Phyllachora torrendiella 11041
Atalantia ceylanica, restriction fragment	Abies sachalinensis, isoenzymes 1049 Cocos nucifera 899	plant introduction 8541
length polymorphism 4917  Citrus, gene mapping 3069	Parthenium glomeratum 12432	proteins 11040 restriction fragment length polymorphism
Citrus aurantium	Parthenium hysterophorus 12432	9807
gene expression 847	population genetics 97	somatic embryogenesis 13375-13376
genetic transformation 847	Salvia fruticosa 4192, 11337	Sphaerodothis acrocomiae 11041
Fortunella crassifolia, restriction frag-	Clinopodium, taxonomy, chloroplast genetics 10071	tissue culture 7322 variety classification 4977
ment length polymorphism 4917  Poncirus trifoliata	Clitoria lactescens, nomenclature 13061	Codeine
gene mapping 852, 3069	Clodinafop, Avena fatua 4473	Papaver somniferum
genetic engineering 13316	Clonal variation 111, 114	genetics 1183
random amplified polymorphic DNA	(see also Somaclonal variation)  Acer rubrum, Empoasca fabae 4080	heritability 1183  Codonopsis
852 restriction fragment length polymor-	Chrysopogon, random amplified	pollen 3289
phism 4917	polymorphic DNA 12570	taxonomy 3289
Severinia buxifolia, restriction fragment	Festuca rubra	Coffea
length polymorphism 4917	rhizomes 4582	Colletotrichum kahawae, reviews 9872
Citrus unshiu	tillering 4582 forest trees 986, 1028	drought resistance 4009  Hemileia vastatrix, reviews 9872
catechol oxidase 9711 fruits	Hevea brasiliensis, Corynespora cassi-	hybrid varieties 9860
gene expression 3067	icola 3215	morphology 11100
nucleotide sequences 3067	Malus pumila, rootstocks 7128	phylogeny, chloroplast genetics 8629
interspecific hybridization 6048	Olea europaea 11042 Opuntia ficus-indica 855	pollen 11100 quality, reviews 9872
molecular genetics 3937 mutations 12252	Origanum vulgare, essential oils 13601	water balance 4009
protoplast fusion 6048	Pinus elliottii 1028	Coffea arabica
quality 9711	Pinus massoniana, yields 12465	artificial selection 9863
Cladosporium (see also Cercospora; Fulvia;	Polymnia sonchifolia, Erwinia chrysanthemi 4720	canopy 3159 cell culture 931
Venturia)	Prunus armeniaca	chlorophyll 4008
Cladosporium cucumerinum, Cucumis sativus 13269	fruits 1917	chromosome morphology 12370
Clarkia breweri	seeds 1917	chromosome pairing 12370
benzylacetate	Quercus chrysolepis, isoenzymes 4068 statistics 2372	Colletotrichum kahawae 3160, 5002, 9873
gene expression 10017	Trifolium repens 3697	genetics 9856
nucleotide sequences 10017 fragrance, gene expression 10017	Vetiveria zizanioides, random amplified	in vitro selection 931
Clarkia tembloriensis, pollination 5102	polymorphic DNA 7600, 12570	random amplified polymorphic DNA
Classification (see Taxonomy; Variety	Vitis vinifera 7191, 9674 plant composition 4878	932 development 9857
classification)	quality 3050-3051	fertility 9857
Clausena excavata	Cnaphalocrocis medinalis, Oryza sativa	genetic markers 9863
somatic embryogenesis 850 tissue culture 850	6848	genetic resources 9856
Clavibacter michiganensis, Solanum tuber-	Cnicus benedictus germination 1161	heavy metals 12371 Hemileia vastatrix 3160
osum 2883	seeds, storage 1161	genetics 9865
Clavibacter xyli	Coat proteins, Glycine max, nucleotide	hybrid varieties 7367
Saccharum 8604 Saccharum officinarum 2080	sequences 11937	interspecific hybridization 9860, 9864
Claviceps	Cobaea, phylogeny, ribosomal DNA 10022 Cochlearia (see also Armoracia)	leaves 3159 male sterility 5000
Sorghum bicolor 10508	Cochliobolus carbonum	Meloidogyne exigua 3160
Sorghum sudanense 10508	Arabidopsis thaliana, mutations 1327	plant composition 12372
Claviceps africana, Sorghum bicolor 1546, 4525	Zea mays 10488	plant embryos, cryopreservation 9858
Claviceps fusiformis	genetics 3581, 6725 molecular genetics 6725	polyploidy 3158, 4008 Pratylenchus 3160
Pennisetum glaucum 6742	Cochliobolus heterostrophus 7998	proteins
germplasm releases 10520	Zea mays 7958, 7998, 11735	gene expression 9861
Claviceps purpurea	Zea mays (sweetcorn) 12893	genetic engineering 9861
Secale cereale 4312, 12830 triticale 4312	Cochliobolus lunatus, Oryza sativa 4565 Cochliobolus miyabeanus	nucleotide sequences 9861 protoplast culture 931, 9868
Clematis cirrhosa, cultivars, Freckles 6307	Oryza sativa	Psilanthus ebracteolatus, intergeneric
Clematis integrifolia, nomenclature 6342	genetics 10571	hybridization 12369
Clematis jackmanii, cuttings 4106	heritability 3631	quality
Clematis orientalis, chromosome morphology 2195	Cochliobolus sativus Avena sativa 3535	artificial selection 9870 genotype environment interaction
Clematis vitalba, chromosome morphology	Hordeum vulgare 5406	9869
2195	artificial selection 12801	somaclonal variation 9870
Clematis viticella	genetics 3531	random amplified polymorphic DNA
chromosome morphology 2195	Triticum aestivum 3497, 5406	restriction fragment length polymorphism
cuttings 4106 Cleome	artificial selection 11647 genetics 3496, 5408	4999
pollen 8793	Cochliobolus spicifer, Oryza sativa 3657	seeds
pollination 8793	Cochliobolus victoriae, Avena sativa, genet-	cryopreservation 9858, 12368
taxonomy 8793	ics 10337	gene expression 9861

Vaccinium 7181

Coffee arabica cont.	Solanum tuberosum 10746	Medicago sativa 2741-2742
seeds <i>cont</i> . genetic engineering 9861	Spinacia oleracea	gene expression 5692
genetic engineering 9801	gene expression 9577	genetic transformation 5692
nucleotide sequences 9861	nucleotide sequences 9577	germplasm releases 10614
somatic embryogenesis 9867	Cold resistance 1254	Morus 7215
stomata 3158	Actinidia 3922	Oryza sativa 451, 453, 458, 3645, 3650
variety classification 12372	Actinidia deliciosa 4902	5619, 6798, 6829, 9281, 11836,
wide hybridization 9857	Alysicarpus vaginalis 1671	13002
xanthosine- $N^7$ -methyltransferase, nucleo-	Arabidopsis thaliana 4277	artificial selection 3646-3647, 11837
tide sequences 13410	gene expression 89, 5258, 7732-7734,	11847
yields 9857	10205, 10240, 11464, 11466,	gene expression 10240
Coffea bengalensis	12657	genetic transformation 11838
caffeine 8628	gene tagging 7733	heritability 11847
interspecific hybridization 8628	genetic transformation 2358, 7733,	in vitro selection 3642, 3649
Coffea canephora	8957	somaclonal variation 3648, 13001
artificial selection 4998, 9859	induced mutations 2358, 10205	Paspalum vaginatum 512
breeding 8627	mutations 11466	Phaseolus vulgaris
caffeine 8628	nucleotide sequences 10205, 12657	combining ability 2826
chlorophyll 4008	Avena sativa 7908	heritability 2826
development 9866	Brassica chinensis 10792	reciprocal effects 2826
β-glucuronidase	Brassica napus (rape) 9793	Pinus contorta 4090
gene expression 9862	artificial selection 6089	Pinus sylvestris 5074, 12471
genetic transformation 9862	chloroplast genetics 12290	Pisum sativum
heavy metals 12371	gene expression 12290	gene expression 4660
interspecific hybridization 8628, 9860,	germplasm releases 3098	nucleotide sequences 4660
9864	Brassica oleracea 1807	Prunus 12179
Perileucoptera coffeella	Cajanus cajan 6959	Prunus armeniaca 3007
gene expression 9862	Capsicum annuum 3850, 5940	artificial selection 7147
genetic transformation 9862	artificial selection 770	Prunus (cherries) 8428
plant composition 12372	Capsicum baccatum 3850	Prunus persica 10931, 12192-12193
polyploidy 3158, 4008	Capsicum frutescens 3850	Prunus (plums) 6007
stomata 3158	Carya illinoinensis, techniques 1255	Pyrus communis 10880-10881
variety classification 12372	cereals 5312	reviews 2304
variety trials 2096	conferences 6405	Rhododendron 1070, 13526
yields 9866	Cicer 4669	genetics 12509
Coffea costatifructa, seeds, cryopreservation	Cicer arietinum	Secale cereale 141, 5473
12368	genetic markers 13138	Solanum commersonii 2877
Coffea eugenioides, interspecific hybridiza-	germplasm releases 1729	Solanum sogarandinum, gene expression
tion 9860	Citrus sinensis 4915	9532, 10748
Coffea liberica caffeine, genetics 6159, 9871	Cucumis sativus 1883-1884, 13266-13267	Solanum tuberosum 2877
DNA 6158	genotype environment interaction 792  Cynodon dactylon 5669	gene expression 688, 9532
DNA hybridization 6158	Daucus carota 7754	genetic transformation 688
glycosides, genetics 6159, 9871	Desmodium heterocarpon 1671	Sorghum bicolor 9198
interspecific hybridization 6158-6159,	Diospyros kaki 4927-4928	Stenotaphrum secundatum
9871	Eucalyptus nitens	combining ability 9322
Coffea montekupensis, taxonomy 5001	gene mapping 2157	heritability 9322
Coffea pseudozanguebariae	restriction fragment length polymor-	reciprocal effects 9322
caffeine, genetics 6159, 9871	phism 2157	temperate fruits, reviews 2985
DNA 6158	Festuca arundinacea	Trifolium repens 1657, 8214, 8216,
DNA hybridization 6158	DNA hybridization 1631	11910
glycosides, genetics 6159, 9871	gene mapping 1631	triticale 5473, 11656, 12850-12851
interspecific hybridization 6158-6159,	Ficus carica 9685	Triticum aestivum 141, 2457, 2465, 343
9871	fodder plants 2695	3490, 3493, 4412, 5389, 5394,
Coffea racemosa, seeds, cryopreservation	Fortunella crassifolia 4915	5473, 7846, 7850, 11656
12368	Fortunella hindsi 4915	anther culture 5390
Coffea sessiliflora, seeds, cryopreservation	Fragaria ananassa 834, 4858, 10942	artificial selection 5392-5393
12368	gene expression 836	chromosome substitution 6637, 1163
Coincya monensis, nomenclature 12343	in vitro selection 4859-4860	combining ability 213
Coix lacryma-jobi	gene expression 16, 8893, 11377	gene expression 4408, 7851, 9061, 11634
DNA binding proteins, nucleotide	Gossypium 6221	gene location 9062
sequences 4571	Hevea brasiliensis 11171	gene mapping 2462, 4309, 5387,
pollination 5641	Hibiscus syriacus 4118	9066
wide hybridization 2682	Hordeum vulgare 3438, 7754, 12791	genetic markers 9066
yield components 6854 yield correlations 6854	gene expression 245, 249, 12792	genetic variance 213, 9063
Colchicine	gene mapping 249, 5443	genetics 206, 2462, 3488, 5386
Arachis hypogaea 9813-9814	genetic markers 7898	in vitro selection 5391
Brassica campestris (sarson) 8506	in vitro selection 247	linkage 5386
Capsicum annuum 5946	molecular genetics 5388  Juglans 13341	Triticum durum, combining ability 4409
Cymbidium 6364	Lactuca sativa 10797	Vaccinium 7179
Gloriosa superba, heritability 1167	Lagerstroemia indica, techniques 1255	Vigna unguiculata, genetics 664
Oryza sativa 12976	Lolium multiflorum 6864	Vitis 2305, 3053
Triticum aestivum, anther culture 12739	DNA hybridization 1631	Vitis vinifera 3052, 8455, 10951, 13300
Cold	gene mapping 1631	stability 8454
Arabidopsis thaliana	Lolium perenne 2713, 9303, 11880	Zea mays 1519-1520, 5528, 6721, 7950
gene expression 4276	artificial selection 11881	11733
molecular genetics 1325	heritability 11881	combining ability 9178
nucleotide sequences 4276	polyploidy 13034	Zea mays (sweetcorn) 4509
Glycine max 1689	Lonicera 4119	Coleus blumei
Lycopersicon esculentum	Lycopersicon esculentum 2956, 10824	aluminium 2229
gene expression 12108	gene expression 7071-7072	stress 2229
nucleotide sequences 12108	genetic variance 9601	toxic substances 2229
Malus pumila 803	heritability 9601	Coleus forskohlii, variety trials 11328
Medicago sativa, gene expression 6887	mutations 3835	Colletotrichum (see also Glomerella)
Nicotiana tabacum	nucleotide sequences 7071-7072	Stylosanthes 8220
gene expression 13413	Lycopersicon hirsutum 10823	Colletotrichum acutatum
genetic transformation 9577	Malus pumila 806, 5995, 7133-7135	Fragaria ananassa 12223
nucleotide sequences 13413	Medicago 9332	genetics 4861
Oryza sativa, genetics 2644	Medicago aculeata 531	Vaccinium 7181

Colletotrichum coccodes, Solanum tuber-	Colour cont.	Colour cont.
osum 13168	Chrysanthemum morifolium	Zea mays cont.
Colletotrichum graminicola Sorghum bicolor	mutations 10010	nucleocytoplasmic interaction 10455
genotype environment interaction	random amplified polymorphic DNA 10010	Combining ability  Anacardium occidentale, growth period
8897	Cicer arietinum	9753
mathematics 8897	genetics 13136	Arachis hypogaea
Zea mays, artificial selection 5539	mutations 641	nitrogen fixation 6103
Colletotrichum kahawae	Citrullus lanatus	photoperiodism 903
Coffee graphics 3160, 5002, 0873	artificial selection 1866	yield components 12328-12329
Coffea arabica 3160, 5002, 9873 genetics 9856	genetics 1866, 5967  Cryptomeria japonica, genetics 8724	Beta vulgaris (sugarbeet) quality 8619
in vitro selection 931	Cyclamen persicum 8814	sugars 11077-11078
random amplified polymorphic DNA	Daucus carota, genetics 5821	yield components 8619, 9831
932	Dendranthema, induced mutations 6334	yields 11077-11078
Colletotrichum lindemuthianum	Dendranthema grandiflora, induced	Brassica campestris (toria), yield comp
Phaseolus vulgaris 3744, 3746, 5755,	mutations 7534	nents 2020
8271, 9478, 13115-13116	Doritis pulcherrima 11315 Euphorbia pulcherrima 4113	Brassica (Chinese cabbages), Alternaria brassicae 8353
gene mapping 6936 genetic markers 4650	Eustoma grandiflorum, genetic transfor-	Brassica napus (rape), yield component
genetics 1705, 9479	mation 7531	3094, 7288, 9777, 13348
random amplified polymorphic DNA	Forsythia viridissima, somaclonal varia-	Brassica oleracea (cauliflowers), yield
4650, 6936	tion 7507	components 727
statistics 9471	Gerbera, genetics 1090	Brassica pekinensis, heat resistance 589
Colletotrichum musae, Musa 10964	Glycine max 9435, 13076	Cajanus cajan
Colletotrichum orbiculare, Cucumis sativus, gene expression 7113	epistasis 9414 genetics 9415	pigeonpea sterility mosaic virus 696 yield components 4671, 5779, 6960.
Colletotrichum trifolii	linkage 9389	12010
Medicago sativa 8197, 9325	mutations 9415	Capsicum annuum, yield components
artificial selection 8170	recombination 9389	5949, 5951, 10838, 12122-12123
Collinsia heterophylla	Gossypium, genetics 11149, 13464	Carthamus tinctorius, yield components
inflorescences, mutations 10019	Gossypium hirsutum	11039
leaves, mutations 10019	genetics 13464 multivariate analysis 8678	Cucumis sativus quality 7112
variegation, genetics 10019	Helianthus annuus, genetics 892	yield components 791, 7112, 13263
Colocasia, genetic resources 9507 Colocasia esculenta	Hibiscus cannabinus	Cucurbita pepo, yield components 1325
biotechnology 12703	genetics 3212, 4060	Cupressus sempervirens, Seiridium
chromosome number 5844	mutations 3212	cardinale 5084
cryopreservation 12688	Hordeum vulgare 11675	Cyamopsis tetragonoloba, yield compo-
esterases 9552	Ipomoea batatas 706	nents 1755, 5791  Eleusine coracana, yield components
isoenzymes 9552	Iris germanica, genetics 8813 Iris tectorum, genetics 8813	6744
genetic variation 12060	Juniperus 11210	Eucalyptus globulus, rooting capacity
variety classification 12060 morphology 5844	Linum usitatissimum (linseed)	7434
phylogeny 9552	genetics 3972	Eucalyptus grandis 8698
Phytophthora colocasiae 2913-2915,	linkage 3104	Eucalyptus urophylla 8698
7023	mutations 3104	Glycine max 5724 oils 9426
planting date 708	Lycopersicon esculentum, germplasm releases 4767	proteins 9426, 11949
protoplast culture 9551	Malus pumila, mutations 1907, 5990	seeds 11949
protoplast fusion 12059 quality 7023	molecular genetics 8899	yield components 1683
random amplified polymorphic DNA	Oryza sativa 6830	Gossypium
7022	genetics 431, 5595, 9251	insects 6245 yield components 977
somaclonal variation 9550-9551	induced mutations 1584, 5595, 9251  Pelargonium 13525	yields 6245
tissue culture 9550-9551	Pelargonium hortorum, genetics 11232	Gossypium hirsutum
variety trials 1794	Pennisetum glaucum, genetics 12919	Helicoverpa armigera 12418
yield correlations 2912	Petunia 8808	quantitative traits 3196
Colocasia gigantea esterases 9552	Phalaenopsis 11315	yield components 976, 12418, 12420
isoenzymes 9552	Pharbitis purpurea 12516	Helianthus annuus fatty acids 11032, 12302
phylogeny 9552	gene expression 12516  Phaseolus vulgaris 11973	quality 11032, 12302
random amplified polymorphic DNA	gene mapping 4646, 13111	salinity 12308
7022	genetics 2822, 3739, 4646, 10675	yield components 2035, 2038, 7306-
Colophospermum mopane, nomenclature	Pisum sativum	7307, 8535, 12302, 12308,
13499 Colour	gene location 624	12313
Agaricus bisporus, genetics 10089	techniques 628	Hibiscus cannabinus, yield components 5045
Allium cepa 1796	Prunus armeniaca 818 Rhododendron sataense 1062	Hibiscus sabdariffa, yield components
Alopecurus pratensis 10599	Rosa hybrida, induced mutations 8761	8695
Alstroemeria 7553	Solanum melongena, genetics 4775	Hordeum vulgare
Beta vulgaris (sugarbeet) 6153	Solanum tuberosum	harvest index 12787
Brassica, genetics 1801	genetics 13165	yield components 7887
Brassica campestris, genetics 726	restriction fragment length polymor-	yields 12787 <i>Lens culinaris</i> , yields 10702
Brassica campestris (sarson), xenia 11016	phism 13165 Theobroma cacao 2097	Linum usitatissimum (linseed), yield
Brassica carinata 9773	Triticum aestivum	components 11025
genetics 6085	amplified fragment length polymor-	Lolium perenne 8143
xenia 11016	phism 11617	Lotus corniculatus, tannins 5706
Brassica juncea 9773	gene location 11569	Lycopersicon esculentum
genetics 7284	gene mapping 11617	Ralstonia solanacearum 4771
Brassica napus (rape) 3093	genetics 11569	yield components 3833  Morus, yield components 4903
gene mapping 9774 genetics 7282, 7284	restriction fragment length polymor- phism 11617	Musa, yield components 4703
linkage 9774	somaclonal variation 2471	Nicotiana tabacum
Brassica oleracea, genetics 726	Vigna radiata 3780	β-glucuronidase 12386
Camellia chrysantha, genetics 11231	Vigna unguiculata	quality 13433
Camellia japonica, genetics 11231	genetics 6965-6966, 12016	yield components 2120, 13433
Capsicum annuum 9617	pleiotropy 6965	Oryza sativa 6774, 9243 aluminium 2671, 11844
genetic markers 5947	Zea mays mutations 10461	Magnaporthe grisea 6840
genetics 5947	manufolio 10 to i	

yields 8869

Stenocarpella maydis 9179

Conferences cont. Combining ability cont. Combining ability cont. Zea mays cont.
yield components 277, 302, 305, 308,
1512, 2583, 5511, 5514-5516,
5518, 6711, 7944, 9169, 10464,
10466, 11713-11715, 12885
yields 5502, 11716 Agricultural phosphorus and eutrophication 10477 Oryza sativa cont proteins 6817 quality 443, 6811, 6817, 6840 salinity 11846 stability 11810 Agronomy aspects of the cultivation of natural rubber (Hevea brasiliensis) 7421 yield components 433, 5606, 6797, 9260, 9263, 12978 AlliumZea mays (sweetcorn), yield components breeding 4208 yields 11810 1502 genetics 4208 Application of marker aided selection in Commelina yellow mottle badnavirus, Papaver somniferum, yield components Avena sativa, gene expression 5457 12560 cereal breeding programs 7624 Applied biotechnology 6423, 6450, 6472, 6861, 6927, 7121, 7125, 7447, 7453, 7491, 7546, 7634 Pennisetum glaucum forage 6740, 8028 Compatibility Bruguiera gymnorrhiza 7459 tissue culture 4531 Medicago sativa 3689 Association of Applied Biologists 5672, 5676, 5678, 6270 yield components 2624-2625 Oryza sativa 9233 Pennisetum purpureum, forage 6740, genetics 12945 Rhizophora samoensis 7459 Rhizophora stylosa 7459 Australian Society of Sugar Cane Technologists 4989, 4992 8028 Phaseolus vulgaris Balkan symposium on vegetables and potatoes 10234, 10238, 10674, 10676, 10730, 10741-10742, 10778, 10790, 10797, 10800, 10811-10812, 10821, 10832, 10838, 10841, cold resistance 2826 Competitive ability yield components 4648 Agropyron desertorum 6868 Pisum sativum, yield components 11986 Bromus hordeaceus 11889 Lolium perenne, polyploidy 13034 Oryza sativa 475 Pyrus communis, Erwinia amylovora 813 Saccharum officinarum quality 8592 mathematics 9291 10848, 11351 yield components 8592 Sesamum indicum salinity 9818 Bambara groundnut 1744-1748, 1752, Trifolium repens 2752 2275 Triticum aestivum, weeds 9083 Basic and applied aspects of seed biology 125, 299, 497, 577, 849, 854, 923, 1003, 1053, 1111, 1509 Complementary genes (see Genetics) Complementation, Phaseolus vulgaris, nodulation 2825 yield components 6109, 7335, 9818, 12336, 13386 925, 1003, 1053, 1111, 1309

Beltwide Cotton Conferences 3201-3202, 5035, 6190, 6195-6197, 6199-6204, 6207-6208, 6211-6227, 6230-6231, 6233-6234, 6243, 6245-6248, 6407-6408, 8662-8665, 8680-8682, 8687, 12701, 13445-13461, 13463, 13465-13466, 13468, 13470-13477, 13480-13484, 13618 Solanum melongena, yield components Compositae (see Asteraceae)
Composite varieties (see also Genotype 2962 Solanum tuberosum 6989 mixtures) Ralstonia solanacearum 689 mathematics 4216, 5185 Triticum durum 11532 tubers 5800 viruses 689 Computer programming yield components 5797, 5800, 6991, Ananas comosus, variety classification 9723 12028 13484, 13618 Sorghum bicolor Beta, genetic resources 11344 Biological fixation of nitrogen for ecol-Beta vulgaris (sugarbeet), genotype environment interaction 8623 Atherigona soccata 339 fungi 1547, 6734 sowing date 5557 ogy and sustainable agriculture 5288-5289, 5684, 5688-5690, 5703, 5708, 5720-5723, 5736-5737, 5763 breeding 7662 yield components 1540, 1543, 1547, 5555, 6731, 9195, 11748 crops artificial selection 2293 Biomass and energy crops 5672, 5676, 5678, 6270, 6272 breeding 1249 epistasis 11477 Stenotaphrum secundatum, cold resistance 9322 forest trees, breeding 1249 gene mapping 7663-7664 genetics 5196, 7662 biosafety, genetic transformation 11349 Theobroma cacao Biosafety results of field tests of geneti-cally modified plants and microor-ganisms 6426-6428, 6441, 6456-6457, 6466-6467, 6516, 6551, 6763, 7007, 7266-7267, 7637 Phytophthora 12373 seeds 12373 grasses, electrophoresis 10003 Trifolium pratense, tissue culture 544 Hordeum vulgare, variety trials 7874 microsatellites, genetic distance 3412 triticale, yield components 5472 Triticum aestivum biotechnology 7634 nucleotide sequences 8965 anther culture 2438, 4387 Biotechnology of spices, medicinal and aromatic plants 8844-8852, 10096 population genetics 10218 cold resistance 213 Erysiphe graminis 11641 growth period 11641 harvest index 176, 2426 heat resistance 3492, 9060 quantitative traits, gene mapping 7931 Saccharum officinarum, artificial selecbreeding 7625 history 7639 tion 3131 Breeding for a multifunctional agriculture 8123-8126, 8128-8133, 8136-8141, 8143-8152, 8164, 8175, 8180, 8183-8185, 8189, 8202-8203, 8212-8213, 8215-8216, 9294, 9298, 9303, Secale cereale, artificial selection 2293 Mycosphaerella graminicola 4423, 9070 taxonomy 131 temperate fruits 4792 Puccinia recondita 221, 11641 quality 189, 4397 regenerative ability 2434 Triticum aestivum 4329 variety trials 7659 10098 Zea mays Brighton crop protection conference: weeds 4569 ribulose-bisphosphate carboxylase breeding 3543 quantitative traits 7931 2460 C<sub>4</sub> photosynthesis: 30 (or 40) years on 2563, 2683-2684, 3279-3282, 3348 waterlogging 2460 Computer simulation yield components 175-176, 2420, inbreeding depression 11481 cells, molecular genetics 10101 4355, 5366, 5369, 5395 population genetics 11481 Cereal adaptation to low temperature yields 11641 Zea mays, yield components 7932 stress in controlled environments Triticum durum Conferences 5312, 5386-5393, 5443, 5528, 6405 cold resistance 4409 17th International meeting for specialists in air pollution effects on forest ecosystems 13490-13491, 13495-13496, 13508, 13514-13515, 13617 cereals quality 4409 cold resistance 6405 Vigna radiata, yield components 4677 Vigna unguiculata fruits 8296 genetic markers 7624 genetic markers 7024 Chenopodium quinoa, breeding 7630 Conservation and utilization of plant genetic resources 8882-8885, 9352, 9630, 9692, 9933, 9992, 10102 Corn utilization and technology 11695, 11719, 11721, 12585 5th International mango symposium 7228-7233, 8474-8475, 8864 quality 8296 Sphaceloma 3776 5th symposium on renewable resources yield components 2855, 12017 Zea mays 2543, 9125 6718, 6902, 7264, 7292, 7295, 7625, 7755 Aspergillus flavus 7957 cold resistance 9178 70 years of horticultural research at Průhonice 6262, 6268, 6287, 6301-6302, 6304-6306, 6360, 7632 Cotton research meeting 7415-7416, dry matter 10475 forage 7934, 10475 7638 Crop and livestock technologies 7696, Actinidia, breeding 5173 glyphosate 1536 8869 Actinidia deliciosa, breeding 2272 Actimital acticlosa, breeding 2272
Advances in biometrical genetics 7652-7654, 7662-7664, 7668, 7670-7671, 7673-7676, 7686, 7700, 7744-7746, 7756, 7764-7765, 7787, 7842-7844, 7877-7881, 7885-7886, 7892, 7915, 7931-7932, 7934, 8009, 8142, 8316, 8318, 8338, 8352, 8532, 8609, 8615, 8623, 8698, 8858, 8871 growth period 10467 herbicides 1536 heterosis 5511 lodging 7941 oils 1517 crops biotechnology 7636 fungi 13619 genetic resources 13620 nitrogen fixation 4209 quality 7944 plant introduction 13620 Ŝesamia nonagrioides 11743 soil pH 1235

Conferences cont.

Current situation and future prospects for forage cultivation in grasslands and pastures 5655-5656, 5658, 5680, 5685-5687, 5695, 5697, 5700, 5714, 6409

Cytogenetic studies of forest trees and shrub species 9656, 9670, 9934-9937, 9946, 9950-9953, 9962, 9965, 9967-9970, 9972-9973, 9975-9978, 9981-9983, 9988-9989, 10103

Danish Plant Protection Conference Pests and Diseases 5314, 5317, 5978

Daucus carota breeding 7631 genetics 7631

development, molecular genetics 10101 Dialogue on risk assessment of transgenic plants 10133-10135, 10751, 10754, 11349

Diospyros, breeding 4207

Disease resistance in fruit 10125, 10828, 10964, 10981, 11347
DNA markers and breeding for resistance

to ascochyta blight in chickpea 11993, 11998, 12000-12007, 12588

Enhancing competitiveness of fruit industry 9652-9653, 9666, 9687-9688, 9691, 9702, 9712-9713, 9716, 9727, 9731-9733, 9736, 9741

Epidemiology and management of rice tungro disease 5177

essential oil plants breeding 1231 in vitro culture 10096

EUCARPIA carrot working group 5811-5823, 5825-5826, 5828-5836, 7014, 7631

Evolution and impact of transposable elements 3383-3384, 3418, 3427, 3513-3514, 3554, 3962, 4024, 4040, 4205

Fads and fashions in horticultural science: reality check 3350 fatty oil plants, breeding 12586

fatty oil plants, breeding 12586
Fifth international symposium on temperate zone fruits in the tropics and subtropics 11345, 12177, 12194, 12258, 13272, 13283, 13290, 13295, 13304, 13345
Fifth International Wheat Conference 4295, 4301, 4317-4324, 4326-4335, 4344-4346, 4352, 4354-4355, 4360, 4363, 4370-4371, 4373-4378, 4392-4398, 4404-4406, 4409-4417, 4419, 4424-4425, 4429, 4431-4432, 4437, 4439-4441, 5179, 8867
Fifth symposium on bacterial genetics

Fifth symposium on bacterial genetics and ecology 9331 First European Conference for Informa-tion Technology in Agriculture 7629, 7659-7661, 7874

First international conference on fungi

First ISHS workshop on strategies to optimize wine grape quality 3913, 3917, 4875, 4878, 4880-4881, 5174

fodder plants breeding 3346, 8870 crop mixtures 10098 genetic resources 8870 quality 10098 stress 10098

Food lipids and health 868 Forage genetic resources: meeting the requirements of industry 8116-8122, 8223, 8226-8227, 8870

forest trees air pollution 13617 cytology 10103 genetic variation 1233

Fourth international peach symposium 10886, 10907-10912, 10914-10920, 10922-10923, 10925-10928, 10931-10937, 12183-12184, 12186-12193, 12195-12196, 12589

Fragaria ananassa, breeding 5175 fruit crops, rootstocks 7627 Functionality of food phytochemicals 6088

Conferences cont.

gene expression, stress 1236 Genesis of Scandinavian genetics from plant breeding and eugenics 6416-6417, 6443-6446, 6529, 7639

Genetic diversity in commercial forest tree plantations 986, 992, 1027-1028, 1032, 1233

Genetic engineering in food production 10137, 10581

genetic resources 1238, 10102, 12587 genetics

history 7639 statistics 8871

Genetics, biotechnology and breeding of maize and sorghum 5301, 5308, 5476, 5483-5488, 5492-5493, 5504, 5506-5509, 5522-5527, 5530-5533, 5552, 6404

Gossypium

breeding 6407-6408, 7638, 13618 genetic engineering 7638

grasses

cytology 7633 genetics 7633 taxonomy 7633

Hevea brasiliensis, breeding 11350 Ilex paraguariensis, breeding 10100 Ilex paraguariensis, breeding 10100

In situ conservation of plant genetic diversity 11358-11372, 11513-11515, 11529-11531, 11589-11590, 11619, 11627, 11660-11661, 11868-11869, 11909, 11912, 11925, 12176, 12178, 12233, 12267, 12435-12439, 12441, 12452, 12468, 12470, 12479, 12565-12566, 12587

Indian tobacco approblems and prospects

12470, 12479, 12303-12300, 12367 Indian tobacco -problems and prospects 11103, 11112, 11133 Industrial crops and products 4572, 4964, 4972, 4987, 5045, 5178 Insect resistant maize 7684, 7953-7954, 7961-7963, 7968-8007, 8605, 8868

International *Beta* genetic resources network 10771, 11071, 11082-11083, 11088, 11091, 11095-11097, 11344

International conference on pests in agriculture 4884

International congress on cactus pear and cochenille 855, 857, 860-862, 1232

International persimmon symposium 3952-3954, 4207, 4920-4928

International research and development on *Stylosanthes* 8219-8221, 8224-8225, 10097

8225, 10097
International symposium on biotechnology of tropical and subtropical species, II 12596, 12686-12688, 12702-12704, 12707, 12710, 12911, 12939, 12987-12988, 13020, 13138, 13189, 13235, 13239, 13301, 13306-13312, 13316-13317, 13319-13324, 13326-13330, 13346, 13370, 13372-13373, 13375-13376, 13398, 13410, 13506, 13520-13521, 13579, 13589, 13593, 13604, 13610, 13622
International symposium on breeding

International symposium on breeding research on medicinal and aromatic plants 10, 238, 476-477, 714-715, 717-719, 736, 841, 908-909, 911, 969-970, 1054, 1083, 1137-1144, 1146-1148, 1152-1156, 1160-1165, 1167-1169, 1174, 1176-1182, 1184, 1187-1191, 1193-1198, 1200-1205, 1212, 1231 1212, 1231

International symposium on crop protection 4743

International symposium on edible Alliaceae 3805, 3807-3808, 3812, 4208, 5848-5862, 5865-5867, 5869-5871, 5873-5874, 5876-5879, 5881

International symposium on pollination. Pollination: from theory to practise

International wheat quality conference 7821, 7824-7833, 8866

Kiwifruit growing 1953-1957, 1960-1962, 2272 Managing variability in resource quality

Mangifera indica, breeding 8864

Conferences cont.

medicinal plants breeding 1231 in vitro culture 10096

Microbial biotechnology 1673-1674, 1753-1754, 2274

Molecular biology of plants under environmental stress 5198-5199, 5217-5218, 5220, 5258-5259, 5304, 5633, 5691-5692, 5764, 5912, 5919-5920, 6033, 6177, 6411

Molecular genetics of host-specific toxins in plant disease 10337, 10488, 11348, 11381, 11416, 11512, 11735-11736, 12110, 12159, 12173,

Musa, breeding 2271 Myrtaceae 7240-7243, 7246-7247, 7626 breeding 7626

Netherlands Entomological Society 2218-2219

New aspects of resistance research on cultivated plants 12757-12758, 12765, 12798-12799, 12804, 13619
New Zealand plant protection conference 4607, 4711

4607, 4711
nutrients, genetics 4210
Opportunities for biological nitrogen fixation in rice and other non-legumes 3423, 3435, 3691, 3694, 4037, 4209
Optimising cereal inputs 4294, 4302, 4309, 4336, 4338, 4379, 4418, 4458, 5180
Oregano 2246-2254, 2256, 2258, 2276

Oregano 2246-2254, 2256-2258, 2276 Origanum, genetic resources 2276 ornamental bulbs, breeding 11352 ornamental plants, breeding 8865 Oryza sativa

rice tungro bacilliform badnavirus 5177

tungro spherical waikavirus 5177 Physical stresses in plants 36, 88-90, 244-246, 249, 251, 270, 321-323, 455, 590, 687, 747-748, 789, 958-959, 1098, 1206, 1236

physiology

physiology
gene mapping 2273
molecular genetics 10101
Physiology of stress tolerance in rice
2593, 2668-2669, 3347
Plant breeding: theories, achievements
and problems 2292, 2384-2385,
2391, 2397, 2461, 2487-2488, 2502,
2520-2521, 2523, 2531-2532, 2690,
2700, 2707, 2710, 2713, 2716,
2718, 2732, 2750, 2752-2754, 2812,
2829-2830, 2887, 3207, 3248, 3352,
3685 3685

Plant morphogenesis 10101 Plant nutrition for sustainable food production and environment 3405, 3431, 3486, 3491, 3542, 3644, 3816, 4210

Plant-soil interactions at low pH 87, 203, 319-320, 1235

Plantain and banana production and research in West and Central Africa 1963-1965, 1967-1969, 1971-1972, 1974-1975, 1978-1982, 2271, 3063

Plants for food and medicine 12593, 12595, 12692-12696, 12917, 13620 Proceedings of the fourth international

Protee working group symposium 7492-7494, 7506, 7517, 7635
Proceedings of the International Symposium on Biotechnology of Tropical and Subtropical Species 7636
Protea, breeding 7635

proteins

gene expression 11346 molecular genetics 11346

Prunus persica, breeding 12589

Putting plant physiology on the map 1256, 1289, 1295, 1339, 1402, 1422-1424, 1451, 1456-1458, 1601, 1630-1631, 1713, 2041, 2273

Research innovations for new horizons in agronomic science 6555, 6656

Rice cultivation in highland areas 3599-3607, 3645-3648, 3650, 3655-3656, Conferences cont. Saccharum officinarum, breeding 1234 Second international pineapple symposium 9719-9726, 9728-9730 Second workshop on pome fruit quality 12158 Seed production of lucerne 8166-8168, 8173-8174, 8177, 8179, 8181-8182, 8186-8188, 8190-8194, 8196, 8198-Seed protein symposium 10196-10197, 10293, 10435, 10478, 10665, 10670, 10688, 10758, 11007, 11110, 11346 Seeds of Progress 486, 2687-2688, 2693, 2695, 2698-2699, 2703, 2712, 3346 Seventeenth international scientific colloquium on coffee 9856-9864, 9866-9873 Seventh international symposium on flower bulbs 10781-10782, 11271-11276, 11278-11281, 11284, 11286-11288, 11291-11302, 11304-11313, 11352 Sixth international symposium on integrating canopy, rootstocks and environmental physiology in orchard systems 7127-7128, 7133-7134, 7143, 7157, 7627, 8396, 8405-8406, 8408, 8413, 8418, 8424, 8428, 8435-8436 8435-8436 Sixth international symposium on *Vaccinium* culture 7170-7182, 8863 Solanum tuberosum, breeding 11351 Somatic cell genetics and molecular genetics of trees 1026 Sorghum bicolor, breeding 13621 South African Sugar Technologists'
Association 8603-8604, 8606-8607 South American congress on maté 9904-9913, 10100 Southwestern rare and endangered plants 109, 479, 1015, 1034, 1058, 1081, 1116, 1238 Spelt and quinoa 6572-6575, 6852, 6855, 7630, 7811, 8112, 8114 spice plants, in vitro culture 10096 Strengthening sorghum research collaboration in Asia 13621 stress, molecular genetics 6411 Stress and assimilation of inorganic nitrogen by plants 16 Stylosanthes breeding 10097 diseases 10097 subtropical fruits, biotechnology 13622 Sugar 2000 Symposium 912, 915-916, 921, 1234 Symposium on natural rubber (Hevea brasiliensis) 11161-11168, 11171-11172, 11350 Taxonomy, karyology and distribution of grasses in Poland 6859, 6870, 6873, 7633 temperate fruits breeding 11345 climate 11345 The Bamboos 6393-6397, 6399, 6410, 7609-7611, 7613-7616 The genus Medicago in the Mediterranean region 513-519, 525-528, 531-533, 535, 537, 1237 Third international ISHS symposium on in vitro culture and horticultural breeding 6435, 6458, 6490-6491, 6541-6545, 6554, 6892, 6930, 6951, 6985, 6987-6988, 6992-6993, 6998, 7015, 7033, 7040, 7052, 7060-7061, 7065-7067, 7073-7074, 7085-7086, 7098-7099, 7103, 7110, 7130, 7137, 7140, 7145, 7159-7160, 7185, 7187-7188, 7196, 7199, 7205, 7208-7210, 7212, 7218-7220, 7226, 7235, 7239, 7250, 7322, 7344, 7387, 7389, 7427-7428, 7435, 7449-7440, 7443-7444, 7449-7450, 7452, 7454, 7478-7479, 7490, 7507, 7514, 7523-7526, 7535-7539, 7549, 7557-7558, 7561-7562, 7567, 7577, in vitro culture and horticultural

7557-7558, 7561-7562, 7567, 7579, 7589, 7595, 7628

Conferences cont. Third international strawberry symposium 4792, 4813-4843, 4845-4849, 4851-4870, 5175, 6024
Third international symposium on kiwifruit 4885-4902, 5173 Third international symposium on new floricultural crops 8728-8729, 8739, 8741, 8763-8764, 8792, 8809, 8814, 8823, 8825, 8865, 9881, 9999, 10005, 10010, 10012-10013, 10024, 10044 Third National Meeting on Oil Crops 12586 Tissue proliferation in micropropagated rhododendrons 3349 Traditional African vegetables 9556-9562, 10099 Transnational workshop on biological, integrated and rational control 8326, 8414 transposable elements, evolution 4205 Triticum aestivum, breeding 5179, 8866-Triticum spelta, breeding 7630 tropical fruits, biotechnology 13622 Tropical tuber crops 2869-2871, 2888, 2891-2892, 2894-2895, 2897-2899, 2901-2907, 2909-2915, 3321, 3351 Vaccinium, breeding 8863 variety trials, information processing 7629 vegetables breeding 11351 genetic resources 10099 Vigna subterranea breeding 2275 genetic resources 2275 viruses, genetic transformation 4206 Vitis, quality 5174
West Indies Sugar Technologists 6115-6116, 6121, 6124, 6126-6130, 6137, Zea mays genetic engineering 12585 pests 8868 Conglycinin Ğlycine max gene expression 6914 genetic engineering 11507 **Conifers** cytochrome-c oxidase gene expression 9961 nucleotide sequences 9961 genetic resources 7465 genetic transformation 1025 molecular genetics, reviews 12459 phylogeny, nucleotide sequences 11194 somatic embryogenesis 13502 tissue culture 1025 Conospermum development 6336 flowers 6336 Conservation, molecular genetics, reviews Controlling elements (see Transposable elements) Mimulus guttatus genetics 11263 modifiers 2215, 2217 pleiotropy 2217 Solanum tuberosum 13163 Triticum aestivum 200 Coprinus cinereus cells, mutations 5170 development, mutations 5170 genetic transformation 1222 sex, genetics 10085 Coproporphyrinogen oxidase, Nicotiana tabacum, genetic transformation 12404 Coptis, taxonomy, random amplified polymorphic DNA 3323 Corallorhiza bulbosa, nomenclature 12544 Corallorhiza punctata, nomenclature 12544 Corchorus cultivars, 089-1 5041 gamma radiation 5041 induced mutations 5041

Macrophomina phaseolina 13486 phylogeny 13485

Corchorus olitorius plant composition 3209 Polyphagotarsonemus latus 3209 Coriandrum sativum cultivars, Sandra 1138 drought resistance, in vitro selection 8850 ecotypes 1187 Erysiphe polygoni 13596 essential oils 1144, 1187 flowering 1143 genetic resources 906, 1144, 1187 Meloidogyne incognita 3329, 13597 oils 906 pollination 1143 Pseudomonas syringae 1188 yield components 1187 Cornus cultivars Celestial 7501 Rutcan 7500 Rutdan 7501 Discula destructiva 7500 leaves 5067 Synanthedon scitula 7500 taxonomy 5067 Corolla, Antirrhinum majus 11267 Corticium (see also Thanatephorus) Corticium rolfsii, Beta vulgaris (sugarbeet) 2089, 8624 Corylus avellana Anisogramma anomala, genetics 2009 cultivars, Purpurnyĭ 8488 development 13343-13344 fatty acids 867 heat shock proteins gene expression 7259 nucleotide sequences 7259 oils 867 ovules 13343 self incompatibility, random amplified polymorphic DNA 13342 somatic embryogenesis 3958-3959 tissue culture 3959 tocopherols 867 Corynespora cassiicola, Hevea brasiliensis, clonal variation 3215 Cosmopolites sordidus, Musa 1975 Cotoneaster integerrimus leaves 7505 morphology 7505 Cotoneaster niger leaves 7505 morphology 7505 Cotton leaf curl bigeminivirus, Gossypium hirsutum, genetic engineering 6230 4-Coumarate-CoA ligase Arabidopsis thaliana gene expression 2343 genetic transformation 2343 Nicotiana tabacum gene expression 953 genetic transformation 953 Petroselinum crispum, gene expression 7594 Coumarins, Helianthus annuus 2046 Coumestrol, Medicago 535 Cowpea aphid-borne mosaic potyvirus, Vigna unguiculata 10717 Crambe abyssinica artificial selection 7337 Brassica campestris, intergeneric hybridization 8509, 9768 Brassica juncea, intergeneric hybridization 8505, 8509, 9768 Brassica napus, intergeneric hybridization 9768 Brassica napus (rape), intergeneric hybridization 8509 chromosome number 8505 development 8509 embryo culture 8505 erucic acid 8589, 13390 fatty acids 8589 fertilization 8509 ovule culture 9768 plant embryos 8509

plant introduction 7337

quality 13390 seeds 13390

Trataegus Tratae	Crops cont.	Crops cont.
cultivars	biotechnology cont.	viruses 18
Maohongzi 4799	reviews 12702	genetic engineering 2312
Wulenghong 10883	breeders' rights 7667, 10121	genetic transformation 19, 10128
Trataegus granatensis, nomenclature 9646 Trataegus monogyna, Erwinia amylovora	breeding 2288-2289, 2384-2385, 6548,	yields
10884	11364, 11371, 11514 books 7647	biotechnology 8869 conferences 8869
Crataegus nevadensis, nomenclature 9646	computer programming 1249	Crossing over 110, 3416
Craterellus, phylogeny, molecular genetics	history 2383	Zea mays, genotype environment interac-
5171	carbohybdrates, genetic transformation	tion 6719
Craterostigma plantagineum	7755	Crotalaria ibityensis, taxonomy 984
desiccation 2206	carbohydrates, genetic engineering 8989	Crotalaria lavernifolia, tissue culture 7584
gene expression 1098, 7575, 8826 nucleotide sequences 8826	centres of diversity 12692 chloroplast genetics 4230, 10130	Crotalaria pallida, tissue culture 7584
DNA binding proteins, gene expression	cryopreservation 6541	Crotalaria tanety, taxonomy 984 Crotalaria verrucosa, tissue culture 7584
13581	cultivars 7667, 8985, 10121, 10235-	Croton alabamensis
drought resistance, gene expression 1098,	10236	isoenzymes, genetic variation 1058
5220	history 2290	random amplified polymorphic DNA
stress, gene expression 13581	cytoplasmic male sterility, genetic vari-	1058
sucrose-phosphate synthase	ance 11482	Croton yecorensis, taxonomy 13563
gene expression 2206 nucleotide sequences 2206	dicamba, genetic engineering 4223	Cruciferae (see Brassicaceae)
vivipary	diseases 7678, 10124 bibliographies 3368	Cryopreservation
gene expression 3270	gene expression 10125	Aesculus hippocastanum 9958 Artocarpus heterophyllus 125
genetic engineering 3270	genetic engineering 17, 1261, 5300	Azadirachta indica 125
nucleotide sequences 3270	genetic transformation 10095	Beta vulgaris (sugarbeet) 12364
Crinipellis perniciosa, Theobroma cacao	genetics 3368	Bletilla striata 1120
4018, 8632	genotype environment interaction	Camellia sinensis 125
Crinum defixum	8897	Citrus 849, 4913, 7226
chromosome morphology 12532	mathematics 8897	Citrus sinensis 4913
chromosome number 12532 isoenzymes 12532	domestication 2381 flowering, genetics 4285	Coffea arabica plant embryos 9858
Crinum pratense	fungi, conferences 13619	seeds 9858, 12368
chromosome morphology 12532	gene banks 2291	Coffea costatifructa, seeds 12368
chromosome number 12532	gene flow 10130	Coffea racemosa, seeds 12368
isoenzymes 12532	genetic engineering 1272, 2288, 2328,	Coffea sessiliflora, seeds 12368
Crocus, evolution, DNA 12536	7689, 7696, 8905, 8988, 12701	Colocasia esculenta 12688
Crocus sativus, flowers 4184	legislation 7669	crops 6541
C <b>ronartium fusiforme</b> Pinus taeda	genetic resources 8, 2292, 3364, 6421- 6422, 6548, 10118, 11361, 11370-	Cucumis melo 780 Dioscorea rotundata 12688
genetic markers 4092	11371, 12597-12598	Enkianthus perulatus 7508
genetics 4092	books 8876	Eruca vesicaria 13388
Cronartium ribicola, Pinus monticola 3241	conferences 13620	Eucalyptus 7428
Crop density	genetic transformation 2327, 6428, 7637	Eutrema wasabi 7053
Amaranthus cruentus 11866	reviews 8911	Fragaria ananassa 9673
Amaranthus hypochondriacus 11866	gibberellins, genetics 12706	Gossypium hirsutum 8660
Glycine max 9440	glutamate decarboxylase 6435 growth regulators, genetics 12706	seeds 6196 Hevea brasiliensis 2153
Hordeum vulgare 2515 Solanum viarum 1185	herbicides	horticultural crops 6544
Sorghum bicolor 337	genetic engineering 4223	Ipomoea batatas 705, 1792
triticale 12848-12849	genetic transformation 10095, 12601	Laminaria digitata 2269
Triticum aestivum 11580, 11621, 11624	heterosis 2388	Landolphia kirkii 125
Vicia faba 1697	induced mutations, books 10114	Malus 10861
Zea mays 3579, 5488, 5503, 7939, 10480	insects genetic engineering 17, 6440	Malus pumila 5992, 10861
Crop mixtures	genetic transformation 5200, 12601	Malus robusta 5992 Musa 12688, 13311
fodder plants, conferences 10098 grasses 8126	legislation 6428	Oryza sativa 10553
Lolium perenne 8133	genetic engineering 34	Phoenix dactylifera 854
Pennisetum glaucum, Cajanus cajan	maternal effects 10130	Picea abies 11205
3766	molecular genetics, reviews 26	Picea sitchensis 11205
Phaseolus vulgaris, artificial selection	Nematoda	Pinus nigra 4085
9475	gene mapping 11382	Pinus sylvestris 4085
Phleum pratense 8133 Pisum sativum	genetic engineering 17, 11382 genetic transformation 1264-1266	Pisum sativum, techniques 8281 pollen 1248
cereals 2829	genetics, books 2285	Prunus 7144-7145
Hordeum vulgare 2829	nitrogen, genetics 3431	Prunus avium 3890
Trifolium 8126	nitrogen fixation, conferences 4209	Prunus lannesiana 3890
Trifolium pratense 8203	nutrients, genetics 3431	Prunus serrulata 3890
grasses 2753	pests 7678	reviews 6419
Vigna mungo 6977	genetic engineering, books 1240 plant introduction 4291, 12692	Solanum tuberosum 3784, 6993
Zea mays	conferences 13620	Trichilia dregeana 125 Ulmus 7428
artificial selection 11726  Phaseolus vulgaris 5750	polyembryony 7753	Cryphonectria cubensis, Eucalyptus 11178
Crop residues, Lens culinaris 13129	proteinases, genetic transformation 1265	Cryphonectria parasitica
Crops	quality, genetic engineering 5300	Castanea dentata, gene mapping 866
apomixis 7753	ripening, gene expression 10125	Castanea mollissima, gene mapping 866
artificial selection, computer program-	salinity 2308	Cryptanthus
ming 2293	reviews 2307	chimaeras 4162 tissue culture 4162
auxin binding proteins, molecular genet-	seed production books 3358	Cryptochrome
ics 3425 bacteria	economics 2383	Arabidopsis thaliana
genetic engineering 7682	soil pH, conferences 1235	gene expression 7719
molecular genetics 11380	somaclonal variation, books 10114	genetic transformation 7719
biosafety 7637, 8988, 12701	stability, mathematics 6555	nucleotide sequences 7719
gene flow 6452	statistics, genetic transformation 11407	Cryptogein, Nicotiana tabacum, genetic
genetic engineering 34	storage, seeds 3430	transformation 5022
genetic transformation 5205, 5221,	stress 2306, 6435, 7677 tissue culture 5303	Cryptomeria japonica allergens 11211
6452, 6461, 6466	reviews 6543	altitude 1055
biotechnology books 8876	variety trials 1363-1364, 2289, 11505	colour, genetics 8724
conferences 7636	statistics 2302	DNA 7485

Cryptomeria japonica cont.	Cucumis meto cont.	chitinase
height, linkage 3247	ethylene <i>cont.</i> genetic transformation 8393	gene expression 7113
isoenzymes genetic variation 1055	evolution 8388	genetic transformation 774, 4790
linkage 3247	fruits 1852	chloroplast genetics 5974
leaves, genetics 8723-8725	Fusarium	chromosome banding 7108, 13259
polyploidy 7485, 8721, 11211	gene mapping 1858	chromosome morphology 7108, 13259
quantitative traits	random amplified polymorphic DNA	Cladosporium cucumerinum 13269
gene mapping 12483	1858	cold resistance 1883-1884, 13266-1326
random amplified polymorphic DNA	Fusarium oxysporum	genotype environment interaction 79
12483	genetic markers 10845	Colletotrichum orbiculare, gene expres-
restriction fragment length polymor-	in vitro selection 1857	sion 7113
phism 12483	polymerase chain reaction 10845	cucumber mosaic cucumovirus 1889
variegation, genetics 8726	gene flow, genetic markers 777	cultivars 2386, 5973, 6549, 11506
vegetative propagation 1055	gene mapping 13239	Huahuanggua-1 10852 Jinlu-4 10853
Cryptosporella (see also Phomopsis)	genetic transformation 776-777	Jinyou-1 7106
Crystal proteins, Zea mays, genetic trans-	genetics, nomenclature 13240	Lucia 5971
formation 7963  Cucumber mosaic cucumovirus	heterosis, reviews 4786	Luhuanggua-11 10851
Arabidopsis thaliana	hybrid seed production 12135	Manteo 5971
genetics 3410	hybrid varieties 5961-5962 interspecific hybridization 774, 9621-	Martina 5972
mutations 3410	9622	NCES1 8391
Capsicum 1847, 9619	isoenzymes 12135	NCMBS 8391
backcrossing 1848	genetic variation 775	NCWBS 8391
Capsicum annuum 12130	light 12707	Shelby 5971
genetic transformation 773	Meloidogyne arenaria 5964	Svetlyachok 10854
Cucumis melo	Meloidogyne incognita 1862, 5964	damping off 1887
genetic transformation 774, 782	melon rugose mosaic tymovirus 3859	development
genetics 13243	Monosporascus cannonballus 10844	gene expression 7109
Cucumis sativus 1889	Myrothecium roridum 3858	nucleotide sequences 7109
Cucurbita 2977	Myzus persicae, genetics 3860	diacylglycerols
Cucurbita pepo 6189	plant disorders, cytoplasmic inheritance	gene expression 7107 nucleotide sequences 7107
Lycopersicon esculentum	1861	diseases 13257
genetic engineering 2959 genetic transformation 5928, 7083-	polygalacturonase	drought resistance 1885
7084	gene expression 12134	embryo culture 790, 8394
Musa 10962	nucleotide sequences 12134	ethylene 13267
Nicotiana glutinosa 6189	polymerase chain reaction 9622	flowering
Nicotiana tabacum 6189	polymorphism 12135	gene expression 7110
genetic transformation 6186, 12409	polyploidy 1852 protoplast culture 13238	nucleotide sequences 7110
in vitro selection 6188	protoplast fusion 774, 9621-9622	flowers
induced mutations 6188	protoplast 13238	artificial selection 2978
mutations 4046	Pseudoperonospora cubensis 1855, 5963	gene expression 7109, 13261
Raphanus sativus 4718	gene mapping 1858	nucleotide sequences 7109, 13261
Solanum melongena 3847	random amplified polymorphic DNA	fruits 1885
Spinacia oleracea, genetic transformation	1858	gamma radiation 7111
10796	quality 2973	gene flow 5975
Cucumis cytoplasmic inheritance 12131	genetics 1853	genetic markers 1879
embryo culture 1880	random amplified polymorphic DNA	genetic resources 785, 10848, 13257, 13262, 13265
haploidy 1880	10843, 13239	genetics 1879
Phytophthora capsici 12132	regenerative ability, somaclonal variation	germination 13266
restriction fragment length polymorphism	3856	growth regulators, gene expression 962
9621, 12131	ripening 13242	gynoecium
Cucumis anguria, genetic resources 1874	gene expression 778, 12134	gene expression 3862
Cucumis hystrix	genetic transformation 3855	nucleotide sequences 3862
embryo culture 790	nucleotide sequences 778, 12134	haploidy 1881
interspecific hybridization 790, 1880	salinity 781 senescence 1854	heat resistance 13268
isoenzymes, genetic variation 775	somatic embryogenesis 12707	hybrid seed production 8392
taxonomy 775	Sphaerotheca fuliginea 9623	hybrid varieties 5972-5973, 6549, 7106
Cucumis longipes	gene mapping 1858	hydroponics 4789
interspecific hybridization 9622	genetics 1859	interspecific hybridization 790, 1880
polymerase chain reaction 9622	random amplified polymorphic DNA	isocitrate lyase, gene expression 1877
protoplast fusion 9622  Cucumis melo	1858	isoenzymes 13265
ACC oxidase	squash mosaic comovirus, genetics 13243	genetic variation 775, 785
gene expression 1854, 3857, 8393	taxonomy 775, 8388	leaves 1884 genetics 5977, 10855
genetic engineering 1854	temperature 1860	mutations 5977
genetic transformation 3855, 8393	tissue culture 774, 779-780, 8393	malate synthase, gene expression 1877
Acremonium cucurbitacearum 1860, 5960	variety classification, polymerase chain	Meloidogyne arenaria 1890, 5971
Alternaria cucumerina 5963	reaction 13241	Meloidogyne hapla 5971
Aphis gossypii 5965	variety trials 2973	Meloidogyne javanica 1890, 5971
genetics 1864, 3860	yield components, heritability 2974	mitochondrial genetics, paternal effects
ascorbate peroxidase	yield correlations 2974	13258
gene expression 778	Cucumis metuliferus	morphology 13265
nucleotide sequences 778	interspecific hybridization 774	ovule culture 7103
Bemisia tabaci 1863, 5966	Meloidogyne incognita 1862	parthenocarpy 5973
biotechnology 12133	polyploidy, somaclonal variation 4791	parthenogenesis
cryopreservation 780	protoplast fusion 774	genetics 5976
cucumber mosaic cucumovirus	Cucumis myriocarpus interspecific hybridization 9621	heritability 5976
genetics 13243	protoplast fusion 9621	peroxidases 13269
genetics 13243 cucurbit aphid-borne yellows luteovirus,	Cucumis sativus	photosynthesis
genetics 783	ACC synthase	genetics 12140
cultivars 5299	gene expression 3862	heritability 12140 polyploidy 13260
Elando 5962	nucleotide sequences 3862	protoplast culture 13238
Rakhovets 5961	Botrytis cinerea, genetic transformation	protoplasts 13238
Xinmi-13 10842	774, 4790	Pseudoperonospora cubensis 793, 5978
Didymella bryoniae 1856	carotenoids	7115
ethylene 13242	gene expression 7110, 9628	quality 1885, 7115
gene expression 3857, 8393	nucleotide sequences 7110	combining ability 7112

Cucumis sativus cont.	Cucurbita pepo cont.	Cupressus lusitanica
quality cont.	cucumber mosaic cucumovirus 6189	Cinara cupressi 4099
germplasm releases 1876	cultivars 5299	genetics 4102
heterosis 7112	development 13252-13253	heritability 4102
Rhizoctonia solani 1886-1887, 7114	fruits 13253	provenance trials 4099
rootstocks 9627	genetic resources 13251	Cupressus sempervirens
seedlings	genetic transformation 5970	embryology 9990
genetics 5977	habit 9624	isoenzymes, polymorphism 2190
mutations 5977	haploidy 9625-9626	Seiridium cardinale
seeds 1883	interspecific hybridization 9624	combining ability 5084
sex 1882	light 12707	genetic variance 5084
artificial selection 2978	morphology 13251	vegetative propagation 2188
gene expression 13261	ovule culture 7103, 9625	Curculigo orchioides, tissue culture 11331
gene mapping 2979	random amplified polymorphic DNA	Curcuma
linkage 2979	13247	curcumin, heritability 13594
nucleotide sequences 13261	ripening 13253	
somaclonal variation 13264		yield components, heritability 13594
somatic embryogenesis 3863	seed production 13252-13253	Curcuma longa, yield correlations 8842
taxonomy 775	somatic embryogenesis 12707	Curcumin, Curcuma, heritability 13594
tissue culture 774, 4788	sterility, genetics 1868	Curvularia (see also Cochliobolus)
variety trials 1875, 5901, 12139	tissue culture 788	Cutting, Lolium multiflorum 5656
viruses	variety trials 12138	Cuttings
gene mapping 2979	viruses, genetic transformation 12138	Acacia auriculiformis 11190
linkage 2979	yield components	Acacia mangium 11190
	combining ability 13254	Clematis jackmanii 4106
yield components	heterosis 13255	Clematis viticella 4106
artificial selection 10849	zucchini yellow mosaic potyvirus 1871	Prunus (plums) 6006
combining ability 791, 7112, 13263	Cucurbita texana	Taxus brevifolia 3246
heritability 791	inbreeding depression 13250	Cyamopsis tetragonoloba
heterosis 791, 7112	pollen competition 787	atrazine, in vitro selection 1673
induced mutations 7111	pollen germination 13250	formothion, in vitro selection 1673
linkage 1878	pollination 787	gamma radiation 1755
statistics 13263	Cucurbitaceae	herbicides, in vitro selection 1673
yield correlations 10849, 13262	Acremonium cucurbitacearum 5960	monocrotophos, in vitro selection 1673
yields, artificial selection 10849-10850	genetic resources 13237	yield components
zucchini yellow mosaic potyvirus 8395	Culinary herbs, gene banks 3314	combining ability 1755, 5791
genetics 1888	Cultivars	genetic variance 1755
Cucurbit aphid-borne yellows luteovirus,	books, Prunus persica 11354	induced mutations 1755
Cucumis melo, genetics 783	cereals, books 6556	Cyanococcus
Cucurbita	Cuminum cyminum	
ascorbate peroxidase	Alternaria burnsii, in vitro selection 8851	genetics 7178
gene expression 7105		pollination 7178
nucleotide sequences 7105	drought resistance 2243	taxonomy 7178
cucumber mosaic cucumovirus 2977	Cunninghamia konishii	Cyanogens, Trifolium repens 545
cultivars 11506	isoenzymes	Cyclamen europaeum, nomenclature 10032
DNA 13249	genetics 12488	Cyclamen persicum
DNA binding proteins, molecular genet-	linkage 12488	colour 8814
ics 13248	polymorphism 12485	pollination 1111
gene banks 5969	outcrossing 12488	polyploidy 8814
genetic resources 5969	population genetics 12485	seed production 1111
glycerol-3-phosphate acyltransferase	Cunninghamia lanceolata	somatic embryogenesis 7556
genetic engineering 789	isoenzymes, polymorphism 12485	tissue culture 7556
molecular genetics 789	population genetics 12485	variety classification, random amplified
interspecific hybridization 5969	Cuphea hookeriana	polymorphic DNA 2193
Phytophthora capsici 12132	acyl carrier protein synthase	Cyclamen purpurascens, nomenclature
rootstocks 9627	gene expression 13389	10032
watermelon mosaic 2 potyvirus 2977	genetic engineering 13389	Cyclase
zucchini yellow mosaic potyvirus 1870,	seeds	Arabidopsis thaliana
2977	gene expression 13389	gene expression 11457
Cucurbita maxima	genetic engineering 13389	nucleotide sequences 11457
Bemisia argentifolii 1873	Cuphea procumbens, fatty acids 10999	Cyclin-dependent kinase inhibitors
cultivars 5299	Cuphea pulcherrima	Arabidopsis thaliana
gibberellin dioxygenase	acyl carrier protein synthase	gene expression 12616
	gene expression 13389	nucleotide sequences 12616
gene expression 786	genetic engineering 13389	Cyclins
nucleotide sequences 786	seeds	Arabidopsis thaliana
malate dehydrogenase	gene expression 13389	gene expression 4272
gene expression 8390	genetic engineering 13389	nucleotide sequences 4272
nucleotide sequences 8390	Cuphea tolucana	Catharanthus roseus
Meloidogyne incognita 1872	chromosome aberrations 9821	gene expression 8828
proteinase inhibitors, nucleotide	interspecific hybridization 9821	nucleotide sequences 8828
sequences 12136	morphology, maternal effects 9821	Lupinus luteus, nucleotide sequences
proteins, nucleotide sequences 12137	Cuphea viscosissima	2757
Cucurbita moschata	fatty acids, mutations 7343	Nicotiana sylvestris
Bemisia argentifolii 1869, 1873	seeds, mutations 7343	gene expression 2104
cultivars, Loana-52 3861	Cuphea wrightii	nucleotide sequences 2104
drought resistance 1869	acyl carrier protein synthase	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
artificial selection 13256	gene expression 7342-7343	tion 8828
farm inputs 1867	genetic engineering 7342	Zea mays, gene expression 9137
fruits, artificial selection 13246	nucleotide sequences 7343	Cycloartenol synthase
genetic resources 1867	chromosome aberrations 9821	Pisum sativum
habit 9624	fatty acids	gene expression 1712
heat resistance 1869		nucleotide sequences 1712
artificial selection 13256	gene expression 7342-7343	Cyclobalanopsis glauca, isoenzymes, geneti
interspecific hybridization 9624	genetic engineering 7342	variation 6277
Meloidogyne incognita 1872	nucleotide sequences 7343	Cyclophilin
Pseudoperonospora cubensis 1869	interspecific hybridization 9821	
stress 10847	morphology, maternal effects 9821	Arabidopsis thaliana
yield components, artificial selection	Cupressaceae, chromosome morphology	gene expression 4242
13246	9989	nucleotide sequences 4242
Cucurbita pepo	Cupressus dupreziana	phylogeny 4242
anther culture 9626	DNA 12484	Cyclophilins  Arabidansis thaliana 12613
Bemisia argentifolii 1873	endosperm 12484	Arabidopsis thaliana 12613

Cyclophilins cont.	Cyperus papyrus, height 8823	Cytokinins cont.
Catharanthus roseus, gene expression	Cypripedium fasciculatum	Arabidopsis thaliana
1158	cell division 1121	gene expression 4256, 11442 molecular genetics 71
Cydia critica, Cajanus cajan 13142	pollen 1121 Cypripedium macranthos, tissue culture	mutations 71, 4256, 10239
Cydia pomonella Juglans regia 6068	3303	nucleotide sequences 4256, 11442
genetic transformation 6069	Cysteine endopeptidase	Bambusa arundinacea 7612
Cydonia (see also Chaenomeles)	Oryza sativa	Brassica napus (rape)
Cydonia oblonga, rootstocks 8396, 12145	gene expression 3628	gene expression 8503 genetic transformation 8503
Cylindrocarpon (see Nectria) Cylindrocladium crotalariae, Arachis hypo-	nucleotide sequences 377, 3628  Cysteine proteinase	Catharanthus roseus, genetic transforma-
gaea 3985	Pseudotsuga menziesii	tion 1157
Cylindrosporium (see also Pyrenopeziza)	gene expression 2185	Glycine max, gene expression 9370
Cymbidium	nucleotide sequences 2185	Ipomoea batatas, genetic transformation
colchicine 6364	Zea mays gene expression 284	3426 Lycopersicon esculentum
Fusarium oxysporum 11319 induced mutations 6364	nucleotide sequences 284	gene expression 10813
interspecific hybridization 11319	Cysteine proteinases	mutations 10239, 10813
isoenzymes	Arabidopsis thaliana, gene expression	Nicotiana plumbaginifolia, mutations
genetic variation 8820	10197	4256 Nicotiana tabacum
genetics 6365 polymorphism 6365	Brassica napus, gene expression 3968 Mesembryanthemum crystallinum	gene expression 4033-4034, 8646
mutagens 6364	gene expression 13582	genetic transformation 949, 962,
taxonomy 4158, 8820, 11317	nucleotide sequences 13582	2118, 8646
ultraviolet radiation 6364	Vigna radiata	mutations 949
variety classification, random amplified	gene expression 3779	Pharbitis nil, genetic transformation 3426 Phaseolus vulgaris, mutations 10239
polymorphic DNA 6362  Cymbidium ensifolium	nucleotide sequences 3779 <b>Cytochrome,</b> Nicotiana tabacum, genetic	Prunus (peaches), genetic transformation
isoenzymes, genetic variation 8820	transformation 4032	7159
tissue culture 6366	Cytochrome-c oxidase	Zea mays
Cymbidium goeringii, isoenzymes, genetic	Arabidopsis thaliana	gene expression 9141
variation 8820  Cymbidium ringspot tombusvirus, Nico-	gene expression 3385, 12622 mitochondrial genetics 12622	nucleotide sequences 9141  Cytology
tiana benthamiana, genetic transforma-	Beta vulgaris (sugarbeet)	Boehmeria nivea 3211
tion 9899-9900	mitochondrial genetics 3148	Citrus jambhiri 848
Cymbidium sinense, isoenzymes, genetic	restriction fragment length polymor-	Citrus reticulata 848
variation 8820	phism 3148	forest trees 9936
Cymbopogon drought resistance 13605	Brassica campestris (turnips) gene mapping 7016	conferences 10103 grasses, conferences 7633
taxonomy 8857	mitochondrial genetics 7016	reviews 1340
yields 13605	nucleotide sequences 7016	techniques 11486
Cymbopogon flexuosus	conifers	Triticum aestivum 2409
cultivars, Krishna 3330 essential oils	gene expression 9961	Vicia 1660 Vicia sativa 1660
artificial selection 10074	nucleotide sequences 9961 Fagus crenata	Zea mays, techniques 10404
mutations 1210	mitochondrial genetics 11183	Cytomixis
Cymbopogon jwarancusa	restriction fragment length polymor-	Boehmeria nivea 12425
carbohydrates 7604	phism 11183	Prunus besseyi 9656
chromosome morphology 7601 development 7604	Pinus sylvestris mitochondrial genetics 7475	Prunus triloba 9656 Prunus ussuriensis 9656
essential oils 1209	restriction fragment length polymor-	Zea mays 2569, 5494
Cymbopogon martinii, salinity, in vitro	phism 7475	Zea mexicana 2569
selection 1213	Sorghum bicolor 2613	Cytoplasm, Oryza sativa, random amplified
Cymbopogon winterianus, geraniol, mutations 7603	Triticum aestivum gene expression 150	polymorphic DNA 2639  Cytoplasmic inheritance
Cynara cardunculus	mitochondrial genetics 150	Aegilops, salinity 11639
flavonoids 736	nucleocytoplasmic interaction 150	Allium ampeloprasum 5863
phenolic compounds 736	Zea mays	Allium cepa 5863
Cynara scolymus cultivars, Unirea 1138	gene expression 2555	Cucumis 12131
flavonoids 736	mitochondrial genetics 2555  Cytochrome P-450	Cucumis melo, plant disorders 1861 Jasminum nudiflorum 10072
fructosyltransferase, nucleotide sequences	Arabidopsis thaliana	Jasminum officinale 10072
2943	gene expression 10145, 12633	Pennisetum glaucum
inulin	nucleotide sequences 12633	morphology 11761
gene expression 10799 genetic engineering 10799	gene expression 11399 Glycine max	yield components 11761  Phaseolus vulgaris 5751
phenolic compounds 736	nucleotide sequences 10637	Thymus vulgaris, cytoplasmic male steril-
tissue culture 3314	polymerase chain reaction 10637	ity 13599
yield components, heritability 13205 yield correlations 13205	nucleotide sequences 11399	Triticum aestivum, salinity 11639
Cynodon	Solanum tuberosum, genetic transformation 10755	Turnera ulmifolia 9819 Cytoplasmic male sterility
cultivars	Cytochrome P-450 monooxygenase	Aegilops kotschyi 4369
FloraDwarf 9309	Arabidopsis thaliana	Aegilops ventricosa 4369
Tift-94 1637	gene expression 6507	Allium cepa
DNA fingerprinting 9310 variety classification, molecular genetics	nucleotide sequences 6507  Cytochromes	chloroplast genetics 716
502	Arabidopsis thaliana	genetics 5867 mitochondrial genetics 7031
Cynodon dactylon	nucleotide sequences 8926	polymerase chain reaction 5868, 7031
allergens, nucleotide sequences 5668	restriction fragment length polymor-	Allium schoenoprasum 717
cold resistance 5669 cultivars	phism 8926	genetics 718
Cheyenne 5667	Populus deltoides gene expression 6267	restriction fragment length polymor-
Jackpot 2723	nucleotide sequences 6267	phism 719 Allium vavilovii, chloroplast genetics 716
Quicksand 2724	Sorghum bicolor, nucleotide sequences	Beta 11082
Savannah 5666	4517	Beta maritima
Sundevil 9308 fatty acids 5669	Cytogenetics Festuca 2701	gene mapping 11081
Ophiosphaerella herpotricha 10595	Lolium 2701	mitochondrial genetics 11081 random amplified polymorphic DNA
pollen, nucleotide sequences 5668	Cytokinins	11081
Cynodon transvaalensis, Ophiosphaerella	Actinidia deliciosa, genetic transforma-	restriction fragment length polymor-
herpotricha 10595	tion 3426	phism 11081

Cytoplasmic male sterility cont.  Beta vulgaris (beetroots) 2918	Cytoplasmic male sterility cont.  Pennisetum glaucum 4529, 10518	Cytotaxonomy cont. Senecio 6329
Beta vulgaris (sugarbeet) 6152, 7359,	artificial selection 6737	Sorghum 8022
8618, 11080, 11082-11083	germplasm releases 2620, 10514,	2,4-D
genetics 4005 germplasm releases 3155	10520-10521	Arabidopsis thaliana 11449
inbreeding 4004	restriction fragment length polymor- phism 1553	genetics 6521
mitochondrial genetics 3148, 4004,	Petunia	mutations 6521  Gossypium hirsutum, genetic transforma-
12363	mitochondrial genetics 1102	tion 3206
polymerase chain reaction 12363 restriction fragment length polymor-	molecular genetics 6350	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
phism 3148	mutations 1102  Petunia hybrida, molecular genetics 7549	tion 5026 Oryza sativa
Brassica campestris	Phaseolus vulgaris 11972	random amplified polymorphic DNA
genetics 726	gene expression 11971	11775
molecular genetics 7039  Brassica campestris (turnip rape) 8507	mitochondrial genetics 11971 population genetics 11475	restriction fragment length polymor-
Brassica chinensis 5885, 8349, 9570	Prunus persica, genetics 825	phism 11775 somaclonal variation 11775
Brassica juncea 2935, 3103, 9772, 13354	Raphanus raphanistrum 12063	Dactylis glomerata
Brassica napus 8510	Raphanus sativus 12063	carbon dioxide 3671
Brassica napus (rape) 3091, 4949, 6081, 8507, 13348	reviews 1347 Secale cereale 269	cell cycle 3671
gene expression 4951	gene mapping 11685	chlorophyll 8128 chromosome number 6858
gene mapping 12278	genetics 12818	cultivars
genetic markers 13353 mitochondrial genetics 876, 4951	random amplified polymorphic DNA	Duke 1626
polymerase chain reaction 876	11685 restriction fragment length polymor-	Grasslands Tekapo 2706
random amplified polymorphic DNA	phism 11685	digestibility 484 drought resistance 1628
6080, 9769, 12278	Solanum acaule	ecotypes 1625, 6859, 13033
restriction fragment length polymor- phism 12274, 12278	mitochondrial genetics 12094	embryo culture 6858
Brassica oleracea	nucleotide sequences 12094  Sorghum bicolor 3591, 4519, 5555, 8013	forage
genetics 726	gene expression 4521	artificial selection 490-492 heritability 11872
molecular genetics 7039	germplasm releases 2607, 2609	genetic resources 4574
Brassica oleracea (broccoli) 2934 Brassica oleracea (cabbages) 10788	mitochondrial genetics 331, 4521, 9191	genetic transformation 489
Chenopodium quinoa 9293	nucleotide sequences 331	geography 1625
Cichorium intybus	random amplified polymorphic DNA	inbreeding depression 10584 isoenzymes, polymorphism 11875
mitochondrial genetics 2942	9191	latitude 3671
restriction fragment length polymor- phism 2942	restriction fragment length polymor- phism 9191	magnesium, techniques 3672
crops, genetic variance 11482	Sorghum sudanense 3591	nutritive value 8131  Phleum pratense, intergeneric hybridiza-
Daucus carota 5826	germplasm releases 10502-10503	tion 6858
gene expression 5819 genetics 5821	Thymus vulgaris 5153 cytoplasmic inheritance 13599	prolamins, polymorphism 6859
mitochondrial genetics 5819-5820,	triticale 7912, 12839	Puccinia graminis, germplasm releases
10760	Triticum aestivum 156, 4368-4369, 7789	10585 quality 8138
Glycine max, germplasm releases 9387	gene expression 157	seed production, artificial selection 490-
Gossypium, germplasm releases 973 Gossypium harknessii 2140	gene location 4367 gene mapping 6616	492
Gossypium hirsutum 2140	genetic markers 6616	tissue culture, genetics 1627 variety trials 483, 2700
mitochondrial genetics 7406, 12415	mitochondrial genetics 157, 3451,	yields 5655, 8131, 8138
random amplified polymorphic DNA 12415	11568 nucleocytoplasmic interaction 157	Dactylorhiza incarnata
Helianthus, germplasm releases 3974-	random amplified polymorphic DNA	gene flow 6363
3975	3451, 11568	introgression 6363 isoenzymes 6363
Helianthus annuus 9803	restriction fragment length polymor- phism 11568	Dahlia, polyploidy 10028
genetics 891 Lycopersicon esculentum 12098	Zea mays 10419-10420, 11735	Dalbulus maidis, Zea mays, artificial selec-
mitochondrial genetics 12094	gene mapping 296, 2570	tion 7953
nucleotide sequences 12094	genetics 1494, 1497, 4495	Dalea leporina, cultivars, Sundance 13058 Dalechampia
Medicago sativa, mitochondrial genetics 2733	mitochondrial genetics 4495, 4497 molecular genetics 4496	phylogeny
mitochondrial genetics 8977	nucleotide sequences 4497	chloroplast genetics 11491
natural selection 123	restriction fragment length polymor-	ribosomal DNA 11491 <b>Damping off,</b> Cucumis sativus 1887
Nicotiana tabacum	phism 296  Cytosine deaminase	Daphne burkwoodii, cultivars 13522
DNA hybridization 946 polymerase chain reaction 946	Nicotiana tabacum	Dasineura brassicae, Brassica napus (rape)
Oryza 4546, 12960	gene expression 937	9797
Oryza sativa 409, 412-413, 416, 1574,	genetic transformation 937	Dasypyrum villosum Aegilops juvenalis, Triticum, intergeneric
2648, 4546, 5586, 5588, 6778, 6781, 8055, 9241, 9243, 11790-	Cytosol aminopeptidase Glycine max 10642	hybridization 4386
11793, 11795-11796, 12942, 12947-	Glycine soja 10642	anther culture 4386
12950, 12956, 12958-12962, 12967-	Lycopersicon esculentum	chromosome morphology 8160
12969, 12973, 12983, 12992, 13009	gene expression 5910	chromosome pairing 11561 DNA 8160
amplified fragment length polymor- phism 10540	nucleotide sequences 5910  Cytospora persoonii, Prunus avium 12182	population genetics 8160
gene mapping 406, 408, 3621, 11794	Cytotaxonomy	Pseudocercosporella herpotrichoides
genetic markers 406	Allium ampeloprasum 4727	gene mapping 11645
genetics 1576, 3621, 5590, 8057,	Allium atroviolaceum 4727	genetic markers 11645  Secale cereale, Triticum durum, interge-
10539, 12951, 12963-12965 germplasm releases 12955	Allium commutatum 4727 Artemisia herba-alba 9296	neric hybridization 11561
induced mutations 407	Chelone 12531	Triticum, intergeneric hybridization 5413
maternal effects 2647	Gentiana 8796	Triticum aestivum
modifiers 12965	Hemerocallis forrestii 8815 Hemerocallis multiflora 8815	Erysiphe graminis, chromosome substitution 5413
mutations 11794 polymerase chain reaction 11779	Hemerocallis plicata 8815	intergeneric hybridization 2412, 2414
protoplast fusion 414, 12954	Jaeschkea 8796	9014, 11645
random amplified polymorphic DNA	Kengyilia laxiflora 13040	Triticum dicoccum, intergeneric hybridization 9014
11794, 12953, 12957	Lotus 2761 Phleum 4591	Triticum durum, intergeneric hybridiza-
restriction fragment length polymor- phism 11789	Scilla autumnalis 1114	tion 9073
PARTOLIA A A I V		

Databases	Daucus carota cont.	Daucus carota cont.
Arabidopsis thaliana, gene mapping 5233	genetics, conferences 7631	variety classification 5825 random amplified polymorphic DN.
cereals, nucleotide sequences 374	glutamate-ammonia ligase, nucleotide sequences 10757	5817
Festuca 5662	glyphosate	variety trials 5813-5814
fodder plants, genetic resources 9294 genetic resources 11366	gene expression 9542	wide hybridization 5832
grain legumes, genetic resources 10629	in vitro selection 9542	yield components, genotype environment
mitochondrial genetics 5214	stability 9542	interaction 5831
nucleotide sequences 11386-11390	growth regulators	yield correlations 2885
Oryza sativa, nucleotide sequences 374	gene expression 2789	17-O-deacetylvindoline O-acetyltransfer-
promoters, nucleotide sequences 5215	genetic transformation 2789, 4620	ase, Catharanthus roseus, nucleotide
Solanum tuberosum 12019	herbicides 0542	sequences 11330
taxonomy 131	gene expression 9542	Death gene expression 7680
Theobroma cacao, genetic resources 7368-7373	in vitro selection 9542 stability 9542	Hordeum vulgare
Triticum 5319	Hordeum vulgare, protoplast fusion 7754	gene expression 3517
genetic resources 6571	hybrid varieties 5814	nucleotide sequences 3517
variety trials 7661	hydroxyproline, in vitro selection 1789	Nicotiana plumbaginifolia 7382
Vigna subterranea 1745	leaves, genetics 5821	reviews 7680
Datisca glomerata, tissue culture 1093	lipid transfer proteins, gene expression	Zea mays, gene expression 9162
Datura 7596	2886	Decaryochloa disdelpha, taxonomy 5164
genetic transformation 7586	Meloidogyne hapla gene mapping 5815	Defensins  Archidensis theliane
hyoscyamine 7586 nomenclature 6383	genetic markers 5836	Arabidopsis thaliana gene expression 5261
scopolamine 7586	genetics 5836	nucleotide sequences 5261
tissue culture 7586	Meloidogyne javanica	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
Datura arborea, Agrobacterium rhizogenes,	genetic markers 5836	tion 8655
genetic transformation 11247	genetics 5836	Defoliation
Datura fastuosa	methotrexate	Lolium perenne 4581
cultivars, Silvia 1138	in vitro selection 700	Trifolium repens 3698
genetic transformation 7579 in vitro culture 5283	molecular genetics 700 microsatellites, polymerase chain reaction	Dehydrins
Datura sanguinea, Agrobacterium	5816	gene expression 1256
rhizogenes, genetic transformation	mitochondrial genetics 4706	gene mapping 1256  Hordeum vulgare
11247	Mycocentrospora acerina 7014	DNA hybridization 10319
Datura stramonium	nutritive value 5827	nucleotide sequences 10319
germination 1161	ornithine decarboxylase	Lycopersicon esculentum, gene expres-
seeds, storage 1161	gene expression 12044	sion 747
Datura wrightii	genetic transformation 12044	Pisum sativum
Aleyrodidae 8839 plant glands 8839	pathogenesis-related proteins gene expression 4708	genetics 10692
Daucus	nucleotide sequences 4708	nucleotide sequences 10692
Erwinia carotovora, in vitro selection	phenolic compounds 5829, 7014	Prunus persica, gene expression 3897 Triticum aestivum
7015	phylogeny	gene expression 9061
interspecific hybridization 7015	amplified fragment length polymor-	gene mapping 11551
phylogeny	phism 12046	Vigna unguiculata, genetics 664
amplified fragment length polymor- phism 12046	chloroplast genetics 5830, 9540	Zea mays
mitochondrial genetics 12046	mitochondrial genetics 5830, 10760, 12046	gene location 12875
random amplified polymorphic DNA	nucleotide sequences 9540	genetics 12875
12046	random amplified polymorphic DNA	Delia floralis, Brassica 7044
Daucus carota	12046	Delia radicum, Brassica 7044 Delphinium bolosii, isoenzymes, genetic
Alternaria dauci, genetics 9541	restriction fragment length polymor-	variation 12523
auxins	phism 5830	Delphinium cardinale
gene expression 2789 genetic transformation 2789, 4620	plant composition 5822-5823, 5827 plant disorders 5828	interspecific hybridization 1082
binding proteins, genetic transformation	plant embryos	ovule culture 1082
4620	DNA methylation 12043	Delphinium grandiflorum
breeding 5811	gene expression 10757, 10759	interspecific hybridization 1082
conferences 7631	pollen 2885	ovule culture 1082
carotenoids, amplified fragment length	pollination 135	Delphinium nudicaule
polymorphism 5818	proline 1789	interspecific hybridization 1082 ovule culture 1082
cell culture 1789, 3798-3799, 9542 techniques 699	proteasomes 361	Dendranthema
chitinase, gene expression 10759	protoplast culture 5826 protoplast fusion 5826	colour, induced mutations 6334
cold resistance 7754	Psila rosae 7014	gamma radiation 6334
colour, genetics 5821	Pythium sulcatum 5835	genetic resources 8763
cultivars 5299	Pythium violae 5834-5835	genetic transformation 6304, 7523
Jinhong-1 10756	quality 5828	ions 6334
Jinhong-2 10756	Rhizoctonia carotae 7014	nomenclature 4141
Mars 2387	roots 5825	pollen, storage 10005
cytoplasmic male sterility 5826 gene expression 5819	gene expression 4708	Dendranthema grandiflora colour, induced mutations 7534
genetics 5821	genetics 5821 nucleotide sequences 4708	flowers, induced mutations 7534
mitochondrial genetics 5819-5820,	salinity 7754	gamma radiation 7534
10760	Sclerotinia sclerotiorum 7014	induced mutations 7539
DNA binding proteins, molecular genet-	somatic embryogenesis 361, 3799-3800	inflorescences, induced mutations 7535
ics 10758	gene expression 10757, 10759	radiation 7535, 7539
DNA methylation, techniques 1788	mutations 3798	tissue culture 7535, 7539
DNA methyltransferase	techniques 12687	tomato spotted wilt tospovirus, genetic
gene expression 5824 nucleotide sequences 5824	tissue culture 12045	transformation 7542
DNA repair, nucleotide sequences 7013	stability 2885 storage 8331	Dendranthema morifolium
drought resistance 1789	temperature 3798	chromosome morphology 8832 chromosome pairing 8832
Erwinia carotovora 5832	tissue culture 2886, 4707	flowering, induced mutations 11257
in vitro selection 5833	toxic substances	gamma radiation 11257
falcarindiol 7014	in vitro selection 700, 1789	growth period, induced mutations 1125
fertility, mitochondrial genetics 13177	molecular genetics 700	pollen 11254
gene flow 135 genetic resources 5812, 5823, 5832	transfer RNA	Dendranthema pacificum
genetic resources 3812, 3823, 3832 genetic transformation 7012	gene expression 51	nucleotide sequences 10012
Sellede d'alloroffilation 7012	genetic transformation 51	transposable elements 10012

Dendranthema shiwogiku	Development cont.	Development cont.
Chrysanthemum morifolium	angiosperms cont.	Lycopersicon esculentum
chromosome number 1084	molecular genetics 10140	gene expression 1824, 3832, 4763,
intergeneric hybridization 1084,	Antirrhinum, gene expression 3419	5915, 9591, 12102
10013	Antirrhinum majus 13572	genetic engineering 1824, 10810
Dendranthema zawadskii	gene expression 2220, 11268	genetic transformation 1824
genetic transformation 12512	nucleotide sequences 11268	genetics 2390
tissue culture 12512  Dendrobium	Apiaceae 5886	molecular genetics 739
anatomy 1122	Arabidopsis, gene expression 80	mutations 739, 2390, 3832, 12090
DNA 12540	Arabidopsis thaliana 11439	nucleotide sequences 4763, 12090,
leaves 1122	gene expression 41, 60, 66, 77, 1323,	12102 Malus pumila
taxonomy 1122	2345-2346, 3419, 5249, 6476,	gene expression 13276
Dendrobium aggregatum, tissue culture	6511, 7715-7716, 7718, 10148,	gene mapping 10867
1123	10180, 10193-10194, 10199, 11434, 11444, 11447, 12637,	genetic transformation 13276
Dendrocalamus copelandii, nomenclature	12642	random amplified polymorphic DN
2266	gene mapping 10191	10867
Dendrocalamus strictus	genetic transformation 41, 5245,	mathematics 7749
flowering 7613	7718, 8059, 11196	Mendoncia 11262
tissue culture 7613, 10078	genetics 4254, 4269, 5250	mitochondrial genetics 11400
Denmark, reports, National Committee for	reviews 1316	molecular genetics
Plant Production 3345	induced mutations 2351, 5245, 8950,	books 13626
Deoxynucleoside triphosphates	10189-10190	conferences 10101
Hordeum vulgare 5272 Vicia faba 5272	modifiers 10189	reviews 8915
Deoxyribonuclease	molecular genetics 6504	mutations 10227
Hordeum vulgare	mutations 62, 66, 76, 78, 83, 1315,	Nicotiana plumbaginifolia, genetic tran formation 1824
gene expression 11667	2345-2346, 2353, 4254, 4257,	Nicotiana tabacum 5019, 9885
nucleotide sequences 11667	4263, 4269, 5249-5250, 6501,	DNA methylation 4021
Suregada multiflora 6442	7716, 10178, 10180, 10191,	gene expression 41, 4021, 7109,
Zinnia elegans	10200, 11421, 11447, 11453, 12637, 12642	13426
gene expression 11667	reviews 1316, 2344	genetic transformation 10810, 1239
nucleotide sequences 11667	nucleotide sequences 66, 7715-7716,	mutations 4030
Desaturases	10180, 10199, 11421	nucleotide sequences 7109, 9883
Arabidopsis thaliana	polymorphism 12652	Olea europaea 3981
gene expression 7728	transposable elements 5239	Origanum 2257
nucleotide sequences 7728	ultraviolet radiation 12646	Oryza sativa 8089, 11803
fatty oil plants, genetic engineering 9755	Beta 926	gene expression 3624, 8059, 10544
Solanum tuberosum, gene expression 687	Beta maritima 11088	genetics 12984
Deschampsia cespitosa	Brassica, genetics 1801	in vitro selection 12984
light 8164	Brassica campestris 8509	mutations 10545 nucleotide sequences 10544
Puccinia graminis 8164  Deschampsia flexuosa	Brassica chinensis 5885	restriction fragment length polymor
chromosome banding 5675	Brassica juncea 8509	phism 11797
DNA hybridization 5675	Brassica napus (rape) 8509, 12280	Phaseolus vulgaris 11976
isoenzymes, polymorphism 5675	Brassicaceae 5886	Picea abies, heritability 1048
Deschampsia stricta	Ceratopteris richardii, nucleotide sequences 11322	Picea mariana, heterosis 12474
chromosome banding 5675	chloroplast genetics 11400	Picea rubens, heterosis 12474
DNA hybridization 5675	Cicer arietinum	Pinus brutia, heritability 2171
isoenzymes, polymorphism 5675	gene expression 637, 10707	Pinus caribaea
Desiccation	induced mutations 2846	genetics 12460
Arabidopsis thaliana, genetic transforma-	nucleotide sequences 637, 10707	heritability 12460
tion 7575	Coffea arabica 9857	Pinus oocarpa genetics 12460
Craterostigma plantagineum 2206 gene expression 1098, 7575, 8826	Coffea canephora 9866	heritability 12460
	Conospermum 6336	Pinus patula
nucleotide sequences 8826  Hordeum vulgare, gene expression 322	Coprinus cinereus, mutations 5170	genetics 12460
Nicotiana tabacum	Corylus avellana 13343-13344	heritability 12460
genetic engineering 959	Crambe abyssinica 8509	Pinus radiata
genetic transformation 7575	Cucumis sativus	gene expression 11196, 11198
Sporobolus pyramidalis, gene expression	gene expression 7109	genetic engineering 11196
8162	nucleotide sequences 7109	Pinus taeda, artificial selection 1029
Sporobolus stapfianus, gene expression	Cucurbita pepo 13252-13253	Pisum sativum
8162	Cymbopogon jwarancusa 7604 DNA methylation 35, 11398	gene expression 10685
Zea mays 1509	Eucalyptus	genetics 2390, 8278
gene expression 322, 3556	gene expression 2156	mutations 2390, 2838, 3754, 8278
mutations 3556	nucleotide sequences 2156	Polygonatum simizui 6333
Desmanthus virgatus	Eucalyptus globulus, heritability 4066.	Populus deltoides, heterosis 1007 Populus interamericana, heterosis 100'
breeding 8227	forest trees, gene expression 9939	Populus tremuloides, heritability 11187
genetic resources 8227	gene expression 1271, 8900, 8972, 11395	Populus trichocarpa, heterosis 1007
Desmodium heterocarpon, cold resistance	genetics, reviews 11488	Prunus armeniaca 9655
Determinate and indeterminate habit	Glycine max 586	Prunus avium, induced mutations 1090
Glycine max	mutations 9394, 9406	Prunus persica 10921
genetics 13081	Gossypium barbadense 4053, 7407	gene expression 10922
pleiotropy 13081	Gossypium hirsutum 4053, 7407	nucleotide sequences 10922
Lycopersicon esculentum 2946, 9590,	Hevea brasiliensis, genotype environment	Pseudocalyx 11262
10812	interaction 7421	Psidium guajava 7242-7243
Vicia faba 602	Hordeum vulgare	Ricinus communis 3989
Deuterophoma tracheiphila, Citrus 12255	gene mapping 4301	Secale cereale
Development 5279	restriction fragment length polymor- phism 4301	gene mapping 4301
Actinidia 1958-1959, 4895	Impatiens balsamina, gene expression	restriction fragment length polymor phism 4301
Agaricus 10088	10018	Sesamum indicum, heterosis 2066
Agaricus bisporus, mitochondrial genetics	Lacandonia schismatica 8975	Sinapis alba
7619	Lepidium 9581	gene expression 66
Allium cepa gene expression 5871	Lilium 10037	mutations 66
nucleotide sequences 5871	Lilium davidii 8817	nucleotide sequences 66
Allium sativum 3808	Lilium longiflorum, gene expression 4150	Solanum melongena, genetics 4776
Ananas comosus, tissue culture 13319	Lolium perenne 4581, 8145-8147	Solanum tuberosum 3788
angiosperms 6546	Lupinus angustifolius 11916	Stirlingia 6336

Development cont.	Diatraea grandiosella cont.	3,9-Dihydroxypterocarpan 6a-
Synaphea 6336	Zea mays cont.	monooxygenase
Thunbergia 11262	techniques 7991	Glycine max gene expression 13088
tissue culture, reviews 8915	Diatraea saccharalis	genetic engineering 13088
Trifolium repens	Sorghum bicolor 1548 Zea mays 7973	DIMBOA
genetics 8208 mutations 8208	artificial selection 7992	Hordeum 11679
Trifolium subterraneum 1656	gene mapping 12897	Poaceae 11679
Triticum aestivum 2418, 3452, 3456,	genetic markers 3589, 7987, 11741	Triticum aestivum 2478
3490, 4374, 9033, 11582	restriction fragment length polymor-	Zea diploperennis 10442
gene mapping 4301	phism 3589, 7987	Zea mays 7964, 7993, 10442 mutations 3568
molecular genetics 12727	Dicamba, crops, genetic engineering 4223	Dimethyl sulfate
restriction fragment length polymor- phism 4301	Dichondra micrantha	Capsicum annuum 1843
Triticum dicoccum 2418	geography 8765 plant introduction 8765	Trifolium pratense 6889
Triticum durum 2418, 9033	Diclofop, Lolium multiflorum, germplasm	Dimethylallyltranstransferase
Vigna angularis 9503	releases 2714	Arabidopsis thaliana
Vitis 7199	Dicorynia guianensis, amplified fragment	gene expression 4238
Vitis vinifera, genotype environment interaction 10950	length polymorphism 6472	nucleotide sequences 4238  Artemisia annua, nucleotide sequences
Zea mays 7937, 9160, 10401, 12883	Dictionaries, molecular genetics 8878	2234
gene expression 3560, 7940, 9156,	Didymella (see also Mycosphaerella) Didymella bryoniae, Cucumis melo 1856	Dimethylsulfonate, Trifolium pratense 27:
10416	Dieffenbachia, diseases 4171	Dimocarpus longan
gene location 307	Diethyl sulfate, Pisum sativum 10687	embryo culture 8487, 9740
gene mapping 11699	Differentiation (see Development)	fruits 9741 quality 9741
genetics 2580, 4254 inbreeding 11709	Digestibility	Dioecy, Asarum 8795
induced mutations 2578, 9152	Chloris gayana 4588	Dioryctria sylvestrella, Pinus eldarica 629
mutations 1500-1501, 4254, 5499,	Dactylis glomerata 484	Dioryctria zimmermanni, Pinus sylvestris
9156, 9159, 10429, 10441,	Festuca arundinacea 484	4093, 6289
10451-10452, 10474	Festuca pratensis 9298 Lolium hybridum 496	Dioscorea
nucleotide sequences 9159, 10451	Lolium multiflorum 496	breeding 2910
techniques 7936  Diabrotica, Zea mays 7993	Lolium perenne 495, 8150-8151, 9298	genetic resources 9507 books 11355
Diabrotica virgifera	Medicago sativa 529, 8187, 9329, 11904	germination 707
Zea mays	Oryza sativa 442	gibberellic acid 707
artificial selection 8004	Phleum pratense 9298	isoenzymes 5842
hydroxamic acids 7979	Sorghum bicolor 1544	leaves 5842
Diacylglycerols	Vigna unguiculata, genetic variance 5786  Zea mays 312, 1515-1516, 2587, 5521,	phylogeny
Cucumis sativus gene expression 7107	6714, 11722	glucose-6-phosphate isomerase 471 nucleotide sequences 4713
nucleotide sequences 7107	genotype environment interaction	taxonomy, genetic markers 5843
Dianthus, interspecific hybridization 11251	2589	tissue culture 2870, 8306
Dianthus capitatus	heritability 3573	tubers 5842
interspecific hybridization 10024	restriction fragment length polymor- phism 3573	Dioscorea alata
Pseudomonas caryophylli 10024 Dianthus caryophyllus	Digitalis lanata, genetic transformation 7578	breeding 2909
anthranilate <i>N</i> -benzoyltransferase	Digitaria, phylogeny, random amplified	polyploidy 4712 sex 4712
gene expression 4135	polymorphic DNA 1643	tissue culture 2911
nucleotide sequences 4135	Digitaria exilis, phylogeny, random ampli-	Dioscorea balcanica
cultivars	fied polymorphic DNA 1643	diosgenin, tissue culture 12058
Statas 8776 Tasman 8776	<b>Digitaria horizontalis</b> Oryza glaberrima 4569	phytosterols, tissue culture 12058
flowers	Oryza sativa 4569	Dioscorea batatas, cultivars, Ma-1 7021 Dioscorea cayenensis
genetic markers 7490	Digitaria milanjiana, cultivars, Arnhem	genetic resources 7020
linkage 5105	3683, 8154	taxonomy, genetic markers 5843
random amplified polymorphic DNA	Digitaria sanguinalis	Dioscorea esculenta, tissue culture 2911
5105 restriction fragment length polymor-	pollen germination 10582 tissue culture 1170	Dioscorea rotundata
phism 5105	ultrastructure 10582	cryopreservation 12688 Fusarium 4714
Fusarium oxysporum 4143, 6345, 13566-	Dihydrodipicolinate synthase	genetic resources 7020
13567	Nicotiana tabacum	Heteroligus meles 4714
genetic transformation 7525	gene expression 7389	taxonomy, genetic markers 5843
interspecific hybridization 10024, 11251	genetic transformation 7389	tissue culture 2911
peroxidases 6337 phenolic compounds 6345	Dihydrofolate reductase	Dioscorea tokoro, glucose-6-phosphate
Phialophora cinerescens 6345	Nicotiana tabacum	isomerase, nucleotide sequences 9549
Pseudomonas caryophylli 10024	genetic markers 12384 genetic transformation 12384	<b>Diosgenin</b> , <i>Dioscorea balcanica</i> , tissue cu ture 12058
tissue culture 6337-6339, 13567	Dihydrokaempferol 4-reductase	Diospyros
Uromyces dianthi 8799	Antirrhinum majus	breeding, conferences 4207
Dianthus klokovii, taxonomy 6343	gene expression 1099	chemotaxonomy 4926
Diaporthe, Glycine max 10654 Diaporthe helianthi	genetic engineering 1061, 1099	flavonoids 4926
Helianthus annuus 2042	Bromheadia finlaysoniana	genetic resources 4920 phylogeny
gene mapping 4974	gene expression 12539	chloroplast genetics 12260
Helianthus argophyllus 2042	nucleotide sequences 12539 Forsythia intermedia	restriction fragment length polymor
Diaporthe phaseolorum	gene expression 1061	phism 12260
Glycine max 5740, 6916, 13089 genetics 3726	genetic transformation 1061	Diospyros glandulosa
Diaprepes abbreviatus, Citrus 6057	Fragaria ananassa	polyploidy 4922
Diascia barbarae, cultivars, Fiona 8778	gene expression 12218	protoplast culture 4922 protoplast fusion 4922
Diascia mollis, cultivars, Coral Belle 8777	nucleotide sequences 12218	Diospyros hartmanniana, taxonomy 8484
Diatraea grandiosella	Lotus corniculatus	Diospyros kaki
Zea mays 7970, 7973, 8006 artificial selection 7992, 7996	gene expression 1099, 8218 genetic engineering 8218	aneuploidy 3952
gene mapping 5489, 12897, 12899	genetic transformation 1099	Bacillus thuringiensis, genetic transfor-
genetic markers 3589, 7987, 11741	Pharbitis nil, mutations 1077	mation 3073 cold resistance 4927-4928
genetic transformation 10497	Pharbitis purpurea 12516	fruits 4923
genetics 7996	Zea mays	β-galactosidase
restriction fragment length polymor- phism 3589, 7987	gene expression 9144	nucleotide sequences 12259
F	nucleotide sequences 9144	polymerase chain reaction 12259

Diospyros kaki cont.	Diseases cont.	DNA cont.
genetic resources 4921, 12258	genetics cont.	
genetic transformation 8482	reviews 7679	Huernia 7572
geography 4928		Lathyrus 5713
isoenzymes, multivariate analysis 4924	Glycine max 3713-3714, 6915	Lilium 11298
Monard flavorence analysis 4924	Gossypium hirsutum, germplasm releases	Mammillaria 2228, 6374, 7571
Monema flavescens, genetic transforma-	3189, 3199, 6226-6227	Melocactus 10045
tion 3073	grasses 486	Metroxylon 6392
plant introduction 12258	Hordeum vulgare 5317, 12795	Musa 6042
Plodia interpunctella, genetic transforma-	gene mapping 12800	techniques 6043
tion 3073	Lactuca sativa, nucleotide sequences	Nicotiana tabacum, techniques 12387
pollen 8483	12082	Orchidaceae 11314, 12540
pollination 3952-3953	Lycopersicon 10825	Oryza sativa, heterosis 403
polyploidy 4922, 4925	Malus pumila 12158	Pinus banksiana 5071
protoplast culture 4922	genetic markers 807	Pinus koraiensis 12464
quality 4923	Mangifera indica 8474	Prunus avium 11191
tissue culture 3954, 4925, 8482, 13333	Manihot esculenta, genetic engineering	Pyrrosia longifolia, techniques 5131
variety classification 4924	7019	Pyrrosia piloselloides, techniques 5131
Diospyros kupensis, taxonomy 10976	Medicago sativa 1648, 9323-9324	Quercus 12450
Diospyros lotus	molecular genetics 1259, 1262, 11348,	Stapelia 7572
pollen 8483	11379	Stultitia 7572
pollen germination 7244	books 5182	
pollination 7244	reviews 8896	techniques 5211, 11486, 12609
Diospyros oleifera	Musa 1974	Trigonella foenum-graecum 11334
pollen germination 7244		Triticum aestivum 2409, 2413, 4358
	Nicotiana tabacum, gene expression 4040	woody plants, techniques 1341
pollination 7244	nut crops 8397	Zea mays 10401, 10409-10410
Diospyros rhombifolia, pollen 8483	Oryza sativa 5627	DNA binding proteins 11391
Diospyros virginiana, pollen 8483	Petroselinum crispum, gene expression	Arabidopsis thaliana
Diospyros whitei, taxonomy 8484	7597	chloroplast genetics 5222
Diplocarpon rosae	Phaseolus vulgaris	gene expression 41, 2332, 2345,
Rosa 7515, 8752	artificial selection 11977	2356, 5222, 5237, 8925, 8927,
Rosa hybrida	random amplified polymorphic DNA	10148, 11427, 12625, 12657
genetic transformation 12510	6931	genetic transformation 41, 5222
genetics 6321	Prunus persica 10933	nucleotide sequences 2345, 2356,
Rosa wichuraiana 12511	Solanum melongena, genetics 8384	5237, 8925, 8927, 12625, 1265
Diplodia (see also Botryosphaeria;	Solanum tuberosum 6997, 8321	Catharanthus roseus
Physalospora)	genetic engineering 8320	gene expression 6326
Diploidy	genetic transformation 3792	nucleotide sequences 6326
Musa 9689	Stylosanthes, conferences 10097	Coix lacryma-jobi, nucleotide sequences
Solanum tuberosum 6989	Triticum aestivum 5317	4571
Diplotaxis catholica	genetics 9067	Craterostigma plantagineum, gene
Brassica juncea	Vigna unguiculata 3773, 12014	expression 13581
intergeneric hybridization 12273	Vitis vinifera, genetic engineering 9678	Cucurbita, molecular genetics 13248
protoplast fusion 12273	Zea mays, genetic engineering 2594	Daucus carota, molecular genetics 1075
	Dissanthelium, taxonomy 13031	
Brassica napus, intergeneric hybridiza-		Glycine max
tion 7277	Ditylenchus dipsaci	gene expression 5736
chromosome pairing 7277	Medicago sativa 6878	nucleotide sequences 11933
mitochondrial genetics 12273	artificial selection 8196	Hordeum vulgare
Diplotaxis erucoides, Brassica juncea, inter-	Diuraphis noxia	gene expression 1449, 6657
generic hybridization 7275	Hordeum 11679	nucleotide sequences 1449, 6657
Diplotaxis siifolia, phylogeny, repetitive	Poaceae 11679	Lycopersicon esculentum, nucleotide
DNA 3096	Triticum aestivum 3508-3509, 4440,	sequences 13228
Diplotaxis tenuisiliqua	5419, 7872	Nicotiana tabacum 7383
Brassica campestris, intergeneric hybridi-	gene mapping 10311, 11650, 11659	gene expression 41, 943, 3165,
zation 11009	genetic markers 10311	13413, 13426
embryo culture 11009	genetics 2482, 9082, 11658	genetic engineering 3165
Discula destructiva, Cornus 7500	germplasm releases 1442, 2479-2480	nucleotide sequences 943, 3165,
<b>Diseases</b> 3369, 6437	linkage 11650	13413
Allium 5881	random amplified polymorphic DNA	Oryza sativa
Allium sativum 13192	5420, 10311	gene expression 455, 2635, 10529
Arabidopsis thaliana	restriction fragment length polymor-	molecular genetics 5579
gene mapping 2359, 6518	phism 11659	nucleotide sequences 455, 2635
mutations 3408, 6519	DNA	Petroselinum crispum
nucleotide sequences 6518	Acer platanoides 11191	gene expression 10067
polymerase chain reaction 6518	Acer pseudoplatanus 11191	nucleotide sequences 10067
restriction fragment length polymor-	Allium, evolution 7034	Petunia hybrida
phism 6518	Allium ascalonicum 5865	gene expression 6348
Arachis hypogaea 2060	Allium cepa, techniques 10220	nucleotide sequences 6348
germplasm releases 2061	Alstroemeria 13575	Pharbitis nil
Brassica oleracea 2938	bamboos 7609	gene expression 12521
Brassicaceae 2938	Brassica oleracea (broccoli) 10787	nucleotide sequences 12521
Capsicum annuum 12119	Cajanus cajan 13141	Pisum sativum
	Camellia sinensis, techniques 9854	gene expression 10682
Cicer arietinum, genetic markers 11998	Capsicum 4781	nucleotide sequences 3753, 10682
crops 7678, 10124	Capsicum annuum, techniques 1841	Spinacia oleracea, gene expression 3818
bibliographies 3368	Chamaecyparis obtusa 7485	Triticum aestivum 4343
gene expression 10125	Coffea liberica 6158	gene expression 2402, 3447, 4347
genetic engineering 17, 1261, 5300	Coffea pseudozanguebariae 6158	nucleotide sequences 4347
genetic transformation 10095	Crocus, evolution 12536	Tulipa whittalii, ribosomal RNA 5123
genetics 3368		Zea mays 10364
genotype environment interaction	Cryptomeria japonica 7485	
8897	Cucurbita 13249	gene expression 2402, 4481, 4487,
mathematics 8897	Cupressus dupreziana 12484	9142, 9156, 10529, 12866
Cucumis sativus 13257	Dasypyrum villosum 8160	mutations 9156
Dieffenbachia 4171	Dendrobium 12540	nucleotide sequences 291, 9142
fodder plants 2696	Elaeis guineensis, somaclonal variation	polymorphism 291
fruit crops 8397	897	DNA fingerprinting
artificial selection 5985	Eleusine indica 1555	Arachis duranensis 3986
gene expression 6436	forest trees 9934	Arachis hypogaea 901
gene mapping 1260	fruit crops 10859	Arachis stenosperma 3986
genetic engineering 1259, 8879, 11379	Glycine max 2787, 4555, 10643	Cynodon 9310
reviews 8895-8896	Gossypium, techniques 7403	Glycine max 1678
genetics 1257	Gossypium hirsutum 2139	variety classification 1680
0		

DNA fingerprinting cont.	DNA hybridization cont.	Dormancy 11385
Helianthus annuus 7304	Triticum aestivum cont.	Acer platanoides 11191 Acer pseudoplatanus 11191
Ipomoea batatas 10765	chromosome pairing 154, 272, 10266	Allium sativum 5870
Lentinula edodes 5168	chromosome translocation 272	Amaranthus 3665
Lotus japonicus 2758	wheat streak mosaic rymovirus 11640	Arabidopsis thaliana
Medicago sativa 8171	Zea mays, transposable elements 5493	gene expression 6503
Oryza 1569	DNA ligase, Arabidopsis thaliana, nucleo-	nucleotide sequences 6503
Oryza sativa 1569	tide sequences 7709	Arachis hypogaea, germplasm releases
Pelargonium hortorum, variety classifica-	DNA methylation 7693	2054
tion 6308	Arabidopsis thaliana 3398, 10151	
Pelargonium peltatum, variety classifica-	flowering 12651	Avena fatua gene expression 1475
tion 6308	mutations 5235	nucleotide sequences 1475
Phaseolus vulgaris, variety classification	naringenin-chalcone synthase 1297	Brassica campestris 874
11969	vernalization 12651	Brassica napus (rape) 874
Picea abies 7477	Ceratopteris richardii 4204	Fagus sylvatica
Quercus gambelii, population genetics	Daucus carota	gene expression 1003, 5060
12449	plant embryos 12043	nucleotide sequences 1003, 5060
Rubus allegheniensis 4809	techniques 1788	Festuca gigantea 497
Rubus moluccanus 6014	development 35, 11398	genetics, reviews 2389
Triticeae 6557	gene expression 11398 Nicotiana tabacum 11108, 13420-13421	Medicago sativa, artificial selection
Triticum aestivum 5331, 9013		13046
Triticum boeoticum 7837	development 4021	molecular genetics, reviews 2389
DNA hybridization	gene expression 13424	Oryza sativa 12973
Aegilops 11546	genetic transformation 13424	gene location 3626
Allium 4725	morphology 4021	gene mapping 10550
Allium ampeloprasum 9563	pollen 3174	restriction fragment length polymor-
Allium cepa 9563	Oryza sativa 8041 tissue culture 10229	phism 10550
genomes 4724		Phaseolus lunatus 605
Allium fistulosum, genomes 4724	Zea mays 4477, 5488, 11696	Pisum sativum
Allium roylei, genomes 4724	DNA methyltransferase	gene expression 11985
Aloe aristata 3306	Daucus carota	
Arabidopsis thaliana 42	gene expression 5824	nucleotide sequences 11985  Prunus avium 11191
chromosome morphology 5242	nucleotide sequences 5824	
Beta vulgaris 11076	Pisum sativum	Pseudotsuga menziesii
Brassica, genomes 4947 Citrus sinensis, ribosomal DNA 6050	gene expression 6941	gene expression 1053, 4098
	nucleotide sequences 6941	nucleotide sequences 1053 statistics 130
Coffee liberica 6158	DNA polymerase	
Coffea pseudozanguebariae 6158	Oryza sativa	Triticum aestivum
Deschampsia flexuosa 5675	gene expression 12930	genetic variance 10278 induced mutations 161
Deschampsia stricta 5675 Elymus, chromosome pairing 154	nucleotide sequences 12930	maternal effects 10278
	Triticum aestivum, nucleotide sequences 12720	Dorotheanthus bellidiformis
Eucalyptus camaldulensis, tissue culture 5055	DNA repair	gamma radiation 4160
Eucalyptus tereticornis, tissue culture	Arabidopsis thaliana	pollen 4160
5055	gene expression 59, 5228, 5232	Dothidella (see Microcyclus)
Festuca 3675	induced mutations 5240, 6486	Double cropping, Solanum tuberosum 580
Festuca arundinacea 5647, 11871	mutations 8955	Drechslera (see also Cochliobolus; Pyre-
cold resistance 1631	nucleotide sequences 4253, 5228,	nophora; Setosphaeria)
drought resistance 1631	5232	Drechslera poae, Poa pratensis 8136-8137
Festuca pratensis 11870	Beta vulgaris (sugarbeet) 923	Drosera, chromosome morphology 12546
Gasteria lutzii 3306	Daucus carota, nucleotide sequences	Drosera anglica, nomenclature 13580
Glycine max 5727	7013	Drosera longifolia, nomenclature 13580
Gossypium, evolution 11151	Lilium longiflorum, nucleotide sequences	Drought resistance 15, 2303
Hordeum vulgare 11666	7559	(see also Heat resistance)
dehydrins 10319	Nicotiana tabacum 3172, 6171	Actinidia deliciosa 9682
repetitive DNA 4446	DNA replication, Hordeum vulgare 233	Aegilops tauschii, nucleocytoplasmic
Lolium 3675	Dolichos (see Canavalia; Lablab;	interaction 2459
Lolium multiflorum 5647, 11870-11871	Macrotyloma; Vigna)	Agropyron cristatum, artificial selection
cold resistance 1631	Dolichos junodii, nomenclature 3783	1620
drought resistance 1631	Domestication 12693	Agropyron desertorum, artificial selection
Lycopersicon esculentum 2878, 5799,	Agave angustifolia 4058	1620
9587	Agave fourcroydes 4058	Agrostis 10004
tomato yellow leaf curl bigeminivirus	Artemisia mutellina 8659	Arabidopsis thaliana 3367
7086	Caustis blakei 8825	gene expression 90, 1323, 2357,
Musa, ribosomal DNA 12247	crops 2381	12657
Nicotiana tabacum, cytoplasmic male	Elaeis guineensis 9806	genetic transformation 6516
sterility 946	forest trees 987, 3216, 8697	nucleotide sequences 12657
Oryza latifolia, genomes 400	Ixiolirion tataricum 11276	phosphatidylinositol-4-phosphate 5-
Oryza sativa	Leucaena 1666	kinase
chromosome addition 8045	ornamental bulbs 11288	gene expression 12656
techniques 6760	Oryza sativa 1598, 6818	nucleotide sequences 12656
Xanthomonas oryzae 10564	Prunus africana 1145	Arachis hypogaea 8574-8575
Phaseolus vulgaris, arcelins 13106	Triticum boeoticum 2454, 7837	in vitro selection 11051
Poncirus trifoliata, ribosomal DNA 6050	wild flowers 8729	Avena sativa, artificial selection 262
Raphanus sativus, genomes 4947	Zea mays 2541, 11723	Betula pendula, gene expression 9942
Saccharum 3138	Dominance 12675	Brassica 7299
Saccharum officinarum 3138	Brassica campestris, self incompatibility	Brassica carinata 7300
Secale cereale 10266	7279	Brassica juncea, in vitro selection 4960
accessory chromosomes 5466	Mimulus, inbreeding depression 10006	Cajanus cajan 2850
chromosome pairing 272, 10266	Nicotiana tabacum, quantitative traits	Capsicum annuum, in vitro selection 77
chromosome translocation 272	938	Cicer arietinum 1728, 11997
transposable elements 2524	Pisum sativum, quality 627	Coffea 4009
Solanum lycopersicoides 9587	DOPA, Mucuna pruriens 1182	
Solanum tuberosum 2878, 5799	DOPA dioxygenase	Coriandrum sativum, in vitro selection 8850
Sorghum bicolor, transposable elements	Amanita muscaria, gene expression 4161	Craterostigma plantagineum, gene
5493	Portulaca grandiflora, genetic transfor-	expression 1098, 5220
Triticum 11546	mation 4161	Cucumis sativus 1885
Triticum aestivum 10266	Doritis pulcherrima	Cucuris sativus 1885 Cucurbita moschata 1869
accessory chromosomes 5466	colour 11315	artificial selection 13256
Aceria tosichella 11640	Phalaenopsis, intergeneric hybridization	Cuminum cyminum 2243
chromosome addition 2414	11315	Cymbopogon 13605
		Cymoopogon 13003

Dactylis glomerata 1628	Saccharum officinarum 4994, 6131,	Ecotypes
Daucus carota 1789	7350, 8602	Amphicarpaea bracteata 1756
Elymus smithii, artificial selection 1620		
	Solanum tuberosum, gene expression 687	Arabidopsis thaliana 1329, 12654
Eragrostis tef 4592	Sorghum bicolor 8023, 11750	Brassica oleracea (cauliflowers) 10789
Festuca 10004	genetic markers 5558, 11751	Coriandrum sativum 1187
Festuca arundinacea	germplasm releases 2615	Dactylis glomerata 1625, 6859, 13033
DNA hybridization 1631		
	Sporobolus stapfianus	Fagopyrum tataricum 1618
gene mapping 1631	gene expression 8163	Lolium rigidum 5658
forest trees, molecular genetics 7427	nucleotide sequences 8163	Medicago sativa 3688
Fragaria ananassa 2986	Theobroma cacao 9874	Oryza sativa 5616
Gentiana scabra 12525		
	Triticum, heritability 4417	genetic markers 3638
Glycine max 2802, 8255, 11952	Triticum aestivum 207, 211, 1425, 4413,	Zoysia 4590
artificial selection 591	4418, 5394, 5400, 7852, 7854,	Edible fungi, molecular genetics 7617
gene mapping 9419	10296, 10298, 12729, 12755-12756	Elaeis, breeding 12318
linkage 9419		
	artificial selection 209, 9064	Elaeis guineensis
Gossypium 12423	gene mapping 2462	breeding 896, 12317
artificial selection 6222	genetics 2462	chromosome number, somaclonal varia-
gene expression 6223	multivariate analysis 2458	tion 897
Gossypium hirsutum 5034		DNA, somaclonal variation 897
	nucleocytoplasmic interaction 2459	
germplasm releases 13474	stability 9058	domestication 9806
grasses 2703	Triticum dicoccoides 4310	fatty acids 10999
Helianthus 9805	Triticum durum 205, 4310, 4316, 4407,	genetic engineering 3980
Helianthus annuus 9805, 12309		flowering
artificial selection 4973	5400, 9059, 10297, 11629, 11631	
	artificial selection 9039	genetic markers 13370
gene expression 12307	heritability 4417	somaclonal variation 13370
random amplified polymorphic DNA	Vicia faba 3706-3707	fruits
2041		abnormal development 13371
restriction fragment length polymor-	Vigna mungo, in vitro selection 8303	amplified fragment length polymor-
	Vigna unguiculata 4674-4675	
phism 2041	genetic transformation 6516	phism 13371
Helianthus argophyllus 9805	Vitis vinifera 4881	somaclonal variation 13371
artificial selection 4973		genetic resources 2048, 12317
Hordeum vulgare 4310, 5400, 7900,	Zea mays 5533	genetic transformation 8540
	artificial selection 2593, 5532, 11731	
9105, 10328	gene expression 323	globulins
artificial selection 12801	genetic markers 323, 5530-5531	cell culture 13372
gene expression 245		somatic embryogenesis 13372
gene mapping 246, 9103	reviews 5526	hybrid seed production 896
	Dry matter	
genetic markers 9103	Hypericum maculatum 1176	interspecific hybridization 12319
Juglans regia 8491	Hypericum perforatum 1176	leaves, somaclonal variation 2049
Juglans sigillata 8491	Morus 3923	necroses, somaclonal variation 2049
Lolium 10004		random amplified polymorphic DNA
Lolium multiflorum	Oryza sativa 12980	7319
	Sorghum bicolor 336	
DNA hybridization 1631	Vigna unguiculata 1740	somaclonal variation 7319
gene mapping 1631		somatic embryogenesis 13373
Lycopersicon esculentum 9600	Zea mays	tissue culture 898
gene expression 748, 3837	artificial selection 300	wide hybridization 6097
	combining ability 10475	
nucleotide sequences 3837	Dryandra, isoenzymes, genetic variation	yield components, multivariate analysis
Lycopersicon pennellii	1060	12319
gene expression 9602		Elaeis oleifera, interspecific hybridization
nucleotide sequences 9602	Durio, Phytophthora palmivora 10981	12319
	Durio zibethinus	
Malus pumila 2986, 8413	leaves, variety classification 10979	Elasmopalpus lignosellus, Zea mays 7982
Manihot 2890	morphology, variety classification 10979	Elatobium abietinum, Picea sitchensis, her
Medicago sativa, in vitro selection 9333		tability 8719
molecular genetics, reviews 8894	Dwarf habit (see Height)	Eldana saccharina
Nicotiana tabacum	Dysaphis, Malus pumila 8417	Saccharum 8607
Nicoliana labacum	Dysaphis devecta, Malus pumila, genetic	
gene expression 2356	markers 4795	genetic markers 8603
genetic transformation 3367, 7390,		techniques 8606
7677, 11128	Dysaphis plantaginea, Malus pumila 8417	Saccharum officinarum 8605
Oryza sativa 2668, 3643, 6824-6825,	Earliness, Brassica juncea, induced muta-	Zea mays, artificial selection 8007
	tions 5887	
8090, 13000	Echeveria calderoniae, taxonomy 4165	Electrical properties, Triticum aestivum
artificial selection 11841	Echeveria cante, taxonomy 4167	3487
gene expression 6822, 13003		Electrophoresis, grasses, computer program
gene mapping 1601	Echinacea purpurea	ming 10003
genetic markers 1602	gene flow 13558	Elettaria cardamomum
	outcrossing 13558	variety trials 8843
genetic transformation 7677	Echinocactus parryi, taxonomy 3311	
nucleotide sequences 6822	Echinocactus polycephalus, taxonomy 3311	yield components 5147
restriction fragment length polymor-		somaclonal variation 8846
phism 1601	Echinochloa colonum, Oryza sativa 475	yields, somaclonal variation 8844
reviews 2669	Echinochloa crus-galli	Eleusine, chloroplast genetics, taxonomy
	altitude 12922	5566
Phaseolus vulgaris 6930	Oryza sativa 3664	
artificial selection 5753		Eleusine coracana
gene expression 611	Echinochloa frumentacea	flowering 10524
nucleotide sequences 611	Ustilago panici-frumentacei 3598	genetic resources 10117
	yield components 9205	inflorescences 10524
Picea mariana 8718	Echium vulgare, amplified fragment length	Magnaporthe grisea 5630, 11769
Pinus pinaster, gene expression 13509		
Pinus ponderosa 1043	polymorphism, techniques 2321	male sterility, germplasm releases 2626
Pinus taeda	Ecology	phenolic compounds 11769
	forest trees 7426	plant introduction 12917
gene expression 4091	genetic markers, reviews 7702	tannins 11769
nucleotide sequences 4091		
Pisum sativum 3706-3707	Penstemon 11255	tissue culture 1556
Poa 10004	Prunus divaricata 12178	transfer RNA, molecular genetics 5565
Poa pratensis, artificial selection 6114	Economics	yield components
	Arachis hypogaea, breeding 3982	combining ability 6744
Populus, gene expression 7452	biotechnology 1286	heritability 11768
Populus interamericana 3221		
Populus tremula, molecular genetics	Brassica napus (rape), breeding 3081	multivariate analysis 8029
7427	breeding 2287	yield correlations 11768
Prunus dulcis 9747	crops, seed production 2383	Eleusine indica
	7 1 1 1 000	DNA 1555
Pyrus communis 2986	Fucalizatus wood properties 999	
	Eucalyptus, wood properties 999	
Ribes nigrum 2986	fodder plants, breeding 2689	herbicides, genetics 345
		herbicides, genetics 345 oryzalin, genetics 345
Ribes rubrum 2986	fodder plants, breeding 2689 gene banks 5193	herbicides, genetics 345
	fodder plants, breeding 2689	herbicides, genetics 345 oryzalin, genetics 345

Lolium perenne 8130

<b>Elongation factors</b>	Elymus hispidus cont.	Embryo culture cont.
Arabidopsis thaliana	barley yellow dwarf luteovirus cont.	Raphanus sativus 2917
gene expression 3391	fluorescence in situ hybridization	Salvia 1192
nucleotide sequences 3391	2476	Solanum melongena 9612
Hordeum vulgare	gene mapping 9078	Solanum sisymbriifolium 9612
gene mapping 2495	restriction fragment length polymor-	Solanum torvum 9612 Trifolium 4576
nucleotide sequences 2495	phism 2476	triticale 7791
restriction fragment length polymor-	chromosome banding 5338, 10267	Triticum aestivum 1400, 5347, 5376,
phism 2495	chromosome substitution 12725 random amplified polymorphic DNA	7791, 7795, 10283
Oryza sativa	7784	techniques 8994
gene expression 4538	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Vanilla planifolia 8848
nucleotide sequences 4538	tion 154, 2476-2477, 4436, 7784,	Vigna unguiculata 3771, 12015
Zea mays 3571	9078, 10267, 11640, 12725	Vigna vexillata 3771, 12015
Elsinoë ampelina	Triticum durum, intergeneric hybridiza-	Vitis vinifera 13298
Vitis 8459	tion 5338, 11564	Zea mays 7795, 10471
genetics 8458 Vitis vinifera 1949-1950	wheat streak mosaic rymovirus	techniques 8994
genetics 8458	chromosome banding 4436	Embryo sac
Elymus (see also Agropyron; Leymus;	chromosome translocation 4436	Arabidopsis thaliana, mutations 10201,
Psathyrostachys)	fluorescence in situ hybridization	11437
Aceria tulipae, chromosome translocation	4436	Oryza sativa 3619
4441	yield components	Petunia inflata
chromosome pairing 6871	artificial selection 3680	gene expression 4144
DNA hybridization 154	heritability 3680	genetic transformation 4144
forage, heritability 11872	Elymus sibiricus	Zea mays 1495
gene banks 3678	awns, genetics 2722	Embryology
genomes 2721, 4585, 6869, 6871	chromosome aberrations 4583	Abies kawakamii 12478
genetic markers 11886	chromosome elimination 2405	Alstroemeria aurea 1109
random amplified polymorphic DNA	chromosome transmission 4352	Alstroemeria pelegrina 1109
11886	gene location 2405	Asparagus, taxonomy 12550
restriction fragment length polymor-	interspecific hybridization 4583  Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Boehmeria silvestrii 8694 Cupressus sempervirens 9990
phism 11886	tion 2405	gene expression 8972
Gibberella zeae 501	Elymus smithii, drought resistance, artificial	molecular genetics, books 2279
glutelins 3470	selection 1620	Mosla chinensis 6389
interspecific hybridization 4585	Elymus trachycaulus, repetitive DNA,	Nymphaea nouchali 10053
Leymus	nucleotide sequences 11885	Oryza sativa 411
intergeneric hybridization 6871	Elytrigia (see also Elymus)	Pelargonium hortorum 8740
Triticum, intergeneric hybridization	Embryo culture	reviews 115
5337	Aegilops tauschii 3515	Sorghum bicolor 8012
microsatellites 9307	Alstroemeria 3297, 8812	Triticum aestivum 9033
polymerase chain reaction 5665	Bletilla striata 1120	Triticum durum 9033
proteins 6869	Brassica campestris 11009	Tulipa agenensis 1119
taxonomy 2721, 4403, 6870-6871  Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Brassica fruticulosa 2917	Tulipa gesneriana 1119
tion 4352, 4373	Brassica juncea 8505	Embryos (see Plant embryos)
Triticum durum, intergeneric hybridiza-	Brassica maurorum 2917	Empoasca (see also Amrasca)
tion 4352, 4441	Brassica oxyrrhina 2917	Empoasca fabae
Triticum turgidum, intergeneric hybridi-	Carina 13323	Acer rubrum, clonal variation 4080
zation 4352	Carica 13323 Carica papaya 4918, 13323	Glycine max 9460
zinc, chromosome addition 4373	Cicer arietinum 645	Solanum tuberosum, artificial selection 697
Elymus canadensis	Citrus 7226	Empoasca kraemeri, Arachis hypogaea 61
chromosome aberrations 4583	Citrus aurantium 12254	Encephalartos, chemotaxonomy 13519
interspecific hybridization 4583	Citrus sinensis 7225	Endo-1,3(4)-β-glucanase, triticale 3540
Elymus caninus	Cocos nucifera 13374	Endochitinase
Kengyilia rigidula, intergeneric hybridi-	Crambe abyssinica 8505	Solanum tuberosum
zation 11887	Cucumis 1880	gene expression 675
microsatellites 9307	Cucumis hystrix 790	genetic transformation 675
Elymus elongatus barley yellow dwarf luteovirus, chromo-	Cucumis sativus 790, 8394	Endopeptidases, Oryza sativa 9239
some addition 6648	Dactylis glomerata 6858	Endosperm
chromosome addition 5340	Dimocarpus longan 8487, 9740	Cupressus dupreziana 12484
genetic resources 9306	Diplotaxis tenuisiliqua 11009	evolution 6534
Puccinia recondita	Festuca arundinacea 5649 Glycine max 11931	Hordeum vulgare
gene mapping 12768	Helianthus annuus 12301, 12303	gene expression 6653
restriction fragment length polymor-	Hordeum vulgare 2508, 3515, 7879	mutations 6661
phism 12768	Juglans regia 10990	nucleotide sequences 6653
random amplified polymorphic DNA	Larix laricina 1050	Setaria italica, genetics 11758 Tripsacum 1537
7784	Limonium perezii 11252	Triticum aestivum, artificial selection
Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Limonium sinuatum 11252	10292
tion 154, 5340, 5357, 6648, 11563,	Litchi chinensis 9740	Triticum durum 11608
11640, 12768	Lolium multiflorum 5649	Zea mays 3558, 3576, 10401, 10426,
Elymus elymoides, germplasm releases 5663	Lotus 4576	10473
Elymus farctus	Lycopersicon esculentum 7066	chromosome translocation 10392
chromosome addition 5340	Lycopersicon peruvianum 7066	gene expression 5500, 10386
random amplified polymorphic DNA 1395	Lycopersicon pimpinellifolium 7066	genetic transformation 12871
Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Medicago 4576	induced mutations 10396
tion 1422, 5340	Nicotiana tabacum 9885	linkage 10391-10392
Triticum durum, intergeneric hybridiza-	Oryza 6806	molecular genetics 5498
tion 1395	Oryza officinalis 9266	mutations 1507, 5500, 10472, 1047
Elymus glaucus, cultivars, Arlington 3679	Oryza sativa 4537, 9266, 10552	10478
Elymus grandis	Panax pseudoginseng 10063 Phaseolus acutifolius 9474	nucleotide sequences 10386
chromosome morphology 4584	Phaseolus acutifolius 9474 Phaseolus vulgaris 9474	restriction fragment length polymor
chromosome number 4584	Phleum pratense 6858	phism 9146
genomes 4585	Phoenix dactylifera 8481	Zea mays (sweetcorn), mutations 1171
interspecific hybridization 4585	Picea abies, polyamines 7479	Endotoxins, Zea mays, polymerase chain reaction 6700
Elymus hispidus	Pinus 8716	Energy resources
α-amylase, gene mapping 9078	Prunus dulcis 815	Festuca arundinacea 8130
barley yellow dwarf luteovirus	Prunus persica 815, 12189	Lolium multiflorum 8130
chromosome substitution 2476	Quercus acutissima 5059	Lolium perenne 8130

Energy resources cont.	Epistasis cont.	Erwinia chrysanthemi
Populus 6262	reviews 8970	Polymnia sonchifolia, clonal variation
Salix 6262	Triticum aestivum	4720
Enkianthus perulatus cryopreservation 7508	height 3459	Solanum tuberosum 4694
tissue culture 7508	inflorescences 3459 yield components 2433, 10279, 11598	Zea mays 11734
5-Enol-pyruvyl shikimate-3-phosphate	Zea mays	Erysimum bicolor, cultivars, Lilac Joy 13550
synthase	height 10448	Erysiphe betae, Beta vulgaris (sugarbeet),
genetic transformation, Nicotiana	soil toxicity 9177	artificial selection 6155
tabacum 11138 Petunia hybrida, genetic engineering	Zea mays (sweetcorn), yield components	Erysiphe cichoracearum
11138	1502 Epoxide hydrolase	Arabidopsis thaliana gene mapping 1328
Ensete superbum, tissue culture 2921	Nicotiana tabacum	genetics 1328
Entyloma vignae, Vigna unguiculata 2858	gene expression 13443	mutations 11471
Environment, Avena barbata 6677 Enzyme inhibitors	genetic transformation 13443	Erysiphe cruciferarum
genetic engineering 12602	nucleotide sequences 13443  Eragrostis, taxonomy 13043	Arabidopsis thaliana
Phaseolus vulgaris, molecular genetics	Eragrostis, taxonomy 15045  Eragrostis tef	gene mapping 1328 genetics 1328
3747	breeding, books 10106	Brassica carinata, genetics 2029
Enzymes (see under individual enzyme	cultivars, Bridger 2725	Brassica juncea, genetics 2029
names) (see also Isoenzymes)	drought resistance 4592	Erysiphe graminis
Brassica oleracea (broccoli) 13197	gamma radiation 505 genetic resources, books 10106	Aegilops speltoides chromosome substitution 4429
Hordeum vulgare	induced mutations 505	chromosome translocation 214
gene expression 10317	nutritive value 10600	random amplified polymorphic DN
mutations 6661, 7883, 10317	ribosomal DNA, restriction fragment	4429
Oryza sativa 3620, 8055 heterosis 9247	length polymorphism 5670 tissue culture 1642	Aegilops tauschii, genetics 1444 Amblyopyrum mutica
Pisum sativum 3752	yields 10600	chromosome substitution 4429
Triticum aestivum 11581	Eremochloa ophiuroides, cultivars, TifBlair	random amplified polymorphic DN
Triticum durum 11608	1639	4429
Eotetranychus willametti Vitis californica 9679	Eremocitrus, graft hybridization 10968	Avena fatua 1476
Vitis vinifera 9679	Eremopyrum (see Agropyron) Eria arunachalensis, taxonomy 11318	Avena sativa 266, 1476 gene expression 2522
Epichlorohydrin, Vigna radiata 10723	Erianthus elephantinus, Saccharum sinense,	gene location 9119
Epidendrum ilense, breeding 4154	intergeneric hybridization 2078	Dasypyrum villosum, Triticum aestivun
Epidendrum pseudepidendrum, breeding 4154	Erica oakesiorum, taxonomy 1068	chromosome substitution 5413  Hordeum
Epidermis	Erica spiculifolia, nomenclature 1069 Erica tenuipilosa, nomenclature 4116	gene mapping 6670
Arabidopsis thaliana	Eriobotrya deflexa, cultivars 13522	linkage 6670
gene expression 10182	Eruca hispida, nomenclature 12343	Hordeum vulgare 254-256, 1462-1463,
mutations 74	Eruca sativa (see Eruca vesicaria)	5446, 5449, 9106-9107, 10330, 11678
Zea mays, mutations 12881 Epilachna ocellata, Solanum tuberosum	Eruca vesicaria cryopreservation 13388	amplified fragment length polymor-
5810	seeds, storage 13388	phism 1464
Epilachna varivestis, Glycine max 8260,	yield components, heritability 8587	gene expression 257, 4462, 4464-
9460	yield correlations 8587	4465, 10329, 12803
Epilachna vigintioctopunctata Solanum 10833	Erucastrum abyssinicum Brassica juncea, intergeneric hybridiza-	gene mapping 1464, 5450 genetic markers 2519, 5450
Solanum macrocarpon 13233	tion 2022	genetics 3532, 6671, 9108-9110,
Solanum melongena 2967, 10833	Brassica oleracea, intergeneric hybridiza-	12802
Solanum viarum 13233	tion 2022	nucleotide sequences 10329 random amplified polymorphic DN
Epimedium brachyrrhizum, taxonomy 3291 Epimedium chlorandrum, taxonomy 3291	Brassica oleracea (kale), intergeneric hybridization 10786	2519
Epimedium epsteinii, taxonomy 3291	fertility 10786	restriction fragment length polymor
Epimedium lishihchenii, taxonomy 3291	ovule culture 2022, 10786	phism 4314
Epipactis helleborine	phylogeny, repetitive DNA 3096  Erucastrum gallicum, phylogeny, repetitive	Triticum aestivum 1432, 2470, 5405, 5410, 6643, 9073
interspecific hybridization 1125 isoenzymes, genetic variation 1125	DNA 3096	chromosome substitution 4429
Epipactis leptochila	Erucic acid	chromosome translocation 214
interspecific hybridization 1125	Brassica carinata	combining ability 11641
isoenzymes, genetic variation 1125	artificial selection 7294	gene expression 3499 gene location 1433, 10302
Epipactis youngiana, isoenzymes, genetic variation 1125	induced mutations 7294  Brassica juncea 12285	genetic markers 7860
Epistasis 12676	genetics 7284	genetics 215, 1429, 3500, 4428,
Arabidopsis thaliana	Brassica napus (rape) 13351	5412, 7857, 7859, 7861, 1275
growth period 67	artificial selection 9771	germplasm releases 10301 nucleocytoplasmic interaction 6644
quantitative traits 67  Arachis hypogaea, yield components	gene mapping 9774, 9790 genetic transformation 7295	random amplified polymorphic DN
6101	genetics 7284	4429, 7858
computer programming 11477	induced mutations 8520	restriction fragment length polymor
Glycine max	linkage 6087, 9774	phism 4314, 7860 techniques 12758
colour 9414 flowers 9414	nucleotide sequences 6087, 9790 Crambe abyssinica 8589, 13390	Triticum durum 6643, 9073
leaves 9398	Erwinia, Solanum tuberosum, genetic engi-	Triticum spelta, gene location 10302
Gossypium barbadense	neering 6998	Erysiphe pisi
quality 13466	Erwinia amylovora	Pisum sativum 3760, 4662, 8283 genetics 2844
yield components 13466  Lycopersicon esculentum, Ralstonia	Crataegus monogyna 10884 Malus 9632	Solanum tuberosum, genetics 8327
solanacearum 751	Malus pumila 796-797, 1895, 1910-1911	Erysiphe polygoni
Lycopersicon pimpinellifolium, Ralstonia	Pyrus 9632	Coriandrum sativum 13596
solanacearum 751	Pyrus communis 796-797, 1895, 7138	Pisum sativum 5765 Vigna radiata 1754
mathematics 2364	combining ability 813  Erwinia carotovora	Erythrina variegata, trypsin inhibitors,
Minulus guttatus, inbreeding depression 6323	Daucus, in vitro selection 7015	molecular genetics 4077
Musa, inflorescences 9694	Daucus carota 5832	Erythroxylum coca
Nicotiana tabacum, quantitative traits	in vitro selection 5833	chemotaxonomy 4178 flavonoids 4178
938	Papaver somniferum 3324 Solanum phureja 12037	Erythroxylum novogranatense
Oryza sativa, yield components 1585, 4542	Solanum tuberosum 2883, 3793, 4694,	chemotaxonomy 4178
Phaseolus vulgaris, nodulation 2825	13167	flavonoids 4178

Eschscholzia californica	Esterases cont.	Eucalyptus aenea, taxonomy 5048
alkaloids	Vicia faba	Eucalyptus camaldulensis
gene expression 7522	genetic markers 8264	genetic transformation 994, 11175
nucleotide sequences 7522	genetics 8264	provenance trials 5050
berberine	Xanthosoma 9552	RNA, techniques 6264
gene expression 5101	Ethyl methanesulfonate	tissue culture, DNA hybridization 5055
nucleotide sequences 5101	Arabidopsis thaliana 2351, 2358, 3400,	Eucalyptus denticulata, isoenzymes, genetic variation 8699
Essential oil plants	3404, 5240, 6486, 10189-10190	
breeding, conferences 1231	Arachis hypogaea 7326, 8560-8561,	Eucalyptus dissita, taxonomy 5048
chromosome number 6376	8566, 9813-9814, 12327	Eucalyptus diversifolia flavonoids, genetic variation 5053
gene banks 3314	Borago officinalis 10058	
in vitro culture, conferences 10096	Brassica carinata 7294	isoenzymes, genetic variation 5053
Essential oils	Brassica juncea 7276, 11010, 13359	taxonomy 5053  Eucalyptus fracta, taxonomy 5048
Anethum graveolens 1144	Brassica napus (rape) 9788	
Artemisia annua 4194	Camelina sativa 4987 Capsicum annuum 765, 1843	Eucalyptus globulus
artificial selection 1163, 1184	Catharanthus roseus 10055	Agrobacterium tumefaciens 998 amplified fragment length polymorphism
Atractylodes 1151	Cicer arietinum 2846	9943
Boronia megastigma 8741	Glycine max 9416, 9438, 9455, 10650,	breeding 7431
Calamintha nepeta 4196 Carum carvi 1144, 1197	13087	development, heritability 4066
artificial selection 1202	Gossypium hirsutum 13465, 13470	flowering
Chamomilla recutita 1154, 1164	Hordeum vulgare 4450, 9094	genetics 4065
Citrus 3941	Linum usitatissimum (linseed) 3105	heritability 4065
multivariate analysis 6052	Lotus japonicus 562	flowers
Citrus aurantium 8467	Nicotiana tabacum 6188, 11114, 12387	gene expression 12445
Coriandrum sativum 1144, 1187	Papaver somniferum 12554	
Cymbopogon flexuosus	Phaseolus vulgaris 2825	nucleotide sequences 12445 gene flow 11176
artificial selection 10074	Pisum sativum 629	
mutations 1210	Sesamum indicum 3991	gene mapping 9943 genetic distance, random amplified
Cymbopogon jwarancusa 1209	Solanum melongena 762	polymorphic DNA 996
Foeniculum vulgare 1144, 1197	Triticum aestivum 161	
Fragaria 4848	Vigna mungo 6974	genetic transformation 7432 homeotic genes
Fragaria ananassa 4848	Vigna radiata 3781, 9501, 10723	gene expression 12445
Humulus lupulus 8858	Vigna unguiculata 662, 6971	
Kunzea 1208	Zea mays 2578, 9152	nucleotide sequences 12445
Kunzea ericoides 1208	induced mutations 10396	inbreeding 11176 isocitrate dehydrogenase
Lippia alba 13590	Ethylene	
Marrubium vulgare 1181	Actinidia chinensis, gene expression	gene expression 13493 nucleotide sequences 13493
Melissa officinalis 1212	13302	isoenzymes 12446
Mentha 12565	Arabidopsis thaliana	mycorrhizas, gene expression 13493
Mentha longifolia 11336	gene expression 12650	Phoracantha semipunctata, heritability
Mentha spicata 11336	mutations 5253, 7393, 11450, 11454,	11179
Ocimum 4189	12650	Pisolithus tinctorius, gene expression
Ocimum basilicum 1201, 2255, 4189	nucleotide sequences 12650	13493
Origanum 1200, 12566	Brassica pekinensis 12076	population genetics 12446
artificial selection 2256	Cucumis melo 13242	precocity
Origanum majorana 1198	gene expression 3857, 8393	genetics 4065
Origanum onites 1190	genetic transformation 8393	heritability 4065
Origanum vulgare, clonal variation	Cucumis sativus 13267	rooting capacity
13601	Eucalyptus 11178	combining ability 7434
Rosa 8762	Glycine max 580, 3716	heritability 7434
Salvia fruticosa 11337	Lycopersicon esculentum	seeds 12446
Salvia officinalis 1196, 13603	gene expression 3837, 8371, 8379,	tissue culture 998, 5054
Sideritis 3188	12092, 12102	wood properties, heritability 4066
Thymus albicans 4191	mutations 3835, 8379, 13221	Eucalyptus grandis
Thymus arundanus 4190	nucleotide sequences 3837, 12102	artificial selection 8698
Thymus baeticus 4190	promoters 12092	combining ability 8698
Thymus jankae 13602	Malus pumila 802	interspecific hybridization 995
Thymus mastichina 4190-4191	molecular genetics, reviews 7688	isoenzymes, genetic variation 4064
Valeriana 4181	Nicotiana tabacum	quantitative traits
Valeriana officinalis 1155, 1168, 1179,	gene expression 7393, 13435	gene mapping 995
4181 artificial selection 12561	genetic transformation 7393, 13435	random amplified polymorphic DNA
	Sorghum bicolor, mutations 8015 Triticum aestivum 10277	995
Vetiveria zizanioides artificial selection 3332	Ethylene receptor	random amplified polymorphic DNA
heritability 2262	Arabidopsis thaliana	8698
multivariate analysis 2262	gene expression 12639	Eucalyptus gunnii
Esterases	nucleotide sequences 12639	cinnamoyl-CoA reductase
Alocasia 9552	Etlingera elatior, Alpinia purpurata, interge-	gene expression 5052
Brassica carinata 878	neric hybridization 2208	genetic engineering 5052
Brassica juncea 878	Eucalyptus	cinnamyl-alcohol dehydrogenase
Brassica napus (rape) 878	chemotaxonomy 4063	gene expression 6265
Citrus sinensis	cryopreservation 7428	nucleotide sequences 6265
polymorphism 7223	Cryphonectria cubensis 11178	Eucalyptus marginata, Phytophthora 9944
variety classification 12253	development	Eucalyptus microtheca, water balance 997,
Colocasia esculenta 9552	gene expression 2156	7433
Colocasia gigantea 9552	nucleotide sequences 2156	Eucalyptus nitens
Glycine max	ethylene 11178	cold resistance
gene mapping 2793	flowers	gene mapping 2157
linkage 2793	gene expression 2156	restriction fragment length polymor-
Hordeum vulgare	nucleotide sequences 2156	phism 2157
gene mapping 6655	heterosis 5051	isoenzymes, genetic variation 8699
induced mutations 10320	interspecific hybridization 5051	restriction fragment length polymorphism
Jasminum sambac 10073	nomenclature 11177	13492
Lentinula edodes 3343	phylogeny, chloroplast genetics 7436	somatic embryogenesis 7435
Oryza officinalis, genetic markers 6772	Puccinia psidii 8701	tissue culture 7435
Oryza sativa 5599	tissue culture 994	Eucalyptus quadrangulata, isoenzymes,
gene expression 11850	waxes 4063	genetic variation 8699
genetic markers 6772	wood properties	Eucalyptus regnans
nucleotide sequences 11850	artificial selection 999	genotype environment interaction 7430
Pennisetum glaucum 10518	economics 999	provenance trials 7430

Eucalyptus risdonii, flowering, heritability	Evolution cont.	Evolution cont.
8700 Eucalyntus stricticalus tours 10447	Beta 926	Prunus, random amplified polymorphic
Eucalyptus striaticalyx, taxonomy 12447 Eucalyptus tenuiramis, flowering, heritabil-	books 3353, 13630	DNA 10888
ity 8700	Brassica campestris 8526	repetitive DNA 8917 reviews 5291
Eucalyptus tereticornis	Camellia 3257 Cassia javanica 5292	Rhododendron 7509
amplified fragment length polymorphism	cereals	RNA polymerase 6547
9943	chromosome morphology 399	self incompatibility 5276
gene mapping 9943	gene mapping 2395	self pollination 5278
tissue culture, DNA hybridization 5055	genomes 399	Senna didymobotrya 5292
Eucalyptus urophylla artificial selection 8698	nucleotide sequences 11518	sex 124, 1334
combining ability 8698	Chamaecrista fasciculata 5292	sex chromosomes 4281 sexual reproduction 12683
interspecific hybridization 995	Citrus meletensis 7227	Solanum tuberosum 9531
isoenzymes, genetic variation 4064	Crocus, DNA 12536 Cucumis melo 8388	Solanum (tuberous species) 9531
outcrossing	endosperm 6534	Sorghum bicolor, molecular genetics
amplified fragment length polymor-	Fagopyrum esculentum, isoenzymes	5311
phism 2155	11864	statistics 2379
random amplified polymorphic DNA 2155	Fagopyrum tataricum, isoenzymes 11864	transposable elements 5287
quantitative traits	Faidherbia albida 7455	conferences 4205 Triticum
gene mapping 995	fertilization 6534	mitochondrial genetics 195
random amplified polymorphic DNA	Flaveria pringlei, molecular genetics 3279	restriction fragment length polymor-
995	Flaveria trinervia, molecular genetics	phism 195, 6631
random amplified polymorphic DNA	3279	transposable elements 6631
8698	forest trees 9937	Triticum aestivum 6569
wood properties, heritability 4067  Euchlaena (see Zea)	gene expression, reviews 11501	nucleotide sequences 4361
Eugenia (see also Syzygium)	gene mapping 11498	tropisms 11499 Yucca 4076
Eugenia uniflora, genetic resources 7247	genetic markers, reviews 7702	Zea
Eulachnus agilis, Pinus sylvestris 13510	glutamate-ammonia ligase 137	genetics 11724
Eulaliopsis binata, genetic resources 13607	Glycine max, mitochondrial genetics 9436	nucleotide sequences 11724
Eulophia richardsiae, taxonomy 5127	Glycine soja, mitochondrial genetics	Zea mays 9173
Eumargarodes laingi, Saccharum	9436	genetics 11724
officinarum 6136 Euphorbia lagascae	Gossypium	habit 11705
genetic resources 906	DNA hybridization 11151	molecular genetics 5311 mutations 1510
oils 906	repetitive DNA 11151	nucleotide sequences 11724
Euphorbia pulcherrima	grasses 2702	pyruvate, orthophosphate dikinase 13
colour 4113	gymnosperms, nucleotide sequences 5295 haemoglobin 5289	Expansins
cultivars	Hemerocallis 11259	Oryza sativa
Duecap 8735	Hibiscus asper, chromosome morphology	gene expression 2667
Dueday 8736 Duespot 8737	8693	nucleotide sequences 2667  Experimental design 4217
Duestarapri 8738	Hibiscus cannabinus, chromosome mor-	Agropyron desertorum 6868
Red Fox Apricot Highlight 8738	phology 8693	Glycine max 5726
Red Fox Capri Red 8735	Hibiscus surattensis, chromosome morphology 8693	Gossypium 6195
Red Fox Highlight White 8736	light 11499	Helianthus annuus 8532
Red Fox Spotlight Dark Red 8737	Lotus, chloroplast genetics 560	Musa, Mycosphaerella fijiensis 8462
Oidium 1072 Euphoria (see Dimocarpus)	Lotus corniculatus, chloroplast genetics	Oryza sativa 12924 Solanum tuberosum 1758
Eurygaster, Triticum aestivum 4439	560	Triticum aestivum 4217
Eustoma grandiflorum	mathematics 2376, 7750, 12673 Mauritia 9822	Triticum durum 6567
colour, genetic transformation 7531	microsatellites 21	Zea mays 4217, 7960
cultivars 8797	mitochondrial genetics 11500	Extensins
flavonoid 3,5-hydroxylase, gene expres-	molecular genetics 12690	Lycopersicon esculentum
sion 10020 genetic transformation 7524, 8789	mutations 12662, 12664, 12666-12667,	gene expression 740 nucleotide sequences 740
heat resistance 8797	12678, 12691	Vigna unguiculata
naringenin-chalcone synthase, genetic	Nicotiana 7379	gene expression 2857
transformation 1080, 7531	Nicotiana sylvestris, heat shock proteins 12377	nucleotide sequences 2857
Euterpe edulis, seeds, storage 2944	Nicotiana tabacum	Extinction 3415
Eutrema wasabi	heat shock proteins 12377	Fabaceae
cryopreservation 7053 seeds, storage 7053	proteins 12374	genetic resources 1672 methionine, genetic engineering 11511
Everbearing habit, Castanea mollissima	Nicotiana tomentosiformis, heat shock	nodulation
9752	proteins 12377	gene expression 8236
<b>Evolution</b> 128, 2377, 4289, 5286, 12689	Nigella degenii 3267 nucleotide sequences 2382, 11503, 12679	genetics 570
Acacia 4076, 7455	Oryza	molecular genetics 8879
Actinidia deliciosa 9681	catalase 11828	mutations 570
Aegilops	transposable elements 11786	nomenclature 1362 nutritive value, genetic engineering
mitochondrial genetics 195 restriction fragment length polymor-	Oryza glaberrima 447	11511
phism 195, 6631	Oryza longistaminata, microsatellites	phylogeny
transposable elements 6631	12993	chloroplast genetics 569, 1670, 5723
Alismataceae, pollen 8342	Oryza sativa 447, 6818	genetic markers 1670
Allium 10782	molecular genetics 5311 pyruvate, orthophosphate dikinase 138	nucleotide sequences 569
DNA 7034	Pelargonium 4114	pollen 4613 taxonomy 4613
reviews 13187 Amphicarpaea bracteata, Bradyrhizobium	Penstemon, repetitive DNA 11260	chloroplast genetics 2768
13062	Pinus 1041	Fagaceae, microsatellites 8702
angiosperms 5294, 6546, 12684	Pinus sylvestris	Fagopyrum
chloroplast genetics 2323	mitochondrial genetics 7475	centres of origin 11860
nucleotide sequences 5295	restriction fragment length polymor-	genetic resources 11859-11860
pollination 119	phism 7475  Poa hartzii, chloroplast genetics 6857	isoenzymes 11863 nucleotide sequences 11863
ribonucleases 122	Poaceae 5301	taxonomy 11863
self incompatibility 122  Arabidopsis thaliana, proteins 1293	polyploidy, reviews 10223	Fagopyrum esculentum
Arachis hypogaea 7327	population genetics 12662, 12664,	breeding 5639
Asteridae 11502	12666-12667, 12670, 12691	books 10108
bamboos 6410	Prosopis 7455	evolution, isoenzymes 11864

		Fatty acids cont.
Fagopyrum esculentum cont.	Fargesia murieliae, flowering 7611	Valianthus annue 3078
flavonoids 476	Farm inputs	Helianthus annuus 3978
gene flow 11861	Cucurbita moschata 1867	combining ability 11032, 12302
genetic resources 5639	Secale cereale 12828	genetic variance 12302
books 10108	Triticum aestivum 4379	genotype environment interaction
	Zea mays 2592	12306
growth period 6850	β-Farnesene, Mentha piperita, nucleotide	induced mutations 7311, 10998
heterostyly		stability 12305
genetics 8109-8110	sequences 4187	Lesquerella fendleri
random amplified polymorphic DNA	Farnesyl-diphosphate farnesyltransferase	gene expression 3996
8110	Glycine max	genetic engineering 3996
interspecific hybridization 8109-8110	gene expression 5302	genetic engineering 5550
outcrossing 11861	nucleotide sequences 5302	germplasm releases 6113
ovule culture 8109	Lycopersicon esculentum, nucleotide	Oenothera biennis 911
pollen culture 10579	sequences 738	Oenothera erythrosepala 911
pollen germination 10579	Nicotiana tabacum	Oryza sativa, somaclonal variation 130
quality 2681	gene expression 1714	Papaver setigerum 6382
rutoside 476-477	genetic transformation 1714	Papaver somniferum 6382
	Oryza sativa	Pinus, multivariate analysis 9971
seeds, multivariate analysis 9292		Pinus pinaster, multivariate analysis
self incompatibility	gene expression 5302	9971
genetics 8110	nucleotide sequences 5302	Prosopis chilensis 2167
random amplified polymorphic DNA	Pisum sativum	Prunus dulcis, multivariate analysis 97-
8110	gene expression 1714	
shedding 11862	genetic engineering 1714	Ricinus communis 10999
variety trials 13027	Zea mays	Sesamum indicum, genetic variance
yield components, stability 478, 13028	gene expression 5302	12337
yield correlations 6850	nucleotide sequences 5302	Theobroma cacao, heterosis 13411
Fagopyrum homotropicum	Fasciation, Glycine max, mutations 13079	Fatty oil plants
heterostyly	Fatty acid desaturases	breeding 3079
		conferences 12586
genetics 8109-8110	Petroselinum crispum	cultivars 2010, 7263
random amplified polymorphic DNA	gene expression 2259	
8110	nucleotide sequences 2259	desaturases, genetic engineering 9755
interspecific hybridization 8109-8110	Triticum aestivum, gene expression	fatty acids, genetic engineering 2011
ovule culture 8109	10273	genetic engineering 6075
self incompatibility	Zea mays	genetic resources 13347
genetics 8110	gene expression 4483	oils
random amplified polymorphic DNA	nucleotide sequences 4483	genetic engineering 868, 2011, 494
8110	Fatty acid hydroxylases	6088, 7264
tissue culture 8111	Helianthus tuberosus	genetic transformation 10997
		oleosins, genetic transformation 4941
Fagopyrum tataricum	gene expression 13185	
breeding 5639	genetic engineering 13185	quality
ecotypes 1618	Fatty acids	genetic engineering 3079, 6088, 97.
evolution, isoenzymes 11864	Adesmia, chemotaxonomy 6900	genetic transformation 10997
genetic resources 5639	Arabidopsis thaliana	Fedia
genotype environment interaction 5640	gene expression 1307, 3996, 7342,	fruits
geography 1618	12647	genetics 8835
growth period, multivariate analysis 1618	genetic engineering 12647	polymorphism 8835
habit, multivariate analysis 1618	genetic transformation 3996, 7342	Feijoa (see Acca)
quality 2681	genetics 6521	Female fertility
shedding 11862	mutations 1307, 6521, 10177, 12644	Aegilops cylindrica 12722
yield components, stability 11865		
	Arachis hypogaea 4982, 13379	Oryza sativa, pleiotropy 1577
Fagus crenata	germplasm releases 11048	Triticum aestivum 12722
adenosinetriphosphatase	Brassica 13360	Fenoxaprop-P, Avena fatua 4473
mitochondrial genetics 11183	Brassica carinata	Ferocactus, phylogeny, chloroplast genetic
restriction fragment length polymor-	artificial selection 7294	6375
phism 11183	germplasm releases 11019	Ferredoxin
cytochrome-c oxidase	induced mutations 7294	Nicotiana tabacum
mitochondrial genetics 11183	Brassica juncea 12285	gene expression 3757
restriction fragment length polymor-	Brassica napus (rape) 10999	genetic transformation 3757, 8275
phism 11183	gene expression 7251, 9785, 13357	Oryza sativa
mitochondrial genetics 7441		
	genetic engineering 9785	gene expression 12937
restriction fragment length polymorphism	reviews 11020	nucleotide sequences 12937
7441	genetic transformation 4958, 7251,	Pisum sativum
Fagus grandifolia, tissue culture 8706	10999	gene expression 3757, 8275
Fagus japonica	induced mutations 8520, 9788	genetic engineering 3757
mitochondrial genetics 7441	techniques 9787	Zea mays, nucleotide sequences 3550
restriction fragment length polymorphism	Camelina sativa, induced mutations	Ferritin
7441	4987, 9820	Glycine max
Fagus sylvatica	Cimicifuga 3285	gene expression 10639
abscisic acid 1003	Corylus avellana 867	genetic engineering 10639
dormancy	Crambe abyssinica 8589	Nicotiana tabacum, genetic transforma
gene expression 1003, 5060	Cuphea procumbens 10999	tion 10639
nucleotide sequences 1003, 5060		
gibberellic acid 1003	Cuphea viscosissima, mutations 7343 Cuphea wrightii	Zea mays, gene expression 4498
growth regulators 1003		Ferrochelatase
	gene expression 7342-7343	Arabidopsis thaliana
isoenzymes, genetic variation 4069, 9948	genetic engineering 7342	gene expression 12617
pollen, random amplified polymorphic	nucleotide sequences 7343	nucleotide sequences 12617
DNA 11182	Cynodon dactylon 5669	restriction fragment length polymor
seeds	Elaeis guineensis 10999	phism 12617
gene expression 5060	genetic engineering 3980	Fertility
nucleotide sequences 5060	fatty oil plants, genetic engineering 2011	Allium sativum 715
taxonomy, random amplified	Garcinia mangostana	Arabidopsis thaliana
polymorphic DNA 12451	gene expression 7251	
Faidherbia albida	nucleotide sequences 7251	mutations 12636
Bradyrhizobium 1024	Glycine	nucleotide sequences 12636
chromosome number 7455		Brassica oleracea (kale) 10786
evolution 7455	genetics 1687	Bruguiera gymnorrhiza 7459
	heritability 1687	Coffea arabica 9857
isoenzymes, genetic variation 2166	Glycine max 581, 9431, 10649	Daucus carota, mitochondrial genetics
nitrogen fixation 1024	genetics 9429-9430	13177
seedlings 3227	induced mutations 10998	Erucastrum abyssinicum 10786
seeds 3227	stability 2796, 6912	Festuca pratensis, induced mutations
Falcarindiol, Daucus carota 7014	Gossypium hirsutum 8682	5661

Fertility cont.	Festuca arundinacea cont.	Festuca rubra cont.
Festuca rubra, somaclonal variation 6856	cultivars	rhizomes
genetics 10224	HiMag 500	clonal variation 4582
Ginkgo biloba 8722 Glycine max	Jesup 1633	genotype environment interaction
linkage 9389	Pixie 1632 Tar Heel 9304	4582 seed testing 5648
recombination 9389	digestibility 484	tillering
Hordeum, backcrossing 4354	DNA hybridization 5647, 11871	clonal variation 4582
Lolium perenne, somaclonal variation	drought resistance	genotype environment interaction
6856 Lycopersicon, Solanum lycopersicoides	DNA hybridization 1631	4582
4756	gene mapping 1631 embryo culture 5649	Festuca valdesii, taxonomy 13036 Festuca valesiaca
Mangifera indica 9716	energy resources 8130	nutritive value 8131
mathematics 2376	gene mapping 11882	yields 8131
Medicago sativa 6884 Musa 8463	genetic resources 4574	Fibre
Oryza 9234	genetic transformation 5646 genomes, random amplified polymorphic	Malus pumila 8411 Triticum aestivum 7811
Oryza glumaepatula 9234	DNA 6863	Triticum spelta 7811
Oryza sativa 410, 5591, 10541	grazing 3677	Zea mays 1533
gene mapping 405	interspecific hybridization 2718	Fibres 2142
restriction fragment length polymor- phism 405, 1575, 6771	lawns and turf 3263, 4130-4131  Lolium multiflorum, intergeneric hybridi-	Gossypium 2142 gene expression 6208
Petunia hybrida	zation 1631, 5647, 5649, 6867,	Gossypium barbadense, genetics 11146
amplified fragment length polymor-	11871	Gossypium hirsutum
phism 11269	Lolium perenne, intergeneric hybridiza-	genetics 11146
genetic markers 11269	tion 6863, 6865 magnesium, artificial selection 500	mutations 2141 <b>Fibrillin,</b> Capsicum annuum, gene expres-
random amplified polymorphic DNA 11269	palatability 3677	sion 9615
Prunus persica 1922	plant composition 500	Ficus benjamina, cultivars, Midnight Beauty
Rhizophora samoensis 7459	pollen culture 5647	1126
Rhizophora stylosa 7459	potassium, artificial selection 500 Puccinia graminis, germplasm releases	Ficus carica cold resistance 9685
Rosa beggeriana 6320 Rosa huntica 6320	2719	cultivars, Seryĭ 8488
Triticum aestivum 2415	quality 2718, 6867, 8129, 10591	genetic resources 13304
backcrossing 4354	restriction fragment length polymorphism	quality 13304
heterosis 4368	11882 roots 13037	Ficus exasperata, pollination 12246 Ficus hispida, pollination 12246
nucleocytoplasmic interaction 4368	silage 8129	Fimbrins
Vitis vinifera, genetics 4874  Fertilization	soil pH 10593	Triticum aestivum
Abies 9983	stress 13037	gene expression 1421
Brassica campestris 8509	variety trials 483, 500  Festuca gigantea	nucleotide sequences 1421  Finland, reports, Foundation for Forest Tree
Brassica juncea 8509	dormancy 497	Breeding 13614
Brassica napus (rape) 8509 Crambe abyssinica 8509	germination 497	Flagellaria guineensis, isoenzymes, genetic
evolution 6534	interspecific hybridization 2718	variation 6401
Helianthus annuus 8533	quality 2718 seeds, storage 497	Flammulina velutipes isoenzymes, heterosis 5169
history 5280	Festuca idahoensis, taxonomy 10592	spores 10086
in vitro culture 1343 Larix kamtschatica 2183	Festuca nigrescens, lawns and turf 3263	variety classification, random amplified
Linum usitatissimum (flax) 5040	Festuca ovina	polymorphic DNA 7620
Pseudotsuga menziesii 1052, 11207	cultivars 9297 MX86 2715	Flavanoids, Allium cepa 1798 Flavanones
Zea mays 1495-1496, 2571, 9160	gene flow 6866	Citrus aurantium 3940
gene expression 6709, 10416  Fertilizers (see Nutrients)	population genetics 6866	Citrus depressa 3940
Ferula kingdon-wardii, centres of origin	Festuca pratensis breeding 2686, 2690	Citrus paradisi 3940 Flaveria bidentis
3333	chlorophyll, mutations 498, 2717	carbonate dehydratase
Ferula licentiana, centres of origin 3333	digestibility 9298	gene expression 13560
Ferulate-5-hydroxylase  Arabidopsis thaliana	DNA hybridization 11870	genetic transformation 3282, 13560
gene expression 11461	fertility, induced mutations 5661	malate dehydrogenase (oxaloacetate- decarboxylating) (NADP <sup>+</sup> )
genetic transformation 11461	gene mapping 11882  Lolium multiflorum, intergeneric hybridi-	gene expression 3276
Festuca	zation 1630, 2707, 11870	genetic transformation 3276
chlorophyll 8128	Lolium perenne, intergeneric hybridiza-	photosynthesis
cytogenetics 2701 databases 5662	tion 1630, 8148 plant composition, somaclonal variation	gene expression 3280 genetic transformation 3281
DNA hybridization 3675	10594	pyruvate,phosphate dikinase
drought resistance 10004	pollen, induced mutations 5661	gene expression 13559
germination 499	prolamins 2716	genetic transformation 13559
heat resistance 10004  Lolium, intergeneric hybridization 2701,	Puccinia coronata, somaclonal variation 10594	ribulose-bisphosphate carboxylase, genetic transformation 3282
11879	quality 8129	Flaveria pringlei
Lolium multiflorum, intergeneric hybridi-	random amplified polymorphic DNA	evolution, molecular genetics 3279
zation 8129	8152	phosphoenolpyruvate carboxylase
molecular genetics 3675	restriction fragment length polymorphism 11882	molecular genetics 3279 nucleotide sequences 5107
nomenclature 11883 polyploidy 9305	senescence	Flaveria trinervia
random amplified polymorphic DNA	gene expression 1630	evolution, molecular genetics 3279
3676	gene mapping 1630	phosphoenolpyruvate carboxylase, molec
taxonomy 5662, 10583	mutations 498, 2717 silage 8129	ular genetics 3279 pyruvate,phosphate dikinase
temperature 499 Festuca arundinacea	variety classification 2716	gene expression 13559
Acremonium 1634	variety trials 2700, 2707, 9295	genetic engineering 13559
aluminium 10593	Festuca roblensis, taxonomy 13036	Flavones
aneuploidy 5660	Festuca rubra cell culture 6856	Zea mays 7971 restriction fragment length polymor-
germplasm releases 10590 calcium, artificial selection 500	cultivars 9297	phism 10373
chromosome pairing 6865	fertility, somaclonal variation 6856	Flavonoid 3,5-hydroxylase, Eustoma
cold resistance	lawns and turf 3263, 4131	grandiflorum, gene expression 10020
DNA hybridization 1631	morphology, somaclonal variation 6856 protoplast culture 6856	Flavonoids  Allium cepa, gene location 720
gene mapping 1631	protopiasi culture 0000	Timent copu, gono tocation 120

Flavonoids cont.	Flowering cont.	Flowering cont.
Aloe 11160	Boronia megastigma 8741	Sasa 7610 Sinapis alba
Antirrhinum majus, gene expression 7545 Arabidopsis thaliana	Boronia purdieana 8741 Brassica campestris (turnip rape)	gene expression 66
gene expression 8941	gene mapping 880	mutations 66
genetics 82	restriction fragment length polymor-	nucleotide sequences 66
induced mutations 82	phism 880	Tamarindus indica 859
mutations 6490	Brassica napus (rape)	Triticum aestivum 9023 artificial selection 6619
Brassica juncea 12292	gene mapping 880 restriction fragment length polymor-	gene mapping 1402
Cistus ladanifer 1211 Cynara cardunculus 736	phism 880	Vaccinium myrtillus 3907
Cynara scolymus 736	Carum carvi, genetics 1195	Vaccinium uliginosum 3907
Diospyros 4926	Carya illinoinensis 6070	Vaccinium vitis-idaea 3907
Erythroxylum coca 4178	cereals	Zea mays 10465
Erythroxylum novogranatense 4178	gene mapping 136	gene expression 10457
Eucalyptus diversifolia, genetic variation	genetics 4309	genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457
5053 Fagopyrum esculentum 476	Chusquea 6395 Cicer arietinum, genetics 640	Flowers
Gerbera, genetics 1090	Cimicifuga nanchuanensis 6335	Actinidia 4895
Ilex 4108	Coriandrum sativum 1143	Alstroemeria 7553
Iris 1113	crops, genetics 4285	angiosperms 5294
Medicago sativa 11903	Cucumis sativus	genetics 4288
gene expression 1654	gene expression 7110	nucleotide sequences 5295
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	nucleotide sequences 7110	phylogeny 10140 Antirrhinum majus 13571
tion 7545 Petunia hybrida	Dendranthema morifolium, induced mutations 11257	Apiaceae 5886
gene expression 6351	Dendrocalamus strictus 7613	Arabidopsis thaliana 5256
genetic transformation 6351	Elaeis guineensis	gene expression 4258, 6493, 13513
Pinus brutia, chemotaxonomy 3238	genetic markers 13370	gene mapping 10191
Pinus eldarica, chemotaxonomy 3238	somaclonal variation 13370	genetic engineering 13513
Pinus halepensis, chemotaxonomy 3238	Eleusine coracana 10524	genetic transformation 13512
Pinus mugo 3239	Eucalyptus globulus	genetics 4269, 12648
Pinus sylvestris 3239	genetics 4065	mutations 4269, 10178, 10191 nucleotide sequences 4258, 6493
Pinus uncinata 3239 Trifolium repens, gene expression 8211	heritability 4065 Eucalyptus risdonii, heritability 8700	polymorphism 12652
Zea mays 1531	Eucalyptus tenuiramis, heritability 8700	Asarum 8795
genetic engineering 6351	Fargesia murieliae 7611	Asteridae 11502
Flavonol 3-O-glucosyltransferase	Fragaria virginiana, genetics 832	Boronia heterophylla 8741
Pharbitis purpurea 12516	genetics 6538	Boronia megastigma 8741
Vitis vinifera	Geonoma cuneata 5066	Boronia purdieana 8741
gene expression 10948	Geonoma irena 5066	Brassica nigra, natural selection 4955
nucleotide sequences 10948  Flavonols, Picea abies 9979	Glycine max 9403 genetic variance 9391	Brassicaceae 5886 Calendula officinalis 11256
Flemingia bracteata, Cajanus cajan, interge-	genetics 9411	Camellia chrysantha, genetics 11231
neric hybridization 8290	linkage 9410	Camellia japonica, genetics 11231
Flemingia macrophylla, Cajanus cajan,	mutations 9412	Campanula microdonta, natural selection
intergeneric hybridization 8290	Gossypium arboreum 8686	4136
Flooding	Hedysarum coronarium, artificial selec-	Campanula punctata, natural selection
Lolium multiflorum 6864	tion 5714	4136
Oryza glaberrima 419, 11843 Oryza rufipogon 4562	Hordeum vulgare, genetics 4448 Impatiens balsamina, gene expression	Cassia javanica 5292 Chamaecrista fasciculata 5292
Oryza sativa 419, 4562, 6826, 8089,	10018	Chrysanthemum morifolium
11843	Ipomoea 2901	mutations 10010
amplified fragment length polymor-	Îpomopsis aggregata	random amplified polymorphic DN
phism 456	genetic variance 3283	10010
gene expression 4560, 10563	heritability 3283	Cicer arietinum
gene mapping 456 Triticum aestivum 7855	Juniperus phoenicea 5082 Lilium, genetics 11299	genetics 11994
Flowering 5279	Lilium formolongi 1117	mutations 641 Conospermum 6336
Actinidia 1958	Lilium formosanum 1117	Crocus sativus 4184
Actinidia deliciosa, artificial selection	Lilium longiflorum 1117	Cucumis sativus
4894	Maclura pomifera, gene expression 6037	artificial selection 2978
Antirrhinum, gene expression 3419	Magnolia delavayi 10000	gene expression 7109, 13261
Antirrhinum majus, gene expression 2220 Arabidopsis thaliana	Malus 8410	nucleotide sequences 7109, 13261
amplified fragment length polymor-	Morus rubra, gene expression 6037 mutations 10227	Dendranthema grandiflora, induced
phism 10184	Nicotiana tabacum	mutations 7534  Dianthus caryophyllus
DNA methylation 12651	gene expression 11123	genetic markers 7490
gene expression 66, 77, 1312, 3419,	mutations 951	linkage 5105
10174, 10181, 10194-10195,	Oryza sativa 6788, 12944, 12950	random amplified polymorphic DN
10198, 11446	genotype environment interaction	5105
gene mapping 136, 880, 10184 genetic transformation 1312, 10174	6790	restriction fragment length polymor
genetics 6510	mutations 6787 Pennisetum glaucum 343	phism 5105
genotype environment interaction	Pennisetum purpureum 343	Eucalyptus
12655	Petunia hybrida, gene expression 8807	gene expression 2156 nucleotide sequences 2156
induced mutations 6475, 10190	Pharbitis nil 2901	Eucalyptus globulus
molecular genetics 11446	gene expression 10016	gene expression 12445
mutations 66, 83, 2354, 3398, 4273,	nucleotide sequences 10016	nucleotide sequences 12445
8948, 10178, 10215, 11453	Phaseolus vulgaris 13109	Fritillaria persica 2223
nucleotide sequences 66, 10198 restriction fragment length polymor-	Phlox drummondii 4139	Gerbera, genetics 1090
phism 880	Pinus halepensis, heritability 4088 Pisum sativum	Gerbera hybrida, multivariate analysis
Arachis hypogaea, gene expression	genetics 3756	12524 Gladiolus callianthus 10024
12325	mutations 3756	Gladiolus callianthus 10034 Gladiolus dalenii 10034
Argania spinosa 12341	Poa alpina 5652	Gladiolus garnierii 10034
Artemisia annua, artificial selection 1163	Poa annua 1623	Glycine max 8246
Bambusa arundinacea 7612-7613	Poa pratensis, genetics 5651	epistasis 9414
Bambusa ventricosa 7611	Prunus armeniaca 3007	linkage 9389
Bambusa vulgaris 1216 Boronia heterophylla 8741	artificial selection 7147  Prunus mume 9652-9653	recombination 9389
Lateria reterophytia of the	1 Tuttus munte 3032-3033	Glycine soja 8246

Flowers cont.	Elyaponana in situ hybridization and	Farmer
gymnosperms, nucleotide sequences 5295	Fluorescence in situ hybridization cont.  Ceratozamia mexicana 7487	Forage cont.  Medicago sativa, artificial selection
Helianthus annuus, genetics 9801	Elymus hispidus	11901
Helianthus argophyllus, genetics 9801	barley yellow dwarf luteovirus 2476	Panicum virgatum 11755
Hibiscus cannabinus genetics 3212	wheat streak mosaic rymovirus 4436	Pennisetum glaucum, combining ability
mutations 3212	Lycopersicon esculentum, chromosome morphology 7059	6740, 8028
Ipomopsis aggregata 6331	Medicago 1649	Pennisetum purpureum, combining abilit 6740, 8028
Ipomopsis tenuituba 6331	Microcycas calocoma 7487	Phleum pratense, germplasm releases
Iris germanica, genetics 8813	Oryza latifolia, genomes 4543	10598
Iris tectorum, genetics 8813 Lepidium 9581	Oryza minuta, genomes 4543	Pisum sativum 11988
Linum usitatissimum (flax), linkage 8689	Oryza sativa, repetitive DNA 3612 Phaseolus vulgaris, leghaemoglobin	artificial selection 11987
Lycopersicon esculentum, linkage 4757	13108	Poaceae 11873 Saccharum officinarum 8599
Lycopersicon hirsutum, linkage 4757	Pisum sativum, ribosomal DNA 619	Sorghum bicolor 3591, 12915
Malus pumila	reviews 7695	Sorghum sudanense 3591
gene expression 7129	Secale cereale	triticale 12708
nucleotide sequences 7129  Mendoncia 11262	accessory chromosomes 267 chromosome morphology 2526	Zea diploperennis 9157
Microloma sagittatum 11492	Sequoiadendron giganteum, nucleolus	Zea mays 2588, 2591, 9157, 10357, 12889
molecular genetics 8899	organizer 9988	combining ability 7934, 10475
natural selection 3422, 5293, 10226	Solanum brevidens 10738	genetic markers 7934
Nicotiana gossei, somaclonal variation 11124	Solanum tuberosum 10738	heritability 3573
Nicotiana tabacum	Sorghum bicolor 9189 aneuploidy 6729	restriction fragment length polymor- phism 3573
gene expression 7109	Thinopyrum distichum 2408	Forage legumes (see Fodder legumes)
nucleotide sequences 7109, 9883	Triticum aestivum 2407	Forest trees
somaclonal variation 11124	barley yellow dwarf luteovirus 2476	air pollution, conferences 13617
Oryza sativa 12966, 12970	wheat streak mosaic rymovirus 4436  Triticum durum 2408	artificial selection 13488
genetics 8061 Papaver 1162	Zea mays 9150	models 12434
Papaver somniferum 10061	Fodder legumes	biosafety 12440 biotechnology 985, 7425, 13489
Pelargonium 4114	breeding 2685, 4575, 8226	breeding 985, 1028, 6253, 6412, 8862
Pelargonium hortorum, genetics 11232	genetic resources 5644, 8115, 8226,	computer programming 1249
Penstemon centranthifolius, natural selection 10021	11925, 13030	clonal variation 986, 1028
Pharbitis purpurea 12516	geography 11925 salinity 3670	cytology 9936
gene expression 12516	Fodder plants	conferences 10103 development, gene expression 9939
Pisum sativum	breeding 2685, 2688, 2695, 8118-8124	DNA 9934
gene expression 3753	conferences 3346, 8870	domestication 987, 3216, 8697
induced mutations 10687 linkage 10687	economics 2689 history 2689	drought resistance, molecular genetics
Prunus avium 3889	carbon dioxide 3669	7427
Prunus cerasifera 7153	cold resistance 2695	ecology 7426 evolution 9937
Prunus dulcis, gene expression 10985	crop mixtures, conferences 10098	gene banks 9932
Prunus persica 12188	cultivars 8986	genetic engineering 6258
linkage 3896  Pseudocalyx 11262	diseases 2696 gene banks 10580	genetic markers 5047, 6256, 12441,
Raphanus raphanistrum	genetic engineering 10581	12704
natural selection 5846	genetic resources 2687, 8116-8117, 8119,	genetic resources 988-990, 6252, 6255-6257, 6412, 7423, 8885, 9933,
pleiotropy 5846	11868-11869	12433, 12435-12439
Rhododendron sataense 1062	books 2283 conferences 8870	genetic variation, conferences 1233
Rosa hybrida genetic markers 7490	databases 9294	genetics 990
induced mutations 8761	Nematoda 2696	genomes 9934 genotype environment interaction, mathe
Senna didymobotrya 5292	plant introduction, books 2283	matics 6260
Silene latifolia	quality, conferences 10098	heritability, statistics 12442
gene expression 2210, 4138	stress, conferences 10098  Foeniculum vulgare	heterozygosity 991
nucleotide sequences 4138  Solanum hirtum 5256	bolting 4188	insects, genetic engineering 6261
Solanum melongena, genetics 4775	chemotaxonomy 1199	isoenzymes, genetic variation 992 lignin, genetic engineering 9940
Stirlingia 6336	cultivars 6549, 12568	pollination, multivariate analysis 7424
Synaphea 6336	Udalets 2387	polymorphism, isoenzymes 12443
Thunbergia 11262	essential oils 1144, 1197 fruits 1193	polyploidy 9937
Triticum aestivum gene expression 11544	genetic resources 1144	population genetics 4061, 6252, 6259
nucleotide sequences 11544	germination 1161	mathematics 13490 provenance trials 6254
Vigna unguiculata, genetics 12016	monoterpenoids 1197	regenerative ability, genetics 9938
Fluorescence	polyploidy 10068 ripening 1193	salinity, in vitro selection 12444
Camellia sinensis 2095	seeds, storage 1161	sex 11173
Glycine max induced mutations 9416	volatile compounds 1199	tissue culture 6258, 9936
linkage 6908, 9416	yield correlations 5154	wood properties 5176 Formaldehyde
Oryza sativa, genetic transformation	Folic acid	Allium fistulosum 2924
5580	Beta vulgaris (beetroots) heritability 712	Tradescantia hirsutiflora 11324
Solanum tuberosum 13170 Vitis champini 8449	reciprocal effects 712	Tradescantia subacaulis 11324
Vitis labrusca 8449	Forage	Formaldehyde dehydrogenase
Vitis vinifera 8449	Ananas comosus 3946	Arabidopsis thaliana, nucleotide sequences 378
Fluorescence in situ hybridization	Avena sativa 260	Oryza sativa, nucleotide sequences 378
Alstroemeria, repetitive DNA 3295	Beta vulgaris (sugarbeet), artificial selection 9832	Formothion
Beta vulgaris (sugarbeet), Heterodera schachtii 6157	Brassica napus (rape) 4957	Cicer arietinum, in vitro selection 1673
Brassica campestris, chromosome mor-	Bromus inermis, heritability 11872	Cyamopsis tetragonoloba, in vitro selec-
phology 7278	Cajanus cajan 2849	tion 1673 Vigna unguiculata, in vitro selection
Brassica nigra, chromosome morphology	cereals 2392	1673
7278  Brassica oleracea, chromosome morphol-	Dactylis glomerata artificial selection 490-492	Forsythia intermedia
ogv 7278	heritability 11872	dihydrokaempferol 4-reductase
Brassica pekinensis, self incompatibility	Elymus, heritability 11872	gene expression 1061
9572	Hordeum vulgare 12708, 12790	genetic transformation 1061

Forsythia intermedia cont.	Fragaria ananassa cont.	1,2-β-Fructan 1F-fructosyltransferase
naringenin-chalcone synthase	Otiorhynchus sulcatus, genetic transfor-	Helianthus tuberosus
gene expression 1061	mation 6025	genetic engineering 13184
genetic transformation 1061	ozone 835	nucleotide sequences 13184
Forsythia viridissima	photoperiodism 4846	Petunia hybrida gene expression 13184
colour, somaclonal variation 7507	Phytophthora cactorum 4865-4866, 12223	genetic transformation 13184
cultivars, Suwon Gold 7507 tissue culture 7507	Phytophthora fragariae 4867-4868	Fructans
Fortunella, graft hybridization 10968	genetics 4862	Allium sativum 3809
Fortunella crassifolia	random amplified polymorphic DNA	Beta vulgaris (sugarbeet), genetic trans-
Citrus sinensis, intergeneric hybridization	4863	formation 13402
4915	plant introduction 3027 pollination 1930, 12216	Cichorium intybus, genetic transformation 5435
citrus tristeza closterovirus, restriction fragment length polymorphism 4917	protoplast fusion 4841	Helianthus tuberosus, genetic engineering
cold resistance 4915	quality 1932, 3032-3034, 4853-4854,	13402
Fortunella hindsi, cold resistance 4915	4857, 12220	Hordeum vulgare
Fortunella margarita	artificial selection 4816	gene expression 5435
cultivars, Neurouhong 3931	genetic variance 4849	genetic engineering 5435 Nicotiana tabacum, genetic transforma-
Xanthomonas axonopodis 3942	germplasm releases 4855 heritability 4849	tion 5435
Fragaria breeding, reviews 4808	random amplified polymorphic DNA	Fructification
essential oils 4848	4840, 12215	Agrocybe aegerita
gene banks 4814	ripening	gene expression 10083
genetic resources 4812, 8443	gene expression 4844, 4847, 9671,	nucleotide sequences 10083
interspecific hybridization 4842	12217-12219	Pleurotus, genetics 10084 Pleurotus ostreatus 10087
morphology 9672  Phytophthora fragariae, genetics 1934	nucleotide sequences 9671, 12217- 12219	genetics 10084
polyploidy 8443	roots 2986	β-Fructofuranosidase
Fragaria ananassa	seed production 4821	Lycopersicon esculentum, genetic trans-
abnormal development 1930	seeds, gene expression 4844	formation 7063
air pollution 835	self compatibility 12216	Medicago sativa, mutations 11902
Alternaria alternata 12223	somacional variation 4851, 7188  Tetranychus urticae 4869	Nicotiana tabacum gene expression 4036
Anthonomus rubi, genetics 4870 Aphelenchoides fragariae 6024	tissue culture 1931, 4851, 7187, 9673	genetic transformation 12375
aroma 4852, 4856	trypsin inhibitors, genetic transformation	Saccharum officinarum 3998
ascorbate peroxidase	6025	Solanum tuberosum
gene expression 9671	variety classification 4840, 12215	gene expression 12030
nucleotide sequences 9671	variety trials 3026-3028, 3030, 4827-	genetic transformation 4691, 12030
Botrytis cinerea 1933 breeding 3025, 3909, 4815, 4817-4820,	4833, 4857, 6019, 10942, 12210 Verticillium dahliae 3912, 6024	Fragaria ananassa, genetic transformation 4838
4822-4826, 10942-10943, 12208-	artificial selection 3911	Lycopersicon esculentum, gene expres-
12209	yield components	sion 1823
conferences 5175	artificial selection 4816, 7186	Nicotiana tabacum
cold resistance 834, 4858, 10942	genetic variance 4849	gene expression 5019
gene expression 836	genotype environment interaction 7186	genetic transformation 952, 5019
in vitro selection 4859-4860 Colletotrichum acutatum 12223	heritability 4849	Pisum sativum gene expression 1711
genetics 4861	Fragaria chiloensis	nucleotide sequences 1711
cryopreservation 9673	interspecific hybridization 4843	Solanum tuberosum, gene expression
cultivars 3029, 10944	male sterility 4843	4838
Aichi 4-go 12211	taxonomy 12221	Fructokinase
Aichi 5-go 12211 Calderona 4835	Fragaria moschata, tissue culture 4850 Fragaria nilgerrensis	Lycopersicon esculentum, gene expression 10814
Cigaëlle 3031	aroma 4852	Solanum tuberosum, gene expression 682
Cigaline 3031	interspecific hybridization 4852	Fructose-bisphosphatase
Ciloè 3031	Fragaria vesca	Solanum tuberosum
Circine 3031	Agrobacterium tumefaciens, genetic	gene expression 1765, 13162
Joliette 4836	transformation 6023 aroma 4852	genetic transformation 13162
Kitanokagayaki 7184 Marabella 4834	interspecific hybridization 4841, 4852	Fructose-bisphosphate aldolase Oryza sativa
Nanaimo 6020	lipids 4864	gene expression 6764
Onda 12212	Phytophthora fragariae 4864	genetic engineering 6764
Rosa linda 6022	protoplast fusion 4841	nucleotide sequences 2649
Sachinoka 7183	somaclonal variation 3910	Fructosyltransferase
Shuoxiang 12213	Fragaria virginiana altitude 832	Cynara scolymus, nucleotide sequences
Sweet Charlie 6021 Symphony 4837	flowering, genetics 832	Nigotiana tahasum ganatia transforma
dihydrokaempferol 4-reductase	genetic resources 832	Nicotiana tabacum, genetic transformation 2943
gene expression 12218	interspecific hybridization 4843	Fruit cracking
nucleotide sequences 12218	male sterility 4843	Lycopersicon esculentum 3844, 9610
drought resistance 2986	Fragrance	heritability 7088
essential oils 4848 β-fructofuranosidase, genetic transforma-	Clarkia breweri, gene expression 10017	Fruit crops
tion 4838	Jasminum polyanthum, induced mutations 1064	biotechnology 12142 cultivars 1892
fruits, gene expression 4844	Jasminum sambac 10073	diseases 8397
gamma radiation 6554	Frankia	artificial selection 5985
gene banks 4813	Allocasuarina verticillata, genetic trans-	DNA 10859
genetic engineering 4819	formation 7464	genetic resources 8885, 13272
genetic transformation 4839, 7185, 8442, 12214	Casuarina glauca, genetic transformation 7464	genetic transformation 12143-12144
growth period 4845	Frankliniella occidentalis	molecular genetics 1893
heat shock proteins	Chrysanthemum 2218	pollination 3869 rootstocks 12143
gene expression 4844	Chrysanthemum morifolium 2219	conferences 7627
nucleotide sequences 4844	Fraxinus	Fruits
hydroponics 12222	cultivars 5089	Amelanchier alnifolia 7142
inbreeding 4821 induced mutations 6554	ribosomal DNA, phylogeny 2162	Ananas comosus, gene expression 12256
interspecific hybridization 4841-4843,	Friabilins, Triticum aestivum, nucleotide	Arbutus unedo 9686
4852	sequences 10288 Fritillaria persica	Brassica campestris (turnip rape), artifi-
male sterility 4843	chromosome morphology 2223	cial selection 7287  Brassica juncea
nutritive value 833	flowers 2223	artificial selection 7287
		-20,

Fruits cont.	Factoria Catan	T
	Fulvia fulva	Fusarium oxysporum
Brassica juncea cont.	Lycopersicon esculentum	Arabidopsis thaliana
mutations 7286	gene expression 13222	gene expression 8962
Capsicum annuum	genetic engineering 13222	genetics 8963
genetic markers 5947		
	genetic transformation 13225	Brassica campestris (turnips) 1808
genetics 5947, 12121	genetics 7079, 9605	Brassica chinensis 1808
haploidy 5953	molecular genetics 4772	Brassica juncea 1808
Capsicum chinense, genetics 12121	nucleotide sequences 3841	Brassica pekinensis 1808
Capsicum pubescens 12125	recombination 8381	
		Capsicum annuum 7101
Carum carvi 1193	Lycopersicon pimpinellifolium, genetics	Cicer arietinum 649, 4670, 8288
Citrus 9708	7079	gene mapping 6955, 11999
Citrus reticulata, storage 3939	Nicotiana tabacum	
Citrus sinensis 9712	gene expression 13222	genetic markers 1730, 12005
		genetics 8287, 9495
gene expression 1988	genetic transformation 13222	germplasm releases 1729
nucleotide sequences 1988	Solanum tuberosum	linkage 11999
Citrus unshiu	gene expression 13222	
gene expression 3067	genetic transformation 13222	random amplified polymorphic DNA
		1730, 11999, 12005
nucleotide sequences 3067	Fumonisins, Zea mays 11736	repetitive DNA 6955
Cocos nucifera 899	Fungi	Citrullus lanatus 13245
multivariate analysis 12320	Arabidopsis thaliana	Cucumis melo
Cucumis melo 1852	gene expression 5261	
		genetic markers 10845
Cucumis sativus 1885	nucleotide sequences 5261	in vitro selection 1857
Cucurbita moschata, artificial selection	Arachis hypogaea 3121, 11049	polymerase chain reaction 10845
13246	Beta vulgaris (beetroots) 12366	Cymbidium 11319
Cucurbita pepo-13253	Beta vulgaris (fodder beet) 12366	
		Dianthus caryophyllus 4143, 6345,
Dimocarpus longan 9741	Beta vulgaris (sugarbeet) 12366	13566-13567
Diospyros kaki 4923	biotechnology, reviews 10127	Gladiolus 5121, 11294
Elaeis guineensis	Cicer 4669	
	Cicer arietinum 648	artificial selection 11292
abnormal development 13371		in vitro selection 7557, 11291
amplified fragment length polymor-	crops, conferences 13619	Glycine max 5739
phism 13371	genetic engineering 1258	
	Glycine max 8257	Gossypium barbadense 13479
somaclonal variation 13371		Gossypium hirsutum 6229
Fedia	Gossypium hirsutum 2145, 13476	artificial selection 13481
genetics 8835	Helianthus annuus 7316	Lens culinaris 4666
	in vitro selection, reviews 11497	
polymorphism 8835		Lilium, artificial selection 11292
Foeniculum vulgare 1193	Lycopersicon esculentum, genetic trans-	Linum usitatissimum (flax)
Fragaria ananassa, gene expression	formation 11512	genetics 11158
	Malus pumila 10872-10873	
4844		modifiers 11158
Hippophae rhamnoides 10958	molecular genetics, books 5182	Lycium barbarum, induced mutations
Iris ensata 7555	mutations 11381	2238
	Nicotiana benthamiana, genetic transfor-	
Iris oxypetala 7555	mation 11512	Lycopersicon esculentum
Iris setosa 7555		linkage 1831
Juglans regia 7256	Nicotiana tabacum	molecular genetics 12111
	genetic engineering 7392	Musa 1977, 3066
Litchi chinensis 8477	genetic transformation 11512	
Lycopersicon esculentum 1829, 3834,		genetic markers 13312
9593, 9610	Oryza sativa 6836	in vitro selection 9701
	Petroselinum crispum 2259	somaclonal variation 9700
gene expression 3830, 5916, 13215	gene expression 4193	
gene mapping 2955	Pisum sativum	Narcissus 11293
genetic engineering 13215		artificial selection 11292
genetics 2955, 9597	gene expression 13126	Ocimum basilicum 2260
	nucleotide sequences 13126	
nucleotide sequences 3830	Ribes (black currants) 7169	Phaseolus acutifolius 6933
Malus 8410		Phaseolus vulgaris 3745
Malus pumila 8412	Sorghum bicolor 5559	Pisum sativum 13125
	combining ability 1547, 6734	
gene expression 2989	Trigonella foenum-graecum 2245	Sesamum indicum, in vitro selection 858
Mangifera indica 7232, 8471		Solanum melongena 7092
Musa 1973	triticale 12852	Trifolium incarnatum
	Triticum 1430, 4425	
polyploidy 3061	Triticum aestivum 1430, 3484, 4425,	artificial selection 1655
Myrtus communis 9686	5411, 6642, 7776, 7856, 10254	inbreeding 1655
Olea europaea 9808		Trifolium pratense 548
f	Triticum durum 6642	
Papaver 1162	Zea mays 10489	Tulipa, artificial selection 11292
Peucedanum 3322	heterosis 6724	Fusarium solani
Pisum sativum		Glycine max 2803, 3725, 6917, 11957,
	Fungicides	13090
genetics 6945, 8278	Lentinula edodes 12578	
induced mutations 10687	Malus pumila 10872-10873	gene mapping 9447
linkage 10687	Oryza sativa, gene expression 1610	genetic markers 9445, 9447
mutations 8278	Eugania acid Madianas active in with	Nicotiana tabacum, gene expression 618
	Fusaric acid, Medicago sativa, in vitro	
Prunus armeniaca 3006	selection 10610	Piper betle 2244
clonal variation 1917	Fusarium (see also Gibberella; Nectria)	Pisum sativum 630
multivariate analysis 10892		Fusarium sporotrichioides, Sorghum bicolo
Illultivariate aliatysis 10092	Aegilops speltoides, chromosome translo-	338
Prunus mume 9652-9653	cation 214	
Prunus persica	Cucumis melo	Fusarium udum
genetics 1923	gene mapping 1858	Cajanus cajan 2851-2852, 3767
	gene mapping 1050	germplasm releases 10523
linkage 3896	random amplified polymorphic DNA	
Prunus sibirica 4803	1858	Fusicladium (see also Venturia)
Psidium guajava 7242	Dioscorea rotundata 4714	Galactinol synthase
		Arabidopsis thaliana, gene expression
Punica granatum 7252	Gladiolus callianthus 10034	
Rubus spectabilis, polymorphism 9668	Gladiolus dalenii 10034	10240
Solanum melongena 12116	Gladiolus garnierii 10034	Oryza sativa, gene expression 10240
		Galactolipase, Zea mays 11733
genetics 4775-4776	triticale 275, 12853	
heterosis 10831	Triticum aestivum 3498, 4424, 5401	Galactonolactone dehydrogenase, Brassica
		oleracea (cauliflowers), nucleotide
Vaccinium ashei 12207	chromosome translocation 214	sequences 4740
Vaccinium ashei 12207 xenia 7177	chromosome translocation 214  Zea mays	sequences 4740
Vaccinium ashei 12207 xenia 7177	chromosome translocation 214  Zea mays	sequences 4740 β <b>-Galactosidase</b>
Vaccinium ashei 12207 xenia 7177 Vaccinium corymbosum, xenia 7177	chromosome translocation 214  Zea mays genetic transformation 4510	β-Galactosidase
Vaccinium ashei 12207 xenia 7177 Vaccinium corymbosum, xenia 7177 Vigna radiata 3780	chromosome translocation 214  Zea mays genetic transformation 4510 genetics 9180	β-Galactosidase  Lycopersicon esculentum
Vaccinium ashei 12207 xenia 7177 Vaccinium corymbosum, xenia 7177 Vigna radiata 3780 Vigna unguiculata	chromosome translocation 214  Zea mays genetic transformation 4510 genetics 9180 techniques 5537	β-Galactosidase  Lycopersicon esculentum  gene expression 12103
Vaccinium ashei 12207 xenia 7177 Vaccinium corymbosum, xenia 7177 Vigna radiata 3780 Vigna unguiculata	chromosome translocation 214  Zea mays genetic transformation 4510 genetics 9180 techniques 5537	β-Galactosidase  Lycopersicon esculentum
Vaccinium ashei 12207 xenia 7177 Vaccinium corymbosum, xenia 7177 Vigna radiata 3780 Vigna unguiculata combining ability 8296	chromosome translocation 214  Zea mays genetic transformation 4510 genetics 9180 techniques 5537  Fusarium culmorum	β-Galactosidase  Lycopersicon esculentum  gene expression 12103  nucleotide sequences 12103
Vaccinium ashei 12207 xenia 7177 Vaccinium corymbosum, xenia 7177 Vigna radiata 3780 Vigna unguiculata combining ability 8296 genetic variance 8296	chromosome translocation 214  Zea mays genetic transformation 4510 genetics 9180 techniques 5537  Fusarium culmorum Avena sativa 4311	β-Galactosidase  Lycopersicon esculentum  gene expression 12103  nucleotide sequences 12103  Diospyros kaki
Vaccinium ashei 12207 xenia 7177 Vaccinium corymbosum, xenia 7177 Vigna radiata 3780 Vigna unguiculata combining ability 8296 genetic variance 8296	chromosome translocation 214  Zea mays genetic transformation 4510 genetics 9180 techniques 5537  Fusarium culmorum	β-Galactosidase  Lycopersicon esculentum gene expression 12103 nucleotide sequences 12103 Diospyros kaki nucleotide sequences 12259
Vaccinium ashei 12207 xenia 7177 Vaccinium corymbosum, xenia 7177 Vigna radiata 3780 Vigna unguiculata combining ability 8296 genetic variance 8296 genetics 6966	chromosome translocation 214  Zea mays genetic transformation 4510 genetics 9180 techniques 5537  Fusarium culmorum Avena sativa 4311 Hordeum vulgare 4311	β-Galactosidase  Lycopersicon esculentum  gene expression 12103  nucleotide sequences 12103  Diospyros kaki
Vaccinium ashei 12207 xenia 7177 Vaccinium corymbosum, xenia 7177 Vigna radiata 3780 Vigna unguiculata combining ability 8296 genetic variance 8296	chromosome translocation 214  Zea mays genetic transformation 4510 genetics 9180 techniques 5537  Fusarium culmorum Avena sativa 4311	β-Galactosidase  Lycopersicon esculentum gene expression 12103 nucleotide sequences 12103 Diospyros kaki nucleotide sequences 12259

agglutinins, genetic engineering 10531	apomixis 858	Zea mays cont.
lectins	sex 858	transposable elements 4489
gene expression 11858	Gardenia jasminoides	Gene expression 1273, 1282, 1287, 3380-
genetic engineering 10531, 11858,	light 12707	3381, 4224, 5207, 5212, 11396
13023	somatic embryogenesis 12707	Abies grandis, monoterpene synthases
Gametocides 1350	Gasteria lutzii	3243
Brassica campestris (turnip rape) 8507	Aloe aristata, intergeneric hybridization	abscisic acid, reviews 8907
Brassica napus (rape) 8507-8508	3306	Actinidia chinensis
Oryza sativa 5592	chromosome transmission 3306	ethylene 13302
Triticum aestivum 158	DNA hybridization 3306	growth regulators 13302
Gametoclonal variation	Gaylussacia brachycera, cultivars 5089	Actinidia deliciosa
Allium cepa, random amplified	Gelonin, Suregada multiflora 6442	ripening 7211
polymorphic DNA 12071	Gelsemium sempervirens, cultivars 5089	sucrose-phosphate synthase 7211
Triticum aestivum	Gene banks 5192, 5194-5195, 6420, 7656-	xyloglucan:xyloglucosyl transferase
gliadin 2445	7657, 12595-12596	12242
glutenins 2445	(see also Genetic resources)	Adiantum capillus-veneris, phytochrome
Gamma radiation 5273	Agave angustifolia 4058	1292
Albizia procera 5065	Agave fourcroydes 4058	Aegilops tauschii, ribulose-bisphosphate
Allium cepa 10220, 10777	Allium 5873	carboxylase 7808
Ananas comosus 1995	Allium cepa 4722	Agaricus bisporus
Arabidopsis thaliana 11433	Ananas 9719	glutamate-ammonia ligase 1223
Arachis hypogaea 4981, 8566, 8577,	Arachis hypogaea, mathematics 9811	laccase 10082
9813-9814	Avena sativa 1467	pyrroline-5-carboxylate
Artemisia pallens 5156	Beta vulgaris 11071	dehydrogenase 1224
Brassica juncea 5887	Beta vulgaris (sugarbeet) 3143	Agrobacterium tumefaciens 1279
Brassica napus (rape) 8520, 12275	Brassica 9756	Agrocybe aegerita, fructification 10083
Camelina sativa 7341, 9820	Brassica oleracea 2929, 3814	Allium cepa, development 5871
Capsicum annuum 2968	Cannabis sativa 3210, 5042	Allium ursinum, lectins 713
Catharanthus roseus 10055	Capsicum 5938	Alnus glutinosa, nodulation 4079
Cicer arietinum 2846	catalogues 11356-11357	Amanita muscaria
Corchorus 5041	cereals 12698	betalain 4161
Cucumis sativus 7111	Chenopodium quinoa 6851, 8112	betalains 1221
Cyamopsis tetragonoloba 1755	Citrus aurantiifolia 13315	DOPA dioxygenase 4161
Dendranthema 6334	Citrus latifolia 13315	Amaranthus hypochondriacus, photosyn-
Dendranthema grandiflora 7534	Citrus limon 13315	thesis 2683
Dendranthema morifolium 11257	crops 2291	Amaranthus tricolor, photosynthesis 2683
Dorotheanthus bellidiformis 4160	Cucurbita 5969	Ananas comosus
Eragrostis tef 505	culinary herbs 3314	ACC oxidoreductase 12256
Fragaria ananassa 6554	economics 5193	ACC synthase 12256
Gladiolus 13574	Elymus 3678	fruits 12256
Glycine max 2790-2791, 8245, 9382,	essential oil plants 3314	Antirrhinum
9408, 9427, 11948, 11958	fodder plants 10580	development 3419
Gossypium hirsutum 7405, 9928	forest trees 9932	flowering 3419
Hamatocactus setispinus 3308	Fragaria 4814	Antirrhinum majus
Helianthus annuus 2034, 3111	Fragaria ananassa 4813	binding proteins 7543
Hordeum spontaneum 3516	Glycine max 8238	development 2220, 11268
Hordeum vulgare 3516, 5353, 6660,	legumes 12698	dihydrokaempferol 4-reductase 1099
9094	Lolium multiflorum 13035	flavonoids 7545
Jasminum polyanthum 1064	Lolium perenne 8139	flowering 2220
Lens culinaris 1723	Malus 12150	lignin 7545
Lycium barbarum 2238	Malus pumila 9630	transcription factors 11268
Lycopersicon esculentum 4762, 12099	medicinal plants 3314	Arabidopsis
Macrotyloma uniflorum 4680	Musa 9692	development 80
Malus pumila 804, 5998	Myristica fragrans 1186, 6385	transposable elements 7705
Musa 3059, 9701, 10963	ornamental woody plants 6305, 7493,	Arabidopsis thaliana 2334, 3387, 4233,
Oryza sativa 407, 434, 1583, 2661, 5584,	9992	4247, 4250, 10151, 12615
5595, 6785, 8084, 9251, 9282,	Oryza sativa 349	abscisic acid 4770, 11127, 11420
10537, 10555	Phaseolus 9352	phosphatidylinositol-4-phosphate
Papaver somniferum 12554	Phaseolus vulgaris 9470	5-kinase 12656
Phaseolus vulgaris 610, 8266, 11970,	Picea glauca 13501	acetyl-CoA carboxylase 1301
13110, 13112	Pinus radiata 13501	actin 10157
Pisum sativum 10683	Pinus torreyana 13501	acyl carrier protein synthase 7342
Prunus avium 10905	Prunus domestica 9630	acyl-CoA desaturase 4270
Prunus persica 1922	Pseudoananas 9719	adenosine diphosphate-ribose 4770
Psophocarpus tetragonolobus 4681	Pyrus communis 9630	adenosinetriphosphatase 3385, 10209
root crops 2869	reviews 8881	alcohol dehydrogenase 1296, 10158
Rosa hybrida 8761	Solanum tuberosum 1757	aldehyde oxidase 10179
Sesamum indicum 3126, 3991, 11054,	Triticum aestivum 11523	alternative oxidase 1290
12334	Triticum monococcum 9035	aluminium 11463
Solanum macrocarpon 9614	Tulipa 11307	amine oxidase (copper-containing)
Tigridia vanhouttei 11280	vegetables 9559	6473
triticale 5470-5471	Vicia 13050	amino acids 8938
Triticum aestivum 152, 5362	Vigna 9352	anthers 11419
Vigna mungo 8301	Vigna subterranea 1744	anthranilate synthase 6515
Vigna radiata 667, 9501, 10723	Zea mays 7962	aquaporin 7724
Vigna unguiculata 6971	Gene conversion, Zea mays 10388-10389	aquaporins 1305
Zea mays 5520, 10406, 10428 Ganoderma lucidum	Gene dosage	aspartate kinase 7713
protoplast fusion 10090	Hordeum vulgare, quantitative traits	ATP/ADP transporter 10165
protoplast 10090 protoplasts 10090	10316	auxin binding proteins 7706
Garcinia mangostana	Musaamhaan H. Eii 842	auxins 46, 2789, 8945
fatty acids	Mycosphaerella fijiensis 843	binding proteins 54, 5223, 6517,
gene expression 7251	parthenocarpy 843	11443, 13101
	Triticum aestivum	brassinolide 10145
nucleotide sequences 7251 stearic acid	canopy 170	brassinosteroids 1318
	glutenins 4400	calcium 7732
gene expression 7251 nucleotide sequences 7251	growth period 5360	calmodulin 11443
thioesterases	height 170	carbohydrates 6497
gene expression 7251	Zea mays	cell division 2948, 3428, 7714
	glucose-1-phosphate adenylyltransfer-	cells 12633
nucleotide sequences 7251	ase 10435	cellulose 8936-8937

Gene expression cont.	Gene expression cont.	Gene expression cont.
Arabidopsis thaliana cont.	Arabidopsis thaliana cont.	Arabidopsis thaliana cont.
chalcone isomerase 81	histidine-tRNA ligase 12628	pyruvate,orthophosphate dikinase
chitinase 7737	histones 2340, 9136	1499
chlorophyll 6509	homeotic genes 13513	rapamycin 13101
chlorophyll <i>a/b</i> binding protein 626, 2347, 3403, 5257, 6496	homoserine dehydrogenase 7713	ribosomes 3391
	hydroperoxide dehydratase 12624	RNA binding proteins 2338
chloroplast genetics 5232 chloroplasts 10144, 10205	inflorescences 2342, 6500	RNA editing 12622
circadian rhythm 2338	injuries 3407, 10203, 12624, 12659	RNA polymerase 6485
cold 4276	internodes 12642	roots 4275, 6511
cold resistance 89, 5258, 7732-7734,	ion transport 7710	saccharopine dehydrogenase 48, 3389
10205, 10240, 11464, 11466,	iron 3405	salicylic acid 2360
12657	isocitrate dehydrogenase 5230	salinity 84, 1323, 2357, 10211
4-coumarate-CoA ligase 2343	isopentenyl diphosphate isomerase	seeds 6503, 10199, 11420, 12647 senescence 1310, 3401, 8946-8947
cryptochrome 7719	4245	sex 60
cyclase 11457	jasmonic acid 3407, 10203 kinases 10155	spermidine synthase 6550
cyclin-dependent kinase inhibitors		stearoyl-CoA desaturase 2341
12616	kinesin 3428 leaves 1320	sterol glucosyltransferase 1291
cyclins 4272	light 626, 2345, 6495, 6505, 8927,	sterol methyl-transferases 11458
cyclophilin 4242	10148, 11426, 11431, 11441,	stomata 1314
cysteine proteinases 10197	11447-11448, 12637	stress 86, 2355, 10152, 10167, 10175,
cytochrome-c oxidase 3385, 12622	lignin 2343, 11461	12658
cytochrome P-450 10145, 12633	lipids 6494	sucrose 11431
cytochrome P-450 monooxygenase	lysine-ketoglutarate reductase 48,	sugarcane bacilliform badnavirus
6507	3389	12612
cytokinins 4256, 11442	male sterility 63	sugars 2350
defensins 5261	meiosis 5241, 6488	techniques 55, 10147
development 41, 60, 66, 77, 1323	Meloidogyne incognita 3411	temperature 72
development 41, 60, 66, 77, 1323, 2345-2346, 3419, 5249, 6476,	methyl jasmonate 7721	thionins 8962
6511, 7715-7716, 7718, 10148,	mutations 4239	toxic substances 6517, 11463, 12658
10180, 10193-10194, 10199,	NADH dehydrogenase (ubiquinone)	trans-cinnamate 4-monooxygenase 44
11434, 11444, 11447, 12637,	11435	transcription factors 6481, 8928,
12642	NADPH-cytochrome-c2 reductase 44	10150
dimethylallyltranstransferase 4238	naringenin-chalcone synthase 81,	transfer RNA 51, 4237
DNA binding proteins 41, 2332,	1297, 5231, 10161	transport proteins 11462
2345, 2356, 5222, 5237, 8925,	nitrate reductase 7722	transposable elements 3394, 4040, 10164
8927, 10148, 11427, 12625,	nitrates 4275	trehalose-phosphatase 6471
12657	nitric oxide 11468	trehalose-6-phosphate synthase 6470
DNA repair 59, 5228, 5232	nitrilase 2348, 4262 nitrogen 6478	tropisms 11430
dormancy 6503	nutrients 3405, 4275, 11462	tryptophan 12649
drought resistance 90, 1323, 2357,	oleosins 68, 4941	tubulin 10168
12657	ornithine-oxo-acid aminotransferase	turnip crinkle carmovirus 2361
phosphatidylinositol-4-phosphate	10207	ubiquinones 8930
5-kinase 12656	oxidoreductases 6509	ubiquitin conjugating enzymes 5224
elongation factors 3391	oxophytodienoate-reductase 6502	UDPglucose 4-epimerase 6497
epidermis 10182 ethylene 12650	pathogenesis-related proteins 2360,	ultraviolet radiation 12638
ethylene receptor 12639	7735, 8958, 10212, 10214,	uroporphyrinogen-III methyltransfer-
fatty acids 1307, 3996, 7342, 12647	12614, 12659	ase 1317
ferrochelatase 12617	pectate lyase 47	water balance 7724
ferulate-5-hydroxylase 11461	peptidases 4240	Xanthomonas campestris 7737
flavonoids 8941	peroxiredoxins 6503	Xiphinema diversicaudatum 3411
flowering 66, 77, 1312, 3419, 10174,	phenylalanine ammonia-lyase 6515	xylem 7533
10181, 10194-10195, 10198,	phosphodiesterase 50	zinc 11462 Arachis hypogaea
11446	phospholipase D 3401, 4246	flowering 12325
flowers 4258, 6493, 13513	phosphoprotein phosphatase 4249, 6476	tomato spotted wilt tospovirus 11053
fungi 5261	photolyases 5228	auxins 2313, 12608
Fusarium oxysporum 8962	photoperiodism 10198	Avena fatua
galactinol synthase 10240	photosynthesis 72, 1309, 2350	dormancy 1475
geranylgeranyl pyrophosphate	phototropism 7720	plant embryos 1475
synthase 58, 889 geranyl <i>trans</i> transferase 4238	phytochrome 65, 2352, 6499, 10187,	Avena sativa 12814
germination 6499	11441	arginine decarboxylase 11680
germins 52	phytoene desaturase 889, 11440	commelina yellow mottle badnavirus
gibberellic acid 10186	phytoene synthase 889	5457
gibberellin 3-β-dioxygenase 11456,	plant embryos 2346, 7715-7716,	Erysiphe graminis 2522
12640	7718, 10171, 10193, 11434,	phytoalexins 2522
gibberellins 6479, 6481, 10174,	11444	phytochrome 4470
11456, 12640	plant hairs 10188, 11455	Puccinia graminis 10338
glucan branching enzyme 11431	pollen 47, 63, 11419, 11435	sterol glucosyltransferase 1291
glucose-1-phosphate adenylyltransfer-	polypeptides 8939	sugarcane bacilliform badnavirus
ase 4260	potassium transporters 4268	12612
β-glucuronidase 11918	proline 84, 90	Beta vulgaris (beetroots), glutamate- ammonia ligase 9554
glutamate synthase 4271, 10173	promoters 11448	Beta vulgaris (sugarbeet) 12361
glutamine amidotransferase 11457	protein kinase 64, 3392, 4235, 4243, 4272, 5225, 7735	cell division 13399-13400
glutathione 11472	protein phosphatase 8932	β-glucanase 9841
glutathione peroxidase 4278	protein-tyrosine-phosphatase 10175	photosynthesis 2088
glutathione transferase 6515, 10152	proteinases 1323	Betula pendula
glyoxalase 53	proteins 3390, 4236, 5248, 6480,	drought resistance 9942
green fluorescent protein 11918 growth regulators 46, 2789, 4256,	6482-6483, 6508, 10171, 11428,	injuries 7429
7721, 8945, 10174, 11127,	11445, 12620, 12626	ozone 9942
11456, 12650	protochlorophyllide reductase 85	pathogenesis-related proteins 11174
guanosine diphosphate 5227	Pseudomonas syringae 8961, 10214,	phosphate translocator 993
heat shock 10204	11467-11469	Brassica campestris
heat shock proteins 88, 3393, 3406,	pyrroline-5-carboxylate reductase	binding proteins 2012
11127	1304	self incompatibility 2018
herbicides 11472	pyrroline-5-carboxylate synthetase 84,	Brassica campestris (sarson), self incom-
Heterodera schachtii 3411	1322, 2357	patibility 3964

Gene expression cont.	Gene expression cont.	Gene expression cont.
Brassica juncea	chlorophyll 6447	Daucus carota cont.
cadmium 9791	chromatin 7692	glyphosate 9542
glutamate-cysteine ligase 7297	Cicer arietinum	growth regulators 2789
glutathione 9791	development 637, 10707	herbicides 9542
heavy metals 7297	tubulin 10707	lipid transfer proteins 2886
Brassica napus	Cichorium intybus	ornithine decarboxylase 12044
cauliflower mosaic caulimovirus 7302	chlorsulfuron 732	pathogenesis-related proteins 4708
cysteine proteinases 3968	herbicides 732	plant embryos 10757, 10759
injuries 12291	circadian rhythm 8901	roots 4708
stress 3968, 12291	Citrullus lanatus	somatic embryogenesis 10757, 10759
Brassica napus (rape)	glucose-1-phosphate adenylyltransfer-	transfer RNA 51
abscisic acid 13357	ase 10846	death 7680
acetyl-CoA carboxylase 871	heat shock proteins 4787	dehydrins 1256
ascorbate peroxidase 7298	Citrus aurantium, citrus tristeza closter-	development 1271, 8900, 8972, 11395
binding proteins 6078	ovirus 847	Dianthus caryophyllus, anthranilate N-
cold resistance 12290	Citrus paradisi, isoflavone reductase	benzoyltransferase 4135
cytokinins 8503	7222	diseases 6436
cytoplasmic male sterility 4951	Citrus reticulata, insects 9713	DNA methylation 11398
fatty acids 7251, 9785, 13357	Citrus sinensis	embryology 8972
glufosinate 3971	abscission 8468	Eschscholzia californica
glycine decarboxylase 11008	fruits 1988	alkaloids 7522
growth regulators 8503, 13357	β-glucanase 8468	berberine 5101
heat shock proteins 6083, 13350	pectinesterase 8466	Eucalyptus
herbicides 3971	ripening 1988	development 2156
jacalin 13356	thiamin 1988	flowers 2156
3	Citrus unshiu, fruits 3067	Eucalyptus globulus
ketoacyl-CoA synthase 13357	Clarkia breweri	flowers 12445
lectins 13356	benzylacetate 10017	homeotic genes 12445
napin 11005, 11007	fragrance 10017	isocitrate dehydrogenase 13493
oleosins 4950		mycorrhizas 13493
peroxidases 13363	Coffea arabica	Pisolithus tinctorius 13493
photosynthesis 11008	proteins 9861	
pollen 4026, 4950	seeds 9861	Eucalyptus gunnii cinnamoyl-CoA reductase 5052
ribosomes 10535	Coffea canephora	
ribulose-bisphosphate carboxylase	β-glucuronidase 9862	cinnamyl-alcohol dehydrogenase 626
12290	Perileucoptera coffeella 9862	Eustoma grandiflorum, flavonoid 3,5-
seeds 6083, 11007	cold resistance 16, 8893, 11377	hydroxylase 10020
self incompatibility 7280	conifers, cytochrome-c oxidase 9961	evolution, reviews 11501
somatic embryogenesis 13357	Corylus avellana, heat shock proteins	Fabaceae, nodulation 8236
stearic acid 7251	7259	Fagus sylvatica
thioesterases 7251, 9785	Craterostigma plantagineum	dormancy 1003, 5060
thioglucosidase 4945	desiccation 1098, 7575, 8826	seeds 5060
transposable elements 3962	DNA binding proteins 13581	Festuca pratensis, senescence 1630
Brassica oleracea	drought resistance 1098, 5220	Flaveria bidentis
oleosins 2932	stress 13581	carbonate dehydratase 13560
pollen 2932	sucrose-phosphate synthase 2206	malate dehydrogenase (oxaloacetate-
self incompatibility 2936	vivipary 3270	decarboxylating) (NADP <sup>+</sup> ) 3276
Brassica oleracea (broccoli), RNA	crops	photosynthesis 3280
polymerase 5883	diseases 10125	pyruvate,phosphate dikinase 13559
Brassica oleracea (cauliflowers)	ripening 10125	Flaveria trinervia, pyruvate, phosphate
adenosinetriphosphatase 5882	Cucumis melo	dikinase 13559
calmodulin 5882	ACC oxidase 1854, 3857, 8393	forest trees, development 9939
proteins 8345	ascorbate peroxidase 778	Forsythia intermedia
trypsin inhibitors 12052	ethylene 3857, 8393	dihydrokaempferol 4-reductase 1061
Brassica oleracea (kale)	polygalacturonase 12134	naringenin-chalcone synthase 1061
kinases 725	ripening 778, 12134	Fragaria ananassa
self incompatibility 725	Cucumis sativus	ascorbate peroxidase 9671
Brassicaceae, self incompatibility 134	ACC synthase 3862	cold resistance 836
Bromheadia finlaysoniana,	carotenoids 7110, 9628	dihydrokaempferol 4-reductase 12218
dihydrokaempferol 4-reductase	chitinase 7113	fruits 4844
12539	Colletotrichum orbiculare 7113	heat shock proteins 4844
Camptotheca acuminata, hydroxymethyl-	development 7109	ripening 4844, 4847, 9671, 12217-
glutaryl-CoA reductase 1166	diacylglycerols 7107	12219
Capsicum annuum	flowering 7110	seeds 4844
capsanthin 5902	flowers 7109, 13261	Galanthus nivalis, lectins 11858
capsorubin 5902	growth regulators 9628	Garcinia mangostana
carotenoids 9615	gynoecium 3862	fatty acids 7251
cellulase 10837	isocitrate lyase 1877	stearic acid 7251
fibrillin 9615	malate synthase 1877	thioesterases 7251
superoxide dismutase 7100	sex 13261	Ginkgo biloba
systemin 4293	Cucurbita, ascorbate peroxidase 7105	chlorophyll 4081
Carica papaya	Cucurbita maxima	glutamate-ammonia ligase 4081
ACC oxidoreductase 13326	gibberellin dioxygenase 786	glutamate synthase 4081
ACC synthase 13326	malate dehydrogenase 8390	Glycine max
ripening 13326	Cuphea hookeriana	ascorbate peroxidase 11929
carotenoids, reviews 11384	acyl carrier protein synthase 13389	
Catharanthus roseus	seeds 13389	aspartate aminotransferase 9371
aromatic-L-amino acid decarboxylase	Cuphea pulcherrima	aspartate-ammonia ligase 13073 auxins 2789, 9424
5136	acyl carrier protein synthase 13389	
cell division 5134	seeds 13389	binding proteins 5729  Bradyrhizohium 13085
cyclins 8828	Cuphea wrightii	Bradyrhizobium 13085
cyclophilins 1158	acyl carrier protein synthase 7342-	cell division 6170
DNA binding proteins 6326	7343	chitinase 4625
NADPH-ferrihemoprotein reductase	fatty acids 7342-7343	conglycinin 6914
3318		cytokinins 9370
nutrients 2236	Cynara scolymus, inulin 10799	3,9-dihydroxypterocarpan 6a-monoox
phosphates 2236	cytochrome P-450 11399	ygenase 13088
strictosidine synthase 5136	Daucus carota	DNA binding proteins 5736
	auxins 2789	farnesyl-diphosphate farnesyltransfer
Cereus peruvianus isoenzymes 1131	chitinase 10759	ase 5302
malate dehydrogenase 1131	cytoplasmic male sterility 5819	ferritin 10639
maiate deliyarogenase 1151	DNA methyltransferase 5824	germination 13077

Glycine max cont.	Gene expression cont.  Hordeum vulgare cont.	Gene expression cont.  Lycopersicon esculentum cont.
globulins 10641	lipid transfer proteins 234, 12781	calyx 5915
growth regulators 2789, 9370, 9424	lipoxygenase 239, 6662, 12784	catechol oxidase 4769
heat shock proteins, reviews 590	methyl jasmonate 231	cell division 2948
lactoylglutathione lyase 6170	methyltransferases 231, 4465, 12779	cellulase 5916
lectins 13057 leghaemoglobin 5736	NAD(P)H-plastoquinone-	chlorophyll a/b binding protein 13212
light 8242	oxidoreductase 5436 naringenin-chalcone synthase 10329	citrus exocortis viroid 5926 cold 12108
lipoxygenase 8248	oxalate oxidase 4464	cold resistance 7071-7072
metalloproteinases 6905	pathogenesis-related proteins 251,	cytokinins 10813
naringenin-chalcone synthase 6907	4463, 9104, 12803	cytosol aminopeptidase 5910
nitric oxide 11468	phenylalanine ammonia-lyase 11677	dehydrins 747
nodulation 13057, 13085 nodulins 3723	photosynthesis 5436	development 1824, 3832, 4763, 5915,
nutrients 6914	plant embryos 1449, 3517, 3524 plastids 4447	9591, 12102 drought resistance 748, 3837
peroxidases 2794	proteins 1455, 9093	ethylene 3837, 8371, 8379, 12092,
phosphoenolpyruvate carboxylase	Pseudomonas syringae 252	12102
3724	ribosome-inactivating proteins 226	extensins 740
phytoalexins 13088	seeds 12784	β-fructofuranosidase 1823
proteins 8242, 8244, 9370  Pseudomonas syringae 593, 11468	senescence 3519 stress 9104	fructokinase 10814
seeds 4625, 13077	sulfur 1455	fruits 3830, 5916, 13215 Fulvia fulva 13222
soybean mosaic potyvirus 9454	transcription factors 6653	β-galactosidase 12103
sulfur 6914	xyloglucan endotransglycosylase 3522	germacrene C synthase 8366
superoxide dismutase 11935	Hyoscyamus niger, spermidine synthase	glucose-1-phosphate adenylyltransfer-
urate oxidase 3723	6550	ase 13209
xyloglucan endotransglycosylase 6906 Gossypium	Impatiens balsamina	glucosyltransferase 8378
drought resistance 6223	development 10018 flowering 10018	β-glucuronidase 8365 glutamate-ammonia ligase 12100
fibres 6208	Ipomoea batatas	glutathione peroxidase 10809
Gossypium hirsutum	ipomoelin 1793	growth regulators 748, 8371, 8373,
catalase 12396	methyl jasmonate 1793	9583, 10813, 12102
Heliothis virescens 13483	peroxidases 9546, 12051	heat shock proteins 7068, 7071-7072,
lectins 13483 growth regulators 5202, 12608	sucrose synthase 5839, 8334 trypsin inhibitors 12052	12108 injuries 5919
reviews 8907	Iris hollandica, senescence 11286	jasmonic acid 8373
heat shock 5304	isoprenoids 11405	lactate dehydrogenase 3836, 3838
heat shock proteins 3378, 12599	jasmonic acid 30	leaves 13211
Helianthus annuus	Juglans	light 12100, 13212
acyl-(acyl-carrier-protein) deasaturase 12304	naringenin-chalcone synthase 13340	lysine-tRNA ligase 4768 mannosidases 8372
albumins 2032	tissue culture 13340  Kalanchoe blossfeldiana, β-glucuronidase	mechanical damage 4759
aquaporin 3113	10044	metallothionein 12091
drought resistance 12307	Lesquerella fendleri, fatty acids 3996	naringenin-chalcone synthase 5912,
gynoecium 9802	light 1271, 5202, 8900	13212
heat shock proteins 3979, 7312	reviews 36	nitrate reductase 742
helianthinin 2032 pollen 9802	lignin, reviews 6455 Lilium longiflorum	nitrite reductase 742 nutrients 13214
stomata 3113	anthers 4150	octadecanoids 8373
Helianthus tuberosus	development 4150	ozone 2957
fatty acid hydroxylases 13185	serine proteinases 4150	parthenocarpy 1821
inulin 10799	Limnanthes douglasii, trierucin 7295	pathogenesis-related proteins 3839,
Hemerocallis 5108	Lithospermum erythrorhizon, phenylala- nine ammonia-lyase 8830	7080 pectinesterase 1815, 10807
senescence 5108 thiol proteases 5108	Lolium multiflorum, senescence 1630	peroxidases 5924, 7069
Hevea brasiliensis 9931	Lolium perenne	phosphate transporters 12101
allergens 12429	caffeate O-methyltransferase 6862	phosphates 13214
Holcus lanatus	senescence 1630	photosynthesis 13216
allergens 6875	Lotus corniculatus	phytochrome 5912, 9591
pollen 6875	dihydrokaempferol 4-reductase 1099, 8218	phytoene synthase 7057 pollen germination 2951
Hordeum vulgare 2494 abscisic acid 322, 13003	lectins 13057	polygalacturonase 4758, 7057, 8371,
α-amylase 3524, 7762	naringenin-chalcone synthase 608	10816, 12105, 13215
cold resistance 245, 249, 12792	nodulation 2740, 13057	profilin 5911
death 3517	tannins 8218	prosystemin 8365
deoxyribonuclease 11667	Lotus japonicus 558 β-glucuronidase 11918	protein kinase 8368 proteinase inhibitors 743
desiccation 322	glutamate-ammonia ligase 557	proteinase 5926
DNA binding proteins 1449, 6657 drought resistance 245	green fluorescent protein 11918	quality 12105
endosperm 6653	kinesin 557	ribonucleases 4764
enzymes 10317	nodulins 1664	ribulose-bisphosphate carboxylase
Erysiphe graminis 257, 4462, 4464-	sucrose synthase 1663	8367, 13212
4465, 10329, 12803	Lupinus angustifolius, hydrolases 5704	ripening 4758, 4760, 5915-5916, 8371, 12092, 12103, 13213
fructans 5435	Lupinus luteus proteins 11915, 13052	salinity 747, 7069, 13219
gibberellic acid 3524 gibberellins 11664	ribosomes 13052	senescence 4764
glucan endo-1,3-\(\beta\)-glucosidase	Lycopersicon esculentum	stomata 8374
11665	abnormal development 10815	stress 4693, 4769, 7073
glucose-1-phosphate adenylyltransfer-	abscisic acid 748, 4770, 5920, 8374,	techniques 2949
ase 5432	9583 abscission 5916	temperature 10815 thioredoxins 4693
α-glucosidase 12780 glutamyl-tRNA reductase 3520, 5434	ACC oxidase 1824, 4760	transposable elements 4040
growth regulators 322, 7875-7876,	ACC oxidoreductase 2957, 10817	ubiquitin conjugating enzyme 7070
13003	ACC synthase 2950, 2957, 4760,	ultraviolet radiation 12100
haemoglobin 227	8371	Verticillium albo-atrum 5924
hydrolases 12782	adenosine diphosphate-ribose 4770	water balance 5920 zeaxanthin epoxidase 1816
inorganic pyrophosphatase 9096	alcohol dehydrogenase 13213 anoxia 3836	Lycopersicon pennellii
jasmonic acid 251, 7875-7876	auxins 10813	drought resistance 9602
levansucrase 5435 light 244	calmodulin 4759	lipid transfer proteins 9602

zein 2590

Lycopersicon peruvianum, self incompati-	Nicotiana plumbaginifolia cont.	Nicotiana tabacum cont.
bility 1822	apoaequorin 13429	growth regulators 2115, 3178, 4033
Macadamia integrifolia, pathogenesis-	calcium 13429	4034, 8637, 8646, 11129,
related proteins 4940	β-glucuronidase 2101, 9895	12398, 13431
Maclura pomifera, flowering 6037	nitrate reductase 5014, 11130	heat shock proteins 12377
Malus pumila	nitrates 11126	Helicoverpa armigera 968
ACC oxidoreductase 13277	ribonucleases 5011	histidinol-phosphate aminotransfera 12376
development 13276	self incompatibility 5011	histones 11107
flowers 7129	Nicotiana sylvestris	homeobox genes 13427
fruits 2989	chitinase 3168	homoserine dehydrogenase 7713
β-glucuronidase 7126 neomycin phosphotransferase 7126	cyclins 2104 growth regulators 11127	injuries 940, 5005, 11129, 12291,
polygalacturonase 13277	heat shock proteins 11127, 12377	12659, 13435
ripening 13277	peroxidases 5008	kinesin 3428
sorbitol-6-phosphate 2-dehydrogenase	pollen 4028	lactoylglutathione lyase 6170
13430	putrescine methyltransferase 9878	lignin 953, 3182
Matteuccia struthiopteris, vicilin 7622	spermidine synthase 6550	lipoxygenase 11134
Medicago sativa	Nicotiana tabacum 941, 945, 5003, 5208,	luciferase 9876
annexins 11899	6168, 7375, 7377, 8642, 9882,	lysine 7389
arabinogalactans 10606	13420	lysozyme 3163
aspartate-ammonia ligase 530 cell division 523	abscisic acid 2356, 3178	magnesium chelatase 3169, 4022
cold 6887	acetyl-CoA carboxylase 1301	malate dehydrogenase (oxaloacetate decarboxylating) (NADP <sup>+</sup> ) 32
cold resistance 5692	adenosinetriphosphatase 5010, 6166 adenosylhomocysteinase 4021	male sterility 5010
flavonoids 1654	agmatine 5459	metallothionein 7388
glutamate-ammonia ligase 9326	Agrobacterium rhizogenes 13438	methyltransferases 13424
isoflavone 4'-O-methyltransferase	albumins 13120	mevalonate kinase 13415
4594	alcohol dehydrogenase 948, 12375	morphology 4021
nodulation 523, 2740, 3691, 5688,	aldehyde dehydrogenase 947	mycorrhizas 9889
8195	anthers 3173, 12390	NADH dehydrogenase (ubiquinone)
nodulins 10612 phosphoprotein phosphatase 6881	anthranilate synthase 12400	6173
pollen 11897	antibodies 2100, 8638, 13442	napin 11005
polygalacturonase 13047	antisense RNA 13423	naringenin-chalcone synthase 4033-
promoters 11897	aquaporin 6167	4034 nitrate reductase 942, 958, 13416
Pseudomonas syringae 1654	arginine decarboxylase 5459 ascorbate peroxidase 8650	oxygenases 13428
Rhizobium 3690, 8195	aspartate kinase 7713	ozone 6033
salinity 5691	auxin binding proteins 5015	pathogenesis-related proteins 963,
superoxide dismutase 5692	auxins 2115, 8637, 9877, 13431	6164-6165, 6179, 7393, 9881,
Medicago truncatula	Bacillus thuringiensis 2099	11129, 11131, 12659
glutamate-ammonia ligase 1650 mycorrhizas 4597	cadmium 7388	pectate lyase 47
nodulation 9330, 10613	caffeate O-methyltransferase 3182	peroxidases 5008, 13363
nodulins 2738, 5689	caffeoyl-CoA O-methyltransferase	phaseolin 9875, 12397
phosphate transporters 4597	5018	phenylalanine ammonia-lyase 943,
Melilotus alba, nodulation 5688	calmodulin 9891	3182, 6182 photoperiodism 3176
Mentha piperita, xylulose-5-phosphate	carbonate dehydratase 11119, 13560 catechol oxidase 5012	photosynthesis 6173, 8645, 11119,
synthase 8853	cell cycle 11107	13425
Mesembryanthemum crystallinum	cell division 3428, 5009, 6170, 13417	phytochrome 3176, 12383
ATP synthase 8824	chaperonins 6178	Phytophthora 8649
cysteine proteinases 13582 myo-inositol 11326	chitinase 4031, 9889, 12405, 13414	Phytophthora nicotianae 11134
pyruvate,phosphate dikinase 13578	chlorophyll a/b binding protein 2112	pollen 47, 948, 4026, 12381-12382
ribosome-inactivating proteins 4170	chloroplast genetics 5004	pollen germination 2951
salinity 4170, 11326	chloroplast processing enzyme 13423	potato X potexvirus 4042
stress 13582	chloroplasts 3165, 12380	potato Y potyvirus 2099
Metasequoia glyptostroboides, legumin	cold 13413	protein kinase 8649, 12410, 13417
5080	4-coumarate-CoA ligase 953 cytokinins 4033-4034, 8646	protein phosphatase 5017 proteinase inhibitors 968
Moricandia nitens	cytosine deaminase 937	proteins 4746, 12378
glycine decarboxylase 11008	development 41, 4021, 7109, 13426	protoporphyrinogen oxidase 3175
photosynthesis 11008  Morus rubra, flowering 6037	dihydrodipicolinate synthase 7389	pyruvate decarboxylase 948, 9887
Musa	diseases 4040	ribulose-bisphosphate carboxylase
photosynthesis 7220	DNA binding proteins 41, 943, 3165,	8645, 9891, 11121, 12383
ripening 3927, 4906-4907	13413, 13426	RNA polymerase 13419
sucrose-phosphate synthase 3927	DNA methylation 13424	salicylate 1-monooxygenase 13222
mycorrhizas 5288	drought resistance 2356	salicylic acid 12407
Nicotiana	epoxide hydrolase 13443	salinity 958, 13434
ribonucleases 9884	ethylene 7393, 13435 farnesyl-diphosphate farnesyltransfer-	self incompatibility 4688 serine/threonine specific protein ph
self incompatibility 9884 viruses 944	ase 1714	phatase 13434
Nicotiana alata	ferredoxin 3757	sorbitol-6-phosphate 2-dehydrogena
glycoproteins 4027	flowering 11123	13430
gynoecium 4027	flowers 7109	starch 3181
self incompatibility 9884	β-fructofuranosidase 4036, 5019	sterol methyl-transferases 11458
Nicotiana benthamiana 6451	Fulvia fulva 13222	stress 6177-6178, 11128, 12291
carotenoids 9893	Fusarium solani 6182	sulfate adenylyltransferase 9886
potato X potexvirus 12406	germination 3178	sulfur 13120
tomato golden mosaic bigeminivirus	gibberellin 20-oxidase 13427	superoxide dismutase 12699
8636	gibberellins 13428	tobacco etch potyvirus 965
Nicotiana clevelandii, organelles 13422	globulins 3170	tobacco mosaic tobamovirus 5007,
Nicotiana excelsior, proteins 4038 Nicotiana glauca 7387	Glomus intraradices 9889 B-glycapase 12405, 5007	12407, 12410, 13442-13443
Nicotiana glatinosa	β-glucanase 12405, 5007	transcription factors 13435
ACC oxidoreductase 12379	glucose-l-phosphate adenylyltransfer- ase 11121	transposable elements 2108, 4040,
pathogenesis-related proteins 9902	β-glucuronidase 2101, 11918, 12386	5005, 10387 trihydroxystilbene synthase 6033
tobacco mosaic tobamovirus 9902	glutathione transferase 6177	α-tubulin 11700
Nicotiana plumbaginifolia	glycosyltransferases 8640	ubiquitin 9876
adenosinetriphosphatase 9895	green fluorescent protein 11918,	viruses 944, 8650
alcohol dehydrogenase 10158	13414	zein 2590

diseases 7597

ene expression cont.	Gene expression cont.	Gene expression cont.
Nicotiana tomentosiformis, heat shock	Petroselinum crispum cont.	Pinus sylvestris
proteins 12377 nodulation 5288	DNA binding proteins 10067	cinnamyl-alcohol dehydrogenase
Oryza sativa 388, 5578, 8041, 9221-9222	fatty acid desaturases 2259	12472
abscisic acid 3641, 10529, 11781,	fungi 4193 naringenin-chalcone synthase 7594	ozone 12472 pinosylvin synthase 12472
11839, 13003	phenylalanine ammonia-lyase 7594	Pinus taeda
ACC synthase 10563	phytoalexins 1207	abscisic acid 4091
adenosinetriphosphatase 6767, 9223	Phytophthora sojae 1206-1207	drought resistance 4091
agglutinins 10531, 11853 alterantive oxidase 3614	protein kinase 4193	xylem 13503
α-amylase 4564, 6791, 7762, 8043,	salicylic acid 7597	Pisum sativum
10533, 11802, 11807, 12933	Petunia 1101	ACC oxidase 10685 ACC synthase 10681
amylose 9269	Petunia hybrida 5114 anthers 7548	actin 5761
anoxia 455, 3613	anthocyanins 6696	albumins 13120
anthers 389, 3614	chalcone reductase 4145	alcohol dehydrogenase 10158
arginine decarboxylase 11680 binding proteins 5223, 5577, 11839	DNA binding proteins 6348	anthocyanins 4655
cell division 1572	flavonoids 6351	aspartate-ammonia ligase 2832
chitinase 4790, 9224	flowering 8807	carboxy-lyases 1715 cell cycle 6944
chloroplasts 3624, 10534	1,2-β-fructan 1F-fructosyltransferase 13184	cell division 3750
cold resistance 10240	naringenin-chalcone synthase 1100,	chlorophyll a/b binding protein 480,
cysteine endopeptidase 3628	6352, 8807, 13573	626
development 3624, 8059, 10544 DNA binding proteins 455, 2635,	sucrose 1F-fructosyltransferase 13184	choline-phosphate cytidylyltransferase
10529	tobacco yellow dwarf	9488 cold resistance 4660
DNA polymerase 12930	monogeminivirus 13573	cycloartenol synthase 1712
drought resistance 6822, 13003	transposable elements 7547  Petunia inflata	development 10685
elongation factors 4538	embryo sac 4144	DNA binding proteins 10682
esterases 11850 expansins 2667	receptor kinase 4144	DNA methyltransferase 6941
farnesyl-diphosphate farnesyltransfer-	Phalaenopsis 7564	dormancy 11985
ase 5302	ACC synthase 12541	farnesyl-diphosphate farnesyltransfer-
ferredoxin 12937	Pharbitis nil	ase 1714 ferredoxin 3757, 8275
flooding 4560, 10563	adenosylmethionine decarboxylase 8794	flowers 3753
fructose-bisphosphate aldolase 6764	DNA binding proteins 12521	β-fructofuranosidase 1711
fungicides 1610 galactinol synthase 10240	flowering 10016	fungi 13126
β-glucuronidase 9228	light 8791, 8794, 12521	Gigaspora margarita 13124
glutelins 375, 383, 10530, 10532	naringenin 3-dioxygenase 2207	Glomus mosseae 625 glucans 9489
growth regulators 9246, 10529, 13003	proteins 8791, 10008	glucalis 9469 glutathione reductase 1716
importin 11780	Pharbitis purpurea	glycine decarboxylase 9486
ion transport 11774	colour 12516 flowers 12516	legumin 10688
jasmonic acid 3641, 9288 leaves 3624, 6762	Phaseolus vulgaris	light 626
lectins 10531, 11858, 13023	aluminium 6929	malate dehydrogenase 4653
lipid transfer proteins 6758, 11781	chromatin 10670	metallothionein 5764 methionine adenosyltransferase 11984
Magnaporthe grisea 8101, 9288,	cytoplasmic male sterility 11971	methyltransferases 1721
11850	drought resistance 611	mycorrhizas 625, 13126
Nilaparvata lugens 13023 nodulins 10561	glycine-rich proteins 11967 naringenin-chalcone synthase 608	naringenin-chalcone synthase 631
oleosins 10504	pathogenesis-related proteins 613	nodulation 4659
pathogenesis-related proteins 1610,	phaseolin 10670	nodulins 13124
3641, 8098, 13012	phenylalanine ammonia-lyase 943	phenylalanine ammonia-lyase 621, 5759
peroxidases 3652	polygalacturonase 11512	phenylpropanoids 3753
phloem 2637	proteins 9477	phosphoenolpyruvate carboxylase
phytoene desaturase 1590 phytoene synthase 390, 1590	ribulose-bisphosphate carboxylase 3737	10686
plant embryos 6791	stress 9477	photosynthesis 2839, 4657
potassium 11774	toxic substances 6929	plastocyanins 622, 10237
probenazole 1610	transfer RNA 4643-4644	poly(A) polymerase 11978 proteins 3749, 9489
promoters 11807	vascular system 11967	Rhizobium 4659, 13124
proteasomes 361 pyruvate,orthophosphate dikinase 138	photosynthesis 23	ribulose-bisphosphate carboxylase
pyruvate, phosphate dikinase 11835	phytochrome, reviews 36	2833
Rhizoctonia solani 8098	Phytolacca americana, antiviral proteins 3325, 7588	roots 3750
ribosomes 10534-10535	Picea abies	seeds 1715, 4656 senescence 6944
rice yellow mottle sobemovirus 6843	gynoecium 13513	starch synthase 3755
RNA binding proteins 1572	heat shock proteins 7481	sulfur 13120
roots 11835 salinity 3641, 11839	homeotic genes 13513	thioredoxins 1719
Scirpophaga incertulas 11857	Picea glauca	topoisomerase 10684
seeds 3628	abscisic acid 8717	trypsin inhibitors 4656, 13119
starch synthase 12932	growth regulators 8717 somatic embryogenesis 8717	ultraviolet radiation 2839 vicilin 10688
stress 11835	Picea mariana	plants 1282
sucrose transporter 5596	gynoecium 13512	pollen 1345
sugars 11802 trypsin inhibitors 11853	homeotic genes 13512	polyamines, reviews 10129
Xanthomonas oryzae 3652, 6833,	Pinus banksiana, phenylalanine ammo-	Populus
11849	nia-lyase 9963	cinnamyl-alcohol dehydrogenase 7448
Panax pseudoginseng	Pinus nigra 9964	drought resistance 7452
β-amyrin 13584	Pinus pinaster chlorophyll 4081	gibberellins 4073 glutamate-cysteine ligase 11185
oxidosqualene cyclase 13584	drought resistance 13509	glutathione synthase 11185
pathogens 7681 Perilla frutescens, anthocyanins 3994	glutamate-ammonia ligase 4081	IAA 4073
pests, reviews 2309	glutamate synthase 4081	photoperiodism 4073
Petroselinum crispum	Pinus pinea 9964	phytochrome 4073
bergaptol O-methyltransferase 7594	Pinus radiata	Populus alba, cellulase 1008
cinnamyl-alcohol dehydrogenase 7598	cellulase 8715 development 11196, 11198	Populus canescens photosynthesis 12453
4-coumarate-CoA ligase 7594	β-glucanase 8715	superoxide dismutase 12453

Gene expression cont.	Gene expression cont.	Triticum aestivum cont.
Populus deltoides	Solanum tuberosum cont.	Erysiphe graminis 3499
cytochromes 6267	Fulvia fulva 13222	fatty acid desaturases 10273
photosynthesis 11189	glucokinase 12030	fimbrins 1421
senescence 11189	α-glucosidase 5796	flowers 11544
Populus nigra, proteinase inhibitors 7442	isocitrate dehydrogenase 9521	gibberellic acid 9031
Populus tremuloides, caffeate O-methyl-	lettuce mosaic potyvirus 13173	globerenic acid 9051
transferase 11186	NADH dehydrogenase (ubiquinone)	gliadin 6638, 7822
protein kinase, reviews 10143	10735	β-glucanase 1421
proteinase inhibitors, reviews 2309	phosphorylase 729	glutenins 6626, 6638, 12741
proteins, conferences 11346	Phytophthora infestans 692, 3795,	growth regulators 11202
Prunus dulcis	4696	heat resistance 1426
flowers 10985	potassium 8315	heat shock 10241
lipid transfer proteins 2004	potato X potexvirus 10750	heat shock proteins 1426, 6638
methyltransferases 10985	potato Y potyvirus 13173	heavy metals 11575
Prunus persica	salicylate 1-monooxygenase 13222	height 9031
cellulase 824	salicylic acid 4696	histones 7786
dehydrins 3897	self incompatibility 4688	lipoxygenase 1403, 9025
development 10922	starch 9529	NADH dehydrogenase (ubiquinone)
phosphoenolpyruvate carboxylase	starch branching enzyme 9519	10265
10922	starch synthase 6982, 13159	oxalate oxidase 11585
Pseudotsuga menziesii	stress 4693	proteins 10242
cysteine proteinase 2185	sucrose synthase 9525	quality 6626
	sugar transport proteins 13162	seeds 11575, 12741
dormancy 1053, 4098	systemin 4293	stress 12753
Psophocarpus tetragonolobus, chitinase	thioredoxins 4693	thiol proteases 12726
8305		thioredoxins 6606
Raphanus sativus	tubers 12030	toxic substances 11637
Alternaria brassicicola 12067	uncoupling proteins 1761	
auxin binding proteins 8336	Sorghum bicolor	Triticum durum
chloroplasts 8337	adenosinetriphosphatase 4521	gliadin 6638
glutamate-ammonia ligase 4716	cytoplasmic male sterility 4521	glufosinate 2403
light 8337	β-glucosidase 9190	glutenins 6638
ribosomal DNA 4715	malate dehydrogenase 5553	heat shock proteins 6638
self incompatibility 709	NADH dehydrogenase 1538	thioredoxins 6606
reporter genes 6695	photosynthesis 9192	Tropaeolum majus, β-glucosidase 12522
reviews 5210, 8909, 11397, 12607	protein kinase 4518, 9187, 12905	Tulipa
ribosomal RNA 10132	Spinacia oleracea 728, 4744	carbohydrates 11308
Ricinus communis	aquaporin 8359	translocation 11308
germination 13382	ascorbate peroxidase 4745	Tulipa whittalii, ribosomal RNA 5123
phospholipase D 4984	choline monooxygenase 1811	Vicia faba
proteins 4983	cold 9577	aspartate-ammonia ligase 10668
sterol methyl-transferases 11458		binding proteins 13101
	DNA binding proteins 3818	
sucrose 13382	heat shock proteins 9576	proteins 6919
Saccharum officinarum, sucrose-	phosphorylase 729	rapamycin 13101
phosphate synthase 2076	proteins 4746, 9577	Vicia narbonensis
Sambucus nigra	ribulose-bisphosphate carboxylase	β-glucuronidase 10665
abscission 8461	12079	proteins 10665
pathogenesis-related proteins 8461	Sporobolus pyramidalis, desiccation 8162	seeds 10665
ribosome-inactivating proteins 4905	Sporobolus stapfianus	Vicia sativa
Secale cereale	desiccation 8162	nodulation 2755
catalase 270	drought resistance 8163	proteinases 4610
light 270	stearoyl-CoA desaturase 16	Vigna radiata
stress 270	sterols, reviews 4225	cysteine proteinases 3779
serine/threonine specific protein phospha-	stress 4220	pyrophosphatases 9502
tase 11392	conferences 1236	sucrose synthase 4676
Sesbania rostrata	Stylosanthes humilis	techniques 9500
cell division 2769, 5720	Glomerella cingulata 1665	Vigna unguiculata
nodulation 2769, 5719-5720	methyl jasmonate 1665	extensins 2857
nodulins 9350, 11921	peroxidases 1665, 13363	leghaemoglobin 8295
Silene latifolia	techniques 5208	
anthers 4138		naringenin-chalcone synthase 3772
flowers 2210, 4138	Torenia fournieri, β-glucuronidase 8790	nodulation 2857
	Tradescantia paludosa, pollen 12382	phosphoribosylformylglycinamidine
sex 2210	transcription factors 4231	cyclo-ligase 6964
Simmondsia chinensis, salinity 7344	transfer RNA 1275	Rhizobium 3772
Sinapis alba	transposable elements 8916	Vitis vinifera 13294
development 66	trichodiene synthase, Nicotiana tabacum	anthocyanins 10948
flowering 66	5013	flavonol 3-O-glucosyltransferase
geranylgeranyl pyrophosphate	Trichosanthes kirilowii, karasurin 794	10948
synthase 889	Trifolium repens	glutamate synthase (ferredoxin) 1939
phytoene desaturase 889	auxins 8211	osmotin 1942
phytoene synthase 889	chitinase 3696	ozone 6033
RNA polymerase 4962	flavonoids 8211	trihydroxystilbene synthase 6033
Solanum nigrum, systemin 4293	nodulation 8211	Zea mays 1488, 2556, 6451, 6699, 9143
Solanum sogarandinum, cold resistance	Trifolium subterraneum	11693
9532, 10748	Halotydeus destructor 11911	abscisic acid 322, 3560, 3564, 3567,
Solanum tuberosum 12022	pathogenesis-related proteins 11911	5505, 9140, 10529
ACC synthase 3787	triticale 5469	
Agrobacterium tumefaciens 9520	Triticum aestivum 3432, 6451, 6603	acetyl-CoA C acyltransferace 5495
aldolase 9524	abscisic acid 11202	acetyl-CoA C-acyltransferase 5495
amylose 3790	aluminium 11637	adenosinetriphosphatase 2555
antibodies 13158		alcohol dehydrogenase 1485
	barley yellow dwarf luteovirus 7873	aldehyde oxidase 4479
antifreeze proteins 688	calmodulin 9024	anoxia 12891
antisense RNA 13159, 13162	carboxypeptidases 12726	anthocyanins 2573, 3564, 3569, 669
chitinase 3795	chlorophyll <i>a/b</i> binding protein 6496	10367, 11697
cold resistance 688, 9532	cold resistance 4408, 7851, 9061,	aquaporin 12877-12878
desaturases 687	11634	Bacillus thuringiensis 9182
drought resistance 687	cytochrome-c oxidase 150	binding proteins 8008
endochitinase 675	cytoplasmic male sterility 157	carbonate dehydratase 2563
β-fructofuranosidase 12030, 4838	dehydrins 9061	catalase 1498
fructokinase 682	DNA binding proteins 2402, 3447,	cell division 6703, 6709, 9137, 9149
fructose-bisphosphatase 1765, 13162	4347	changraping 3561

Gene expression cont.	Gene expression cont. When the grade a second	Gene location cont.
Zea mays cont.	Zea mays cont.	Hordeum vulgare
chlorophyll <i>alb</i> binding protein 4500	vivipary 3556	aminopeptidase 10321
cinnamoyl-CoA reductase 12865	zein 3432, 9142	aspartate aminotransferase 10321
cinnamyl-alcohol dehydrogenase 10436	Zinnia elegans	Lycopersicon esculentum, metallothionein
cyclins 9137	deoxyribonuclease 11667 pectate lyase 5104	12091 Oryza sativa 401
cysteine proteinase 284	xylem 7533	chitinase 4549
cytochrome-c oxidase 2555	Zoysia japonica 6322	dormancy 3626
cytokinins 9141	Gene flow 1336, 5271, 10217	isoenzymes 6783
death 9162	Allium cepa 135	phytochrome 12934
desiccation 322, 3556	Aquilegia, chloroplast genetics 1081	ribulose-bisphosphate carboxylase
development 3560, 7940, 9156, 10416	Baptisia lactea 9346	12934 seeds 3626
dihydrokaempferol 4-reductase 9144	Baptisia sphaerocarpa 9346 Beta vulgaris (sugarbeet), genetic trans-	Pisum sativum, colour 624
DNA binding proteins 2402, 4481,	formation 12360	Secale cereale
4487, 9142, 9156, 10529, 12866	Brassica campestris, biosafety 11003	nutrients 3542
drought resistance 323	Brassica campestris (turnip rape) 135	secalins 2528
endosperm 5500, 10386	Brassica juncea, genetic transformation	zinc 3542
genetic transformation 12871 farnesyl-diphosphate farnesyltransfer-	7269	triticale
ase 5302	Brassica napus, biosafety 11003	nutrients 3542 zinc 3542
fatty acid desaturases 4483	Brassica napus (rape) 2017, 9763, 11002	Triticum aestivum
ferritin 4498	glufosinate 872 herbicides 872, 3102	cold resistance 9062
fertilization 6709, 10416	Brassica nigra, herbicides 3102	colour 11569
flowering 10457	crops 10130	cytoplasmic male sterility 4367
geranyltranstransferase 1487	biosafety 6452	Erysiphe graminis 1433, 10302
germination 299	Cucumis melo, genetic markers 777	Gibberella zeae 1431
Gibberella fujikuroi 12894	Cucumis sativus 5975	gliadin 11616
Glomus intraradices 9154 β-glucuronidase 12863, 12869	Dactylorhiza incarnata 6363	glumes 11569 glutenins 11616
glutamate-ammonia ligase 304, 10433	Daucus carota 135	inflorescences 2427
glutamate synthase 304	Echinacea purpurea 13558	nutrients 3542
glutathione transferase 4478	Eucalyptus globulus 11176 Fagopyrum esculentum 11861	phenols 5352
glycine-rich proteins 5481	Festuca ovina 6866	Puccinia recondita 2473, 3506, 9076
glycoproteins 12894	Gleditsia triacanthos 12457	quality 11616
growth regulators 322, 3564, 9141,	Gossypium hirsutum, genetic transforma-	seeds 5352
10529	tion 3206	spikelets 11593
heat shock 10241 heat shock proteins 5534, 10484-	Helianthus annuus 7305	spring and winter habit 9034 stems 11594
10486	Hosta capitata 3274	vernalization 9034
herbicides 8008	mathematics 4280, 11476	water balance 163
histone deacetylase 10368, 10440	Pennisetum glaucum 342	yield components 163
histones 9136	Pinus flexilis chloroplast genetics 1033	zinc 3542
inflorescences 10438	mitochondrial genetics 1033	Triticum durum
isoamylase 10472	random amplified polymorphic DNA	morphology 9018
isomerases 9145	1033	phenols 5352
light 4481 messenger RNA 4505	Pseudotsuga menziesii 3244	seeds 5352 Triticum spelta
mycorrhizas 9154	Quercus macrocarpa 6266	Erysiphe graminis 10302
nitrate reductase 304, 9154	Quercus petraea	spring and winter habit 9034
nitrite reductase 304	chloroplast genetics 9945 genetic markers 1000	vernalization 9034
pectin methylesterase 9139	microsatellites 11180	Vicia faba, isoenzymes 9467
Peronosclerospora sorghi 10487	Quercus robur	Zea mays
peroxidases 4484	chloroplast genetics 9945	dehydrins 12875 development 307
phosphate transporters 4499 phosphoglucomutase 12891	genetic markers 1000	phosphoprotein phosphatase 288
phosphogluconate dehydrogenase	microsatellites 11180	protein kinase 288
9163, 11706	Raphanus raphanistrum	Gene mapping 1289, 3376, 8903, 8913,
phytoene desaturase 4503	glufosinate 872	11404
plant embryos 3567, 7935, 9155,	herbicides 872, 3102	Aegilops, protein disulfide-isomerase
10374, 10417	Raphanus sativus 2916 reviews 5263	11552
pollen 11701, 12873	Setaria italica 4527	Aegilops tauschii glucan branching enzyme 2483
profilin 11701 proline 7935	Silene vulgaris 7527	Heterodera avenae 2486
protein kinase 10386	Sinapis alba, herbicides 3102	Aegilops umbellulata 4364
proteinases 9138	Sorghum bicolor 2605	Agaricus bisporus 3338
proteins 6698, 9140, 9155	statistics 102, 1332	Allium cepa 2923, 4723
pyruvate, orthophosphate dikinase 138,	Trifolium subterraneum	apomixis 11498
1499	bromoxynil 4608 herbicides 4608	Arabidopsis thaliana 1295, 3388, 5226,
raffinose 3556	Gene location (see also Gene mapping;	6474, 8929, 8931, 8935, 10146, 10166, 12270
ribosomal RNA 286, 12867	Linkage)	actin 10162
ribulose-bisphosphate carboxylase 4486	Allium cepa	adenine phosphoribosyltransferase
roots 289, 9163, 11730	anthocyanins 720	5243
seeds 2573, 3560, 4503, 7927, 9140,	flavonoids 720	aluminium 10206
10379	Avena sativa, Erysiphe graminis 9119	aspartate aminotransferase 10185
senescence 284	Beta vulgaris (sugarbeet)	bacteria 8960
spikelets 9164	beet necrotic yellow vein furovirus 929	binding proteins 5223 books 13629
starch synthase 7928, 10437, 11692	Cercospora beticola 929	databases 5233
stress 11730 sucrose-phosphate synthase 3831	Heterodera schachtii 929	development 10191
sucrose synthase 12879	Brassica napus (rape), ribosomal DNA	diseases 2359, 6518
genetic transformation 12871	3087	Erysiphe cichoracearum 1328
superoxide dismutase 10456, 12699	Brassica oleracea (cabbages), ribosomal	Erysiphe cruciferarum 1328
transcription factors 10365, 10374,	DNA 3087	flowering 136, 880, 10184
10379	Brassica pekinensis, ribosomal DNA	flowers 10191
transposable elements 287, 293, 4490,	3087 Elymus sibiricus 2405	growth period 67 initiation factors 6468
4492, 7705	Glycine max 9378-9379	isoenzymes 10183
α-tubulin 11700 ubiquitin 10366	Hordeum chilense, carotenes 11522	jasmonates 8934
uoiquium 10000		

Gene mapping cont. Gene mapping cont.
Arabidopsis thaliana cont.
light 11441 Gene mapping cont. Lycopersicon esculentum cont. tomato mosaic tobamovirus 9607 Eucalyptus urophylla, quantitative traits
995 tomato yellow leaf curl bigeminivirus 755 male sterility 5243 photoperiodism 10184 phytochrome 73, 11441 plant hairs 10188 proteins 12629 evolution 11498 Festuca arundinacea 11882 Lycopersicon pennellii cold resistance 1631 Phytophthora infestans 7081 drought resistance 1631 quantitative traits 7062 Festuca pratensis 11882 senescence 1630 Glycine max 2784-2785, 9375, 10638 chlorosis 5735 Lycopersicon peruvianum 1818 quantitative traits 67 Meloidogyne incognita 5932 reviews 5238 self incompatibility 11012 stems 3400 quantitative traits 1820 drought resistance 9419 esterases 2793 Lycopersicon pimpinellifolium, Phytophthora infestans 7081 tobacco etch potyvirus 8964 toxic substances 10206 Fusarium solani 9447 glycinin 9396 Helicoverpa zea 9463 Heterodera glycines 1695 Malus 12153 Malus floribunda 10866 Malus pumila 801, 10866 development 10867 transposable elements 7712 vernalization 880 Asparagus officinalis, sex 7050 quantitative traits 12154 iron 5735 Avena sativa isoenzymes 2793 leaves 6910 Venturia inaequalis 9642 mathematics 6523 height 1474 Puccinia coronata 6682 Medicago sativa 5684, 10605 Medicago truncatula 8172 Meloidogyne arenaria 598 vernalization 261 Meloidogyne incognita 3734 Beta maritima, cytoplasmic male sterility Mimulus guttatus, quantitative traits 1088 nitrogen fixation 4633 11081 Mimulus platycalyx, quantitative traits
1088 nodulation 4633 Beta vulgaris (sugarbeet) 3145, 8615 Phytophthora sojae 2806 aneuploidy 924 models 11406 Musa 1971 Pseudomonas syringae 10653 beet necrotic yellow vein furovirus quantitative traits 9377 3157 Nicotiana 7379 seeds 9396 Brachiaria brizantha, apomixis 10596 Oryza sativa 362-368, 376, 379, 381, 399, 2638, 3609, 4298, 5582, 6763, 8040, 8042, 8046-8047, 11778, Brachiaria ruziziensis, apomixis 10596 Brassica campestris 3088 self incompatibility 11012 Gossypium barbadense, quality 6215 Gossypium hirsutum, quality 6215 Helianthus annuus 4968-4969 Diaporthe helianthi 4974 Plasmopara halstedii 4974, 7317 Puccinia helianthi 12312 Sclerotinia 4974 12931, 12936 Brassica campestris (turnip rape) flowering 880 anther culture 6802 chromosome pairing 4297 vernalization 880 cytoplasmic male sterility 406, 408, 3621, 11794 dormancy 10550 Brassica campestris (turnips), cyto-chrome-c oxidase 7016 Sclerotinia sclerotiorum 7317 Hordeum Brassica juncea, Leptosphaeria maculans Erysiphe graminis 6670 Puccinia hordei 6670 drought resistance 1601 fertility 405 Brassica napus, male sterility 4954 Hordeum vulgare 2492-2493, 6523, 6659, 11666 flooding 456 Brassica napus (rape) 12270 globulins 8084 colour 9774 glucan branching enzyme 3633 growth period 2653, 10550, 11798 habit 424 height 4548, 10542 aluminium 2517 cytoplasmic male sterility 12278 amylases 6655 erucic acid 9774, 9790 flowering 880 barley mild mosaic bymovirus 4468 barley yellow dwarf luteovirus 10332 Leptosphaeria maculans 4961, 11022 hybridization 12946 iron 3644 chromosome pairing 4297 cold resistance 249, 5443 development 4301 linoleic acid 11018 iron 3644
Magnaporthe grisea 465, 1605, 1612, 5633, 11848
male sterility 4544
morphology 8058
Nephotettix cincticeps 11848
Nilaparvata lugens 474
Orseolia oryzae 1617
pathogenesis-related proteins 5313
photoperiodism 8065
plastids 12986 vernalization 880 Brassica nigra 7271 diseases 12800 drought resistance 246, 9103 elongation factors 2495 Erysiphe graminis 1464, 5450 esterases 6655 Brassica oleracea (cauliflowers) 12072 Capsicum annuum 4779, 5943 potato M carlavirus 3854 potato Y potyvirus 3854 Castanea dentata, Cryphonectria parasitheight 4301 ica 866 Heterodera avenae 9115 Castanea mollissima, Cryphonectria isoenzymes 6655 lethals 11669 parasitica 866 cereals 7758, 7760, 8042, 12709 evolution 2395 flowering 136 plastids 12986 malting quality 5443 promoters 12986 methyltransferases 12779 Puccinia graminis 259 oxidoreductases 1461 quantitative traits 369, 1578, 10543 Cicer arietinum, Fusarium oxysporum 6955, 11999 pathogenesis-related proteins 5313 ratooning 2646 phytic acid 11668 rice stripe tenuivirus 10575 Cichorium intybus 5898 Puccinia graminis 259 rice tungro spherical waikavirus Citrus, citrus tristeza closterovirus 3069 computer programming 7663-7664 crops, Nematoda 11382 Puccinia hordei 10331 11848 Puccinia striiformis 4467 rice yellow mottle sobemovirus 1605, Pyrenophora graminea 2469 3660 Cryptomeria japonica, quantitative traits 12483 RNA polymerase 12986 seeds 8058 quality 1454 quantitative traits 1454, 10331 Cucumis melo 13239 Rhynchosporium secalis 5448 salinity 1457 soil toxicity 2517 toxic substances 2517 water balance 1451 starch synthase 3633 tillering 11799 Fusarium 1858 Pseudoperonospora cubensis 1858 Sphaerotheca fuliginea 1858 toxic substances 3644 wide hybridization 6769 yields 2646 Cucumis sativus Water balance 1431 Xanthomonas campestris 4460 yield components 7886 yields 5443 Ipomoea batatas 2900 Lens culinaris 632, 11991 sex 2979 Pennisetum glaucum viruses 2979 Magnaporthe grisea 6743 Dasypyrum villosum, Puccinia substriata 6743 Pseudocercosporella herpo-trichoides 11645 Pennisetum squamulatum, apomixis 10515 Daucus carota, Meloidogyne hapla 5815 Lolium multiflorum Persea americana, quantitative traits 1997 dehydrins 1256 cold resistance 1631 diseases 1260 drought resistance 1631 Phalaris coerulescens, ribosomal DNA 503 Elymus elongatus, Puccinia recondita senescence 1630 12768 Phaseolus vulgaris
Colletotrichum lindemuthianum 6936
colour 4646, 13111 Lolium perenne, senescence 1630 Lotus japonicus 2758 Elymus hispidus α-amylase 9078
barley yellow dwarf luteovirus 9078
Eucalyptus globulus 9943
Eucalyptus grandis, quantitative traits Lycopersicon esculentum 1817-1818, 11269, 13208 male sterility 4646
photoperiodism 10671
seeds 13111
physiology, conferences 2273
Picea abies 1045, 11204 fruits 2955 Meloidogyne incognita 5932 Phytophthora infestans 7081 quality 2955, 12107 Eucalyptus nitens, cold resistance 2157 Eucalyptus tereticornis 9943 Pinus echinata, isoenzymes 5070 quantitative traits 1820, 12107

ene mapping cont.	Gene mapping cont.	Genetic distance cont.
Pinus pinaster 2170	Triticum aestivum cont.	Vigna reticulata, isoenzymes 10720
Pinus taeda, techniques 12463	proteins 9026	Vigna wittei, isoenzymes 10720
Pisum sativum 2831, 4654	Puccinia graminis 11650	Zea mays 10371
Poa pratensis, parthenogenesis 11874	Puccinia recondita 12768	proteins 1337
Poaceae 5301	Puccinia striiformis 220	Genetic drift
Poncirus trifoliata, citrus tristeza closter- ovirus 852, 3069	quality 9054, 11617	mathematics 2375
	salinity 1424	Oryza sativa, male sterility 9244
Populus deltoides  Melampana lariei nonulina 7452	spikelets 12733	Picea chihuahuana, isoenzymes 6292
Melampsora larici-populina 7453	spring and winter habit 11591	Genetic engineering 2318, 5213, 6453,
quantitative traits 7446	starch branching enzyme 3453	6456, 8920-8921, 10137-10138
Xanthomonas populi 7453 Populus nigra	vernalization 11591	(see also Genetic transformation; Molecular
Melampsora larici-populina 7453	Triticum boeoticum 4342	genetics)
Xanthomonas populi 7453	Triticum dicoccoides, proteins 1416	Adiantum capillus-veneris, phytochrome 1292
Populus trichocarpa	Triticum durum, Puccinia striiformis 220 Triticum monococcum 4342	Allium sativum, alliin lyase 10775
Melampsora larici-populina 7453	Triticum turgidum, Puccinia recondita	Alocasia macrorrhiza
quantitative traits 7446	3507	Helicoverpa armigera 968
Xanthomonas populi 7453	Turnera krapovickasii, heterostyly 907	proteinase inhibitors 968
Prunus davidiana 10934	Turnera scabra, heterostyly 907	Antirrhinum majus
Prunus dulcis, self incompatibility 7254	Turnera subulata, heterostyly 907	anthocyanins 11266
Prunus persica 10917, 10919, 10934	Vigna radiata	dihydrokaempferol 4-reductase 1061,
Meloidogyne incognita 12197	Riptortus clavatus 10727	1099
Meloidogyne javanica 12197	vignatic acids 10727	naringenin-chalcone synthase 1061,
quality 10928	Vigna unguiculata 4672	4033
Sphaerotheca pannosa 10918	Zea mays 37, 2564, 6701, 10381-10383,	Arabidopsis thaliana 11416
Pseudotsuga menziesii 9985	11695	acyltransferases 11838
quantitative traits 1260, 1333, 4227,	alachlor 5548, 8009	adenosinetriphosphatase 2339
5267, 6522, 6524, 7700, 7745, 7747	aluminium 5529	auxin binding proteins 7706
computer programming 7931	cytoplasmic male sterility 296, 2570	cells 7385
statistics 92, 10216, 11473, 12661	development 11699	fatty acids 12647
reviews 8910	Diatraea grandiosella 5489, 12897,	flowers 13513
Saccharum, ribosomal RNA 12346	12899	heat shock proteins 88
Saccharum officinarum 12709	Diatraea saccharalis 12897	histidine-tRNA ligase 12628
Secale cereale 5465, 9121	height 5489	homeotic genes 13513
aluminium 6691	Helicoverpa zea 327	male sterility 63 oleosins 4941
cytoplasmic male sterility 11685 development 4301	herbicides 5548, 8009 history 5483	phospholipase D 3401
height 4301	inflorescences 10431-10432	photoperiodism 3176
Puccinia recondita 12804	leaves 281	phytochrome 3176
secalins 12817	male sterility 10422-10423	pollen 63
self compatibility 11686	Puccinia polysora 5542	potassium 7385
toxic substances 6691	quantitative traits 1489-1490, 5483,	proteinase inhibitors 6520
Setaria italica 4298, 4526	11699	pyrroline-5-carboxylate synthetase
Setaria viridis 4526	sugarcane mosaic potyvirus 10493	1322
Solanum phureja, potato X potexvirus	toxic substances 5529	recombination 49
9537	transposable elements 281	seeds 12647
Solanum tuberosum 8316, 13160	yield components 1490	senescence 3401
Globodera pallida 1781, 9538, 12041	Gene tagging	stearoyl-CoA desaturase 2341
Globodera rostochiensis 9538	Arabidopsis thaliana 2335, 6475	stress 12658
Phytophthora infestans 10749, 13172	cold resistance 7733	toxic substances 12658
potato A potyvirus 10752	transposable elements 4234	transfer RNA 51, 4237
potato X potexvirus 9537	Nicotiana tabacum, transposable elements 4490	Arachis hypogaea allergens 3119
potato Y potyvirus 10752	Oryza sativa, transposable elements 391	quality 8570
solavetivone 1785 viruses 5795	Zea mays, transposable elements 4490,	Avena sativa
Solanum (tuberous species), viruses 5795	11424	agmatine 5459
Sorghum bicolor 2604, 9188	Genes (see Genetics)	arginine decarboxylase 5459, 11680
ligules 11746	Genetic distance	photoperiodism 3176
quantitative traits 1539	Abies sachalinensis, isoenzymes 1049	phytochrome 3176, 3534, 4073, 4470
techniques 37-38	Acacia aulacocarpa, isoenzymes 1012	Bacillus thuringiensis, reviews 4222,
Theobroma cacao	Aegilops 9027	7683
Phytophthora megakarya 4017	Allium 4733	bacteria 1258
Phytophthora palmivora 4017	Avena sativa, restriction fragment length	Beta vulgaris (sugarbeet) 8614, 9842
Tripsacum dactyloides	polymorphism 4303	beet necrotic yellow vein furovirus
apomixis 5549	Bromus, isoenzymes 11890	3153 herbicides 3153
sterility 3590	Capsicum 4778 Eucalyptus globulus, random amplified	books 2284, 4212, 5183-5184, 13624
Triticum	polymorphic DNA 996	Brassica, glucosinolates 12286
gliadin 5378	Glycine max 575, 1678, 5724	Brassica campestris, glutathione
glutenins 5378	Hordeum vulgare, hordein 2509	reductase 9792
protein disulfide-isomerase 11552	Ipomoea batatas 10764	Brassica napus 3080; 6552
proteins 1416 Triticum aestivum 3448, 6607, 7785,	Larix decidua, isoenzymes 7482	injuries 12291
9010, 11547	Lilium parryi, random amplified	stress 12291
acetyl-CoA carboxylase 4341	polymorphic DNA 1116	Brassica napus (rape) 6075
α-amylase 9078	mathematics 1337, 5264	fatty acids 9785
barley yellow dwarf luteovirus 9078	Medicago sativa 8173, 9327	reviews 11020
chromosome pairing 4297	microsatellites, computer programming	oils 6088, 7292
cold resistance 2462, 4309, 5387,	3412 Pinne automán 1021	pollen 4026
9066	Pinus sylvestris 1031	quality 6088 thioesterases 9785
colour 11617	Prunus dulcis, random amplified	Capsicum annuum
cytoplasmic male sterility 6616	polymorphic DNA 10984  Quercus petraea, genetic markers 1000	capsanthin 5902
dehydrins 11551	Quercus petraea, genetic markers 1000 Quercus robur, genetic markers 1000	capsorubin 5902
development 4301 Diuraphis noxia 10311, 11650, 11659	Solanum phureja 2874	Catharanthus roseus
drought resistance 2462	Solanum tuberosum, yields 2875	aromatic-L-amino acid decarboxylase
flowering 1402	statistics 1332, 7746	5136
gibberellic acid 2421	Triticum 9027	strictosidine synthase 4173, 5136
growth regulators 2421	Triticum aestivum, restriction fragment	cereals 4302
height 2421, 4301, 10274-10275	length polymorphism 4303	Azospirillum 3435
protein disulfide-isomerase 11552	Vigna dolomitica, isoenzymes 10720	quality 4307

Coffea arabica	Helianthus tuberosus cont.	Oryza sativa cont.
proteins 9861	fructans 13402	fructose-bisphosphate aldolase 6764
seeds 9861	inulin 10799	growth regulators 9246
Craterostigma plantagineum, vivipary	sucrose 1F-fructosyltransferase 13184	herbicides 5638 homeobox genes 13427
3270	herbicides 11383	Scirpophaga incertulas 471
crops 1272, 2288, 2328, 7689, 7696,	reviews 8898	pests 11379
8905, 8988, 12701	Hordeum vulgare	Petunia hybrida
bacteria 7682	abscisic acid 13003	5-enol-pyruvyl shikimate-3-phospha
biosafety 34	fructans 5435	synthase 11138
carbohydrates 8989	growth regulators 13003 levansucrase 5435	naringenin-chalcone synthase 6352
dicamba 4223	Pseudomonas syringae 252	Phaseolus vulgaris
diseases 17, 1261, 5300	horticultural crops 8987	naringenin-chalcone synthase 608
herbicides 4223 insects 17, 6440	insects, reviews 4222, 7683	phaseolin 2823
	Ipomoea batatas	polygalacturonase 3743, 11512
legislation 34, 7669 Nematoda 17, 11382	peroxidases 9546, 12051	Phytolacca americana, antiviral protein
pests, books 1240	trypsin inhibitors 12052	2123
quality 5300	lectins 12602	Picea abies
viruses 2312	legislation 1250	gynoecium 13513
Cucumis melo, ACC oxidase 1854	Lesquerella fendleri, fatty acids 3996	homeotic genes 13513
Cucurbita, glycerol-3-phosphate acyl-	lignin 6449, 11401	Picea mariana
transferase 789	reviews 6455	gynoecium 13512
Cuphea hookeriana	Limnanthes douglasii	homeotic genes 13512
acyl carrier protein synthase 13389	acylglycerol-3-phosphate acyltransfer-	Pinus radiata, development 11196
seeds 13389	ase 4959	Pisum sativum
Cuphea pulcherrima	trierucin 7295	chlorophyll a/b binding protein 480
acyl carrier protein synthase 13389	Lotus corniculatus	farnesyl-diphosphate farnesyltransfe
seeds 13389	dihydrokaempferol 4-reductase 8218	ase 1714
Cuphea wrightii	tannins 8218	ferredoxin 3757
acyl carrier protein synthase 7342	Lycopersicon esculentum	lectins 472
fatty acids 7342	abscisic acid 9583	legumin 4554
Cynara scolymus, inulin 10799	ACC oxidase 1824	malate dehydrogenase 4653
diseases 1259, 8879, 11379	cucumber mosaic cucumovirus 2959	phenylalanine ammonia-lyase 621
reviews 8895-8896	development 1824, 10810	plastocyanins 622
Elaeis guineensis, fatty acids 3980	fruits 13215	protochlorophyllide reductase 1720
enzyme inhibitors 12602	Fulvia fulva 13222	polyamines 10126
Eucalyptus gunnii, cinnamoyl-CoA	growth regulators 9583	Poncirus trifoliata, citrus tristeza closte
reductase 5052	leaves 13211	ovirus 13316
Fabaceae	pathogenesis-related proteins 3839	Populus, lignin 9949 Populus alba, lignin 3222
methionine 11511	pollen 10810	Populus tremula, lignin 3222
nutritive value 11511 fatty oil plants 6075	polygalacturonase 13215 male sterility 1351	proteins, books 6415
desaturases 9755	Malus pumila 1894	Prunus avium, allergens 1920
fatty acids 2011	sorbitol-6-phosphate 2-dehydrogenase	Pyrus communis 1894
oils 868, 2011, 4942, 6088, 7264	13430	Raphanus sativus, auxin binding protei
quality 3079, 6088, 9755	Manihot esculenta 9544	8336
Flaveria trinervia, pyruvate, phosphate	diseases 7019	reviews 40, 2324
dikinase 13559	Medicago sativa	Ricinus communis, ricinoleic acid 1099
fodder plants 10581	chalcone reductase 4145	seed germination 8887
forest trees 6258	glutamate-ammonia ligase 9326	Solanum tuberosum
insects 6261	nodulins 11905	aldolase 9524
lignin 9940	medicinal plants, pharmaceutical products	diseases 8320
Fragaria ananassa 4819	4182	Erwinia 6998
fungi 1258	Mesembryanthemum crystallinum	glucose-1-phosphate adenylyltransfe
Galanthus nivalis	aquaporin 6167	ase 3789
agglutinins 10531	pyruvate,phosphate dikinase 13578	α-glucosidase 5796
lectins 10531, 11858, 13023	metabolism 29	insects 8320
Gentiana triflora, naringenin-chalcone	Narcissus pseudonarcissus, phytoene	isocitrate dehydrogenase 9521
synthase 6325	synthase 390	pathogenesis-related proteins 5805
Glycine max 3080, 8243	Nematoda 12602-12603	Phytophthora infestans 5805
allergens 3119, 8241	Nicotiana alata, self incompatibility 9884	potato spindle tuber viroid 7006
auxins 2789	Nicotiana benthamiana, carotenoids 9893	Ralstonia solanacearum 6998
biosafety 4292 conglycinin 11507	Nicotiana plumbaginifolia	ribonucleases 7006
3,9-dihydroxypterocarpan 6a-monoox-	adenosinetriphosphatase 9895	Spinacia oleracea 728
ygenase 13088	β-glucuronidase 2101, 9895 superoxide dismutase 12699	proteins 4746 starch 8914
ferritin 10639	Nicotiana tabacum	
growth regulators 2789	acid phosphatase 3089	stress 2317, 6434, 11378 Stylosanthes humilis perovidases 1336
lectins 3173, 13057	antibodies 11110	Stylosanthes humilis, peroxidases 1336
nodulation 13057	carbonate dehydratase 3282, 13560	terpenoids 11412 transposable elements 3374
phospholipids 5733	chitinase 3696	Triticum aestivum 7785
phytoalexins 13088	chloroplasts 3165	abscisic acid 11202
promoters 3173	desiccation 959	acetyl-CoA carboxylase 4340
proteinase inhibitors 7442	DNA binding proteins 3165	amylase inhibitors 5335
seedlessness 11507	fungi 7392	germin 7814
Gossypium, conferences 7638	Manduca sexta 8656	gliadin 7822
Gossypium hirsutum	nitrogen fixation 4037	gluten 183
aflatoxins 2144	nitrogenase 4037	glutenins 4391
Bacillus thuringiensis 6242	pathogenesis-related proteins 776,	growth regulators 11202
catalase 12396	7392, 9881	oxalate oxidase 7814
cotton leaf curl bigeminivirus 6230	phenylalanine ammonia-lyase 8656	quality 4302, 4391
glyphosate 13484	pollen 4026	Vaccinium, reviews 7173
Helicoverpa armigera 2148	tobacco yellow dwarf	Vigna radiata, sucrose synthase 4676
insects 6242	monogeminivirus 9880	Vigna unguiculata, trypsin inhibitors
quality 13473	viruses 966	2128
Helianthus annuus 3080	Nostoc muscorum 11383	viruses 4221
heat shock proteins 7312	ornamental plants 11216	biosafety 2311
Helianthus tuberosus	Oryza sativa	Viscum album, viscotoxin 5262
fatty acid hydroxylases 13185 1,2-β-fructan 1F-fructosyltransferase	Bacillus thuringiensis 471	Vitis vinifera
1,2-p-fructan 1F-fructosyltransferase	Chilo suppressalis 471	diseases 9678
13104	chitinase 4790	stilbene synthase 5925

Vitis vinifera cont,	Conetic markons cont	Canatia mankana
trihydroxystilbene synthase 10946	Genetic markers cont.	Genetic markers cont.
Zea mays 6552	Glycine max cont. Fusarium solani 9445, 9447	Picea chihuahuana, isoenzymes 6292
anthocyanins 6695, 10367		Picea mariana, linkage 11203
biosafety 4292, 4480	Heterodera glycines 9445, 13097	Pinus, interspecific hybridization 5069
chitinase 4031	isoenzymes 2791	Pinus pinaster 2170
conferences 12585	Phytophthora sojae 2806	Pinus sylvestris, isoenzymes 1034
diseases 2594	soybean mosaic potyvirus 9453	Pinus taeda 13504
flavonoids 6351	Gossypium arboreum 6199, 7404	Cronartium fusiforme 4092
glucose-1-phosphate adenylyltransfer-	Gossypium hirsutum 6199, 7404	Pisum sativum 1713, 4654
ase 12874	Gossypium trilobum 6199, 7404	Poa pratensis, parthenogenesis 8180
herbicides 2561	Helianthus annuus, Sclerotinia scleroti-	population genetics, reviews 7703
hydroxamic acids 2594	orum 12310 herbicides 11383	Populus deltoides, Melampsora larici-
insects 2561	Hordeum vulgare 7892	populina 9949
pests 2594	barley mild mosaic bymovirus 6673	Populus nigra, Melampsora larici-popu-
pyruvate, orthophosphate dikinase	barley yellow dwarf luteovirus 10332	lina 9949
1499	barley yellow mosaic bymovirus 6673	Prunus persica 10919
quality 11721	cold resistance 7898	quality 10928
ribosome-inactivating proteins 4041	drought resistance 9103	quantitative traits 4227, 5204, 5219
stress 11732	Erysiphe graminis 2519, 5450	Quercus petraea
transcription factors 10365	lethals 11669	gene flow 1000
transposable elements 2336, 11424	pathogens 12713	genetic distance 1000
α-tubulin 11700	Pyrenophora graminea 2469	plant introduction 5056
ubiquitin 10366, 11782	quality 5440	Quercus robur gene flow 1000
zein 2590	variety classification 229, 6656	genetic distance 1000
Genetic markers 3375, 7697, 10231	hybridization 5270	plant introduction 5056
Actinidia chinensis, sex 13303	Lablab purpureus 8223	reviews 33, 5263, 8919, 12611
Aegilops tauschii, Tilletia indica 5415	Lolium multiflorum 8141	Rosa hybrida, flowers 7490
Allium 5861	Lolium perenne 8141	Saccharum 6121
reviews 13187	Lotus japonicus 2758	Eldana saccharina 8603
Allium cepa 1796	β-glucuronidase 11918	sugarcane mosaic potyvirus 8603
angiosperms, phylogeny 3424	green fluorescent protein 11918	Ustilago scitaminea 8603
Arabidopsis thaliana	Lycopersicon, salinity 5918	Salix viminalis, sex 6271
β-glucuronidase 11918	Lycopersicon esculentum, Verticillium	Solanum tuberosum 13160
green fluorescent protein 11918	dahliae 12112	catalogues 6981
Argania spinosa 12340	Malus, apomixis 2991	Globodera pallida 9538
artificial selection 1246	Malus pumila	Globodera rostochiensis 9538
statistics 7686	diseases 807	Sorghum bicolor, drought resistance
Beta vulgaris (sugarbeet)	Dysaphis devecta 4795	5558, 11751
beet necrotic yellow vein furovirus	pests 807	statistics 5216
9853	Venturia inaequalis 9642, 12160	Stylosanthes, phylogeny 3701
isoenzymes 3152, 11086	Mangifera indica 13317	Stylosanthes scabra 8223
malate dehydrogenase 3152, 11086	mathematics 1337, 4219	Stylosanthes seabrana 8223
malic enzyme 11086	Medicago falcata, apomixis 8180	subtropical fruits 12704
Nematoda 9853	Medicago sativa 5682, 8177	Trifolium pratense, morphology 2751
pollination 3152	Minulus guttatus, self pollination 12519	Tripsacum dactyloides, sterility 3590
yields 11086	Mimulus nasutus, self pollination 12519	Triticum aestivum
Brassica napus (rape) 9766	Musa 13307	chromosome translocation 9016,
cytoplasmic male sterility 13353	Fusarium oxysporum 13312	10270
Leptosphaeria maculans 3100, 13364	height 13308 Nicotiana tabacum 936	cold resistance 9066
Pyrenopeziza brassicae 13364	dihydrofolate reductase 12384	cytoplasmic male sterility 6616
Brassica oleracea (cauliflowers) 9568 Capsicum annuum	β-glucuronidase 11918	Diuraphis noxia 10311
colour 5947	green fluorescent protein 11918	Erysiphe graminis 7860
fruits 5947	Nostoc muscorum 11383	morphology 9036
Carica cauliflora 13322	ornamental plants 12704	pathogens 12713
Carica papaya 13322	taxonomy 11215	quality 9054
sex 13324	Oryza officinalis	yield components 12734
cereals, conferences 7624	esterases 6772	Triticum turgidum
Cicer arietinum	peroxidases 6772	Puccinia recondita 3507
Ascochyta rabiei 12004, 12007,	Oryza rufipogon 8060	Tilletia indica 5415
12588	Oryza sativa 3609, 5581-5582	tropical fruits 12704
cold resistance 13138	abscisic acid 457	vegetables, isoenzymes 10238
diseases 11998	anther culture 6802	Vicia faba
Fusarium oxysporum 1730, 12005	cytoplasmic male sterility 406	esterases 8264
insects 13138	drought resistance 1602	peroxidases 8264  Vitis vinifera, variety classification 8444
Citrus maxima, citric acid 6053	ecotypes 3638	
Citrus reticulata 10967	esterases 6772	Zea mays 3545-3546, 10370, 12862 abscisic acid 5531, 10454
Coffea arabica 9863	growth regulators 457	Diatraea grandiosella 3589, 7987,
Cucumis melo	heterosis 11788	11741
Fusarium oxysporum 10845	iron 3644	Diatraea saccharalis 3589, 7987,
gene flow 777	Magnaporthe grisea 468, 1606	11741
Cucumis sativus 1879	Nephotettix cincticeps 8107	drought resistance 323, 5530-5531
Dasypyrum villosum,	Nilaparvata lugens 1606	flowering 10453-10454
Pseudocercosporella herpo-	pathogens 12713	forage 7934
trichoides 11645	peroxidases 6772 quantitative traits 369	growth period 10453-10454
Daucus carota	salinity 10562	growth regulators 10454
Meloidogyne hapla 5836	toxic substances 3644	haploidy 1493
Meloidogyne javanica 5836	transposable elements 372	heat resistance 321
Dianthus caryophyllus, flowers 7490	wide hybridization 3617, 6769	high plains virus 3586
Dioscorea, taxonomy 5843 Dioscorea cayenensis, taxonomy 5843	Xanthomonas oryzae 1606, 6832	maize streak monogeminivirus 6726
Dioscorea rotundata, taxonomy 5843	Penstemon 13555	mathematics 12859
200 logy reviews 7702	Persea americana 13317	nitrogen 5523
ecology, reviews 7702  Elaeis guineensis, flowering 13370	Petunia hybrida, fertility 11269	nutrients 5523
Elymus, genomes 11886	Phaseolus, Xanthomonas axonopodis	oils 6718
evolution, reviews 7702	2828	Ostrinia nubilalis 7988-7989
Fabaceae, phylogeny 1670	Phaseolus vulgaris 9472	salinity 7952
forest trees 5047, 6256, 12441, 12704	Colletotrichum lindemuthianum 4650	wheat streak mosaic rymovirus 3586
genetic variation 39	Macrophomina phaseolina 13117	yield components 5506
Glycine max 10638	Picea abies 3242, 12473	yields 5502
Cojenie new 2000		

Genetic resources 5-6, 5188-5190, 5192, 6418, 6425, 6542, 7658, 8882, 8884, 8886, 8979, 11358-11360, 11362-11363, 11368-11369, 11372, 11992, 12594, 12596, 12685, 13153 (see also Gene banks) Abelmoschus 9558 Abelmoschus tuberculatus 3865 Acca sellowiana 7246 Achillea 1178 Aegilops 11529 Agaricus 10081 Agave angustifolia 4058 Agave tingustifolia 4038 Algave fourcroydes 4058 Allium 5191, 5848, 5854 Allium cepa 5853 Allium sativum 3805 Alstroemeria 4146, 8809 Amaranthus 8113 Ancistrocladus korupensis 1149 Anethum graveolens 1144 angiosperms 7655 Arachis glabrata 902 Arachis hypogaea 2060, 4979, 9809 Arbutus unedo 9686 Artocarpus altilis 4929 books 10104 Artocarpus heterophyllus 7245 Artocarpus utilis 12261 Astragalus adsurgens 11920 Avena 12806 Avena sativa 1467 Bactris gasipaes, books 10109 bamboos 6394, 7608 Beta 5191, 6141 conferences 11344 Beta maritima 13401 biotechnology, reviews 7 Bixa orellana 1142 Boehmeria nivea 8691 books 1241, 5181, 13627 Bothriochloa insculpta 1638 Bothriochloa pertusa 1638 Brachiaria ramosa 5567 Brassica 9756, 13347 Brassica oleracea 5191 Cactaceae, books 6414 Calendula officinalis 906 Calopogonium mucunoides 6895 Camelina sativa 906 Canavalia gladiata 4679 Capsicum annuum 5939 Carum carvi 1144 Castanea sativa 12176, 12267 Cedrela odorata 7457 Cephaelis ipecacuanha 12551 Ceratonia siliqua, books 1244 cereals 11515 Chaenomeles 10882 Chenopodium, books 10110 Chrysanthemum 8763 Chusquea 6396 Citrullus lanatus 13245 Citrullus lanatus 13245
Cleome gynandra, books 10105
Cocos nucifera 6098, 7320
Coffea arabica 9856
Colocasia 9507
conferences 1238, 10102, 12587
conifers 7465
Coriandrum sativum 906, 1144, 1187
crops 8, 2292, 3364, 6421-6422, 6548, 10118, 11361, 11370-11371, 12597-12598 books 8876 conferences 13620 Cucumis anguria 1874 Cucumis sativus 785, 10848, 13257, 13262, 13265 Cucurbita 5969 Cucurbita moschata 1867 Cucurbita pepo 13251 Cucurbitaceae 13237 Dactylis glomerata 4574 databases 11366
Daucus carota 5812, 5823, 5832
Dendranthema 8763
Desmanthus virgatus 8227
Dioscorea 9507
books 11355 Dioscorea cayenensis 7020 Dioscorea rotundata 7020

Diospyros 4920 Diospyros kaki 4921, 12258 Elaeis guineensis 2048, 12317 Eleusine coracana 10117 Elymus elongatus 9306 Eragrostis tef, books 10106 Eugenia uniflora 7247 Eulaliopsis binata 13607 Euphorbia lagascae 906 Fabaceae 1672 Fagopyrum 11859-11860 Fagopyrum esculentum 5639 books 10108 Fagopyrum tataricum 5639 fatty oil plants 13347 Festuca arundinacea 4574 Ficus carica 13304 fodder legumes 5644, 8115, 8226, 11925, 13030 fodder plants 2687, 8116-8117, 8119, 11868-11869 books 2283 conferences 8870 databases 9294 Gatabases 9294

Foeniculum vulgare 1144

forest trees 988-990, 6252, 6255-6257, 6412, 7423, 8885, 9933, 12433, 12435-12439

Fragaria 4812, 8443

Fragaria virginiana 832 Fragaria virginiana 832 fruit crops 8885, 13272 Glycine 9355-9356 Glycine max 6903, 8259, 9354, 13078 Glycine tabacina 5725 Gossypium hirsutum 5027, 6194 grain legumes 3364, 11925-11926 databases 10629 grasses 2691, 5644, 8127 Helianthus 890, 7314 Helianthus annuus 4966 Heliconia 6324 Hevea brasiliensis 11161-11162 Hibiscus cannabinus 8692 Hibiscus sabdariffa 9558 Hippeastrum 8809 Hordeum agriocrithon 12794 Hordeum spontaneum 12794 Hordeum vulgare 4442, 6651, 6664, 12776, 12791 horticultural crops 6544 Humulus lupulus 12572 Ilex 9906 Ilex paraguariensis 9904-9906 in vitro culture 12686 Ipomoea batatas 2898 Íris ensata 7555 Iris oxypetala 7555 Iris setosa 7555 Juglans regia 3956, 6065, 6067-6068, 9748 Lactuca 5191 Lathyrus sativus, books 10107 legislation 8883, 11374-11375 Lens culinaris 9492 reviews 10694 Lepidium sativum 906 Lesquerella fendleri 906 Lilium 8816 Lolium multiflorum 5656 Lolium perenne 4574 Lolium rigidum 5658 Lupinus 2756 books 13623 Lycopersicon 10825 Lycopersicon 10825
Lycopersicon esculentum 10800
Madia sativa 906
Malus 1897, 7132, 12150
Malus sylvestris 13275
Manihot esculenta 1790
Marrubium vulgare 2232
Medicago 514-515, 535
Medicago falcata 8166
Medicago lynyling 516, 8166 Medicago lupulina 516, 8166 Medicago sativa 516, 529, 3685-3686, 5680, 8166, 9328 medicinal plants 1137, 1142-1143, 1146-1148 Melaleuca cajuputi 7345 Mentha 12565 Metroxylon sagu, books 1243 models 11365, 11367

Musa 1965, 7216, 9507 catalogues 3354 Myrtus communis 9686 nut crops 10858, 13272 Ocimum 1189 Olea europaea 7323 Origanum 2246-2247, 2249, 2251-2254, 6387, 12566 conferences 2276 Origanum onites 1190 ornamental bulbs 11272, 11274-11275 legislation 11273 ornamental plants 3248, 8885, 9991, 11218 ornamental succulent plants, books 6414 Ornithogalum 11271 Oryza officinalis 6747 Oryza rufipogon 11770
Oryza rufipogon 11770
Oryza sativa 346, 349-352, 428, 451, 5568-5569, 10526
Pachyrhizus tuberosus 4719
Papaver somniferum 3315 Papaver somniferum 3315 Pennisetum glaucum 10117, 10513 Phalaris aquatica 4574 Phaseolus lunatus 605, 6924 Phaseolus vulgaris 606, 3741, 6923, 6925, 9470, 10669, 10800, 11964 Phyllanthus emblica 5130 Picea abies 6257 Pinus leucodermis 3235 Pinus taeda 1027 Piper methysticum 9507 Pistacia vera 6071 Podocarpaceae 7456 Populus nigra 12452 Porteresia coarctata 10525 Prosopis africana 1013 Prosopis cineraria 7458 Prunus 10886 Prunus africana 1145 Prunus amygdalus 6064 Prunus (apricots) 8419, 9647 Prunus armeniaca 4801-4802, 10885 Prunus avium 10885 Prunus brigantina 4802 Prunus divaricata 12176, 12178 Prunus aivaricata 12176, 12178
Prunus mandshurica 4801
Prunus mume 3000, 3884
Prunus persica 8429, 9659, 10885, 10910-10912, 13287
Prunus (plums) 9647, 12177
Prunus salicina 6004, 7148
Prunus sibirica 4801-4802
Prunus simonii 6004, 7148 Prunus simonii 6004, 7148 Prunus ussuriensis 6004, 7148 Psidium guineense 7240 Punica granatum 13334 Pyrus 3878 Pyrus 3076 Pyrus communis 811, 7139 Pyrus pyraster 12163, 13278 Pyrus pyrifolia 7139 Raphanus sativus 13183 reviews 1247, 8881 Rhododendron sataense 1062 root crops 13154 books 10111 Rubia tinctorum 1214 Rubus 3901 Rubus idaeus 1925 Saccharum 913-914, 2072 Setaria italica 4528 socioeconomics 3363 Solanaceae 7751 Solanum 5191, 9526, 9611, 10728 books 1242 Solanum aethiopicum 9558 Solanum melongena 9611, 10800 Solanum nigrum, books 1242 Solanum tuberosum 1757, 8308, 10728 Solanum (tuberous species) 8309, 9508 Sorghum bicolor 6730, 12902 spice plants 4183 Stylosanthes scabra, random amplified polymorphic DNA 4612
Swietenia macrophylla 7457
temperate fruits 5983, 10858
Theobroma cacao 4010, 7374, 11101
databases 7368-7373 Trifolium alexandrinum 5695 Trifolium fragiferum 4574

Trifolium incarnatum 5695, 5698

Trifolium mustanes 4574		
Trifolium pratense 4574 Trifolium repens 539, 4574, 4602	Genetic transformation cont.	Genetic transformation cont.
Trifolium squarrosum 5695	Arabidopsis thaliana cont.	Brassica napus (rape) cont.
Triticum 2398, 5319-5320, 6561, 11529-	homeotic genes 13512 inflorescences 2342	male sterility 3092 napin 11005
11530	light 11448	oils 10997
databases 6571	lignin 2343, 11461	peroxidases 13363
Triticum aestivum 171, 1373, 3458, 4327,	Meloidogyne incognita 6520	Plutella xylostella 888, 13365
4330, 6562, 6569, 8997, 12756	methyltransferases 12651	quality 10997
Triticum dicoccum 4325, 6568	morphology 5236	stearic acid 7251
Triticum durum 10245, 11528, 11530,	nitrate reductase 4259	thioesterases 7251
11532, 12767	nitrates 8943	trierucin 7295
Triticum monococcum 4325, 11531	nitrilase 2348	tropisms 879
Triticum spelta 4325 Vaccinium vitis-idaea 7170	nutrients 8943	xylanases 6076
vegetables 3365, 7752, 9556-9557, 9559-	pathogenesis-related proteins 10212	Brassica oleracea 5884
9562	phytochrome 1292 plant embryos 7718, 10171	Brassica oleracea (cabbages) 10785 Brassica oleracea (cauliflowers)
conferences 10099	Plasmodiophora brassicae 5262	cadmium 3816
Vernonia galamensis 906	promoters 11448	metallothionein 3816
Vicia 551, 11912	proteinase inhibitors 6520	Pieris brassicae 5199
Vicia faba 8261, 10117	proteins 10171	proteinase inhibitors 5199
Vicia narbonensis 551	protochlorophyllide reductase 85	toxic substances 3816
Vigna angularis 665	Pseudomonas syringae 252, 5260	trypsin inhibitors 12052
Vigna radiata 6972	pyrroline-5-carboxylate synthetase	Brassolaeliocattleya 13520
Vigna subterranea 1745, 1747	1322	breeders' rights 11, 6423
conferences 2275	pyruvate,orthophosphate dikinase	Cajanus cajan, Agrobacterium
Vigna unguiculata 6961-6963, 10716 Vitis 1937, 7189, 8459	1499	tumefaciens 653
books 10112	ribonucleases 11507 roots 1300, 8943	Capsicum annuum 4780, 6551 cucumber mosaic cucumovirus 773
Vitis vinifera 1936, 13290	salicylic acid 3408	Carica papaya
Xanthosoma sagittifolium 7027	seedlessness 11507	abscisic acid 9583
Zea mays 2541, 3547, 3549, 6693,	stomata 2349	ACC oxidoreductase 13326
10351, 12858	stress 2355	ACC synthase 13326
Zizania texana 479	transcription factors 10159	growth regulators 9583
Zoysia 507	transposable elements 2330, 2336,	papaya ringspot potyvirus 4919,
enetic transformation 1287, 2314-2315,	4040, 7712, 10164, 11424	13327-13329
3381, 6427, 6457, 6467, 7690, 8912,	turnip crinkle carmovirus 2361	ripening 13326
8918, 9740, 10136, 11410	xylem 7533	Carum carvi 5151
Acacia mangium 6275	Arachis hypogaea 8557-8558	Castanea sativa 4936
Actinidia deliciosa auxins 7212	nodulation 7329 roots 7329	Casuarina glauca
cytokinins 3426	tomato spotted wilt tospovirus 11053	Frankia 7464 nodulation 7464
growth regulators 3426	Avena sativa 5458, 7905, 12814	Catharanthus roseus
habit 7212	Bacillus thuringiensis 1267	cytokinins 1157
Actinidia kolomikta 7210	Bertholletia excelsa, methionine 10996	growth regulators 1157
Aesculus glabra 3372	Beta vulgaris (sugarbeet) 7354, 7356,	isopentenyl transferase 1157
Agrobacterium tumefaciens 1276, 1278-	12359, 12361	protein kinase 12559
1281, 8924, 11408	beet necrotic yellow vein furovirus	Cattleya 10039
books 2281	6148	cereals 2393, 5306, 12710
reviews 1277	biosafety 12360	reviews 1367
Agrostis stolonifera 504, 5646 allergens 32	fructans 13402 gene flow 12360	chloroplast genetics 10142, 11411 Chrysanthemum indicum 12512
Allium sativum 10776	glufosinate 6148	Chrysanthemum morifolium, Agrobacter
Allocasuarina verticillata	glyphosate 6148	ium tumefaciens 12514
Frankia 7464	herbicides 6148	Cicer arietinum 636, 6951
nodulation 7464	biosafety 27, 1288, 6426, 7699, 10134-	Cichorium intybus 4752
Amaranthus hypochondriacus, chloro-	10135, 11411, 12604	fructans 5435
phyll a/b binding protein 480	books 3356	levansucrase 5435
Anthurium andraeanum 13520	conferences 11349	Citrullus colocynthis 784
Antirrhinum majus 7544	Brassica campestris (turnip rape)	Citrus
Agrobacterium rhizogenes 6347	Ceutorhynchus assimilis 11023	ribonucleases 11507
bilanafos 13570	oryzacystatin 11023 proteinase inhibitors 11023	seedlessness 11507 Citrus aurantifolia 9706
antisense RNA 7701 Arabidopsis thaliana 3387, 4248, 5006,	Brassica carinata 4943	Citrus aurantiifolia 846
6475, 6484, 7707, 8924, 11433	hirudin 4944	Citrus aurantium, citrus tristeza closter-
acyl carrier protein synthase 7342	quality 4944	ovirus 847
Agrobacterium tumefaciens 1299,	Brassica chinensis 2930	Citrus maxima
1302, 6469, 12613, 12621	Brassica juncea	Antheraea pernyi 9705
alcohol dehydrogenase 10158	biosafety 7269	bacteria 9705
auxins 46, 2789, 10172	gene flow 7269	Citrus reticulata, insects 9713
cell death 3408	Brassica napus	Citrus sinensis 4910
chitinase 7737	acyl carrier protein synthase 13389	Antheraea pernyi 9705
chlorsulfuron 12634	cauliflower mosaic caulimovirus 7302	bacteria 9705 Coffea canephora
choline oxidase 8957	hybrid seed production 7267 male sterility 7267	β-glucuronidase 9862
chromosome translocation 10160 cold resistance 2358, 7733, 8957	seeds 13389	Perileucoptera coffeella 9862
4-coumarate-CoA ligase 2343	Brassica napus (rape) 7265, 8504, 9765	conifers 1025
cryptochrome 7719	acid phosphatase 3089	Coprinus cinereus 1222
desiccation 7575	acylglycerol-3-phosphate acyltransfer-	crops 2327, 6428, 7637
development 41, 5245, 7718, 8059,	ase 4959, 7293	biosafety 5205, 5221, 6452, 6461,
11196	biosafety 9764	6466
DNA binding proteins 41, 5222	bromoxynil 6090	carbohybdrates 7755
drought resistance 6516	cytokinins 8503	diseases 10095
fatty acids 3996, 7342	erucic acid 7295	herbicides 10095, 12601
ferulate-5-hydroxylase 11461	fatty acids 4958, 7251, 10999	insects 5200, 12601 Nematoda 1264-1266
flowering 1312, 10174	glucose oxidase 9898 glufosinate 872, 3971, 6441, 12272	Nematoda 1264-1266 proteinases 1265
flowers 13512	glutathione reductase 9792	reviews 8911
growth regulators 46, 2789	growth regulators 8503	statistics 11407
heat shock 5259, 10204 herbicides 12634	Helicoverpa zea 888, 13365	viruses 19, 10128
Heterodera schachtii 6520	herbicides 872, 3102, 3971, 4946,	Cucumis melo 776-777
histones 9136	6090, 11002	ACC oxidase 3855, 8393

Genetic transformation cont.

Cucumis melo cont.	Gossypium cont.	Lycopersicon esculentum 3828-3829,
cucumber mosaic cucumovirus 774,	bromoxynil 6243	6551, 12095
782	glufosinate 6247-6248	ACC oxidase 1824, 9606
ethylene 8393	glyphosate 6224	ACC oxidoreductase 12093
ripening 3855	Helicoverpa zea 6234	ACC synthase 2950, 12093
Cucumis sativus	Heliothis virescens 6234	alcohol dehydrogenase 13213
Botrytis cinerea 774, 4790	herbicides 6224, 6243, 6247-6248	Botrytis cinerea 10828
chitinase 774, 4790	insects 6232-6233, 6238, 6243, 11154	capsanthin 5902
Cucurbita pepo 5970	Noctuidae 7412	capsorubin 5902
viruses 12138	pests 6224	cucumber mosaic cucumovirus 5928
Dactylis glomerata 489	proteinase inhibitors 13462	7083-7084
Datura 7586	Gossypium barbadense	development 1824
Datura arborea, Agrobacterium	bilanafos 4054	β-fructofuranosidase 7063
rhizogenes 11247	herbicides 4054	Fulvia fulva 13225
Datura fastuosa 7579	Gossypium hirsutum 6200, 6203, 6230,	fungi 11512
Datura sanguinea, Agrobacterium	13461	glucose-1-phosphate adenylyltransfer
rhizogenes 11247	acyl carrier protein 13460	ase 3789
Daucus carota 7012	Bacillus thuringiensis 982, 5030-	β-glucuronidase 8365
auxins 2789, 4620	5031, 6239, 7415-7416, 8674,	oxalate oxidase 7074 parthenocarpy 7060
binding proteins 4620	8687, 9927, 12424	pectinesterase 9598, 10807
growth regulators 2789, 4620	bilanafos 4054	phytoene synthase 7057
ornithine decarboxylase 12044	bromoxynil 8664	Phytophthora infestans 5925
transfer RNA 51	2,4-D 3206	pollen germination 2951
Dendranthema 6304, 7523	gene flow 3206	polygalacturonase 3743, 4758, 7057
Dendranthema grandiflora, tomato spot-	glyphosate 8662, 8687	9598, 10820, 10828, 11512,
ted wilt tospovirus 7542  Dendranthema zawadskii 12512	Helicoverpa armigera 3205, 5037- 5038	12105
	Helicoverpa zea 4052, 12424	prosystemin 8365
Dianthus caryophyllus 7525	Heliothis virescens 4052, 13483	quality 12105
Digitalis lanata 7578 Diospyros kaki 8482	herbicides 3206, 4054, 6216, 6246,	ribulose-bisphosphate carboxylase
Bacillus thuringiensis 3073	8662, 8664, 8687	8367
Monema flavescens 3073	lectins 13483	ripening 4758, 9606, 13213
Plodia interpunctella 3073	photosynthesis 974	salinity 7074, 13219
Elaeis guineensis 8540	Spodoptera frugiperda 4052, 9927	seedlessness 7061
5-enol-pyruvyl shikimate-3-phosphate	superoxide dismutase 974	stilbene synthase 5925
synthase, Nicotiana tabacum 11138	Xanthomonas axonopodis 11152	sucrose-phosphate synthase 3831
Eucalyptus camaldulensis 994, 11175	grain legumes 566, 5721	tomato yellow leaf curl bigeminiviru
Eucalyptus globulus 7432	Gypsophila paniculata 5100	3842, 7085, 8382
Eustoma grandiflorum 7524, 8789	herbicides 12604, 12610	transposable elements 4040
colour 7531	Hevea brasiliensis 9931	xylose isomerase 8908
naringenin-chalcone synthase 1080,	Hordeum vulgare 2494, 2496, 4300,	Lycopersicon peruvianum, interferon
7531	6665, 12710	7058
fatty oil plants	Agrobacterium tumefaciens 8992	Malus pumila 7121, 10865
oils 10997	bilanafos 7766	Agrobacterium tumefaciens 2988,
oleosins 4941	β-glucanase 1460	9636
quality 10997	glufosinate 7766	development 13276
Festuca arundinacea 5646	herbicides 7766	β-glucuronidase 7126
Flaveria bidentis	Rhynchosporium secalis 1460	habit 12148
carbonate dehydratase 3282, 13560	trihydroxystilbene synthase 10946	neomycin phosphotransferase 7126
malate dehydrogenase (oxaloacetate-	immunoglobulins, reviews 12605	Manihot esculenta 12048
decarboxylating) (NADP*) 3276	insects 1267	antisense RNA 12047
photosynthesis 3281	Ipomoea batatas	glucose-1-phosphate adenylyltransfe
pyruvate,phosphate dikinase 13559	cytokinins 3426	ase 12047
ribulose-bisphosphate carboxylase	growth regulators 3426	phosphinothricin acetyltransferase
3282	Juglans regia	12047
Forsythia intermedia	Bacillus thuringiensis 6069	polymers 4710
dihydrokaempferol 4-reductase 1061	Cydia pomonella 6069	Medicago sativa 6880
naringenin-chalcone synthase 1061	Kalanchoe blossfeldiana	aspartate-ammonia ligase 530
Fragaria ananassa 4839, 7185, 8442, 12214	β-glucuronidase 10044	cold resistance 5692
	pathogenesis-related proteins 9881	nodulins 11905
β-fructofuranosidase 4838 Otiorhynchus sulcatus 6025	kanamycin kinase 8906	pollen 4596, 11897
trypsin inhibitors 6025	Larix laricina 1050	promoters 11897
Fragaria vesca, Agrobacterium	legislation 27, 6426 Lilium longiflorum 6357, 11300	superoxide dismutase 5692
tumefaciens 6023	pollen 11296	Medicago truncatula 2739, 6880 Mentha piperita 5152, 13598
fruit crops 12143-12144	Linum suffruticosum 4055	
Gentiana 6327	Linum usitatissimum 4055	Musa 1971, 13309 Nicotiana
Agrobacterium rhizogenes 3269	herbicides 6091	Helicoverpa armigera 8657
Gerbera 7526	Linum usitatissimum (flax) 8688	ribonucleases 9884
Gerbera hybrida, \( \beta\)-glucuronidase 10011	chlorsulfuron 3208	self incompatibility 9884
Gladiolus, bean yellow mosaic potyvirus	herbicides 3208	Nicotiana benthamiana
7558	Liquidambar styraciflua	cassava African mosaic bigeminivir
glufosinate 12610	insects 13500	8654
Glycine max 3372, 8239-8240, 11931	peroxidases 13500	cymbidium ringspot tombusvirus
Agrobacterium tumefaciens 3715,	Liriodendron tulipifera, somatotropin	9899-9900
11930	6276	fungi 11512
auxins 4620	Lolium, ryegrass mosaic rymovirus 8140	grapevine leafroll-associated closter
Bacillus thuringiensis 4617	Lolium multiflorum 493, 5646	ovirus 6185
binding proteins 4620	Lolium perenne 493, 5646	groundnut rosette umbravirus 8652-
glufosinate 9464	Lotus corniculatus 9341	8653
glyphosate 9464	dihydrokaempferol 4-reductase 1099	plum pox potyvirus 2125, 5024,
growth regulators 4620	lectins 13057	5199, 8651
herbicides 9464	naringenin-chalcone synthase 608	polygalacturonase 3743, 11512
methionine 32	nodulation 13057	poplar mosaic carlavirus 2124
oils 6718, 10646	Lotus japonicus 558	potato mop-top furovirus 9901
proteins 13075	nodulation 561	ribulose-bisphosphate carboxylase
quality 10646	sucrose synthase 1663	2833
Gossypium 6201-6202	Lupinus angustifolius 555	transfer RNA 4237
Bacillus thuringiensis 6232-6233,	glufosinate 5721	zucchini yellow mosaic potyvirus
6238, 7412	herbicides 5721	11135

Genetic transformation cont.	Genetic transformation cont. See all See all	Genetic transformation cont.
Nicotiana bigelovii, cauliflower mosaic caulimovirus 7394	Nicotiana tabacum cont. flavonoids 7545	Nicotiana tabacum cont.
Nicotiana plumbaginifolia	fructans 5435	phosphoenolpyruvate carboxylase 3279
ACC oxidase 1824	β-fructofuranosidase 12375, 952,	photoperiodism 3176
alcohol dehydrogenase 10158	5019	photosynthesis 4020, 6173, 7386,
apoaequorin 13429 calcium 13429	fructosyltransferase 2943	8645, 11117, 12394, 12396,
development 1824	Fulvia fulva 13222 fungi 11512	13425
nitrate reductase 5014, 6174, 11130	fungi 11512 germin 7814	phytochrome 3176, 3534, 4470, 989 12383
ribonucleases 5011	gibberellins 13428	Phytophthora nicotianae 5022, 1113
self incompatibility 5011	gliadin 7822	plastocyanins 622, 10237
Nicotiana rustica, pollen 1283	globulins 3170	pollen 63, 4026, 10810, 12381-1238
Nicotiana sylvestris chitinase 3168	glucose oxidase 9898	pollen germination 2951
growth regulators 11127	β-glucuronidase 2101, 9895 glufosinate 6191, 9903, 12412	polygalacturonase 11512 potassium 7385
heat shock proteins 11127	glutathione peroxidase 2122	potato X potexvirus 964, 2127, 4042
Nicotiana tabacum 728, 936, 938, 941,	glutathione reductase 11118	6184
2102, 2106-2107, 2111, 4036, 4070,	glutathione transferase 2122, 6177	potato Y potyvirus 2099, 4044, 5023
5003, 5006, 6551, 6985, 7375-7377, 8504, 8635, 9882, 11109	glycerol-3-phosphate acyltransferase	10751, 11136 proline 3367, 4039
abscisic acid 3178, 9583	789 green fluorescent protein 13414	promoters 9861
ACC oxidase 1854, 3857	growth regulators 2118, 3178, 7875,	proteinase inhibitors 968
acetyl-CoA carboxylase 1301	8646, 9246, 9583, 12398, 12401	proteins 4746, 6919, 9577, 9861
adenosinetriphosphatase 9895 adenosylhomocysteinase 4021	heat resistance 5021	protoporphyrinogen oxidase 11139
agmatine 5459	heat shock 962	Pseudomonas syringae 252, 13439 pyrroline-5-carboxylate synthetase
Agrobacterium rhizogenes 935, 6181,	heat shock proteins 7312  Helicoverpa armigera 968, 7397	1322
13412	Heliothis virescens 4048	pyruvate decarboxylase 9887
Agrobacterium tumefaciens 3373,	herbicides 5026, 6191, 9903, 11139	pyruvate kinase 12395
4023, 9896, 13437 albumins 13120	histidine-tRNA ligase 12628	pyruvate,phosphate dikinase 13578 Rhizoctonia solani 2123, 4041
amylases 6902	histones 2340	ribonucleases 11507, 12389
anthers 3173	homeobox genes 13427 homoserine dehydrogenase 7713	ribosome-inactivating proteins 226,
anthocyanins 11266	hydrogen peroxide 13436	4041
Anthonomus grandis 6190	indoleacetate-lysine synthetase 3171	ribulose-bisphosphate carboxylase 3183, 8645, 12383
antibodies 2100, 11110, 13442 antisense RNA 13423	injuries 12291, 12659, 13435	salicylate 1-monooxygenase 13222
antiviral proteins 2123	inulin 10799	salicylic acid 3187
aquaporin 6167	isocitrate dehydrogenase 12385 isoenzymes 2114	salinity 958, 4039, 7390, 7677, 1343
arginine decarboxylase 5459	isopentenyl transferase 2118, 7378	sedoheptulose-1,7-bisphosphatase
aromatic-L-amino acid decarboxylase 5136	jasmonic acid 7875	12394 seedlessness 11507, 12389
aspartate-ammonia ligase 2832	lactalbumin 11111	seeds 9861, 11007
aspartate kinase 7713	lactate dehydrogenase 11106 lectins 472	self incompatibility 4688
auxin binding proteins 7706	legumin 8641	senescence 1310
auxins 12401  Bacillus thuringiensis 2099, 7397	lettuce mosaic potyvirus 11136	serine/threonine specific protein pho phatase 13434
betaine 7390	levansucrase 5435	sorbitol-6-phosphate 2-dehydrogenas
binding proteins 7543, 12401	licheninase 4019	13430
cabbage leaf curl bigeminivirus 4043	lignin 953, 2116, 3182, 7545, 12393 lipoxygenase 11134	Spodoptera litura 2128
cadmium 7388	luciferase 9876	stearoyl-CoA desaturase 2341 stress 2122, 6177, 12291
caffeate <i>O</i> -methyltransferase 3182 calmodulin 13439	lysine 7389	strictosidine synthase 5136
carbon 950	lysozyme 3163	sulfate adenylyltransferase 9886
catalase 11122, 12396, 13436	malate dehydrogenase 4653 malate dehydrogenase (oxaloacetate-	sulfur 13120
cell division 5009	decarboxylating) (NADP+) 3276	superoxide dismutase 12699 techniques 3166
cells 7385 cellulase 824	male sterility 63, 8643	temperature 3373
chitinase 4031, 8658, 11120, 13414	Manduca sexta 4048	tobacco etch potyvirus 965, 4044
chlorophyll a/b binding protein 6496	metallothionein 7388	tobacco mosaic tobamovirus 3186-
chloroplast processing enzyme 13423	methyltransferases 13424 mevalonate kinase 13415	3187, 3839, 4044, 5025, 6186,
cholesterol oxidase 6190	mutagens 8639	7395, 8655, 13442 tomato mottle bigeminivirus 4043
cinnamoyl-CoA reductase 5052 cinnamyl-alcohol dehydrogenase	Myzus persicae 472	tomato spotted wilt tospovirus 5025,
12393	NADH dehydrogenase (ubiquinone)	7396
cold 9577	6173 NADPH-ferrihemoprotein reductase	tomato yellow leaf curl bigeminiviru
coproporphyrinogen oxidase 12404	3318	8382 transcription factors 13435
4-coumarate-CoA ligase 953 cryptogein 5022	napin 11005, 11007	transposable elements 287, 2105,
cucumber mosaic cucumovirus 6186,	naringenin-chalcone synthase 4033-	2330, 4490, 6169, 10387
12409	4034	trehalose 7390, 11128
cyclins 8828	nitrate reductase 942, 950, 958, 6174, 13416	trihydroxystilbene synthase 6033 trypsin inhibitors 2128
cytochrome 4032 cytokinins 949, 962, 2118, 8646	nitrogen 950	α-tubulin 11700
cytosine deaminase 937	nutrients 950	ubiquitin 9876, 12411
2,4-D 5026	oxalate oxidase 7814	uroporphyrinogen decarboxylase
defensins 8655	oxygenases 13428	12404 vaccines 5201
desiccation 7575	ozone 3183, 6033 pathogenesis-related proteins 3839,	viruses 3185, 4044
development 10810, 12395 dihydrodipicolinate synthase 7389	7391, 7393, 12411, 12659,	vivipary 3270
dihydrodipicolinate synthase 7389 dihydrofolate reductase 12384	13436	xylose isomerase 8908
DNA methylation 13424	pepper severe mosaic potyvirus	zein 2590
drought resistance 3367, 7390, 7677,	13440	Oenothera 10009
11128	peroxidases 2114, 9546, 12051, 13363	oils 1274 Oncidium 13520
epoxide hydrolase 13443 ethylene 7393, 13435	phaseolin 2823, 12397	ornamental plants 11216
farnesyl-diphosphate farnesyltransfer-	phenolic compounds 4048	reviews 3249
ase 1714	phenylalanine ammonia-lyase 621,	Orychophragmus violaceus 2071
ferredoxin 3757, 8275	943, 3182 phosphate transporters 8644	Oryza sativa 370, 388, 3611, 4537, 655 6757, 6759, 6761, 6765-6766,
ferritin 10639	phosphate transporters out	0151, 0157, 0101, 0105 0100,

Genetic transformation cont.	Pinus radiata cont.	Solanum tuberosum cont.
Oryza sativa cont. 9221-9222, 9229, 10578, 11785,	sterility 13506	endochitinase 675
11818, 12710, 12939	Piper nigrum 13593	β-fructofuranosidase 4691, 12030
abscisic acid 13003	Pîsum sativum	fructose-bisphosphatase 13162
acyltransferases 11838	alcohol dehydrogenase 10158	Fulvia fulva 13222
agglutinins 10531, 11853	amylases 6902	Globodera 1783
Agrobacterium tumefaciens 1567	anthocyanins 10367	glucokinase 12030
α-amylase 10533, 12933	trypsin inhibitors 13119	glucose-1-phosphate adenylyltransfe
arginine decarboxylase 11680	plant composition 1274	ase 3789, 4690 growth regulators 9583
Bacillus thuringiensis 11855	Pleurotus ostreatus 12575	herbicides 4705, 10755
bilanafos 4568, 10366	pollen 1283 Polygonum multiflorum 12553	Leptinotarsa decemlineata 698, 701
Chilo suppressalis 11854	Poncirus trifoliata 6047	10754
cold resistance 11838 drought resistance 7677	Populus 1006, 4070	lettuce mosaic potyvirus 13173
fluorescence 5580	cinnamyl-alcohol dehydrogenase 7448	neomycin phosphotransferase 2873
β-glucuronidase 9228	glutamate-cysteine ligase 11185	opsin 3792
glufosinate 6756, 6849	glutathione synthase 11185	Phthorimaea operculella 9539
glutelins 375, 10530	glyphosate 1011	Phytophthora infestans 4696
growth regulators 13003	herbicides 1011	plastocyanins 10237
herbicides 4568, 6756, 6849, 9231,	phytochrome 4073	potato leaf roll luteovirus 1780, 379
10366	Plagiodera versicolora 1010	3797, 8329, 9535
Hirschmanniella 6844	proteinase inhibitors 1010	potato spindle tuber viroid 7006
insects 3663	Populus alba, lignin 7447	potato X potexvirus 695, 7004, 700
lectins 472, 10531, 11858, 13023	Populus canescens	10750, 12040
legumin 4554	glutamate-cysteine ligase 5062	potato Y potyvirus 2873, 5808, 700
luciferase 12935	photosynthesis 12453	8329, 10751, 13173
Meloidogyne 6844	superoxide dismutase 12453	proteinase inhibitors 7011 ribonucleases 7006
Meloidogyne incognita 5636	Populus nigra, proteinase inhibitors 7442	salicylate 1-monooxygenase 13222
Myzus persicae 472	Populus tremula 7443-7444	salicylic acid 4696
Nilaparvata lugens 13023 nodulins 10561	lignin 7447 techniques 3219	starch synthase 6982-6983, 13159
oryzacystatin 6844	Populus tremuloides, caffeate O-methyl-	sucrose synthase 9525
pesticides 6756	transferase 11186	sugar transport proteins 13162
phosphinothricin acetyltransferase	Portulaca grandiflora	tobacco etch potyvirus 5808
11782-11783	betalain 4161	triose phosphate translocator 4690
photosynthesis 4550	DOPA dioxygenase 4161	tubers 12030
phytoene synthase 390	Prunus 7121	vaccines 3786, 5201
plant composition 6814	Prunus (cherries), habit 12148	Verticillium dahliae 4695
Pratylenchus 6844	Prunus dulcis 7121	viruses 695
proteinase inhibitors 5636, 6844	Prunus lannesiana 4805	xylose isomerase 8908
proteins 4555	Prunus (peaches)	Sorghum bicolor 5552
reviews 371	cytokinins 7159	bilanafos 10510
rice ragged stunt oryzavirus 13020	habit 7159	biosafety 3439
rice stripe tenuivirus 3659	Prunus (plums), plum pox potyvirus	herbicides 10510
rice tungro bacilliform badnavirus 2637	9657 Pyrus 10878	Schizaphis graminum 3439 Spinacia oleracea
rice yellow mottle sobemovirus 6843	Pyrus communis 7140	Agrobacterium tumefaciens 3820
salinity 7677	habit 12148	cucumber mosaic cucumovirus 107
Scirpophaga incertulas 3663, 11854-	Pyrus pyraster 7121	sterility 11373
11855, 11857	Rauvolfia serpentina, Agrobacterium	Tabernaemontana pandacaqui
techniques 11783	rhizogenes 6377	Agrobacterium tumefaciens 4173
trypsin inhibitors 11853	reviews 2316, 5206, 11409, 11495	strictosidine synthase 4173
ubiquitin 10366	Rhododendron 6304	techniques 2319, 7691, 8904, 8906,
Xanthomonas oryzae 1609, 3610,	Ricinus communis, phospholipase D 4984	10142
11849	Rosa hybrida 7513	Theobroma cacao 4012
Ostrinia nubilalis 8000	chitinase 12510	Torenia fournieri 8790
outcrossing 10133	Diplocarpon rosae 12510	Tradescantia paludosa, pollen 12382
Persea americana 8478, 13330	Rubus arcticus, Agrobacterium	trichodiene synthase, Nicotiana tabacu
Petunia hybrida 5114	tumefaciens 12201	5013
Bacillus thuringiensis 3294 chalcone reductase 4145	Rubus idaeus 7161	Trifolium repens
flavonoids 6351	Saccharum officinarum 915, 3136, 11063	anthocyanins 10367
1,2-β-fructan 1F-fructosyltransferase	sugarcane mosaic potyvirus 13398 Santalum album 5155	chitinase 3696 nodulation 3694
13184	Sesamum indicum, male sterility 904	roots 3694
insects 3294	Solanum aviculare, Agrobacterium	Trifolium subterraneum
naringenin-chalcone synthase 1100,	rhizogenes 11329	bromoxynil 4608
3293, 6325, 13573	Solanum chacoense	herbicides 4608
sucrose 1F-fructosyltransferase 13184	ribonucleases 2879	Triticum aestivum 1397, 3372, 4300,
tobacco yellow dwarf	self incompatibility 2879	4345, 5330, 6603-6604, 7819
monogeminivirus 13573	Solanum melongena 759	Agrobacterium tumefaciens 8992
Petunia inflata	Bacillus thuringiensis 7093-7094	barley yellow dwarf luteovirus 787
embryo sac 4144	Leptinotarsa decemlineata 7094, 8385	bilanafos 7766
receptor kinase 4144	Leucinodes orbonalis 7093	biosafety 3439
Phalaenopsis 7564, 8819	proteinase inhibitors 12118	glucan branching enzyme 7831
Pharbitis nil	Solanum muricatum 3074	glufosinate 7766
cytokinins 3426	Solanum tuberosum 674, 6985-6986,	glutenins 4391, 6626, 7830, 10293
growth regulators 3426  Phaseolus acutifolius 6927	9522, 12022	herbicides 7766
Agrobacterium tumefaciens 3373	abscisic acid 9583	quality 4391, 6626
temperature 3373	Agrobacterium tumefaciens 9520	Schizaphis graminum 3439
Phaseolus vulgaris, bilanafos 11968	amylose 3790 antibodies 8638, 13158	starch synthase 7831
Phlox paniculata 11248	antifreeze proteins 688	trihydroxystilbene synthase 10946 vernalization 7804
phosphinothricin acetyltransferase 12610	antisense RNA 13159, 13162	
Picea glauca 3372	asulam 4705	Triticum durum, glufosinate 2403 Ulmus pumila, Agrobacterium
abscisic acid 11202	Bacillus thuringiensis 698, 9539	tumefaciens 9896
growth regulators 11202	carbohydrates 4690	vaccines, reviews 5209
somatic embryogenesis 11202	cholera toxin 3786	Vicia narbonensis 6892
Pinus nigra 9964-9965	cold resistance 688	amylases 6902
Pinus pinea 9964	cytochrome P-450 10755	β-glucuronidase 10665
Pinus radiata 8714	diseases 3792	proteins 10665

Genetic transformation cont.	Genetic variance cont.	Genetic variance cont.
Vicia narbonensis cont.	Gossypium hirsutum cont.	Zea mays cont.
seeds 10665	yield components 6210, 12419	soil toxicity 9177
Vigna radiata 13147	Helianthus annuus	techniques 6705
Vigna unguiculata	fatty acids 12302	yield components 277, 310, 6706,
drought resistance 6516	salinity 12308	7930, 7942
β-glucuronidase 9496	yield components 7308, 8535, 12302,	yields 7947
viruses 1263, 3370, 4047, 6413	12308	Genetic variation
conferences 4206	Hordeum vulgare	Abies amabilis, isoenzymes 4096
reviews 6439	Rhynchosporium secalis 4461	Abies grandis, isoenzymes 4095
Vitis 7354	salinity 2516	Aegilops, glucose-6-phosphate isomerase
Vitis berlandieri	seeds 1452, 2504	6620
arabis mosaic nepovirus 7209	techniques 7885	Aegilops tauschii, isoenzymes 6650
grapevine fanleaf nepovirus 7209	yield components 7889, 12786	Agrostis stolonifera, isoenzymes 11891
Vitis labruscana, chitinase 7208	Ipomopsis aggregata, flowering 3283	Allium, isoenzymes 3811
Vitis rupestris	Lathyrus sativus, yield components	Alnus nitida, isoenzymes 7461
arabis mosaic nepovirus 7209	10626	Amaranthus, isoenzymes 1619
grapevine fanleaf nepovirus 7209	Linum usitatissimum (flax)	Amphicarpaea bracteata, isoenzymes
Vitis vinifera 7196, 13294	quality 4056	2770
arabis mosaic nepovirus 7209 chitinase 7208	yield components 4056	Ancistrocladus korupensis, isoenzymes
grapevine fanleaf nepovirus 7209	Lotus corniculatus	1149
Volvariella volvacea 12575	tannins 2760, 5706 yield components 2760	angiosperms, isoenzymes 120
Zea mays 292, 1488, 2559-2560, 3372,	Lotus uliginosus	Aster ascendens, isoenzymes 12517
5484-5486, 5490, 6700, 8000,	tannins 2760	Aster falcatus, isoenzymes 12517
10376, 10384, 11693	yield components 2760	Aster occidentalis, isoenzymes 12517
acetoacetyl-CoA reductase 5495	Lycopersicon esculentum	Banksia, isoenzymes 1060
acetyl-CoA C-acyltransferase 5495	cold resistance 9601	books 2278
Bacillus thuringiensis 326, 1535,	yield components 3833	Brassica campestris
3587, 9182	Momordica charantia, yield components	acetolactate synthase 3966
crystal proteins 7963	5980, 7118	isoenzymes 2019, 3966  Brassica campestris (turnip rape),
Diatraea grandiosella 10497	Musa, inflorescences 9694	isoenzymes 11015
endosperm, gene expression 12871	Nicotiana tabacum	Brassica napus (rape)
Fusarium 4510	height 6172	acetolactate synthase 3966
Gibberella 4510	quality 13433	isoenzymes 2019, 3966, 11015
β-glucuronidase 10372, 12863, 12869	yield components 13433	Brassica oleracea
glufosinate 6441, 10495, 11740	Oryza sativa	acetolactate synthase 3966
Helicoverpa zea 10497	opal phytoliths 10548	isoenzymes 3966
herbicides 6467, 11740	quality 3634, 4557	Calliandra calothyrsus, isoenzymes 7462
histone deacetylase 10368, 10440	seeds 2651	Carica, isoenzymes 853
Ostrinia nubilalis 326, 1535, 3587,	yield components 1578, 5583, 6796,	Carica papaya, isoenzymes 853
4510, 7963, 7989, 10495, 11740	9260-9261, 12977	Castanea dentata, isoenzymes 12268
recombinant proteins 12870	Pennisetum glaucum	Cathaya argyrophylla, isoenzymes 9986
seeds 10379	tissue culture 4531	Cedrela odorata, random amplified
Sesamia nonagrioides 10495	yield components 2623	polymorphic DNA 8709
Spodoptera frugiperda 10497	Phaseolus vulgaris, yield components 11970	Centrosema, isoenzymes 5715
sucrose synthase, gene expression 12871	Pinellia ternata, morphology 5137	Chamaecyparis thyoides, isoenzymes
superoxide dismutase 12699	Pisum sativum, yield components 5762	4100
transcription factors 10379	Saccharum, yield components 11065	Cinnamomum kanehirae, isoenzymes
Zoysia japonica 7516	Saccharum officinarum	1020
Genetic variance 96, 98	quality 8592, 8594	Colocasia esculenta, isoenzymes 12060
Arachis hypogaea, photoperiodism 903	yield components 8592, 8594	Croton alabamensis, isoenzymes 1058
Brassica chinensis	Sesamum indicum	Cryptomeria japonica, isoenzymes 1055
quality 5889	Alocypha bimaculata 6111	Cucumis hystrix, isoenzymes 775
yield components 9574	fatty acids 12337	Cucumis melo, isoenzymes 775
Brassica juncea	yield components 6111, 12335	Cucumis sativus, isoenzymes 775, 785
Albugo candida 3099	Solanum viarum, spines 7583	Cyclobalanopsis glauca, isoenzymes 6277
yield components 8511, 8513, 8515	Sorghum bicolor, yield components 1540,	Cymbidium, isoenzymes 8820
Brassica napus (rape), yield components	6731, 11748	Cymbidium ensifolium, isoenzymes 8820
3094	statistics 11480	Cymbidium goeringii, isoenzymes 8820
Brassica oleracea (cauliflowers), yield	Trigonella foenum-graecum, yield com-	Cymbidium sinense, isoenzymes 8820
components 727	ponents 3327	Delphinium bolosii, isoenzymes 12523
Brassica pekinensis, heat resistance 5891	Triticum aestivum	Dryandra, isoenzymes 1060
Cajanus cajan, yield components 4671,	cold resistance 213, 9063	Epipactis helleborine, isoenzymes 1125
12011	dormancy 10278	Epipactis leptochila, isoenzymes 1125
Capsicum annuum, yield components	harvest index 176, 2426	Epipactis youngiana, isoenzymes 1125
5951, 10838	heat resistance 3492, 5399	Eucalyptus denticulata, isoenzymes 8699
Carthamus tinctorius, yield components	lodging 11578 Mycosphaerella graminicola 9070	Eucalyptus diversifolia
2047, 11039	Puccinia recondita 221	flavonoids 5053
crops, cytoplasmic male sterility 11482	stems 11578, 11597	isoenzymes 5053
Cupressus sempervirens, Seiridium	tissue culture 10285	Eucalyptus grandis, isoenzymes 4064
cardinale 5084 Cyamopsis tetragonoloba, yield compo-	yield components 176, 3466, 10279,	Eucalyptus nitens, isoenzymes 8699
nents 1755	11586, 11597	Eucalyptus quadrangulata, isoenzymes
Fragaria ananassa	Vicia faba, yield components 11961	8699
quality 4849	Vigna angularis, yield components 670	Eucalyptus urophylla, isoenzymes 4064
yield components 4849	Vigna mungo, yield components 2863,	Fagus sylvatica, isoenzymes 4069, 9948
Gerbera hybrida, quantitative traits	13149	Faidherbia albida, isoenzymes 2166
12524	Vigna umbellata, yield components 2860	Flagellaria guineensis, isoenzymes 6401
Glycine max	Vigna unguiculata	forest trees
flowering 9391	digestibility 5786	conferences 1233
growth period 9391	fruits 8296	isoenzymes 992
quality 8253	quality 8296	genetic markers 39
Gossypium, yield components 977	yield components 6967	Glycine dolichocarpa, isoenzymes 6904
Gossypium barbadense	Zea mays	Glycine soja, isoenzymes 5738
quality 13466, 13472	germination 11710	Glycine tomentella, isoenzymes 6904
yield components 13466	inflorescences 2579	Helianthus annuus, isoenzymes 893
Gossypium hirsutum	lodging 7941	Helianthus argophyllus, isoenzymes 893
quality 12422	Setosphaeria turcica 7959	Helianthus petiolaris, isoenzymes 893
quantitative traits 3196	Sitophilus zeamais 12898	Hevea brasiliensis, isoenzymes 12430

Genetic variation cont.	Genetics cont.	Beta vulgaris (sugarbeet) cont.
Hicksbeachia pinnatifolia, isoenzymes	Agastache rugosa	beet necrotic yellow vein furovirus
4939	anthocyanins 5157	2091-2092
Juglans sinensis, isoenzymes 2007	isoenzymes 5157	cytoplasmic male sterility 4005
Larix decidua, isoenzymes 2182, 7482	malate dehydrogenase 5157	Heterodera schachtii 6156
Larix kyrilensis, isoenzymes 6298	Allium, conferences 4208	history 7353
Larix leptolepis, isoenzymes 6298	Allium cepa, cytoplasmic male sterility	
Larix occidentalis, isoenzymes 9984	5867	monogerm seeds 6151, 7361 quality 8619
Larix sibirica, isoenzymes 2182	Allium schoenoprasum, cytoplasmic male	yield components 8619
Lens culinaris, isoenzymes 11989	sterility 718	
Lesquerella fendleri, isoenzymes 3129	Alnus acuminata, isoenzymes 1019	books 1241
Libocedrus chilensis, isoenzymes 12487	Alstroemeria, allergens 11285	Brassica
Liriodendron chinense, isoenzymes 3228	Amphicarpaea bracteata	colour 1801
Lolium multiflorum, isoenzymes 494	Bradyrhizobium 2770	development 1801
Lolium perenne, isoenzymes 4580	nodulation 2770	glucosinolates 12286
Lotus alpinus, isoenzymes 10622	Ananas bracteatus	leaves 1801
Lotus corniculatus, isoenzymes 10622	Gibberella fujikuroi 9729	Brassica campestris
Macadamia, isoenzymes 4939	leaves 9729	colour 726
Macrozamia, isoenzymes 9987	Ananas comosus	cytoplasmic male sterility 726
Macrozamia pauli-guilielmi, isoenzymes	Gibberella fujikuroi 9729	Brassica campestris (turnip rape), male
9987	leaves 9729	sterility 11013
Medicago sativa, isoenzymes 4598	angiosperms, flowers 4288	Brassica campestris (turnips), isoenzyn
Metasequoia glyptostroboides,	Arabidopsis, Nematoda, books 2285	9569
isoenzymes 7488	Arabidopsis thaliana	Brassica carinata
Oryza sativa, isoenzymes 5593, 9250	actin 10170	colour 6085
Phaseolus coccineus, isoenzymes 10673	auxins, reviews 5252	Erysiphe cruciferarum 2029
Phaseolus lunatus, isoenzymes 1702	brassinosteroids 1319	seeds 6085
Phaseolus vulgaris, isoenzymes 10673	cauliflower mosaic caulimovirus 91	Brassica (Chinese cabbages), Plasmodi
	cell division 6514	ophora brassicae 1809
Phyllanthus emblica, isoenzymes 5130	cucumber mosaic cucumovirus 3410	Brassica juncea
Picea echinata, isoenzymes 12469		colour 7284
Pinus albicaulis, isoenzymes 11199	2,4-D 6521	erucic acid 7284
Pinus attenuata, isoenzymes 7469	development 4254, 4269, 5250	Erysiphe cruciferarum 2029
Pinus brutia, isoenzymes 2172, 2174	reviews 1316	Leptosphaeria maculans 886
Pinus clausa, isoenzymes 5073	Erysiphe cichoracearum 1328	Brassica napus (rape)
Pinus greggii, isoenzymes 7471	Erysiphe cruciferarum 1328	colour 7282, 7284
Pinus halepensis, isoenzymes 6285	fatty acids 6521	erucic acid 7284
Pinus kesiya, isoenzymes 7473	flavonoids 82	Leptosphaeria maculans 13362
Pinus nigra, isoenzymes 1037	flowering 6510	male sterility 2016
Pinus pinaster, isoenzymes 3236	flowers 4269, 12648	Peronospora parasitica 3969
Pinus pinea, isoenzymes 4087	Fusarium oxysporum 8963	seeds 7282
Pinus strobus, isoenzymes 5072	gibberellins 5246	Brassica oleracea
Pinus sylvestris, isoenzymes 1034	growth regulators 5246	colour 726
Pinus taeda 1027, 1032	herbicides 6521	cytoplasmic male sterility 726
Pinus thunbergii, isoenzymes 2173	light 8949	male sterility 2933
Pinus virginiana, isoenzymes 5073	meristems 3397	self incompatibility 3815
Poa annua, isoenzymes 1621	nutrients 11465	Brassica oleracea (broccoli), yield con
Poa infirma, isoenzymes 1621	Peronospora parasitica 8959	ponents 9573
Poa supina, isoenzymes 1621	phytochrome 8949	Brassica oleracea (cabbages), male ste
polymerase chain reaction 39	potassium 11465	rility 8346
Populus nigra, isoenzymes 3220	Pseudomonas syringae 8959	Brassica pekinensis
Pyrola japonica, isoenzymes 10054	roots 3397	isoenzymes 9569
Quercus chrysolepis, isoenzymes 4068	reviews 1316	
Quercus glauca, isoenzymes 8711	salinity 11465	male sterility 8348
Quercus petraea, isoenzymes 5266, 8705	seeds 82, 4254	Cajanus cajan
Sarracenia rubra, isoenzymes 12548	stomata 6513, 11459	growth period 8289
Silene dioica, isoenzymes 11249	tobacco etch potyvirus 8964	habit 8289, 8291
statistics 39	trehalose 8942	height 8291
Theobroma cacao, isoenzymes 4014	tropisms 79	leaves 8289
Thymus vulgaris, isoenzymes 8854	Arachis hypogaea	pigeonpea sterility mosaic virus 65
Trifolium pratense, isoenzymes 6891	chlorophyll 12326	1738, 8289, 8293
Triticum, glucose-6-phosphate isomerase	leaves 12326	Camellia chrysantha
6620	Mycosphaerella berkeleyi 7330	colour 11231
Triticum aestivum	tomato spotted wilt tospovirus 11053	flowers 11231
gliadin 5355, 10290	Avena, height 9118	Camellia japonica
glutenins 10290		colour 11231
Triticum monococcum, isoenzymes 9035	Avena byzantina, avenin 10335	flowers 11231
Vicia, isoenzymes 1661	Avena sativa	Camellia sinensis 13407
	avenin 6678, 10335	Capsicum
Vicia benghalensis, isoenzymes 1659	Cochliobolus victoriae 10337	viruses 772
Vitis vinifera, isoenzymes 7201	β-glucan 11683	Xanthomonas vesicatoria 4783
Widdringtonia cedarbergensis,	height 9118	Capsicum annuum
isoenzymes 2187	peroxidases 6678	colour 5947
Widdringtonia nodiflora, isoenzymes	Puccinia coronata 1477-1478, 3536-	fruits 5947, 12121
2187	3537	isoenzymes 5948
Widdringtonia schwarzii, isoenzymes	Puccinia graminis 4315, 12815	Meloidogyne incognita 9620
2187	bacteria 2310	peroxidases 5948
Zea mays, isoenzymes 10463	Beta maritima	Phytophthora capsici 5956
Genetics 6537	annual habit 7357	tobacco etch potyvirus 3853
Actinidia, isoenzymes 4900	beet necrotic yellow vein furovirus	tobacco mosaic tobamovirus 10841
Actinidia deliciosa	2091	Xanthomonas campestris 4784
hermaphroditism 4893	Beta vulgaris	Capsicum chinense
sex 4893	beet necrotic yellow vein furovirus	fruits 12121
Aegilops	2087	tomato spotted wilt tospovirus 1212
chromosome breakage 10271	Cercospora beticola 2087	Capsicum frutescens, pepper mild moti
male sterility 10271	herbicides 8625	tobamovirus 7102
spring and winter habit 4370	Heterodera schachtii 2087	a .
vernalization 4370	imidazolinone 8625	Carica papaya, isoenzymes 13325
Aegilops tauschii	Polymyxa betae 2087	Carum carvi, flowering 1195
amylose 10287	Beta vulgaris (beetroots), betalain 2919	cereals
Erysiphe graminis 1444	Beta vulgaris (sugarbeet) 9833	books 7646
Agaricus bisporus, colour 10089	annual habit 7357	flowering 4309
,,	william riddit 1551	stress 4309

enetics cont.	Constinue cont	Comption
chimaeras 1366	Genetics cont. Fagopyrum homotropicum	Genetics cont.
Cicer arietinum	heterostyly 8109-8110	Helianthus annuus
Ascochyta rabiei 8287, 13139		colour 892
chlorosis 650	self incompatibility 8110  Fedia, fruits 8835	cytoplasmic male sterility 891
colour 13136	fertility 10224	flowers 9801
flowering 640	flowering 6538	habit 4970
flowers 11994	forest trees 990	Plasmopara halstedii 895
Fusarium oxysporum 8287, 9495	regenerative ability 9938	Helianthus argophyllus, flowers 9801
Helicoverpa armigera 8287	Evacaria Phytophthona fracariae 1024	Hevea, quality 7422
iron 650	Fragaria, Phytophthora fragariae 1934 Fragaria ananassa	Hibiscus cannabinus
leaves 11994, 13136	Anthonomus rubi 4870	colour 3212, 4060
nodulation 9494		flowers 3212
Citrullus lanatus, colour 1866, 5967	Colletotrichum acutatum 4861	stems 4060
Citrus maxima, citric acid 6053	Phytophthora fragariae 4862	history 3371, 6417, 6443-6446, 6529
Coffea arabica	Fragaria virginiana, flowering 832 Gerbera	conferences 7639
Colletotrichum kahawae 9856		Hordeum spontaneum, β-amylase 11676
Hemileia vastatrix 9865	colour 1090 flavonoids 1090	Hordeum vulgare
seeds 9865		aluminium 2517
Coffea liberica	flowers 1090	β-amylase 11676
caffeine 6159, 9871	Gladiolus tristis, Uromyces transversalis	anther culture 7894
glycosides 6159, 9871	11295 Chains fatty saids 1687	barley yellow dwarf luteovirus 6674
	Glycine, fatty acids 1687	barley yellow mosaic bymovirus 911
Coffea pseudozanguebariae caffeine 6159, 9871	Glycine gracilis, Pseudomonas syringae	canopy 5353
	1693	Cochliobolus sativus 3531
glycosides 6159, 9871	Glycine max	Erysiphe graminis 3532, 6671, 9108
Collinsia heterophylla, variegation 10019	Bradyrhizobium 1692	9110, 12802
computer programming 5196, 7662	Cercospora sojina 9449	flowering 4448
Coprinus cinereus, sex 10085	chlorophyll 9400, 9402	habit 5437
Corylus avellana, Anisogramma anomala	Chrysodeixis includens 11959	height 5437, 9097
2009	colour 9415	hordein 4454
crops	determinate and indeterminate habit	inflorescences 2505, 7884
diseases 3368	13081	leaves 5353
flowering 4285	Diaporthe phaseolorum 3726	plant composition 2511
gibberellins 12706	fatty acids 9429-9430	polyploidy 4452
growth regulators 12706	flowering 9411	Puccinia graminis 9111
Nematoda, books 2285	glycinin 1692, 6913	Puccinia hordei 7903
nitrogen 3431	Heterodera glycines 9457, 9459,	quality 242, 9101
nutrients 3431	10661	Rhynchosporium secalis 6669, 7902
Cryptomeria japonica	leaves 9398, 9402, 11940	salinity 4459
colour 8724	linolenic acid 582, 11950	soil toxicity 2517
leaves 8723-8725	lipoxygenase 5730	stems 5437
variegation 8726	male sterility 9386, 10640	toxic substances 2517
Cucumis melo	Melanagromyza sojae 9461	yield components 6663, 7891
Aphis gossypii 1864, 3860	necroses 9455	inbreeding depression 7649
cucumber mosaic cucumovirus 13243	nodulation 2801, 9441	mathematics 2365
cucurbit aphid-borne yellows lute-	palmitic acid 9429-9430	Iris germanica
ovirus 783	peroxidases 2794	colour 8813
Myzus persicae 3860	Phialophora gregata 594, 3728	flowers 8813
nomenclature 13240	photoperiodism 9411	Iris tectorum
quality 1853	Phytophthora sojae 5741, 9451-9452,	colour 8813
Sphaerotheca fuliginea 1859	13093	flowers 8813
squash mosaic comovirus 13243	plant disorders 3717	Lactuca sativa, Bremia lactucae 5896
Cucumis sativus 1879	Pseudomonas syringae 1693	Lathyrus sativus
leaves 5977, 10855	quality 4632	legumin 6898
parthenogenesis 5976	roots 9455	vicilin 6898
photosynthesis 12140	seedlings 9400	Lens
seedlings 5977	seeds 3717, 5730, 9415, 13080	Ascochyta fabae 2845
zucchini yellow mosaic potyvirus	soybean mosaic potyvirus 3731,	height 4664
1888	3733, 4638, 13096	Lens culinaris
Cucurbita pepo, sterility 1868	stearic acid 1684, 9430	Ascochyta fabae 2845
Cunninghamia konishii, isoenzymes	sterility 576, 9388	chlorosis 10703
12488	Xanthomonas axonopodis 8256	iron 10703
Cupressus lusitanica, Cinara cupressi	yield components 8249-8250	Uromyces viciae-fabae 10705
4102	Glycine soja	Libocedrus chilensis, isoenzymes 12487
Cyanococcus 7178	linolenic acid 582	Lilium
Cymbidium, isoenzymes 6365	Pseudomonas syringae 1693	flowering 11299
Dactylis glomerata, tissue culture 1627	Gossypium	quality 11304
Daucus carota	colour 11149, 13464	Linum usitatissimum (flax)
Alternaria dauci 9541	lethals 13464	Fusarium oxysporum 11158
colour 5821	quality 11149	Melampsora lini 7418
conferences 7631	Gossypium barbadense	Linum usitatissimum (linseed)
cytoplasmic male sterility 5821	fibres 11146	colour 3972
leaves 5821	history 13449	linolenic acid 3105
Meloidogyne hapla 5836	morphology 11144	Melampsora lini 7418
Meloidogyne javanica 5836	yields 11146	seeds 3972
roots 5821	Gossypium hirsutum	yield components 11024-11025
development, reviews 11488	books 7646	Lolium multiflorum, isoenzymes 13035
diseases 1257	chlorophyll 975	Lotus corniculatus, rhizomes 13056
reviews 7679	colour 13464	Lotus japonicus
dormancy, reviews 2389	fibres 11146	Glomus intraradices 13055
Eleusine indica	gossypol 2149	mycorrhizas 13055
herbicides 345	Helicoverpa armigera 5037	Lycopersicon, Oidium lycopersici 13224
oryzalin 345	history 13463	Lycopersicon esculentum
Elymus sibiricus, awns 2722	lethals 13464	Alternaria alternata 12110
Eucalyptus globulus	male sterility 11143	ammonium 9592
flowering 4065	morphology 11144	chlorophyll 5914
precocity 4065	quality 6216	development 2390
Fabaceae, nodulation 570	somatic embryogenesis 9922	fruits 2955, 9597
Fagopyrum esculentum	yields 11146	Fulvia fulva 7079, 9605
heterostyly 8109-8110	grasses, conferences 7633	leaves 2390
self incompatibility 8110	Hatiora, isoenzymes 7573	male sterility 12099

spines 7583

Genetics cont.	Genetics cont.	Genetics cont.
Lycopersicon esculentum cont.	Oryza sativa cont.	Pisum sativum cont.
Meloidogyne chitwoodi 4774	Orseolia oryzae cont.	seeds 10688
Meloidogyne hapla 4774	reviews 9290	Pleurotus, fructification 10084
nutrients 9592	phenols 6782	Pleurotus ostreatus
parthenocarpy 9589	phosphofructokinase 6784	fructification 10084
photosynthesis 5914	photoperiodism 1581, 5602, 8054,	techniques 3342
Phytophthora infestans 8324	8065, 10546	Poa pratensis, flowering 5651 pollen competition 1354
Pseudomonas syringae 9604	proteins 422, 8078	pollen germination 1354
quality 2955, 9597	quality 1597, 6815, 10557	Populus deltoides, Melampsora medusae
Ralstonia solanacearum 751-752,	regenerative ability 8075 rice tungro spherical waikavirus	8707
9897 temperature 9592	11852	Populus trichocarpa, Melampsora
tobacco mosaic tobamovirus 5930	rice yellow mottle sobemovirus 1605	medusae 8707
tomato mosaic tobamovirus 5929	salinity 11846	Primula sieboldii, heterostyly 3273
tomato spotted wilt tospovirus 4773,	seeds 1597, 8078	Prunus armeniaca
12114	sterility 2644	incompatibility 817
tomato yellow leaf curl bigeminivirus	sucrose synthase 6784	ribonucleases 12175
5929	temperature 8051, 12963	self incompatibility 12175
Lycopersicon hirsutum	tillering 5597	Prunus cerasifera, Meloidogyne 4804,
ammonium 9592	waxes 1583	10936, 13285
nutrients 9592	wide hybridization 397, 2644, 3617,	Prunus dulcis quality, reviews 9746
temperature 9592	12945 Xanthomonas campestris 10569	ribonucleases 7254
Lycopersicon peruvianum, tomato spotted	Xanthomonas oryzae 462, 1607-1608,	self incompatibility 2005
wilt tospovirus 4773, 12114  Lycopersicon pimpinellifolium	5623, 8097, 10569, 13008,	Prunus persica
Fulvia fulva 7079	13010	cytoplasmic male sterility 825
Ralstonia solanacearum 751	yield components 9256	fruits 1923
Malus pumila	yields 6784	Myzus persicae 10937
habit 8407	ovules, reviews 11488	seeds 825
Venturia inaequalis 1913, 2994-2995,	Panicum miliaceum, inflorescences 11754	Pyrus pyrifolia, self incompatibility
3876, 7137	Papaver somniferum	12170
Mangifera indica, isoenzymes 1991	codeine 1183	quantitative traits 1, 11474
Manihot esculenta, microsatellites 13178	morphine 1177	Quercus, seed dispersal 3218
mathematics 7743, 12671	pathogens 1253	Raphanus sativus, self incompatibility
Medicago murex, alfalfa mosaic	Pelargonium hortorum	12062
alfamovirus 2744	colour 11232	Rhododendron, cold resistance 12509
Medicago polymorpha, alfalfa mosaic alfamovirus 2744	flowers 11232  Pennisetum glaucum	Ribes, quantitative traits 7167 Ricinus communis
Medicago sativa	colour 12919	height 9817
nodulation 534	growth period 11764	spines 7332
seeds 522	height 2623, 11764-11765	Rosa hybrida, Diplocarpon rosae 6321
Mimulus guttatus	Moeziomyces penicillariae 11767	Saccharum
copper 11263	plant hairs 11767	buds 13394
nickel 1097	roots 11765	Glomerella tucumanensis 6134
toxic substances 1097, 11263	Sclerospora graminicola 10519	Saccharum officinarum
molybdenum cofactor, reviews 7685	seeds 12919	books 7646
morphology, reviews 3362	temperature 11765	Glomerella tucumanensis 3140
Musa 6039	Perilla frutescens, anthocyanins 909	Schlumbergera buckleyi
Nicotiana plumbaginifolia	Phaseolus acutifolius	isoenzymes 10048
light 3177	isoenzymes 2821	self incompatibility 10048
phytochrome 3177 Nicotiana tabacum	Uromyces appendiculatus 6934 Phaseolus vulgaris	Schlumbergera truncata
Phytophthora nicotianae 3184	bean common mosaic potyvirus 612	isoenzymes 10048
Ralstonia solanacearum 9897	bean golden mosaic bigeminivirus	self incompatibility 10048  Secale cereale
tobacco mosaic tobamovirus 12407	10679	α-amylase 2527
tobacco vein mottling potyvirus 4045	Colletotrichum lindemuthianum 1705,	cytoplasmic male sterility 12818
nutrients, conferences 4210	9479	hybrid chlorosis 4475
organelles 25	colour 2822, 3739, 4646, 10675	sprouting 2527
Oryza sativa 11771	habit 3739	yield components 12821
amylose 8077, 10556, 12989	isoenzymes 2821	seeds, reviews 2389
anther culture 6800, 10554	Macrophomina phaseolina 13117	Setaria italica
anthocyanins 6786, 8066	photoperiodism 3740	amylose 11758
aroma 1595-1596, 10559	Pseudomonas savastanoi 612	endosperm 11758
books 7641 chitinase 4549	seeds 2822, 3739, 10675	Solanum chacoense
	yield components 3740	glycoalkaloids 12031
chlorophyll 9251 Cochliobolus miyabeanus 10571	Picea abies	leptine 12031
cold 2644	isoenzymes 13515 phosphoenolpyruvate carboxylase	self compatibility 6990
colour 431, 5595, 9251	13515	Verticillium albo-atrum 1774
compatibility 12945	quality 7480	Solanum melongena colour 4775
cytoplasmic male sterility 1576, 3621,	Picea sitchensis, quality 7480	development 4776
5590, 8057, 10539, 12951,	Pinus caribaea, development 12460	diseases 8384
12963-12965	Pinus oocarpa, development 12460	flowers 4775
development 12984	Pinus patula, development 12460	fruits 4775-4776
flowers 8061	Pinus sylvestris, air pollution 13508	insects 8384
gibberellic acid 1582	Pinus taeda, Cronartium fusiforme 4092	Solanum phureja
globulins 8084	Pisum sativum	potato X potexvirus 9537
growth period 1581, 5602, 10546	dehydrins 10692	self compatibility 6990
growth regulators 1582	development 2390, 8278	Solanum tuberosum
height 1582, 2652, 2654, 9252, 12974 ideotypes 9245	Erysiphe pisi 2844	chlorophyll 13165
leaves 431, 1583, 5595, 9251	flowering 3756	colour 13165
Magnaporthe grisea 467, 469, 1605,	fruits 6945, 8278	Erysiphe pisi 8327
2677, 4566, 5631, 6839, 8100,	gibberellins 8278	Phytophthora infestans 693-694, 832
13016	β-hydroxylase 2836 IAA 8278	potato S carlavirus 7005
male sterility 4545, 6775, 8051, 8054	leaves 2390, 2841	potato V potyvirus 4699
morphology 8061	nitrogen 2841	potato X potexvirus 9537 yield components 10741
Nephotettix cincticeps 8107, 11852	nitrogenase 2843	Solanum viarum
Nilaparvata lugens 473	nodulation 2843, 3759	solasodine 13586
Orseolia oryzae 6845, 10577	nutrients 2841	spines 7583

Ge

netics cont.	Genetics cont.	Genetics cont.
Sorghum bicolor	Triticum aestivum cont.	Zea mays cont.
apomixis 2606	yield components 5367, 7800, 7815,	recombination 295
male sterility 2608	12729	seeds 4254, 7985, 10476
yield components 8018	yields 4372, 5359	Setosphaeria turcica 4511
statistics 7662	Triticum durum	Sitophilus zeamais 7985
conferences 8871	amylose 10287	somatic embryogenesis 2585
Theobroma cacao	cadmium 3461	Spodoptera frugiperda 7986, 7996
Phytophthora megakarya 4017	glutenins 2443, 9045	Stenocarpella maydis 9179
Phytophthora palmivora 934, 4017	Puccinia graminis 217 Puccinia recondita 6642, 7863,	sucrose synthase 12879 sugarcane mosaic potyvirus 10493
Trifolium pratense, alfalfa mosaic alfamovirus 5702	11649	tryptophan 10476
Trifolium repens	Puccinia striiformis 1438	wheat streak mosaic rymovirus 358
development 8208	quality 9045	yield components 2584, 5510, 7932
linamarase 10617	stomata 5365	10464, 11713
roots 8208	transpiration 5365	yields 5509
shikimate dehydrogenase 10617	yield components 11596	zein 3562, 3575
Tripsacum dactyloides, apomixis 5550	Triticum macha, waterlogging 2463	Genista, taxonomy 6319
triticale 12832	Triticum monococcum	Genomes 3417
α-amylase 7913	Pseudocercosporella herpotrichoides	Aegilops comosa 2485
gibberellic acid 7761	2464 Pugainia graminia 11649	Aegilops crassa 2485
height 7761, 7914, 10345	Puccinia graminis 11648 Puccinia recondita 11648	Aegilops tauschii 2485 Allium cepa
sprouting 10344	sprouting 10344	DNA hybridization 4724
Triticum 2404	Triticum polonicum, quality 5382	repetitive DNA 4724
cadmium 210 nickel 210	Triticum turgidum 6566	Allium fistulosum
quality 5382	hybrid necrosis 7790	DNA hybridization 4724
spring and winter habit 4370	inflorescences 7813	repetitive DNA 4724
toxic substances 210	yield components 11596	Allium roylei
vernalization 4370	Tulipa, quality 11304	DNA hybridization 4724
Triticum aestivum 6649	Vaccinium 7178	repetitive DNA 4724
Alternaria triticina 3496	variegation 1366	Arabidopsis thaliana 12619
aluminium 2461, 3491	Vicia faba	Arachis hypogaea 7327
α-amylase 167-168	esterases 8264	Avena eriantha 6636
amylose 7810	isoenzymes 9467	Avena maroccana 6636
catalogues 5336, 11554	peroxidases 8264 Vigna mungo, mung bean yellow mosaic	Avena nuda 6636 Brassica, DNA hybridization 4947
chromosome breakage 10271	bigeminivirus 5790	Brassica juncea 7284
chromosome pairing 9017	Vigna unguiculata	Brassica napus (rape) 3087, 7284
Cochliobolus sativus 3496, 5408	cold resistance 664	Brassica oleracea (cabbages) 3087
cold resistance 206, 2462, 3488, 5386	colour 6965-6966, 12016	Brassica pekinensis 3087
colour 11569	dehydrins 664	cereals 139
diseases 9067	flowers 12016	evolution 399
Diuraphis noxia 2482, 9082, 11658 drought resistance 2462	fruits 6966	Elymus 2721, 4585, 6869, 6871
Erysiphe graminis 215, 1429, 3500,	heat resistance 9498	genetic markers 11886
4428, 5412, 7857, 7859, 7861,	Uromyces appendiculatus 6970, 8299	random amplified polymorphic DN
12759	Vitis	11886
gibberellic acid 7761	Elsinoë ampelina 8458 fruits 8448	restriction fragment length polymor phism 11886
gliadin 2442, 2452, 4390, 5385,	Plasmopara viticola 4883	Elymus grandis 4585
7834, 7836, 10286, 11616	quality 8452	Festuca arundinacea, random amplified
glumes 11569	Uncinula necator 3054	polymorphic DNA 6863
glutenins 162, 2450, 2452, 4390,	Vitis amurensis	forest trees 9934
6624, 7823, 11583, 11616	Plasmopara viticola 12239	Gossypium 3193, 12414
habit 2424	sex 6031	Gossypium arboreum 6199
height 2423, 3463, 4379, 5351, 6522, 7761, 7800, 7807, 10345,	Vitis vinifera 13291	Gossypium hirsutum 6199
11570, 11584, 12729	Elsinoë ampelina 8458	Gossypium trilobum 6199
hybrid chlorosis 4475	fertility 4874	Leymus 2721, 6871
hybrid necrosis 7790	leaves 7203 quality 9676	Lolium perenne, random amplified polymorphic DNA 6863
inflorescences 2424, 7813	seedlessness 3042	molecular genetics, books 4213
male sterility 5348, 10271, 11567	yield components 9676	Oryza latifolia
morphology 6617, 9036	Zea, evolution 11724	DNA hybridization 400
photoperiodism 206, 3457, 4375	Zea mays	fluorescence in situ hybridization
proteins 4372	acid phosphatase 7952	4543
Puccinia 7773-7775, 7777	anthocyanins 1506, 1508, 3569	Oryza minuta, fluorescence in situ
Puccinia graminis 4315, 6647, 7772,	Aspergillus flavus 3582	hybridization 4543
7865, 7869, 12765	Cochliobolus carbonum 3581, 6725	Pinus 1041
Puccinia recondita 219, 222, 1429, 1435-1437, 2472-2473, 3504-	cytoplasmic male sterility 1494, 1497,	Poaceae 2369 Raphanus sativus, DNA hybridization
3505, 4430, 4435, 6642, 6647,	4495 dehydrins 12875	4947
7772, 7863, 7866, 9074, 10306-	development 2580, 4254	Solanum acaule, restriction fragment
10307, 11646, 11653-11654,	Diatraea grandiosella 7996	length polymorphism 2876
12765	evolution 11724	Solanum tuberosum, restriction fragmen
Puccinia striiformis 7772, 7867,	Fusarium 9180	length polymorphism 2876
12764, 12766	height 301	Zea mays 5492, 12619
quality 2442, 2450, 4389, 5359,	Helicoverpa zea 7967, 7984	Genotype environment interaction 6431-
6630, 11616	high plains virus 3586	6432
spikelets 11593, 12733	history 10393	Abelmoschus esculentus, yield compo-
sprouting 168	inflorescences 2579	nents 10857
starch synthase 12730	leaves 301	Ananas comosus 9728 Arabidopsis thaliana, flowering 12655
stems 11594	maize streak monogeminivirus 6726	Arachis hypogaea
stomata 169 Tilletia laevis 6645	maysin 7967 meiosis 4494, 10400	seeds 13378
Tilletia tritici 6645, 12761	morphology 10462	yield components 6101-6102
toxic substances 3491	mycotoxins 3581-3582	Avena sativa 4472, 7764
Ustilago segetum 7862	plant composition 10476	Beta vulgaris (beetroots), nitrates 8338
vernalization 2420, 4375, 4380, 9032,	Puccinia polysora 3585	Beta vulgaris (sugarbeet)
11588	Puccinia sorghi 3584, 5540	computer programming 8623
wheat soil-borne mosaic furovirus	quality 10476	yields 8621
9079	quantitative traits 7931	Brassica napus (rape), statistics 12289

Genotype environment interaction cont.	Genotype environment interaction cont.	Geranyltranstransferase cont.
Cajanus cajan, yield components 6958	statistics 7672	Artemisia annua, nucleotide sequences
Carthamus tinctorius, yield components	triticale	2234
12316	mathematics 8892	Zea mays
Cicer arietinum, yield components 9493,	sprouting 7915	gene expression 1487
10708, 10712	Triticum aestivum 6634, 7764, 7842,	nucleotide sequences 1487
Coffea arabica, quality 9869	9057	Gerbera colour, genetics 1090
crops, diseases 8897	heat resistance 4411	flavonoids, genetics 1090
Cucumis sativus, cold resistance 792	irrigation 7843 mathematics 11623	flowers, genetics 1090
Daucus carota, yield components 5831 Eucalyptus regnans 7430	nutrients 7843	genetic transformation 7526
Fagopyrum tataricum 5640	quality 187, 191, 2453, 4394	Gerbera hybrida
Festuca rubra	reviews 6635	flowers, multivariate analysis 12524
rhizomes 4582	yield components 201, 2433, 2455,	β-glucuronidase, genetic transformation
tillering 4582	11602, 11622, 11627, 12749	10011
forest trees, mathematics 6260	yields 2432, 2453, 11600	quantitative traits
Fragaria ananassa, yield components	Triticum durum	genetic variance 12524
7186	mathematics 10295	heritability 12524  Gerbera jamesonii
Glycine max, quality 583	quality 10291 yield components 201, 2455, 11602	inflorescences, induced mutations 7535
Gossypium hirsutum 9926 quality 8680	vegetables 7756	radiation 7535
yield components 11145	Vicia faba, mathematics 8892	tissue culture 7535
Helianthus annuus	Vigna radiata 2867	Germacrene C synthase
fatty acids 12306	Vitis vinifera	Lycopersicon esculentum
water balance 12306	development 10950	gene expression 8366
Hevea brasiliensis	quality 840, 3050	nucleotide sequences 8366
development 7421	Zea mays	Germin
girth 11169	crossing over 6719	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
latex 11169	digestibility 2589	tion 7814
Hordeum vulgare 7764	growth period 5522	Triticeae nucleotide sequences 4308
harvest index 12787	mathematics 8892	polymerase chain reaction 4308
Pyrenophora teres 7901 quality 7896	phosphorus 10483 Sitophilus zeamais 12898	Triticum aestivum, genetic engineering
yield components 7896	yield components 3549, 6711, 9176,	7814
yields 12787	11728, 12889	Germination 11385
Linum usitatissimum (linseed)	yields 5522, 9174-9175	Acer platanoides 11191
lipoxygenase 3106	Genotype mixtures	Acer pseudoplatanus 11191
yield components 2030	Avena sativa 5464	Allium 1797
Lolium perenne, seasonal growth 4579	Glycine max 5742	Amaranthus 3665
Lotus corniculatus	Gossypium hirsutum 978	Arabidopsis thaliana
tannins 2760	Salix 6272	gene expression 6499
yield components 2760	Solanum tuberosum 8325 Triticum aestivum 2470	mutations 1306
Lotus uliginosus tannins 2760, 10624	Gentiana  Gentiana	Arachis hypogaea 8564 Avena 263
yield components 2760	Agrobacterium rhizogenes, genetic trans-	Beta vulgaris (sugarbeet) 3149, 6154,
Lycopersicon cheesmanii, salinity 750	formation 3269	9848, 11084
Lycopersicon esculentum, salinity 750	cytotaxonomy 8796	Blandfordia grandiflora 10026
Lycopersicon pimpinellifolium, salinity	genetic transformation 6327	Borago officinalis 1161
750	tissue culture 1092	Brassica campestris 874
mathematics 1251, 3366, 6433, 8890-	Gentiana scabra	Brassica napus (rape) 874
8891	drought resistance 12525	Carum carvi 1161
Medicago sativa, seed production 8193-	tissue culture 12525	Cicer 635
8194 multivariate analysis 7673-7674, 7676	Gentiana triflora naringenin-chalcone synthase	Cnicus benedictus 1161
Musa 8464	genetic engineering 6325	Cucumis sativus 13266
Oryza sativa 12996	promoters 6325	Datura stramonium 1161 Dioscorea 707
flowering 6790	Geography	Festuca 499
growth period 5618	Dactylis glomerata 1625	Festuca gigantea 497
lysine 1594	Dichondra micrantha 8765	Foeniculum vulgare 1161
proteins 1594	Diospyros kaki 4928	Glycine max 9442
quality 3637, 9272, 11823	Fagopyrum tataricum 1618	gene expression 13077
sowing date 6790	fodder legumes 11925	nucleotide sequences 13077
yield components 5617, 8087, 9261,	grain legumes 11925	Gossypium hirsutum 8674
11815, 11831-11833, 12981	Origanum 2258	Hordeum vulgare, nucleotide sequences
parthenogenesis 5277 Pennisetum glaucum, yield components	Penstemon hirsutus 12530	11671
12920	Penstemon tenuiflorus 12530 Phaseolus vulgaris 606	Lens culinaris 633, 8286
Picea abies, quality 7480	Quercus, chloroplast genetics 2159	Lesquerella fendleri 3129
Picea sitchensis, quality 7480	Quercus petraea, chloroplast genetics	Leucaena leucocephala 2764 Leucospermum conocarpodendron 7506
Pinus contorta, quantitative traits 2177	9945	Leucospermum patersonii 7506
Pinus elliottii 1042	Quercus robur, chloroplast genetics 9945	Lycopersicon esculentum 1830, 9601
Poa pratensis, transpiration 5653	Stylosanthes hamata 8219	heritability 749
Populus deltoides 8890	Stylosanthes scabra 8219	mutations 744
Populus trichocarpa 8890	Stylosanthes seabrana 8219	Lycopersicon pennellii 1830
Pseudotsuga menziesii, height 7484	Geonoma cuneata, flowering 5066	Lycopersicon pimpinellifolium 1830
reviews 5197	Geonoma irena, flowering 5066	Nemophila menziesii, maternal effects
Saccharum officinarum quality 6129, 7349	Geraniol, Cymbopogon winterianus, muta-	3278
yields 6129	tions 7603	Nicotiana tabacum, gene expression 317
Sesamum indicum, yield components	Geranium (see also Pelargonium) nomenclature 3290	Oryza sativa
2070, 12338	Geranium purpureum, nucleic acids 6330	artificial selection 11847, 13006
Solanum tuberosum	Geranium sylvaticum, nucleic acids 6330	heritability 11847
Streptomyces scabies 690	Geranylgeranyl pyrophosphate synthase	pleiotropy 5605 Pennisetum glaucum 11764
yields 9528	Arabidopsis thaliana	Phlox drummondii, heritability 5106
Sorghum bicolor 4523	gene expression 58, 889	Picea abies 9978
Colletotrichum graminicola 8897	nucleotide sequences 58	Prunus avium 11191
nitrogen 9197	Sinapis alba, gene expression 889	Prunus persica 3022
water balance 9197	Geranyltranstransferase	Ricinus communis
yield components 6733, 12913, 12915 yields 10506	Arabidopsis thaliana	gene expression 13382
Sorghum propinguum 4523	gene expression 4238	nucleotide sequences 13382
O The Property Control	nucleotide sequences 4238	Secale cereale 12827

ermination cont.	Commentages relaces and	
Shorea robusta 1017	Germplasm releases cont. Gossypium hirsutum cont.	Gibberella Triticum aestivum 3498
Sorghum bicolor 9198	Lygus lineolaris 3200, 3204	Zea mays, genetic transformation 4510
Stylosanthes humilis 5711	Meloidogyne incognita 2146, 6225,	Gibberella acuminata, Triticum aestivum
Trifolium repens, allelopathy 8213 triticale 275	6231, 13482 pathogens 13474	5404
Triticum aestivum 11560, 12731	pests 3199, 6226-6227	Gibberella avenacea, Triticum aestivum 5407
molecular genetics 12727	quality 3189, 6218, 11150	Gibberella fujikuroi
Triticum dicoccoides 11590	Rotylenchulus reniformis 2131, 2146,	Ananas bracteatus, genetics 9729
Vitis vinifera 1944 Zea mays 5504	6225, 6231 Vanthomores aronano dia 6225	Ananas comosus, genetics 9729
gene expression 299	Xanthomonas axonopodis 6225 Xanthomonas campestris 3200, 3204	Asparagus officinalis, in vitro selection 13202
genetic variance 11710	Helianthus	Mangifera indica 8475
germplasm releases 2581 heritability 11710	cytoplasmic male sterility 3974-3975	Oryza sativa 463
nucleotide sequences 299	hybrid seed production 3975  Helianthus annuus, hybrid seed produc-	Sorghum bicolor 338 Zea mays 1523, 5538, 11736
ermins	tion 3973	artificial selection 5539
Arabidopsis thaliana	Hordeum vulgare, quality 10326	gene expression 12894
gene expression 52 nucleotide sequences 52	Lesquerella fendleri, fatty acids 6113	Gibberella zeae
ermplasm, Glycine max, Phakopsora	Lolium multiflorum diclofop 2714	Agropyron 501 Elymus 501
pachyrhizi 4636	herbicides 2714	Hordeum 5315
ermplasm banks (see Gene banks)	Lycopersicon esculentum	Hordeum vulgare 253
ermplasm releases Aeschynomene evenia, grazing 2771	colour 4767	Secale 5315 triticale 5315
Arachis hypogaea 3983-3984, 11043-	quality 4767 Medicago sativa	Triticeae 2704, 4313
11044	cold resistance 10614	Triticum aestivum 4420-4421, 4424,
diseases 2061 dormancy 2054	salinity 10614	5407, 9068-9069, 9071, 10250,
fatty acids 11048	Oryza sativa	10299 artificial selection 2466, 2468, 11642
Leptosphaerulina crassiasca 11052	cytoplasmic male sterility 12955 male sterility 5587	chromosome substitution 1431
Mycosphaerella arachidis 11052	Pennisetum glaucum	gene location 1431
Mycosphaerella berkeleyi 11052 nitrogen fixation 3120	Claviceps fusiformis 10520	in vitro selection 4426, 9072
pests 2061	cytoplasmic male sterility 2620,	Zea mays 1526, 4513, 6723, 7954 artificial selection 5539
Puccinia arachidis 11052	10514, 10520-10521 hybrid seed production 2621	techniques 1524
seeds 2054, 11048	Sclerospora graminicola 10520-	Gibberellic acid
Beta maritima, Meloidogyne 2093 Beta vulgaris (sugarbeet)	10522	Arabidopsis thaliana gene expression 10186
beet necrotic yellow vein furovirus	Tolyposporium penicillariae 10520- 10521	mutations 10186
2092, 3156	Phaseolus vulgaris	Boehmeria 5044
cytoplasmic male sterility 3155	bean common mosaic necrosis	Dioscorea 707
Rhizoctonia solani 3155 Brassica carinata, fatty acids 11019	potyvirus 1706	Fagus sylvatica 1003 Gossypium hirsutum 2139
Brassica napus (rape)	bean common mosaic potyvirus 1706  Phleum pratense, forage 10598	Hordeum vulgare, gene expression 3524
cold resistance 3098	Pisum sativum 2830	Oryza sativa, genetics 1582
male sterility 2016	nodulation 10690	triticale, genetics 7761  Triticum aestivum 1428, 2417, 5356,
Cajanus cajan Fusarium udum 10523	Rhizobium 10690	5361
male sterility 10523	Solanum tuberosum, Phytophthora infes- tans 7002	gene expression 9031
outcrossing 10713	Sorghum bicolor	gene mapping 2421
proteins 1735 quality 1735	cytoplasmic male sterility 2607, 2609	genetics 7761 <b>Gibberellin 3-β-dioxygenase,</b> Arabidopsis
Capsicum annuum, Meloidogyne incog-	drought resistance 2615 height 2610-2611, 10504	thaliana, gene expression 11456, 12640
nita 2972	male sterility 2608	Gibberellin 20-oxidase
Cicer arietinum Ascochyta rabiei 1729	Sorghum sudanense, cytoplasmic male	Nicotiana tabacum gene expression 13427
cold resistance 1729	sterility 10502-10503	nucleotide sequences 13427
Fusarium oxysporum 1729	Trifolium, polyploidy 2748, 5699 Triticum aestivum	Gibberellin dioxygenase
Helicoverpa armigera 1732	aluminium 1427	Cucurbita maxima
Cicer echinospermum, Callosobruchus chinensis 1733	barley yellow dwarf luteovirus 2477	gene expression 786 nucleotide sequences 786
Citrullus lanatus, watermelon mosaic 2	Diuraphis noxia 1442, 2479-2480	Pisum sativum, nucleotide sequences 620
potyvirus 5968	Erysiphe graminis 10301 glutenins 2450	Gibberellins
Cucumis sativus, quality 1876	height 7799	Arabidopsis thaliana gene expression 6479, 6481, 10174,
Dactylis glomerata, Puccinia graminis 10585	Mayetiola destructor 1443	11456, 12640
Eleusine coracana, male sterility 2626	nucleocytoplasmic interaction 2412	genetics 5246
Elymus elymoides 5663	photoperiodism 12717 Puccinia recondita 222, 1440-1441	mutations 78, 3399, 4261, 5246, 6481, 8944, 11455
Festuca arundinacea aneuploidy 10590	quality 2450	nucleotide sequences 3399, 6479
Puccinia graminis 2719	soil toxicity 1427	crops, genetics 12706
Fragaria ananassa, quality 4855	Tilletia laevis 10304 Tilletia tritici 10304	Hordeum vulgare
Glycine max 10631, 10635	Ustilago segetum 10303	gene expression 11664 nucleotide sequences 11664
cytoplasmic male sterility 9387  Heterodera glycines 10652	Triticum durum	mutations 12705
lipoxygenase 3719	cadmium 1409	Nicotiana tabacum
male sterility 10640	photoperiodism 12717 Vigna unguiculata, blackeye cowpea	gene expression 13428 genetic transformation 13428
Meloidogyne javanica 2808	mosaic potyvirus 1741	Oryza sativa 8062
nutritive value 3719 Phialophora gregata 3728	Zea mays 2548-2551, 3548, 5477, 10352	male sterility 5585
Phytophthora sojae 10652	germination 2581	Pisum sativum
soybean mosaic potyvirus 3733	hybrid seed production 1481, 5545 maize chlorotic mottle	genetics 8278 mutations 2836, 3754, 8278, 13123
Gossypium, cytoplasmic male sterility	machlomovirus 5545	Populus, gene expression 4073
973 Gossypium barbadense 2129	maize mosaic nucleorhabdovirus 1530	Zea mays, mutations 2574
Gossypium hirsutum 2132-2133	Meloidogyne arenaria 10494	Gigaspora margarita, Pisum sativum, gene
diseases 3189, 3199, 6226-6227	Meloidogyne incognita 10494 Puccinia sorghi 5541	expression 13124  Gilia capitata, natural selection 3286
drought resistance 13474 Helicoverpa zea 3200, 3204	seedlings 2581	Ginkgo biloba
Helioverpa zea 3200, 3204	sugarcane mosaic potyvirus 5545	artificial selection 6299

Ginkgo biloba cont.	Globodera rostochiensis	β-Glucanase cont.  Pinus radiata cont.
chlorophyll, gene expression 4081 chromosome aberrations 6300	Solanum tuberosum 1785, 2883, 4703, 13174	nucleotide sequences 8715
fertility 8722	gene mapping 9538	Triticum aestivum
glutamate-ammonia ligase, gene expres-	genetic markers 9538	gene expression 1421
sion 4081 glutamate synthase, gene expression 4081	linkage 1771 molecular genetics 1771	nucleotide sequences 1421  Glucans
meiosis 6300	Globulins	Pisum sativum
pollen, storage 8722	Arabidopsis thaliana	gene expression 9489
pollination, techniques 13518	molecular genetics 10196	nucleotide sequences 9489
tissue culture 11212-11213 Girth	mutations 10196  Elaeis guineensis	Glucokinase Solanum tuberosum
Hevea brasiliensis	cell culture 13372	gene expression 12030
genotype environment interaction	somatic embryogenesis 13372	genetic transformation 12030
11169 horitohility, 11160	Glycine max gene expression 10641	Glucose oxidase  Brassica napus (rape), genetic transfor-
heritability 11169  Pseudotsuga menziesii, artificial selection	mutations 10641	mation 9898
11208	Nicotiana tabacum	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
Gladiolus	gene expression 3170	tion 9898
bean yellow mosaic potyvirus, genetic transformation 7558	genetic transformation 3170  Oryza sativa	Glucose-1-phosphate adenylyltransferase Arabidopsis thaliana
Fusarium oxysporum 5121, 11294	gene mapping 8084	gene expression 4260
artificial selection 11292	genetics 8084	mutations 4260
in vitro selection 7557, 11291	induced mutations 8084	nucleotide sequences 4260
gamma radiation 13574 induced mutations 13574	restriction fragment length polymor- phism 8084	Citrullus lanatus gene expression 10846
isoenzymes 4147	Vicia faba	nucleotide sequences 10846
peroxidases 4147	molecular genetics 10196	Hordeum vulgare, gene expression 5432
tissue culture 4147 Gladiolus callianthus	mutations 10196 Vigna vexillata, polymorphism 6975	Lycopersicon esculentum
flowers 10034	Gloeosporium (see also Colletotrichum;	gene expression 13209 genetic transformation 3789
Fusarium 10034	Elsinoe; Glomerella; Pyrenopeziza)	nucleotide sequences 13209
Gladiolus dalenii	Glomerella (see also Colletotrichum)	Manihot esculenta, genetic transformation
flowers 10034 Fusarium 10034	Glomerella cingulata Lupinus 13053	12047
Gladiolus garnierii	Lycopersicon esculentum 9606	Nicotiana tabacum, gene expression 11121
flowers 10034	Mangifera indica 8474	Solanum tuberosum
Fusarium 10034	in vitro selection 9718	genetic engineering 3789
Gladiolus grandiflorus, in vitro selection 11287	Stylosanthes 8224-8225 Stylosanthes guianensis 6894	genetic transformation 3789, 4690
Gladiolus tristis, Uromyces transversalis,	Stylosanthes humilis, gene expression	Zea mays gene dosage 10435
genetics 11295	1665	genetic engineering 12874
Glands (see Plant glands) Gleditsia triacanthos	Glomerella tucumanensis Saccharum, genetics 6134	mutations 10435, 12874
cultivars, Limegold 8731	Saccharum officinarum 2081, 6132,	Glucose-6-phosphate isomerase
gene flow 12457	9828, 11069, 12352	Aegilops, genetic variation 6620 Dioscorea, phylogeny 4713
population genetics 12457 Gliadin	genetics 3140	Dioscorea tokoro, nucleotide sequences
Aegilops 11619	Glomus intraradices Lotus japonicus	9549
Aegilops tauschii 11661	genetics 13055	Lolium rigidum, polymorphism 5658
Amblyopyrum mutica 11619	mutations 13055	Triticum, genetic variation 6620 β-Glucosidase
Nicotiana tabacum, genetic transformation 7822	Nicotiana tabacum, gene expression 9889 Zea mays, gene expression 9154	Sorghum bicolor
Triticum 11619	Glomus mosseae	gene expression 9190
gene mapping 5378	Pisum sativum	nucleotide sequences 9190 Tropaeolum majus
restriction fragment length polymor- phism 5378	gene expression 625	gene expression 12522
Triticum aestivum 2440, 4402, 11571	nucleotide sequences 625  Gloriosa superba, colchicine, heritability	nucleotide sequences 12522
aneuploidy 9046	1167	Zea mays
chromosome translocation 12723	β-Glucan	amino acids 10443 isoenzymes 10444
gametoclonal variation 2445 gene expression 6638, 7822	Avena sativa 140 genetics 11683	α-Glucosidase
gene location 11616	Hordeum vulgare 140, 7897	Beta vulgaris (sugarbeet), nucleotide
genetic engineering 7822	Glucan branching enzyme	sequences 922
genetic variation 5355, 10290 genetics 2442, 2452, 4390, 5385,	Aegilops tauschii, gene mapping 2483	Hordeum vulgare, gene expression 1278 Solanum tuberosum
7834, 7836, 10286, 11616	Arabidopsis thaliana gene expression 11431	gene expression 5796
multivariate analysis 12745	nucleotide sequences 11431	genetic engineering 5796
nucleotide sequences 11609	Oryza sativa, gene mapping 3633	nucleotide sequences 5796
polymerase chain reaction 6627 polymorphism 12745	Triticum aestivum, genetic transformation 7831	Glucosinolates  Arabidopsis thaliana, natural selection
somaclonal variation 2445, 10289	Zea mays, mutations 9172	2362
techniques 1408	Glucan endo-1,3-β-D-glucosidase	Brassica 7044, 9786
Triticum boeoticum 11592	Hordeum vulgare	genetic engineering 12286
Triticum durum 4398 gene expression 6638	gene expression 11665 nucleotide sequences 11665	genetics 12286 reviews 9784
Triticum urartu 11592	β-Glucanase	Brassica campestris
Globodera	Citrus sinensis	artificial selection 8526, 12294
Solanum tuberosum 1782 genetic transformation 1783	gene expression 8468	pleiotropy 8526
Globodera pallida	nucleotide sequences 8468 Nicotiana tabacum, gene expression	Brassica juncea 8527 artificial selection 887
Solanum sparsipilum 696	12405	Brassica napus (rape) 2025
Solanum tuberosum 696, 4703-4704,	Triticum aestivum 12762	artificial selection 9771
13174 amplified fragment length polymor-	Beta vulgaris (sugarbeet)	Camelina sativa 8588
phism 1781, 12041	gene expression 9841 nucleotide sequences 9841	Sinapis alba, artificial selection 887 Glucosyltransferase, Lycopersicon esculen
gene mapping 1781, 9538, 12041	Hordeum vulgare, genetic transformation	tum, gene expression 8378
genetic markers 9538 repetitive DNA 12041	1460	β-Glucuronidase
Solanum (tuberous species) 12036	Nicotiana tabacum, gene expression 5007 Pinus radiata	Arabidopsis thaliana
Solanum vernei 696	gene expression 8715	gene expression 11918 genetic markers 11918

β-Glucuronidase cont.	Glutamate-ammonia ligase cont.	Glutathione transferase cont.
Coffea canephora gene expression 9862	Medicago sativa cont.	Zea mays
genetic transformation 9862	genetic engineering 9326  Medicago truncatula	gene expression 4478 nucleotide sequences 4478
Gerbera hybrida, genetic transformation	gene expression 1650	Glutelins
10011	nucleotide sequences 1650	Elymus 3470
Kalanchoe blossfeldiana	molecular genetics 137	Oryza sativa
gene expression 10044	Pinus pinaster, gene expression 4081	gene expression 375, 383, 10530,
genetic transformation 10044  Lotus japonicus	Raphanus sativus, gene expression 4716	10532
gene expression 11918	Zea mays, gene expression 304, 10433 Glutamate-cysteine ligase	genetic transformation 375, 10530
genetic markers 11918	Brassica juncea	induced mutations 417 promoters 375
Lycopersicon esculentum	gene expression 7297	Triticum aestivum 3470
gene expression 8365	nucleotide sequences 7297	Gluten
genetic transformation 8365  Malus pumila	Populus	triticale 12846
gene expression 7126	gene expression 11185 genetic transformation 11185	Triticum aestivum, genetic engineering
genetic transformation 7126	Populus canescens, genetic transforma-	183 Glutenins
Nicotiana plumbaginifolia	tion 5062	Aegilops tauschii 11661
gene expression 2101, 9895	Glutamate decarboxylase	triticale, chromosome substitution 7919
genetic engineering 2101, 9895	Arabidopsis thaliana, nucleotide	Triticum
Nicotiana tabacum combining ability 12386	sequences 11423	gene mapping 5378
gene expression 2101, 11918, 12386	crops 6435 Glutamate dehydrogenase, Capsicum	restriction fragment length polymor-
genetic markers 11918	annuum 10836	phism 5378  Triticum aestivum 2440, 3477-3478,
genetic transformation 2101, 9895	Glutamate synthase	5379, 5381, 11571, 11573-11574
Vicia narbonensis	Arabidopsis thaliana	aneuploidy 9046
gene expression 10665	gene expression 4271, 10173	chromosome substitution 3471
genetic transformation 10665	mutations 4271	chromosome translocation 9049,
Vigna unguiculata, genetic transformation 9496	nucleotide sequences 4271, 10173  Ginkgo biloba, gene expression 4081	12723
Zea diploperennis 10442	Pinus pinaster, gene expression 4081	gametoclonal variation 2445
Zea mays 10442	Zea mays, gene expression 304	gene dosage 4400 gene expression 6626, 6638, 12741
gene expression 12863, 12869	Glutamate synthase (ferredoxin)	gene location 11616
genetic transformation 10372, 12863,	Vitis vinifera	genetic engineering 4391
12869 Oryza sativa	gene expression 1939	genetic transformation 4391, 6626,
gene expression 9228	nucleotide sequences 1939- Glutamine amidotransferase	7830, 10293
genetic transformation 9228	Arabidopsis thaliana	genetic variation 10290
Torenia fournieri, gene expression 8790	gené expression 11457	genetics 162, 2450, 2452, 4390, 6624, 7823, 11583, 11616
Glufosinate	nucleotide sequences 11457	germplasm releases 2450
Beta vulgaris (sugarbeet), genetic trans-	Glutamyl-tRNA reductase	molecular genetics 7835
formation 6148	Hordeum vulgare gene expression 3520, 5434	mutations 3469
Brassica napus (rape) gene expression 3971	nucleotide sequences 5434	nucleotide sequences 9043, 11607,
gene flow 872	Glutathione	11609
genetic transformation 872, 3971,	Arabidopsis thaliana	polymerase chain reaction 6627, 11607
6441, 12272	gene expression 11472	quality 5383
genetic transformation 12610	nucleotide sequences 11472	somaclonal variation 2445, 3469,
Glycine max, genetic transformation 9464 Gossypium, genetic transformation 6247-	Brassica juncea gene expression 9791	• 10289
6248	nucleotide sequences 9791	Triticum boeoticum 1413, 4399, 11592
Hordeum vulgare, genetic transformation	Pisum sativum 4658	Triticum dicoccoides 11589 Triticum durum 4398, 4401
7766	Glutathione peroxidase	chromosome translocation 9049
Lupinus angustifolius, genetic transforma-	Arabidopsis thaliana	gene expression 6638
tion 5721	gene expression 4278 nucleotide sequences 4278	genetics 2443, 9045
Nicotiana tabacum, genetic transformation 6191, 9903, 12412	Lycopersicon esculentum	nucleotide sequences 2444
Oryza sativa, genetic transformation	gene expression 10809	Triticum monococcum 1413, 4399
6756, 6849	nucleotide sequences 10809	Triticum urartu 1413, 4399, 11592 Glycerol-3-phosphate acyltransferase
Raphanus raphanistrum, gene flow 872	Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Cucurbita
Triticum aestivum, genetic transformation	tion 2122	genetic engineering 789
7766 Triticum durum	Pisum sativum, nucleotide sequences 5760	molecular genetics 789
gene expression 2403	Spinacia oleracea, nucleotide sequences	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
genetic transformation 2403	3819	tion 789
Zea mays, genetic transformation 6441,	Glutathione reductase	Glycine fatty acids
10495, 11740	Brassica campestris	genetics 1687
Glumes	genetic engineering 9792 nucleotide sequences 13349	heritability 1687
Oryza 2655 Triticum aestivum	Brassica napus (rape), genetic transfor-	genetic resources 9355-9356
gene location 11569	mation 9792	phylogeny, polyploidy 9437
genetics 11569	Nicotiana tabacum, genetic transforma-	salinity 592
Glutamate-ammonia ligase	tion 11118	Glycine decarboxylase  Brassica napus (rape), gene expression
Agaricus bisporus	Pisum sativum	11008
gene expression 1223	gene expression 1716 nucleotide sequences 1716	Moricandia nitens, gene expression
nucleotide sequences 1223  Beta vulgaris (beetroots), gene expres-	Glutathione synthase	11008
sion 9554	Populus	Pisum sativum
Daucus carota, nucleotide sequences	gene expression 11185	gene expression 9486
10757	genetic transformation 11185	nucleotide sequences 9486  Glycine dolichocarpa
evolution 137	Glutathione transferase	isoenzymes, genetic variation 6904
Ginkgo biloba, gene expression 4081	Arabidopsis thaliana gene expression 6515, 10152	morphology, multivariate analysis 6904
Hordeum vulgare, mutations 235 Lotus japonicus	nucleotide sequences 10152	Glycine gracilis
gene expression 557	molecular genetics 11517	pollen 2788
nucleotide sequences 557	Nicotiana tabacum	Pseudomonas syringae, genetics 1693
Lycopersicon esculentum, gene expres-	gene expression 6177	Glycine latifolia, alfalfa mosaic alfamovirus
sion 12100	genetic transformation 2122, 6177	595 Glycine max
Medicago sativa	Triticum aestivum, nucleotide sequences 11548	agglutinins, nucleotide sequences 4619

Glycine max cont.	Glycine max cont.	Glycine max cont.
Agrobacterium tumefaciens, genetic	cultivars cont.	flowers <i>cont</i> .  epistasis 9414
transformation 3715, 11930	General 3708	linkage 9389
allergens, genetic engineering 3119, 8241	Geomjeongkong-2 9366	recombination 9389
aluminium 8990, 11955	Geomjeongolkong 9362	fluorescence
artificial selection 9443 heritability 9443	Glacier 2781 Graham 1676	induced mutations 9416
amino acids 2799	Granite 2777	linkage 6908, 9416
amplified fragment length polymorphism	Jinpumkong-2 9365	fungi 8257
573	KS3494 13067	Fusarium oxysporum 5739
aneuploidy 5732, 9384	KS4694 13068	Fusarium solani 2803, 3725, 6917,
anther culture 579, 8251	KS4895 13069	11957, 13090
artificial selection, mathematics 9357	KS5292 13066	gene mapping 9447
ascorbate peroxidase	LN86-4668 10663	genetic markers 9445, 9447 gamma radiation 2790-2791, 8245, 9382
gene expression 11929	LN89-3264 10632	9408, 9427, 11948, 11958
nucleotide sequences 11929	LN89-3615 10633 LN92-11008 9367	gene banks 8238
Ascotis selenaria 2810, 9462 aspartate aminotransferase	Magellan 13070	gene location 9378-9379
gene expression 9371	Medallion 11928	gene mapping 2784-2785, 9375, 10638
nucleotide sequences 9371	Mustang 2776	leaves 6910
aspartate-ammonia ligase	Nemaha 2778	genetic distance 575, 1678, 5724
cell culture 13073	Odell 2779	genetic engineering 3080, 8243
gene expression 13073	Omaha 9369	genetic markers 10638
nucleotide sequences 13073	Pungsan-namulkong 9363	genetic resources 6903, 8259, 9354,
auxins	Savoy 9368	13078  gapatic transformation 3372 8230-8240
gene expression 2789, 9424	Stride 13072	genetic transformation 3372, 8239-8240, 11931
genetic engineering 2789	Surge 13071	genotype mixtures 5742
genetic transformation 4620	Toyopro 2782 Traill 10634	germination 9442
Bacillus thuringiensis, genetic transformation 4617	cytochrome P-450	gene expression 13077
bacterial artificial chromosomes 10636	nucleotide sequences 10637	nucleotide sequences 13077
binding proteins	polymerase chain reaction 10637	germplasm releases 10631, 10635
gene expression 5729	cytokinins, gene expression 9370	globulins
genetic transformation 4620	cytoplasmic male sterility, germplasm	gene expression 10641
nucleotide sequences 5729, 11936	releases 9387	mutations 10641
biosafety, genetic engineering 4292	cytosol aminopeptidase 10642	glufosinate, genetic transformation 9464
Bradyrhizobium 588, 2801, 3721, 8254,	determinate and indeterminate habit	glycinin
11954	genetics 13081	gene mapping 9396 genetics 1692, 6913
gene expression 13085 genetics 1692	pleiotropy 13081 development 586	linkage 9396
nucleotide sequences 13085	mutations 9394, 9406	restriction fragment length polymor-
breeding 571, 4616, 4621-4622, 8237,	Diaporthe 10654	phism 9396
9395	Diaporthe phaseolorum 5740, 6916,	glyphosate, genetic transformation 9464
history 13064	13089	growth period 581, 585-586, 9413
canopy 9418	genetics 3726	artificial selection 8252
cell division, gene expression 6170	3,9-dihydroxypterocarpan 6a-	genetic variance 9391
Cercospora sojina 4637, 9446, 13091	monooxygenase	growth regulators 3716
genetics 9449	gene expression 13088	gene expression 2789, 9370, 9424
random amplified polymorphic DNA 9448	genetic engineering 13088 diseases 3713-3714, 6915	genetic engineering 2789
chitinase	DNA 2787, 4555, 10643	genetic transformation 4620 habit 4623
gene expression 4625	DNA binding proteins	techniques 2792
nucleotide sequences 4625	gene expression 5736	hail 10651
chlorophyll	nucleotide sequences 11933	hard seeds 577
genetics 9400, 9402	DNA fingerprinting 1678	harvest index 9413
linkage 9380	DNA hybridization 5727	artificial selection 10647
mutations 9400, 9402	drought resistance 2802, 8255, 11952	harvesting 9442
chlorosis, gene mapping 5735	artificial selection 591	heat resistance 2802
chromosome aberrations 5732	gene mapping 9419	heat shock proteins 2802
chromosome pairing, linkage 9380 chromosome walking 9375	linkage 9419 embryo culture 11931	gene expression, reviews 590
chromosomes, techniques 9383	Empoasca fabae 9460	height, mutations 11944  Helicoverpa zea
Chrysodeixis acuta 6918	Epilachna varivestis 8260, 9460	gene mapping 9463
Chrysodeixis includens, genetics 11959	esterases	heritability 9463, 10664
coat proteins, nucleotide sequences	gene mapping 2793	restriction fragment length polymor-
11937	linkage 2793	phism 9463
cold 1689	ethyl methanesulfonate 9416, 9438, 9455,	herbicides, genetic transformation 9464
colour 9435, 13076	10650, 13087	Heterodera glycines 597, 2776, 2780,
epistasis 9414	ethylene 580, 3716	2807, 2809, 4639, 10663, 13098-
genetics 9415 linkage 9389	evolution, mitochondrial genetics 9436	13100
mutations 9415	experimental design 5726 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase	artificial selection 9458
recombination 9389	gene expression 5302	chromosome walking 5744
combining ability 5724	nucleotide sequences 5302	gene mapping 1695 genetic markers 9445, 13097
conglycinin	fasciation, mutations 13079	genetics 9457, 9459, 10661
gene expression 6914	fatty acids 581, 9431, 10649	germplasm releases 10652
genetic engineering 11507	genetics 9429-9430	molecular genetics 10660
crop density 9440	induced mutations 10998	multivariate analysis 10662
cultivars	stability 2796, 6912	random amplified polymorphic DNA
AC Colombe 11927	ferritin	9459
Alchankong 9364	gene expression 10639	restriction fragment length polymor-
Athow 3712 Renning 3713	genetic engineering 10639	phism 3735, 5744, 10661-1066
Benning 3713 Clifford 3709	fertility	hybrid seed production 9389
Dajangkong 9361	linkage 9389 recombination 9389	inbreeding depression 1683
Danatto 1677	flowering 9403	induced mutations 9381-9382
Defiance 3711	genetic variance 9391	inflorescences, mutations 9412 insects 1696, 5745
Delsoy-5500 2783	genetics 9411	random amplified polymorphic DNA
Dillon 3714	linkage 9410	2811
Flint 3710	mutations 9412	interspecific hybridization 582, 1687,
Freeborn 2780	flowers 8246	4621, 13075

Gl

ycine max cont.	Glycine max cont.	Chaine may cont
iron, gene mapping 5735	nodulins cont.	Glycine max cont, quality cont.
isoenzymes 10630	gene expression 3723	genetic variance 8253
gene mapping 2793 genetic markers 2791	nucleotide sequences 3723 nucleic acids 13074	genetics 4632 genotype environment interaction 58
linkage 2793	nutrients 587, 1691-1692	heritability 9433
mutations 2800 lactoylglutathione lyase	gene expression 6914	random amplified polymorphic DNA
gene expression 6170	nutritive value germplasm releases 3719	4626 quantitative traits
nucleotide sequences 6170	random amplified polymorphic DNA	gene mapping 9377
leaves 10643 epistasis 9398	9434	mathematics 9377
genetics 9398, 9402, 11940	oils 581, 9425, 9435 combining ability 9426	random amplified polymorphic DNA 574, 2784, 2786, 4618, 9372
linkage 11942	genetic transformation 6718, 10646	repetitive DNA 10638
mutations 9402 lectins	heritability 9426	mitochondrial genetics 9373
gene expression 13057	history 2797 induced mutations 9427	restriction fragment length polymorphism 575, 1675, 1678, 9374, 10630
genetic engineering 3173, 13057	stability 2796, 6912	leaves 6910
light gane expression \$242	Omiodes indicata 2810, 9462	ribosomal DNA, nucleotide sequences
light, gene expression 8242 lignin 589	palmitic acid, genetics 9429-9430 pathogens, polymerase chain reaction	11932 roots 8990, 11510
linkage 5727, 9378-9379	11956	artificial selection 9443
linolenic acid 9431	peanut bud necrosis tospovirus 10659	genetics 9455
genetics 582, 11950 induced mutations 11950	peroxidases 2804 gene expression 2794	heritability 9443 induced mutations 9416, 9455
lipoxygenase 13083	genetics 2794	linkage 9416, 9456
gene expression 8248	linkage 9456	salinity 592, 5734
genetics 5730 germplasm releases 3719	nucleotide sequences 2794  Phakopsora pachyrhizi 2804	random amplified polymorphic DNA 9444
linkage 9432	germplasm 4636	Sclerotinia sclerotiorum 10655-10656
mutations 2800	techniques 13092	seed aging 577
lodging 9418 Macrophomina phaseolina 1694, 3727	phenylalanine ammonia-lyase 9407 Phialophora gregata 2777, 4635, 10657	seed production 13078 seed testing 8247
male sterility 4622	genetics 594, 3728	seedlessness, genetic engineering 11507
genetics 9386, 10640	germplasm releases 3728	seedlings
germplasm releases 10640 mutations 9386	Phomopsis 10654	genetics 9400 mutations 9400
manganese 587	phosphoenolpyruvate carboxylase gene expression 3724	seeds 582, 589, 9392, 9409, 9425, 9428.
mechanical damage 589	nucleotide sequences 3724	9431, 9435, 10643, 11941, 13076,
Melanagromyza sojae 6918	phospholipids, genetic engineering 5733	13083-13084, 13094 artificial selection 3718, 9401
genetics 9461 heritability 9461	photoperiodism 4624, 9403 genetics 9411	combining ability 11949
Meloidogyne arenaria	linkage 9410	gene expression 4625, 13077
gene mapping 598	phytoalexins	gene mapping 9396
restriction fragment length polymor- phism 598	gene expression 13088 genetic engineering 13088	genetics 3717, 5730, 9415, 13080 heritability 3718, 13080
Meloidogyne incognita	Phytophthora sojae 2780-2781, 2805,	heterosis 11949
gene mapping 3734	3708, 3710-3712, 3729, 5742-5743,	induced mutations 9408 linkage 9396
restriction fragment length polymor- phism 3734	8258-8259, 9368-9369, 9450, 10632-10633	mutations 9406, 9415
Meloidogyne javanica 4640	gene mapping 2806	nucleotide sequences 4625, 13077
germplasm releases 2808	genetic markers 2806	random amplified polymorphic DNA 4626
metalloproteinases gene expression 6905	genetics 5741, 9451-9452, 13093 germplasm releases 10652	restriction fragment length polymor-
nucleotide sequences 6905	heritability 9452	phism 9396
methionine, genetic transformation 32	molecular genetics 9376 restriction fragment length polymor-	storage 9405 techniques 9397
N-methyl-N-nitrosourea 9381 microsatellites 574	phism 5741	shedding 9407
molecular genetics 10636	phytosterols 10998	Sinorhizobium 8254
morphology, induced mutations 6911	plant composition 2798	sodium azide 9381 somaclonal variation 5732
mutagens 1684, 9381, 9416, 9438, 9455, 10650, 11958, 13087	history 2797 plant disorders, genetics 3717	somatic embryogenesis 579, 10645,
naringenin-chalcone synthase, gene	plant introduction 1675	11948
expression 6907	pollen 2788 polymerase chain reaction 8239	sowing date 584-586, 9409, 9417, 1195; soybean mosaic potyvirus 596, 3730,
necroses genetics 9455	polyploidy 9385	3732, 4567, 10658, 13094-13095
induced mutations 9455, 11958	promoters, genetic engineering 3173	gene expression 9454
linkage 9456	proteinase inhibitors, genetic engineering 7442	genetic markers 9453 genetics 3731, 3733, 4638, 13096
Nematoda 3713-3714 neutron radiation 6911	proteins 2782, 9390, 9425, 13094	germplasm releases 3733
Nezara viridula 599	artificial selection 11943	nucleotide sequences 9454
nitrates 1689	combining ability 9426, 11949 gene expression 8242, 8244, 9370	random amplified polymorphic DNA 9453
nitric oxide, gene expression 11468 nitrogen 1691-1692	genetic transformation 13075	Spodoptera littoralis 2810
nitrogen fixation 1689, 3721, 4634, 8255,	heritability 9426	Spodoptera litura 9462
11952, 11954	heterosis 11949 history 2797	sprouting 9404 stability 3722
artificial selection 1690 gene mapping 4633	induced mutations 9427	stearic acid
mutations 13086	nucleotide sequences 8242, 8244,	genetics 1684, 9430
nodulation 3720-3721, 5734	9370 stability 2796	induced mutations 1684 stems, mutations 11944
artificial selection 1690 gene expression 13057, 13085	Pseudomonas syringae	sterility
gene mapping 4633	gene expression 593, 11468	genetics 576, 9388
genetic engineering 13057	gene mapping 10653	mutations 576 storage, induced mutations 9408
genetics 2801, 9441 induced mutations 5737, 9438,	genetics 1693 restriction fragment length polymor-	sulfur, gene expression 6914
10650, 13087	phism 10653	superoxide dismutase
molecular genetics 570	quality 1685, 2782, 9428, 10648-10649,	gene expression 11935 nucleotide sequences 11935
mutations 13086 nucleotide sequences 13085	10655, 13084 artificial selection 1686, 8252, 10647	tissue culture 580, 4630-4631, 9424,
nodulins 5722	genetic transformation 10646	10645

Glycine max cont.	Glycine tomentella cont.	cold resistance 6221
tocopherols 10998	morphology, multivariate analysis 6904	colour, genetics 11149, 13464
toxic substances 8990, 11955	Glycine-tRNA ligase  Arabidopsis thaliana	cultivars
artificial selection 9443 heritability 9443	induced mutations 12635	AP4103 13456
in vitro selection 960	nucleotide sequences 12635	AP6101 13456
transposable elements, nucleotide	Glycinin	Jizi-123 971
sequences 11937, 11939	Glycine max	Sicala V-2 <i>i</i> 8667
trypsin inhibitors 2798	gene mapping 9396	cytoplasmic male sterility, germplasm
mutations 9399	genetics 1692, 6913	releases 973
tungsten, in vitro selection 960	linkage 9396	DNA, techniques 7403
urate oxidase	restriction fragment length polymor-	drought resistance 12423 artificial selection 6222
gene expression 3723	phism 9396	gene expression 6223
nucleotide sequences 3723 variety classification 9390	Glycoalkaloids Solanum 13176	evolution
DNA fingerprinting 1680	Solanum brevidens 685	DNA hybridization 11151
polymerase chain reaction 6909	Solanum chacoense, genetics 12031	repetitive DNA 11151
random amplified polymorphic DNA	Solanum tuberosum 684-686	experimental design 6195
1679	Glycoproteins	fibres 2142
repetitive DNA 1680	Brassica campestris, nucleotide	gene expression 6208
variety trials 2774-2775, 9358-9360	sequences 12279	genetic engineering, conferences 7638
vigour 9392	Brassica oleracea, nucleotide sequences	genetic transformation 6201-6202
X radiation 1684, 11950	12279 Brassicaceae	genomes 3193, 12414 glufosinate, genetic transformation 6247-
Xanthomonas axonopodis, genetics 8256 xyloglucan endotransglycosylase, gene	polymerase chain reaction 10770	6248
expression 6906	restriction fragment length polymor-	glyphosate, genetic transformation 6224
yield components 4616, 9395, 9417,	phism 10770	gossypol 7413, 12413
11957, 13083	Citrus 12255	habit 8675
artificial selection 4627-4629	Nicotiana alata 7384	heat resistance, artificial selection 6222
combining ability 1683	gene expression 4027	Helicoverpa armigera 6241
genetics 8249-8250	nucleotide sequences 4027	Helicoverpa zea, genetic transformation
heritability 1681, 2795, 4628, 9420,	Nicotiana tabacum 7384	6234
11946	nucleotide sequences 8634	Heliothis virescens, genetic transforma-
heterosis 1682-1683, 13081-13082	Raphanus sativus	tion 6234 herbicides, genetic transformation 6224,
inbreeding depression 13082 induced mutations 2790, 8245	polymerase chain reaction 10770 restriction fragment length polymor-	6243, 6247-6248
multivariate analysis 9422-9423,	phism 10770	induced mutations 972
11945	Zea mays, gene expression 12894	insects 2147, 7413
yield correlations 578, 599, 1681, 2795,	Glycosides	combining ability 6245
4629, 5731, 9401, 9418, 9420-9421,	Coffea liberica, genetics 6159, 9871	genetic transformation 6232-6233,
10647, 11947, 11951	Coffea pseudozanguebariae, genetics	6238, 6243, 11154
yields 10651	6159, 9871	interspecific hybridization 972, 6204,
artificial selection 572, 11943, 13065	Nicotiana tabacum 967	6206
heritability 9439 stability 9439-9440, 11951	Glycosmis pentaphylla Phyllocnistis citrella 3943	isoenzymes 7410
Glycine-rich proteins	rootstocks 3943	lethals, genetics 13464 Noctuidae, genetic transformation 7412
Phaseolus vulgaris	somatic embryogenesis 850	pests, genetic transformation 6224
gene expression 11967	tissue culture 850	phylogeny 7410
nucleotide sequences 11967	Glycosyltransferases, Nicotiana tabacum,	chloroplast genetics 3198
promoters 11967	gene expression 8640	ribosomal DNA 3198
Zea mays	Glycyrrhiza glabra, cultivars, Mishree 7577	plant glands 6206
gene expression 5481	Glyoxalase	plant hairs 6235
nucleotide sequences 5481  Glycine soja	Arabidopsis thaliana	polyploidy 12414
amino acids 1688	gene expression 53 nucleotide sequences 53	proteinase inhibitors, genetic transforma- tion 13462
chloroplast genetics 11938	Glyphosate	quality 2142, 6214, 6217
cytosol aminopeptidase 10642	Beta vulgaris (sugarbeet), genetic trans-	artificial selection 6211, 6222
evolution, mitochondrial genetics 9436	formation 6148	genetics 11149
flowers 8246	Daucus carota	information processing 6213
Heterodera glycines 13098	gene expression 9542	restriction fragment length polymor-
interspecific hybridization 582, 1687,	in vitro selection 9542	phism 12414
13075	stability 9542	quantitative traits, restriction fragment
isoenzymes, genetic variation 5738	Glycine max, genetic transformation 9464	length polymorphism 12414
linolenic acid, genetics 582 mitochondrial genetics 5728	Gossypium, genetic transformation 6224 Gossypium hirsutum	stability 6220 Stemphylium solani 6228
Phytophthora sojae 2805	genetic engineering 13484	superoxide dismutase 7412
pollen 2788	genetic transformation 8662, 8687	taxonomy, random amplified
proteins 1688	Populus, genetic transformation 1011	polymorphic DNA 6219, 7411
polymorphism 10644	Zea mays, combining ability 1536	terpenoid aldehydes 7413
Pseudomonas syringae, genetics 1693	Gnomonia erythrostoma, Prunus armeniaca	tissue culture 12421, 13468
random amplified polymorphic DNA	8421	variety trials 3190, 6195, 6197, 9917
11934	Gnomonia leptostyla, Juglans regia 6068	waterlogging 7412
repetitive DNA, mitochondrial genetics 9373	Gomphrena, taxonomy 7541	waxes 8681
restriction fragment length polymorphism	Gongora erecta, taxonomy 12543 Gossypieae	yield components
5728, 11938	phylogeny	combining ability 977 genetic variance 977
ribosomal DNA, nucleotide sequences	chloroplast genetics 3198	yields
11932	ribosomal DNA 3198	artificial selection 9925
salinity, random amplified polymorphic	Gossypium	combining ability 6245
DNA 5738	Alabama argillacea 6240	Gossypium arboreum
seeds 582, 9392	anther culture 13467	cultivars, K11 8666
trypsin inhibitors, polymorphism 9393	Bacillus thuringiensis, genetic transfor-	flowering 8686
variety classification, polymerase chain	mation 6232-6233, 6238, 7412	genetic markers 6199, 7404
reaction 6909 vigour 9392	Bemisia argentifolii 980, 6235-6236	genomes 6199
Glycine tabacina	biotechnology, books 13625 breeding 6193	growth regulators 11142
genetic resources 5725	conferences 6407-6408, 7638, 13618	interspecific hybridization 6199, 7404,
isoenzymes 5725	history 13445-13446, 13450-13451	11142 linkage 6199
morphology 5725	bromoxynil, genetic transformation 6243	Pectinophora gossypiella 8686
Glycine tomentella	chromosome morphology 3194	quality, multivariate analysis 7408
isoenzymes, genetic variation 6904	chromosome pairing 12413	yield components, heterosis 8677

bilonofos genetic transfermenticu 1054	Gossypium hirsutum cont.	Gossypium hirsutum cont.
bilanafos, genetic transformation 4054 breeding, history 2130, 13448-13449	cultivars cont.	Helicoverpa zea cont.
chimaeras 9920	CNPA 7H 2018	germplasm releases 3200, 3204
development 4053, 7407	CNPA7H 9918	Heliothis virescens 2134-2136, 6237,
fibres, genetics 11146	DeltaGEM 7401	7414
Fusarium oxysporum 13479	DeltaPEARL 7402	gene expression 13483
genetics, history 13449	DP2379 13452 DP5111 13452	genetic transformation 4052, 13483
germplasm releases 2129	DP5305 13452	germplasm releases 3200, 3204
herbicides, genetic transformation 4054	DF5505 13452 DP5557 13452	herbicides, genetic transformation 3206,
insects 981, 3203, 4053	EMBRAPA 113-Algodão 7MH 9918	4054, 6216, 6246, 8662, 8664, 868 insects 981, 4053
interspecific hybridization 973, 981,	FiberMax-819 13455	
2142, 6204, 6215, 6222, 7407,	FiberMax-832 13455	genetic engineering 6242 interspecific hybridization 973, 981,
11144, 11146, 12414, 13464, 13469	FiberMax-963 13455	2140, 2142, 6199, 6204, 6206,
leaves, mutations 9920	FiberMax-975 13455	6215, 6222, 7404, 7407, 8672,
monoethanolamine 13472	FiberMax-989 13455	11142, 11144, 11146, 12413-12414
morphology, genetics 11144	H1215 2136	13464, 13469
mutagens 13472	H1220 2134	leaves 12416
nitrogen 4051	H1244 2135	lectins
nutrients 4051	Jimian-17 5028	gene expression 13483
photosynthesis 8673	Lumian 14 5029	genetic transformation 13483
nucleocytoplasmic interaction 6207	María del Mar 3192	lethals, genetics 13464
Pythium ultimum 5035	Phytogen 33 Acala 8665	linkage 6199
quality 6212, 7407, 13469, 13471	PM2145 13454	Lygus lineolaris, germplasm releases
chromosome substitution 7409	PM2200RR 8662	3200, 3204
epistasis 13466	PM2326RR 8662	male sterility
gene mapping 6215	R93-6 5039	genetics 11143
genetic variance 13466, 13472	Sicot-50 <i>i</i> 8668	somaclonal variation 11143
heritability 13466, 13472	Siokra L-23 <i>i</i> 8670	Meloidogyne incognita 979, 3201, 5036,
heterosis 13466	Siokra V-15 <i>i</i> 8671	13476
induced mutations 13472	ST373 13458	germplasm releases 2146, 6225,
Rhizoctonia solani 5035	Sure-Grow-180 13453	6231, 13482
tannins 3203	Sure-Grow-248 13453	morphology
terpenoids 5035	Sure-Grow-821 13453	genetics 11144
water balance 8673	Tamcot-8104 13459	mutations 13477
yield components	Top-Pick 8663	mutagens 13465, 13470
epistasis 13466	Victoria 3191	nitrogen 2143, 4051
genetic variance 13466	cytoplasmic male sterility 2140	nucleocytoplasmic interaction 8672
heritability 13466	mitochondrial genetics 7406, 12415	nutrients 2143, 4051
heterosis 13466	random amplified polymorphic DNA	outcrossing 3206
yields, genetics 11146	12415	pathogens 13475, 13477 germplasm releases 13474
ossypium harknessii	2,4-D, genetic transformation 3206	peroxidases 8683
cytoplasmic male sterility 2140 interspecific hybridization 2140, 8672	development 4053, 7407 diseases, germplasm releases 3189, 3199,	pests, germplasm releases 3199, 6226-
nucleocytoplasmic interaction 8672	6226-6227	6227
ossypium herbaceum, yield components,	DNA 2139	photosynthesis 8673, 8683
multivariate analysis 11147	drought resistance 5034	genetic transformation 974
ossypium hirsutum	germplasm releases 13474	plant glands 6206, 8685, 13478
acyl carrier protein	ethyl methanesulfonate 13465, 13470	pollen germination 6205, 8684
genetic transformation 13460	fatty acids 8682	Pythium ultimum 5035
nucleotide sequences 2138	fibres	quality 4050, 7407, 13469, 13471
aflatoxins, genetic engineering 2144	genetics 11146	gene mapping 6215
amino acids 6229	mutations 2141	genetic engineering 13473
Amrasca biguttula, induced mutations	fungi 2145, 13476	genetic variance 12422
9928	Fusarium oxysporum 6229	genetics 6216
aneuploidy 7405	artificial selection 13481	genotype environment interaction
Bacillus thuringiensis	gamma radiation 7405, 9928	8680
genetic engineering 6242	gene flow, genetic transformation 3206	germplasm releases 3189, 6218,
genetic transformation 982, 5030-	genetic markers 6199, 7404	11150
5031, 6239, 7415-7416, 8674,	genetic resources 5027, 6194	heritability 8678, 12422
8687, 9927, 12424	genetic transformation 6200, 6203, 6230,	induced mutations 13470
bilanafos, genetic transformation 4054	13461	stability 9924
breeding 9915, 9918	genetics	quantitative traits
books 7646	books 7646	combining ability 3196 genetic variance 3196
history 2130, 13447, 13475	history 13463	Rhizoctonia solani 5035
bromoxynil, genetic transformation 8664	genomes 6199 genotype environment interaction 9926	ribosomal DNA, nucleotide sequences
calcium 6205	genotype chynothiche interaction 7720 genotype mixtures 978	2137
catalase	germination 8674	Rotylenchulus reniformis 3201-3202,
gene expression 12396	germplasm releases 2132-2133	5036
genetic engineering 12396	gibberellic acid 2139	germplasm releases 2131, 2146,
cellulose molecular genetics 4264	glyphosate	6225, 6231
nucleotide sequences 4264	genetic engineering 13484	salinity 8684
cellulose glucosyltransferase, nucleotide	genetic transformation 8662, 8687	seed testing 8676
sequences 6198	gossypol 2134-2136, 12413, 13478	seeds 8682
chlorophyll, genetics 975	genetics 2149	cryopreservation 6196
chromosome pairing 9919, 12413	growth regulators 2139, 11142	somatic embryogenesis, genetics 9922
chromosome translocation 7405	heterosis 3195	Spodoptera exigua 8685
colour	mutations 2141	Spodoptera frugiperda, genetic transfor-
genetics 13464	habit, induced mutations 13465	mation 4052, 9927
multivariate analysis 8678	harvest index 5031	stress 8683
cotton leaf curl bigeminivirus, genetic	heat resistance 5034	superoxide dismutase 8683
engineering 6230	Helicoverpa armigera 5039, 9929, 11153	genetic transformation 974
cryopreservation 8660	combining ability 12418	terpenoids 5035
cultivars	genetic engineering 2148	tissue culture 8679, 9923, 11148
Acala C141 13457	genetic transformation 3205, 5037-	variety trials 7399-7400, 7416, 8661,
Acala GTO Maxxa 13457	5038	9914-9916, 11140-11141 Varticillium dahliga 13480
BG4740 13458	genetics 5037	Verticillium dahliae 13480 artificial selection 13481
BXN47 8664	induced mutations 9928	water balance 8673
Chun'aizao 4049	Helicoverpa zea 2134-2136, 6237, 7414	Xanthomonas axonopodis 13478
CNPA Precoce-1 9918	genetic transformation 4052, 12424	minomonus unonopouis 15416

Gossypium hirsutum cont.	Green fluorescent protein	Growth period cont.
Xanthomonas axonopodis cont.	Arabidopsis thaliana	Zea mays 5474, 6712, 7938, 10430,
genetic transformation 11152	gene expression 11918	10480, 10482, 12890
germplasm releases 6225	genetic markers 11918	artificial selection 1504, 2576, 9161
Xanthomonas campestris, germplasm	Lotus japonicus	combining ability 10467
releases 3200, 3204	gene expression 11918	genetic markers 10453-10454
yield components 4050, 9929	genetic markers 11918	genotype environment interaction
combining ability 976, 12418, 12420	Nicotiana tabacum	5522
genetic variance 6210, 12419	gene expression 11918, 13414	Growth regulators
genotype environment interaction	genetic markers 11918	Actinidia 3922
11145	genetic transformation 13414	Actinidia chinensis, gene expression
heritability 5033, 8678, 9921, 12417	Green manures	13302
heterosis 5032	Phacelia tanacetifolia 7025	Actinidia deliciosa 9682
yield correlations 6209, 6237, 9921	Raphanus sativus 7025	genetic transformation 3426
yields 2143, 8661	Sinapis alba 7025	Arabidopsis thaliana 7722
genetics 11146	Grevillea obtusiflora, taxonomy 5095	gene expression 46, 2789, 4256,
heterosis 3195	Grevillea oxyantha, taxonomy 5094	7721, 8945, 10174, 11127,
Gossypium mustelinum, quality 3197	Grevillea rhyolitica, taxonomy 5094	11456, 12650
Gossypium sturtianum, interspecific hybridi-	Groundnut rosette assistor luteovirus,	genetic transformation 46, 2789
zation 12413	Arachis hypogaea 13381	genetics 5246
Gossypium trilobum	Groundnut rosette umbravirus	molecular genetics 71, 7726
genetic markers 6199, 7404	Arachis hypogaea 8580, 13381	mutations 71, 1308, 3399, 4255-4256,
genomes 6199	Nicotiana benthamiana, genetic transfor-	4261, 4274, 5246, 5251, 5253,
interspecific hybridization 6199, 7404	mation 8652-8653	7721, 7723, 7726, 7729, 8944,
	Growth (see Development)	10176, 10192, 11127, 11454-
linkage 6199 Gossypol	Growth period	11455, 12650, 12653
Gossypium 7413, 12413	Actinidia deliciosa 4885	nucleotide sequences 3399, 4256,
	Allium sativum 3807	8945, 12650
Gossypium hirsutum 2134-2136, 12413, 13478	Anacardium occidentale, combining abil-	Bambusa arundinacea 7612
genetics 2149	ity 9753	Boehmeria 5044
Gourds (see Cucurbitaceae)		Brassica juncea 9772
Graft hybridization	Arabidopsis thaliana epistasis 67	Brassica napus (rape)
Atalantia 10968		gene expression 8503, 13357
	gene mapping 67	genetic transformation 8503
Citrus 10968 Eremocitrus 10968	mutations 3398	Carica papaya, genetic transformation
Fortunella 10968	random amplified polymorphic DNA 67	9583
Microcitrus 10968	Arachis hypogaea 8565	Catharanthus roseus, genetic transforma-
Poncirus 10968	multivariate analysis 12330	tion 1157
Grafting, Capsicum annuum 13236	Beta vulgaris (sugarbeet) 3149-3150	chloroplast genetics 5202
Grain legumes	Brassica napus (rape), induced mutations	crops, genetics 12706
breeding 565	8520	Cucumis sativus, gene expression 9628
genetic resources 3364, 11925-11926	Cajanus cajan, genetics 8289	Daucus carota
databases 10629	Chenopodium quinoa, stability 4572	gene expression 2789
genetic transformation 566, 5721	Cicer arietinum, mutations 642	genetic transformation 2789, 4620
geography 11925	Dendranthema morifolium, induced muta-	Fagus sylvatica 1003
Grain shrivelling, triticale 274	tions 11257	gene expression 5202, 12608
Gramineae (see Poaceae)	Fagopyrum esculentum 6850	reviews 8907
Grapevine fanleaf nepovirus	Fagopyrum tataricum, multivariate analy-	Glycine max 3716
Vitis berlandieri, genetic transformation	sis 1618	gene expression 2789, 9370, 9424
7209	Fragaria ananassa 4845	genetic engineering 2789
Vitis rupestris, genetic transformation	Glycine max 581, 585-586, 9413	genetic transformation 4620
7209	artificial selection 8252	Gossypium arboreum 11142
Vitis vinifera, genetic transformation	genetic variance 9391	Gossypium hirsutum 2139, 11142
7209	Helianthus annuus 12309	heterosis 3195
Grapevine leafroll-associated closterovirus	Hordeum vulgare 3518	mutations 2141
Nicotiana benthamiana, genetic transfor-	Ipomoea batatas, artificial selection 2902	Helianthus annuus 13366
mation 6185	Lens culinaris 10701	Hordeum vulgare 3521
Vitis vinifera 841, 6035	Litchi chinensis 9731	gene expression 322, 7875-7876,
Grasses	Lycopersicon esculentum 4761	13003
breeding 2697-2698, 2703, 4575	Nicotiana tabacum 6175	genetic engineering 13003
crop mixtures 8126 cultivars 8986	heterosis 9894	Ipomoea batatas, genetic transformation
cytology, conferences 7633	Oryza sativa 2641, 2668, 3622, 3627,	3426
diseases 486	5604, 12944, 12959	Litchi chinensis 8477
drought resistance 2703	gene mapping 2653, 10550, 11798 genetics 1581, 5602, 10546	Lycopersicon esculentum 9594, 12098
electrophoresis, computer programming	genotype environment interaction	gene expression 748, 8371, 8373, 9583, 10813, 12102
10003	5618	genetic engineering 9583
evolution 2702	restriction fragment length polymor-	mutations 741, 3835, 10813, 13221
genetic resources 2691, 5644, 8127	phism 10550, 11798	nucleotide sequences 12102
genetics, conferences 7633	Panicum virgatum, artificial selection	Malus pumila 802
immunology 2702	9203	Nicotiana glauca, mutations 11137
lawns and turf 3261, 4129-4130	Pennisetum glaucum, genetics 11764	Nicotiana langsdorffii, mutations 11137
phylogeny	Phaseolus vulgaris, induced mutations	Nicotiana plumbaginifolia, mutations
chloroplast genetics 9299	13110	2113, 4256
restriction fragment length polymor-	Prunus armeniaca 3005	Nicotiana sylvestris
phism 9299	Prunus dulcis 13339	gene expression 11127
seed production 2699	Prunus persica 9666-9667, 10926	genetic transformation 11127
taxonomy, conferences 7633	Saccharum officinarum 8590, 8598,	Nicotiana tabacum 2117, 4035
Trifolium pratense, crop mixtures 2753	11057	gene expression 2115, 3178, 4033-
variety trials 5645	Solanum tuberosum 3788	4034, 8637, 8646, 11129,
Grazing 3422	Trifolium subterraneum 1656	12398, 13431
Aeschynomene evenia, germplasm	triticale, induced mutations 5471	genetic transformation 2118, 3178,
releases 2771	Triticum aestivum 165-166, 171, 1404,	7875, 8646, 9246, 9583, 12398,
Calluna vulgaris, natural selection 3666	2416, 3456	12401
Festuca arundinacea 3677	chromosome translocation 5357	mutations 2115, 5016
Ipomopsis aggregata, natural selection 4137		
	combining ability 11641	nucleotide sequences 8637
	gene dosage 5360	Oryza sativa 2645, 11795-11796
Medicago sativa, artificial selection 5685-5686	gene dosage 5360 Triticum dicoccoides 173, 9028	Oryza sativa 2645, 11795-11796 gene expression 9246, 10529, 13003
5685-5686	gene dosage 5360 Triticum dicoccoides 173, 9028 Triticum durum 165-166	Oryza sativa 2645, 11795-11796 gene expression 9246, 10529, 13003 genetic engineering 9246
	gene dosage 5360 Triticum dicoccoides 173, 9028	Oryza sativa 2645, 11795-11796 gene expression 9246, 10529, 13003

rowth regulators cont.	Habit cont.	Haploidy cont.
Oryza sativa cont.	Cajanus cajan	Hordeum vulgare cont.
genetics 1582	genetics 8289, 8291	stability 7881
molecular genetics 454	linkage 8291	Linum usitatissimum (linseed) 4964
restriction fragment length polymor-	Calluna vulgaris, natural selection 3666	Malus pumila, polymerase chain reaction
phism 457	Chamomilla recutita 1164	5989
Pharbitis nil, genetic transformation 3426	Citrus 9708	Nicotiana tabacum 12403
Picea glauca	Cucurbita moschata 9624	Oryza glaberrima 6801
gene expression 8717	Cucurbita pepo 9624	Oryza sativa 6771, 6801, 12988
genetic transformation 11202	Fagopyrum tataricum, multivariate analy-	Rubus 4810
Pisum sativum 9491	sis 1618	Sinapis alba 7303
mutations 2836, 8277, 13123	Glycine max 4623	Solanum chacoense 10744
Prunus persica, nucleotide sequences	techniques 2792	Solanum phureja 676, 10744
10924	Gossypium 8675	Solanum tuberosum 676, 1762
Solanum tuberosum, genetic transforma-	Gossypium hirsutum, induced mutations	Sorghum bicolor 332
tion 9583	13465	triticale 10341, 10343, 11687
Sorghum bicolor, mutations 8015	Helianthus annuus, genetics 4970	Triticum 6613
Theobroma cacao 6160	Hordeum vulgare	Triticum aestivum 1400, 2410, 2445,
Triticum aestivum 1428, 2417, 3468,	genetics 5437	4306, 4326, 4357, 4363, 4383,
3493, 5356, 5376	mutations 5437	4387, 4434, 5343, 5345-5347, 661
gene expression 11202	Juglans regia 6066	6614, 7795-7796, 7844, 10284,
gene mapping 2421	Juniperus 11210	11557, 11565, 11572
genetic engineering 11202	Lycopersicon esculentum 12113	techniques 3449
Zea mays 10459, 12882	Malus pumila 8408	Triticum durum 5345, 6612, 12724
gene expression 322, 3564, 9141,	genetic transformation 12148	Triticum spelta 5345, 6612
10529	genetics 8407	Triticum zhukovskyi 5345, 6612
genetic markers 10454	Medicago sativa 516, 525, 8190	Zea mays 2571, 5519, 7795
mutations 1511	Oryza rufipogon 8060	genetic markers 1493
nucleotide sequences 9141	Oryza sativa, gene mapping 424	Hard seeds, Glycine max 577
Guanosine diphosphate	Phaseolus vulgaris, genetics 3739	Hardwickia, nomenclature 13499 Harvest index
Arabidopsis thaliana	Pinus pinaster, heritability 2175	Glycine max 9413
gene expression 5227	Pinus taeda, heritability 7470	
nucleotide sequences 5227	Pisum sativum, mutations 8277	artificial selection 10647
Guazuma crinita, tissue culture 1021	Prunus (cherries), genetic transformation 12148	Gossypium hirsutum 5031 Hordeum vulgare
duizotia abyssinica	Prunus (peaches), genetic transformation	combining ability 12787
tissue culture 3995	7159	genotype environment interaction
yield components, heterosis 910	Prunus persica 12187	12787
Symnosperms	mutations 10923	Triticum aestivum 9030, 10296
chromosome morphology 5081	Pyrus communis	artificial selection 6622
chromosome number 6280	genetic transformation 12148	combining ability 176, 2426
evolution, nucleotide sequences 5295	induced mutations 812	genetic variance 176, 2426
flowers, nucleotide sequences 5295	Quercus petraea, heritability 7438	Harvesting (see also Mechanical harvesting
phylogeny, ribosomal RNA 3233	Quercus robur, heritability 7438	Glycine max 9442
ymnosporangium clavipes, Malus pumila	Ricinus communis, artificial selection	Harvesting date, Cichorium intybus 3824
3877	13383	Hatiora
lymnosporangium juniperi-virginianae	Secale cereale, mutations 12819	isoenzymes
Juniperus 2192	Triticum aestivum, genetics 2424	genetics 7573
Malus pumila 3877	Vigna unguiculata, artificial selection	linkage 7573
Synoecium	5783	Heat
Alnus hirsuta 2168	Zea mays 5501	Brassica pekinensis 724
Citrullus lanatus 13244 Clianthus puniceus 12503	evolution 11705	Lycopersicon esculentum 9603
Cucumis sativus	molecular genetics 11705	Heat resistance
gene expression 3862	Haemoglobin	Agrostis 10004
nucleotide sequences 3862	Arabidopsis thaliana 5247	Arachis hypogaea 2059
Helianthus annuus, gene expression 9802	evolution 5289	Beta vulgaris (sugarbeet) 11095
Nicotiana alata	Hordeum vulgare, gene expression 227	Brassica campestris 11021
gene expression 4027	Hail, Glycine max 10651	Brassica pekinensis
nucleotide sequences 4027	Hairs (see Plant hairs)	combining ability 5891
	Halotydeus destructor	genetic variance 5891
Picea abies	Trifolium repens 3699	Capsicum frutescens 9618
gene expression 13513 genetic engineering 13513	Trifolium subterraneum	Cucumis sativus 13268
Picea mariana	gene expression 11911	Cucurbita moschata 1869
gene expression 13512	nucleotide sequences 11911	artificial selection 13256
genetic engineering 13512	Hamatocactus setispinus chloroplasts, induced mutations 3308	Eustoma grandiflorum 8797 Festuca 10004
nucleotide sequences 13512		Glycine max 2802
Pyrus pyrifolia, nucleotide sequences	gamma radiation 3308 <b>Haploidy</b> 126, 6533, 7652	Gossypium, artificial selection 6222
12172		Gossypium, artificial selection 0222 Gossypium hirsutum 5034
Viceae, phylogeny 2773	Allium cepa 5874 Beta vulgaris 8609	Hordeum vulgare 5400, 10322
Sypsophila paniculata	Beta vulgaris (sugarbeet) 9844-9845,	Lilium longiflorum 11305
cultivars	9847	Lolium 10004
Arbel 8780	Brassica juncea 7301	Lycopersicon esculentum 1829, 4765,
Dangyhappy 8779	Brassica napus (rape) 3095, 7301, 9771,	8375
Festival 8784	9796, 12283	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
Gilboa 8781	Brassica oleracea 8352	tion 5021
Golan 8782	Brassica oleracea (broccoli) 7038	Oryza sativa 9281
Happy Festival 8779	Cajanus cajan 12012	Pennisetum glaucum 3437
Magic Arbel 8780	Capsicum annuum 9616	Phaseolus vulgaris, artificial selection
Magic Gilboa 8781	fruits 5953	5749
Magic Golan 8782	quality 5953	Poa 10004
Magic Tavor 8783	Cucumis 1880	Poa pratensis 13032
Pink Festival 8784	Cucumis sativus 1881	reviews 2304
White Festival 8785	Cucurbita pepo 9625-9626	Solanum melongena 3846
genetic transformation 5100	Helianthus annuus 3111	Solanum tuberosum 4692
tissue culture 1091, 2213	Hordeum bulbosum 2502	artificial selection 12035
abit	Hordeum vulgare 1452, 2502, 2507,	Sorghum bicolor 3437
Actinidia deliciosa	4456, 5439, 7879, 11672	Triticum aestivum 208, 5395, 5400, 664
genetic transformation 7212	artificial selection 7878	7845, 7848, 11633, 12751-12752
somaclonal variation 1960	maternal effects 7881	combining ability 3492, 9060
Anacardium occidentale 7262	multivariate analysis 7880	gene expression 1426

Heat resistance cont.	Heavy metals cont.	Height cont.
Triticum aestivum cont.	Coffea canephora 12371	triticale cont.
		mutations 7914
genetic variance 3492, 5399	Salvia sclarea 1204	Triticum aestivum 2417, 3456, 3465,
genotype environment interaction	Triticum aestivum, gene expression	
4411	11575	5358
heritability 5399	Hebe, cultivars, Rosie 9993	artificial selection 6619
heterosis 9060	Hedera	backcrossing 7812
linkage 1426	cultivars, Tanja 6373	epistasis 3459
Triticum durum 5400	protected cultivation 4117	gene dosage 170
	Hedera helix	gene expression 9031
Vigna unguiculata 8297		
genetics 9498	cultivars	gene mapping 2421, 4301, 10274-
pleiotropy 9498	Brimstone 6370	10275
Zea mays	Fanfare 6369	genetics 2423, 3463, 4379, 5351,
genetic markers 321	Gold Ingot 6372	6522, 7761, 7800, 7807, 10345
restriction fragment length polymor-	Rotunda 6371	11570, 11584, 12729
phism 321	Topazolite 6370	germplasm releases 7799
Heat shock	Hedychium, taxonomy 10033	heterosis 7800
	Hedysarum coronarium	linkage 10275
Arabidopsis thaliana		
gene expression 10204	flowering, artificial selection 5714	microsatellites 10274, 10276
genetic transformation 5259, 10204	morphology, multivariate analysis 1668	mutations 3459
Brassica napus (rape) 875	yields, artificial selection 5714	pleiotropy 2422, 3463, 7806, 12729
gene expression 5304	Height	restriction fragment length polymor-
Nicotiana tabacum 2109	Arabidopsis thaliana, mutations 6506-	phism 4301, 9029, 10274-1027
genetic transformation 962	6507	reviews 6618
Oryza sativa 3620	Avena, genetics 9118	Vaccinium 7179
Triticum aestivum, gene expression	Avena sativa	Zea mays 2572, 2582, 3579, 5503
10241		
	gene mapping 1474	epistasis 10448
Zea mays, gene expression 10241	genetics 9118	gene mapping 5489
Heat shock proteins	restriction fragment length polymor-	genetics 301
Arabidopsis thaliana	phism 1474	Helenium virginicum, self incompatibility
gene expression 88, 3393, 3406,	Cajanus cajan	7530
11127	genetics 8291	Helianthinin, Helianthus annuus, gene
genetic engineering 88	linkage 8291	
mutations 11127	Cicer arietinum, mutations 642	expression 2032
nucleotide sequences 3406		Helianthus
	Cryptomeria japonica, linkage 3247	Alternaria helianthi 7314
Brassica napus (rape), gene expression	Cyperus papyrus 8823	cytoplasmic male sterility, germplasm
6083, 13350	Glycine max, mutations 11944	releases 3974-3975
Citrullus lanatus	Hordeum vulgare	drought resistance 9805
gene expression 4787	gene mapping 4301	genetic resources 890, 7314
nucleotide sequences 4787	genetics 5437, 9097	hybrid seed production, germplasm
Corylus avellana	mutations 5437	releases 3975
gene expression 7259	restriction fragment length polymor-	
nucleotide sequences 7259	phism 4301	interspecific hybridization 12315
Fragaria ananassa	Lens, genetics 4664	microsatellites, nucleotide sequences
gene expression 4844	Leucaena, heritability 5717	3107
nucleotide sequences 4844	Lycopersicon esculentum 12113	Orobanche cernua 12315
		pollination 3112, 12299
gene expression 3378, 12599	Malus baccata 1905	random amplified polymorphic DNA
Glycine max 2802	Malus pumila 9638	13368
gene expression, reviews 590	Musa	Sclerotinia sclerotiorum 7315
Helianthus annuus	genetic markers 13308	self incompatibility 12299
gene expression 3979, 7312	somaclonal variation 13308	statistics, random amplified polymorphic
genetic engineering 7312	Nicotiana tabacum	DNA 12296
Lycopersicon esculentum	genetic variance 6172	
gene expression 7068, 7071-7072,	heritability 6172	taxonomy 13368
12108	Oryza sativa 429, 8062, 12980	tissue culture 6096
nucleotide sequences 7071-7072,	gene mapping 4548, 10542	Helianthus annuus
12108		abscisic acid, mutations 12301
	genetics 1582, 2652, 2654, 9252,	acyl-(acyl-carrier-protein) deasaturase
molecular genetics 12599	12974	gene expression 12304
Nicotiana sylvestris	induced mutations 6785	nucleotide sequences 12304
evolution 12377	mutations 2654, 6789, 12974	albumins, gene expression 2032
gene expression 11127, 12377	pleiotropy 5605	
genetic transformation 11127	Pennisetum glaucum	Alternaria helianthi 2044-2045
nucleotide sequences 12377	genetics 2623, 11764-11765	anther culture 13367
Nicotiana tabacum	heritability 11765	aquaporin
evolution 12377	Penstemon 4132	gene expression 3113
gene expression 12377	Picea abies, artificial selection 6293	nucleotide sequences 3113
genetic transformation 7312		biosafety 7305
	Pinus sylvestris 11201	breeding 4965-4967
nucleotide sequences 12377	Pinus taeda	climate 9804
Nicotiana tomentosiformis	artificial selection 1029, 11200	
evolution 12377	heritability 7470	colour, genetics 892
gene expression 12377	Pisum sativum 11982	coumarins 2046
nucleotide sequences 12377	Pseudotsuga menziesii	cultivars
nucleotide sequences 5218	artificial selection 11208	Diamant 6093
Picea abies	genotype environment interaction	Perla 6092
gene expression 7481		cytoplasmic male sterility 9803
nucleotide sequences 7481	7484 Purus communis induced mutations 812	genetics 891
	Pyrus communis, induced mutations 812	
phylogeny 7481	Ricinus communis 3989	Diaporthe helianthi 2042
Spinacia oleracea	genetics 9817	gene mapping 4974
gene expression 9576	Rosa chinensis, artificial selection 11244	DNA fingerprinting 7304
molecular genetics 9576	Rosa hybrida, induced mutations 8761	drought resistance 9805, 12309
Triticum aestivum 3495	Rubus laciniatus, somaclonal variation	artificial selection 4973
gene expression 1426, 6638	827	gene expression 12307
linkage 1426	Secale cereale	random amplified polymorphic DNA
Triticum durum, gene expression 6638	gene mapping 4301	2041
Zea mays, gene expression 5534, 10484-		
10486	restriction fragment length polymor-	restriction fragment length polymor-
Heavy metals	phism 4301	phism 2041
	Sorghum bicolor, germplasm releases	embryo culture 12301, 12303
Brassica juncea	2610-2611, 10504	experimental design 8532
gene expression 7297	triticale	fatty acids 3978
nucleotide sequences 7297	genetics 7761, 7914, 10345	combining ability 11032, 12302
Coffea arabica 12371	induced mutations 5470	genetic variance 12302

elianthus annuus cont.	Helianthus annuus cont.	Helicoverpa armigera cont.
fatty acids cont.	sowing date 2039, 8536	Gossypium hirsutum cont.
genotype environment interaction	stomata, gene expression 3113	genetic transformation 3205, 5037-
12306	synthetic varieties 3114	5038
induced mutations 7311, 10998	tissue culture 9803, 13366	genetics 5037
stability 12305	tocopherols 10998	induced mutations 9928
fertilization 8533	variety trials 8532, 11027	Lycopersicon esculentum 5933
flowers, genetics 9801	Verticillium dahliae 7313	Nicotiana, genetic transformation 8657
fungi 7316	vigour	Nicotiana tabacum
gamma radiation 2034, 3111	artificial selection 11028	gene expression 968
gene flow 7305	heritability 11028	genetic transformation 968, 7397
gene mapping 4968-4969	mathematics 3976	Helicoverpa zea
genetic engineering 3080	water balance, genotype environment	Brassica napus (rape)
genetic resources 4966	interaction 12306	genetic transformation 888, 13365
growth period 12309	wide hybridization 7305, 12298	natural selection 888
growth regulators 13366	X radiation 894	Glycine max
gynoecium, gene expression 9802 habit, genetics 4970	Xanthomonas campestris, techniques	gene mapping 9463
haploidy 3111	11034	heritability 9463, 10664
heat shock proteins	yield components	restriction fragment length polymor-
gene expression 3979, 7312	combining ability 2035, 2038, 7306-	phism 9463
genetic engineering 7312	7307, 8535, 12302, 12308, 12313	Gossypium, genetic transformation 6234
helianthinin, gene expression 2032	genetic variance 7308, 8535, 12302,	Gossypium hirsutum 2134-2136, 6237, 7414
Homoeosoma electellum 7318	12308	genetic transformation 4052, 12424
hybrid seed production 3110	heterosis 2036, 3114, 4971, 7309,	germplasm releases 3200, 3204
germplasm releases 3973	8535	Nicotiana sylvestris 7398
hybrid varieties 6092-6093	induced mutations 2034	Nicotiana tabacum 7398
interspecific hybridization 2042, 4973,	multivariate analysis 3977	Zea mays 7966, 7971, 7974, 12895
6096, 9801, 12297, 12299-12300,	yield correlations 2037, 6094, 11030-	artificial selection 9184
12315	11031	gene mapping 327
isoenzymes	yields, stability 6095	genetic transformation 10497
genetic variation 893	Zygogramma exclamationis 2046	genetics 7967, 7984
polymorphism 12300	Helianthus argophyllus	restriction fragment length polymor-
leaves 11030	Diaporthe helianthi 2042	phism 9185
morphology 11029	drought resistance 9805	reviews 7972
mutagens 894, 2034	artificial selection 4973	Heliothis (see also Helicoverpa)
nectar 2033	flowers, genetics 9801	Heliothis virescens
oils 3978, 9804	interspecific hybridization 2042, 4973,	Gossypium, genetic transformation 6234
oleic acid 3978	9801	Gossypium hirsutum 2134-2136, 6237,
induced mutations 894, 7311	isoenzymes, genetic variation 893	7414
random amplified polymorphic DNA	Helianthus petiolaris	gene expression 13483
4972	interspecific hybridization 12299-12300	genetic transformation 4052, 13483
stability 12305	isoenzymes	germplasm releases 3200, 3204
Orobanche 12314	genetic variation 893	Nicotiana tabacum 967
Orobanche cernua 12315	polymorphism 12300	genetic transformation 4048
outcrossing 12300	outcrossing 12300	Heliotropium, taxonomy 12528
oxalic acid 11037	pollen competition 12300	Helminthosporium (see also Cochliobolus;
palmitic acid, induced mutations 894	Helianthus porteri, nomenclature 11033	Drechslera; Glomerella; Magnaporthe;
parthenogenesis 3111	Helianthus praecox, interspecific hybridiza-	Pleospora; Pyrenophora; Setosphaeria)
pathogenesis-related proteins 12311	tion 12297	Hemerocallis
Phomopsis 2043	Helianthus schweinitzii	evolution 11259
phytosterols 10998	chromosome number 3115	phylogeny, random amplified
Plasmopara halstedii 8537-8538, 11036	taxonomy 3115	polymorphic DNA 11261
gene mapping 4974, 7317	Helianthus tuberosus	pollen 11259
genetics 895	fatty acid hydroxylases	senescence, gene expression 5108
linkage 895, 7317	gene expression 13185	thiol proteases gene expression 5108
restriction fragment length polymor-	genetic engineering 13185	nucleotide sequences 5108
phism 895, 4974	1,2-β-fructan 1F-fructosyltransferase genetic engineering 13184	Hemerocallis citrina, sterility, chromosome
techniques 11036	nucleotide sequences 13184	aberrations 10027
pollen, gene expression 9802	fructans, genetic engineering 13402	Hemerocallis forrestii
pollen competition 12300	interspecific hybridization 6096	chromosome morphology 8815
pollen germination 2045 pollination 2033, 3108-3110	inulin	cytotaxonomy 8815
Puccinia helianthi	gene expression 10799	Hemerocallis multiflora
gene mapping 12312	genetic engineering 10799	chromosome morphology 8815
random amplified polymorphic DNA	oxygenases, nucleotide sequences 8339	cytotaxonomy 8815
12312	sucrose 1F-fructosyltransferase	Hemerocallis plicata
quality, combining ability 11032	genetic engineering 13184	chromosome morphology 8815
random amplified polymorphic DNA	nucleotide sequences 13184	cytotaxonomy 8815
7305	tissue culture 7026	Hemidesmus indicus, tissue culture 3321
regenerative ability 9803	variety trials 2920	Hemileia vastatrix
restriction fragment length polymorphism	Heliconia	Coffea, reviews 9872
4968-4969	genetic resources 6324	Coffea arabica 3160
salinity	somatic embryogenesis 6324	genetics 9865
combining ability 12308	tissue culture 6324	Herbage crops, plant introduction 482
genetic variance 12308	variety classification, random amplified	Herbaspirillum, Saccharum officinarum
heritability 2040	polymorphic DNA 7532	3435, 4993
Sclerotinia 2043	Heliconia psittacorum, variety classification,	Herbicides
gene mapping 4974	random amplified polymorphic DNA	Agrostis stolonifera 2205
Sclerotinia sclerotiorum 11037, 12311	7532	Allium cepa 4726
artificial selection 13369	Helicotylenchus multicinctus, Musa 1975	Arabidopsis thaliana
gene mapping 7317	Helicoverpa armigera	gene expression 11472
genetic markers 12310	Alocasia macrorrhiza, genetic engineer-	genetic transformation 12634
linkage 7317	ing 968	genetics 6521 mutations 1330, 6521, 10215
restriction fragment length polymor-	Cicer arietinum 651	mutations 1330, 6521, 10215
phism 12310	genetics 8287	nucleotide sequences 11472
techniques 11035	germplasm releases 1732	Avena fatua 4473 Reta vulgaris
seed production 8533	Gossypium 6241	Beta vulgaris genetics 8625
self compatibility 8534	Gossypium hirsutum 5039, 9929, 11153	in vitro selection 8625
Smicronyx fulvus 11038	combining ability 12418	Beta vulgaris (sugarbeet) 11084
somatic embryogenesis 7310, 13366	genetic engineering 2148	Dela vingaris (sugarocor) 1100+

Herbicides cont.	Herbicides cont.	Chains may cont
Beta vulgaris (sugarbeet) cont.	Zea mays cont.	Glycine max cont.
genetic engineering 3153	mathematics 8009	yield components 1681, 2795, 4628,
genetic transformation 6148	nucleotide sequences 8008	9420, 11946
	restriction fragment length polymor-	yields 9439
somaclonal variation 13405-13406	16Striction fragment length porymor	Gossypium barbadense
Brassica napus (rape)	phism 5548	
gene expression 3971	Heritability	quality 13466, 13472
gene flow 872, 3102	Abelmoschus esculentus, yield compo-	yield components 13466
	nents 795, 10857	Gossypium hirsutum
genetic transformation 872, 3102,		quality 8678, 12422
3971, 4946, 6090, 11002	Agropyron cristatum, yield components	
random amplified polymorphic DNA	1636	yield components 5033, 8678, 9921,
4946	Alstroemeria, allergens 11285	12417
		Helianthus annuus
Brassica nigra, gene flow 3102	Arachis hypogaea, yield components	salinity 2040
Cicer arietinum, in vitro selection 1673-	9814	
1674, 5778	Asparagus officinalis, yield components	vigour 11028
Cichorium intybus	2941	Hevea brasiliensis
gene expression 732		girth 11169
	Beta vulgaris (beetroots), folic acid 712	
in vitro selection 732	Brassica campestris, yield components	latex 11169
crops	9780	yield components 7420, 11168
genetic engineering 4223	Brassica carinata, yield components	Hordeum vulgare
genetic transformation 10095, 12601		salinity 2516, 4459
	9780	
Cyamopsis tetragonoloba, in vitro selec-	Brassica chinensis	seeds 1452
tion 1673	quality 5889	yield components 7889-7890, 12786
Daucus carota	yield components 9574	Ipomopsis aggregata, flowering 3283
gene expression 9542		Lablab purpureus, yield components 673
	Brassica (Chinese cabbages), Alternaria	Lastra and state and state and an arrange 7047
in vitro selection 9542	brassicae 8353	Lactuca sativa, yield components 7047
stability 9542	Brassica juncea, yield components 9780	Leucaena
Eleusine indica, genetics 345	Brassica napus, yield components 9780	height 5717
genetic engineering 11383	Drassica napas, yield components 5700	
	Brassica oleracea (cabbages), yield com-	quality 5717
reviews 8898	ponents 10790	Lolium perenne
genetic markers 11383	Brassica oleracea (cauliflowers), yield	cold resistance 11881
genetic transformation 12604, 12610	components 1804	nutrients 2711
Glycine max, genetic transformation 9464		
	Bromus inermis, forage 11872	quality 11881
Gossypium, genetic transformation 6224,	Cajanus cajan, yield components 3766,	Lotus uliginosus, tannins 10624
6243, 6247-6248	6957, 12009, 12011	Lupinus angustifolius, Pleiochaeta setosa
Gossypium barbadense, genetic transfor-		
mation 4054	Capsicum annuum, yield components	556
	767, 4782, 7097	Lycopersicon esculentum
Gossypium hirsutum, genetic transforma-	Carthamus tinctorius, yield components	Alternaria solani 12113
tion 3206, 4054, 6216, 6246, 8662,	2047	
8664, 8687		cold resistance 9601
	Cenchrus ciliaris, yield components	fruit cracking 7088
Hordeum vulgare, genetic transformation	13038	germination 749
7766	Cicer arietinum, yield components 10708	plant disorders 7088
Linum usitatissimum, genetic transforma-		
tion 6091	Cucumis melo, yield components 2974	salinity 749
	Cucumis sativus	yield components 12113, 13217
Linum usitatissimum (flax), genetic trans-	parthenogenesis 5976	Macrotyloma uniflorum, yield compo-
formation 3208	photosynthesis 12140	nents 8304
Lolium multiflorum, germplasm releases		
2714	yield components 791	Malus pumila
	Cupressus lusitanica, Cinara cupressi	quality 10868
Lupinus angustifolius, genetic transforma-	4102	yield components 10868
tion 5721		
Nicotiana plumbaginifolia, mutations	Curcuma	mathematics 3, 12677
13444	curcumin 13594	Medicago sativa
	yield components 13594	Bemisia argentifolii 2745
Nicotiana tabacum	Cynara scolymus, yield components	
genetic transformation 5026, 6191,		Leptosphaerulina trifolii 2743, 11907
9903, 11139	13205	Sclerotinia trifoliorum 538
random amplified polymorphic DNA	Dactylis glomerata, forage 11872	seeds 524
	Eleusine coracana, yield components	Musa
6192	11768	
somaclonal variation 6192		morphology 844
Oryza sativa	Elymus, forage 11872	yield components 844
genetic engineering 5638	Elymus hispidus, yield components 3680	Nicotiana tabacum
	Eruca vesicaria, yield components 8587	
genetic transformation 4568, 6756,		height 6172
6849, 9231, 10366	Eucalyptus globulus	lodging 12403
in vitro selection 8108	development 4066	Oryza sativa
Pisum sativum 4663	flowering 4065	aluminium 2671
	Phoracantha semipunctata 11179	
Populus, genetic transformation 1011		Cochliobolus miyabeanus 3631
Raphanus raphanistrum, gene flow 872,	precocity 4065	cold resistance 11847
3102	rooting capacity 7434	germination 11847
Saccharum 2083	wood properties 4066	
	Eucalyptus risdonii, flowering 8700	leaves 6794
Sinapis alba, gene flow 3102		lodging 5598
Solanum melongena	Eucalyptus tenuiramis, flowering 8700	Magnaporthe grisea 3631, 6840,
in vitro selection 762	Eucalyptus urophylla, wood properties	11851
induced mutations 762	4067	
		nutrients 2665
Solanum nigrum 13592	forest trees, statistics 12442	opal phytoliths 10548
Solanum tuberosum, genetic transforma-	Fragaria ananassa	photosynthesis 3647
tion 4705, 10755	quality 4849	
		potassium 2665
Sorghum bicolor 12916	yield components 4849	quality 6840
genetic transformation 10510	Gerbera hybrida, quantitative traits	seedlings 2650
Trifolium subterraneum	12524	seeds 2651, 6794
gene flow 4608	Gloriosa superba, colchicine 1167	
		sodium 2665
genetic transformation 4608	Glycine, fatty acids 1687	yield components 421, 434, 1586,
triticale 12857	Glycine max	2656, 3631, 4552, 5583, 5609,
Triticum aestivum 6615, 12771	aluminium 9443	4700, 2021, 4332, 3383, 3609,
		6798, 8068, 8070-8071, 9257,
genetic transformation 7766	Helicoverpa zea 9463, 10664	9259, 11811-11812, 11815
Vigna unguiculata, in vitro selection	Melanagromyza sojae 9461	Papaver somniferum, codeine 1183
1673-1674	oils 9426	
		Pennisetum glaucum
Zea mays 4515, 9186, 10498	Phytophthora sojae 9452	height 11765
combining ability 1536	proteins 9426	roots 11765
gene expression 8008	quality 9433	
gene mapping 5548, 8009		temperature 11765
	roots 9443	Phaseolus vulgaris
genetic engineering 2561	seeds 3718, 13080	cold resistance 2826
genetic transformation 6467, 11740	toxic substances 9443	
		Xanthomonas axonopodis 2827, 8270

Heritability cont. Phaseolus vulgaris cont.	Heritability cont. Triticum durum	Heterosis  Abelmoschus esculentus, yield compo-
yield components 610, 1703, 5750, 8266	drought resistance 4417	nents 2981, 9629
Phlox drummondii	stomata 5365 transpiration 5365	Aegilops internodes 11577
germination 5106 seedlings 5106	yield components 5370	spikelets 11577
Picea abies	Vetiveria zizanioides essential oils 2262	tillering 11577  Amaranthus tricolor, yield components
development 1048  Heterobasidion annosum 11206	yield components 2262	2945
resins 1047	Vicia faba, yield components 9468, 10667	Arachis hypogaea, nitrogen fixation 732 Avena sativa, yields 6676
wood properties 1048	Vigna mungo, yield components 1750	Beta vulgaris (sugarbeet)
Picea sitchensis Elatobium abietinum 8719	Vigna radiata, yield components 1749	sugars 11078 yields 11078
quantitative traits 2180	Vigna umbellata, yield components 2860- 2861	Boehmeria nivea 6249
Pinus brutia, development 2171 Pinus caribaea, development 12460	Vigna unguiculata, yield components	Brassica campestris (sarson), yield components 8516
Pinus contorta, quantitative traits 2177	6968 Zea mays	Brassica chinensis, yield components
Pinus halepensis flowering 4088	digestibility 3573	9574 Prassica juncea
seeds 12466	forage 3573 germination 11710	Brassica juncea oils 8514
Pinus oocarpa, development 12460 Pinus patula, development 12460	Ostrinia nubilalis 2601, 12900	yields 8514
Pinus pinaster	Puccinia polysora 5542	Brassica napus (rape) quality 9779
habit 2175	Setosphaeria turcica 7959 Sitophilus zeamais 12898	yield components 9777, 9779, 13348
tropisms 2175  Pinus radiata, wood properties 1039	yield components 1482, 10468	Brassica napus (swedes), yields 4709 Cajanus cajan, yield components 657,
Pinus taeda	Hermaphroditism  Actinidia deliciosa	12010
habit 7470 height 7470	genetics 4893	Capsicum annuum 5945 yield components 5949, 8386, 12122
Pisum sativum, yield components 8280	mutations 9680	Capsicum chinense 5945
Populus tremula, yield components 6269 Populus tremuloides	Silene pratensis, induced mutations 10014	Carthamus tinctorius reviews 4975
development 11187	Heteranthera limosa, Oryza sativa 3664	yield components 4976
photosynthesis 11188	Heterobasidion annosum, Picea abies, heritability 11206	cereals 12711
yield components 6269 Prunus persica, Sphaerotheca pannosa	Heterodera	crops 2388 Cucumis melo, reviews 4786
12194	Aegilops 12769 Triticum 12769	Cucumis sativus
Pseudotsuga menziesii, morphology 2186 Quercus petraea, habit 7438	Heterodera avenae	quality 7112 yield components 791, 7112
Quercus robur, habit 7438	Aegilops tauschii	Cucurbita pepo, yield components 13255
Rubus fruticosus, Cercosporella rubi 1927	gene mapping 2486 nucleotide sequences 2486	Eucalyptus 5051 Flammulina velutipes, isoenzymes 5169
Saccharum	Hordeum vulgare 9086	Glycine max
morphology 917 yield components 4000, 11065	gene mapping 9115 restriction fragment length polymor-	proteins 11949 seeds 11949
Saccharum officinarum	phism 9115	yield components 1682-1683, 13081-
moisture content 4992 quality 7349, 8594, 8598, 12347	Triticum aestivum 4437, 10309 <b>Heterodera ciceri,</b> Cicer 4669	13082 Gossypium arboreum, yield components
sucrose 4992, 8598	Heterodera glycines	8677
yield components 8593-8594, 12347, 13396	Glycine max 597, 2776, 2780, 2807, 2809, 4639, 10663, 13098-13100	Gossypium barbadense quality 13466
Salix sericea	artificial selection 9458	yield components 13466
Phyllocnistis 3223 Phyllonorycter salicifoliella 3223	chromosome walking 5744	Gossypium hirsutum growth regulators 3195
Sesamum indicum	gene mapping 1695 genetic markers 9445, 13097	yield components 5032
quantitative traits 2065	genetics 9457, 9459, 10661	yields 3195
yield components 3128 Solanum tuberosum	germplasm releases 10652 molecular genetics 10660	Guizotia abyssinica, yield components 910
potato leafroll luteovirus 4702	multivariate analysis 10662	Helianthus annuus, yield components
Streptomyces scabies 690 yield components 10741	random amplified polymorphic DNA 9459	2036, 3114, 4971, 7309, 8535 Hevea brasiliensis, yield components
Sorghum bicolor, yield components 5554,	restriction fragment length polymor-	11168
6730 Stenotaphrum secundatum, cold resis-	phism 3735, 5744, 10661-10662 Glycine soja 13098	Hibiscus cannabinus, yield components 5045
tance 9322	Heterodera sacchari	Hordeum vulgare, yield components
Theobroma cacao Phytophthora 12373	Oryza barthii 13021	7877, 7889  Linum usitatissimum (linseed), yields
Phytophthora palmivora 934	Oryza glaberrima 13021 Oryza sativa 13021	4963
seeds 12373  Trifolium pratense, nitrogen fixation	Heterodera schachtii	Lycopersicon esculentum ascorbic acid 12106
8212	Arabidopsis thaliana gene expression 3411	β-carotene 2954
Trifolium repens, stems 3695 Trigonella foenum-graecum, yield com-	genetic transformation 6520	quality 5917 yield components 4765, 5917, 7064
ponents 3327	Beta vulgaris, genetics 2087 Beta vulgaris (sugarbeet) 13403-13404	Manihot esculenta, yield components
triticale	chromosome translocation 929	2892 mathematics 2367
aluminium 11689 yield components 7918	fluorescence in situ hybridization	Musa, yields 12249
Triticum, drought resistance 4417	6157 gene location 929	Nicotiana tabacum 11112 growth period 9894
Triticum aestivum anther culture 2438	genetics 6156	yield components 2120
heat resistance 5399	molecular genetics 2094, 6156  Phacelia tanacetifolia 7025	Nothofagus obliqua 1014
leaves 5363 nutrients 2665	Raphanus sativus 7025	Nothofagus procera 1014 Oryza sativa 9230, 11796, 12947
potassium 2665	Sinapis alba 7025 Heterodora trifolii	DNA 403
quality 189, 4397, 11606 sodium 2665	<b>Heterodera trifolii</b> Trifolium nigrescens 4605	enzymes 9247 genetic markers 11788
tissue culture 10285	Trifolium repens 4605	leaves 6762
yield components 145, 1411, 5368, 5370, 6564, 7788, 7817, 10281,	Heteroligus meles, Dioscorea rotundata 4714	light 8063 photosynthesis 4547, 5601, 8063,
12736	Heteropsylla cubana, Leucaena 564	9247

nucleotide sequences 7786

Heterosis cont.	Heterosis cont.  Zea mays cont.	flowers cont.
Oryza sativa cont. quality 9271-9272	tryptophan 10476	mutations 3212
repetitive DNA 11788	yield components 310, 1482, 1504,	genetic resources 8692
reproduction 6770	1512, 1521, 5515, 6706	pulping 5046
salinity 6828	yields 2567, 7947, 11716	stability 8692
source sink relations 9249	Heterospathe phillipsii, taxonomy 3231	stems, genetics 4060
yield components 1587, 2657, 4542,	Heterosporium (see also Cladosporium)	yield components
5606-5608, 6770, 6795, 6797,	Heterostyly	combining ability 5045 heterosis 5045
11787, 11808-11809, 11813,	Fagopyrum esculentum	Hibiscus esculentus (see Abelmoschus
11819, 12979	genetics 8109-8110 random amplified polymorphic DNA	esculentus)
yields 8063	8110	Hibiscus sabdariffa
Papaver somniferum, yield components 3320	Fagopyrum homotropicum	genetic resources 9558
Pennisetum glaucum	genetics 8109-8110	taxonomy 9558
yield components 3596, 5562	random amplified polymorphic DNA	yield components, combining ability
yields 8027	8110	8695
Picea mariana	Primula sieboldii	Hibiscus surattensis, evolution, chromoson
development 12474	genetics 3273	morphology 8693
photosynthesis 12474	natural selection 3273	Hibiscus syriacus
Picea rubens	Primula veris 2211	cold resistance 4118 molecular genetics 12501
development 12474	Turnera krapovickasii	shade 4109
photosynthesis 12474	gene mapping 907 linkage 907	Hicksbeachia pinnatifolia
Pisum sativum 6942 yield components 9490	Turnera scabra	isoenzymes, genetic variation 4939
Populus deltoides	gene mapping 907	population genetics 4939
development 1007	linkage 907	Hicoria (see Carya)
translocation 1007	Turnera subulata	Hieroglyphus banian, Oryza sativa 6848
Populus interamericana	gene mapping 907	Hieroglyphus nigrorepletus, Oryza sativa
development 1007	linkage 907	6848
translocation 1007	Heterozygosity	High plains virus
Populus tremula, yield components 6269	forest trees 991	Zea mays 1529
Populus tremuloides, yield components	Lolium multiflorum, isoenzymes 13035	genetic markers 3586
6269 Panulus trichagarna	Lotus alpinus, isoenzymes 10622 Lotus corniculatus, isoenzymes 10622	genetics 3586  Hippeastrum
Populus trichocarpa development 1007	Medicago sativa 521	chromosome morphology 5118-5119
translocation 1007	Oryza sativa, quality 12990	chromosome number 12533
reviews 6531	Picea chihuahuana, isoenzymes 6292	genetic resources 8809
Sesamum indicum	Pinus strobus, isoenzymes 5072	Hippophae rhamnoides
development 2066	reviews 8969	amplified fragment length polymorphism
yield components 7334-7335, 13386	Sorghum bicolor, Stenodiplosis	techniques 2321
yields 3125	sorghicola 10509	cultivars
Solanum melongena	Vaccinium, isoenzymes 12206	Baĭkal'skiĭ Rubin 10957
fruits 10831	Hevea, quality, genetics 7422	Bazel'skaya 10956
yield components 2963, 10831, 12115	Hevea brasiliensis	Botanicheskaya Luchistaya 10956 Minusa 10957
Solanum muricatum, salinity 863 Solanum tuberosum, yields 2875	allergens gene expression 12429	Moskovskaya Krasavitsa 10957
Sorghum bicolor	nucleotide sequences 12429	Otradnaya 10957
internodes 3592	altitude 11166	Pamyati Vekhovykh 10956
sowing date 5557	anther culture 12431	Slavnaya 10956
yield components 334, 1542, 8016-	artificial selection 11164	Stolichnaya 10956
8017, 12910	breeding 11163, 11165	Studencheskaya 10956
Theobroma cacao, fatty acids 13411	conferences 11350	Zolotaya Kosa 10957
triticale	cold resistance 11171	fruits 10958
photosynthesis 12840	Corynespora cassiicola, clonal variation	ice nucleation 10958
yield components 12838, 12840 Triticum aestivum 12721	3215	Hirschfeldia incana, Brassica napus, inter-
fertility 4368	cryopreservation 2153 development, genotype environment	generic hybridization 13352  Hirschmanniella, Oryza sativa, genetic
heat resistance 9060	interaction 7421	transformation 6844
height 7800	gene expression 9931	Hirudin, Brassica carinata, genetic transfe
internodes 11577	genetic resources 11161-11162	mation 4944
photosynthesis 1406, 7801	genetic transformation 9931	Histidine, Arabidopsis thaliana, molecular
quality 11606	girth	genetics 12630
regenerative ability 2434	genotype environment interaction	Histidine-tRNA ligase
roots 7801	11169	Arabidopsis thaliana
spikelets 11577	heritability 11169	gene expression 12628
stomata 169	isoenzymes, genetic variation 12430	genetic engineering 12628
tillering 11577 yield components 151, 4368, 5366,	latex	nucleotide sequences 12628
5369, 7800, 9015, 10280, 12736	genotype environment interaction 11169	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
yields 3463	heritability 11169	tion 12628  Histidinol-phosphate aminotransferase
Triticum durum	Leptopharsa heveae 6251	Nicotiana tabacum
internodes 11577	Microcyclus ulei 11161	gene expression 12376
spikelets 11577	somatic embryogenesis 8696, 11170	nucleotide sequences 12376
tillering 11577	stress 11166	Histone deacetylase
Vicia faba, yield components 602, 13102	artificial selection 11172	Zea mays
Vigna mungo, yield components 2864	tissue culture 11170	gene expression 10368, 10440
Vigna radiata, yield components 2865,	variety trials 11166-11167, 11171	genetic transformation 10368, 10446
9505 Vigna umbellata, yield components 9504	wind 11171	Histones
Vigna unguiculata, yield components	yield components	Arabidopsis thaliana
3769	heritability 7420, 11168 heterosis 11168	gene expression 2340, 9136
Zea mays 4506, 11698	Hibiscus asper, evolution, chromosome mor-	genetic transformation 9136
combining ability 5511	phology 8693	Hordeum vulgare 2499
fungi 6724	Hibiscus cannabinus	Medicago sativa, nucleotide sequences 4595
leaves 4493	colour	Nicotiana tabacum
oils 1517	genetics 3212, 4060	gene expression 11107
photosynthesis 4493	mutations 3212	genetic transformation 2340
plant composition 10476	evolution, chromosome morphology 8693	Triticum aestivum
quality 10476	flowers	gene expression 7786
seeds 10476	genetics 3212	nucleotide sequences 7786

*** .		
Histones cont.  Zea mays, gene expression 9136	Homoserine dehydrogenase cont.	Hordeum vulgare cont.
History	Nicotiana tabacum gene expression 7713	alcohol dehydrogenase, nucleotide sequences 10315
Beta vulgaris (sugarbeet)	genetic transformation 7713	aluminium 2396, 8995
breeding 6139-6140, 7353 genetics 7353	Hordein	gene mapping 2517
Brassica napus (rape), breeding 3081-	Hordeum vulgare genetic distance 2509	genetics 2517 aminopeptidase
3082	genetics 4454	gene location 10321
Brassica napus (swedes), breeding 2887	polymorphism 9098, 10323	linkage 10321
breeding 6416-6417, 6444-6446 conferences 7639	recombination 2509  Hordeum	ammonia, mutations 235
crops	aneuploidy, backcrossing 4354	amplified fragment length polymorphism 232, 6659, 7892
breeding 2383	anther culture 4449	α-amylase, gene expression 3524, 7762
cultivars 2290	DIMBOA 11679	β-amylase 1453
fertilization 5280 fodder plants, breeding 2689	Diuraphis noxia 11679 Erysiphe graminis	genetics 11676 nucleotide sequences 11676
genetics 3371, 6417, 6443-6446, 6529	gene mapping 6670	amylases, gene mapping 6655
conferences 7639	linkage 6670	aneuploidy 2500
Glycine max breeding 13064	fertility, backcrossing 4354 Gibberella zeae 5315	anoxia, molecular genetics 12793 anther culture 250, 2507, 3526, 4452,
oils 2797	interspecific hybridization 4449	6666, 9099-9100, 10324-10325,
plant composition 2797	leaves 4305	11672
proteins 2797	phylogeny, random amplified	genetics 7894
Gossypium, breeding 13445-13446, 13450-13451	polymorphic DNA 4445  Puccinia hordei	multivariate analysis 7880 anthers 5433
Gossypium barbadense	gene mapping 6670	artificial selection 225
breeding 2130, 13448-13449	linkage 6670	aspartate aminotransferase
genetics 13449	quality 6667 random amplified polymorphic DNA	gene location 10321 linkage 10321
Gossypium hirsutum breeding 2130, 13447, 13475	4444	barley mild mosaic bymovirus 1465
genetics 13463	Schizaphis graminum 11679	gene mapping 4468
Hordeum vulgare, breeding 2487	starch 6667	genetic markers 6673 restriction fragment length polymor-
Oryza sativa	transposable elements, nucleotide sequences 3514	phism 4468
breeding 3599 hybridization 1557	Hordeum agriocrithon	barley yellow dwarf luteovirus 1466,
Paeonia, breeding 11221	genetic resources 12794	9114
Phaseolus vulgaris, breeding 1698	salinity 12794 Hordeum bulbosum	gene mapping 10332 genetic markers 10332
plant introduction 12593, 12694-12696 Prunus avium, breeding 3888	anther culture 4449	genetics 6674
Prunus persica, breeding 3891	haploidy 2502	linkage 10332
Pyrus communis, breeding 7138	interspecific hybridization 2502, 4449, 6670, 7879-7880	mathematics 7765 nucleotide sequences 6672
Rubus idaeus, breeding 3900	nomenclature 9124	polymerase chain reaction 6672,
Saccharum, breeding 6115 Saccharum officinarum, breeding 11055	recombination, restriction fragment length	10332
taxonomy 5298	polymorphism 4449  Hordeum chilense	barley yellow mosaic bymovirus 1465, 5451, 12805
temperate fruits, cultivars 9631	carotenes, gene location 11522	genetic markers 6673
Triticum aestivum, breeding 160, 164, 1372, 2399, 4318, 4321, 4328,	Tilletia indica 258	genetics 9113
4337, 7787, 7843	Triticum aestivum, intergeneric hybridization 258, 11522	restriction fragment length polymor- phism 9113
Triticum durum, breeding 4316	Triticum sphaerococcum, intergeneric	bilanafos, genetic transformation 7766
Vicia faba, breeding 601, 2812 Vitis vinifera, breeding 7197	hybridization 258	binding proteins, nucleotide sequences
Zea mays	Hordeum geniculatum, Triticum aestivum, intergeneric hybridization 4354	6658 breeding 2488, 5423
breeding 2547, 9126, 11729	Hordeum marinum	history 2487
gene mapping 5483	chromosome pairing 8993	mathematics 9084
genetics 10393 hybrid varieties 9126	Secale cereale, intergeneric hybridization	calmodulin, nucleotide sequences 6658
Holcus lanatus	8993  Hordeum murinum, taxonomy 2513	canopy 2394 genetics 5353
allergens	Hordeum spontaneum	induced mutations 5353
gene expression 6875	alcohol dehydrogenase	cell division, mutations 5444
nucleotide sequences 6875	natural selection 12783 nucleotide sequences 12783	chlorophyll induced mutations 4450, 10318
gene expression 6875	β-amylase	mutations 236, 4453, 7883
nucleotide sequences 6875	genetics 11676	chloroplasts, mutations 4453
Homalomena, cultivars, Good as Gold 7570 Homeobox genes	nucleotide sequences 11676 gamma radiation 3516	chromosome addition 2501 chromosome banding 233
Nicotiana tabacum	genetic resources 12794	chromosome morphology 2499
gene expression 13427	induced mutations 3516	chromosome number, somaclonal varia-
genetic transformation 13427	interspecific hybridization 1450, 1458,	tion 241 chromosome pairing, gene mapping 429
Oryza sativa, genetic engineering 13427  Homeotic genes	11676 isoenzymes 12712	chromosome translocation 4451
Arabidopsis thaliana	microsatellites 11670	Cochliobolus sativus 5406
gene expression 13513	natural selection 3530	artificial selection 12801
genetic engineering 13513 genetic transformation 13512	Pyrenophora teres 12798 random amplified polymorphic DNA	genetics 3531 cold resistance 3438, 7754, 12791
Eucalyptus globulus	3530, 6654	gene expression 245, 249, 12792
gene expression 12445	salinity 1458, 12794	gene mapping 249, 5443
nucleotide sequences 12445	amplified fragment length polymor- phism 1456	genetic markers 7898 in vitro selection 247
Picea abies gene expression 13513	trypsin inhibitors 240	molecular genetics 5388
genetic engineering 13513	Hordeum vulgare	colour 11675
Picea mariana	abscisic acid 3521	crop density 2515
gene expression 13512 genetic engineering 13512	gene expression 322, 13003 genetic engineering 13003	cultivars 4296 AC Alma 5428
nucleotide sequences 13512	Aegilops cylindrica, intergeneric hybridi-	AC Harper 2489, 5427
Homoeosoma electellum, Helianthus annuus	zation 2501	Akheloĭ-2 5425
7318	Aegilops tauschii, intergeneric hybridization 3515	Atribut 1447 Barque 9086
Arabidopsis thaliana, gene expression	Agrobacterium tumefaciens, genetic	Dictator 9087
7713	transformation 8992	Erih 2490

Hordeum vulgare cont.	Hordeum vulgare cont.	Hordeum vulgare cont.
cultivars cont.	gene expression 2494	leaves
Fitzgerald 9088	gene mapping 2492-2493, 6523, 6659,	genetics 5353
Foster 1448	11666	induced mutations 5353
Gairdner 9089	genetic markers 7892	lethals
Giorgi 12708	genetic resources 4442, 6651, 6664,	gene mapping 11669
Heris 11663	12776, 12791	genetic markers 11669
Luxor 1446	genetic transformation 2494, 2496, 4300,	levansucrase
Mundah 9090	6665, 12710	gene expression 5435
OAC Elmira 5429	genotype environment interaction 7764	genetic engineering 5435
Olbram 4443	germination, nucleotide sequences 11671	light, gene expression 244
Perun 5424	Gibberella zeae 253	lipid transfer proteins
Picola 2491	gibberellic acid, gene expression 3524	gene expression 234, 12781
Sloop 9091	gibberellins	nucleotide sequences 234
Sonia 12708	gene expression 11664	lipoxygenase
Tantangara 9092	nucleotide sequences 11664	gene expression 239, 6662, 12784
Tilga 5426	β-glucan 140, 7897	nucleotide sequences 6662
Tolar 11662	glucan endo-1,3-β-D-glucosidase	low input agriculture 4458
Viktor 9085	gene expression 11665	lysine 5310
WABAR2030 9088	nucleotide sequences 11665	malting quality, gene mapping 5443
WABAR2034 9089	β-glucanase, genetic transformation 1460	methyl jasmonate, gene expression 23
W12868 9086	glucose-1-phosphate adenylyltransferase,	N-methyl-N-nitrosourea 10318, 10320
Daucus carota, protoplast fusion 7754	gene expression 5432	methyltransferases
death	α-glucosidase, gene expression 12780	gene expression 231, 4465, 12779
gene expression 3517	glufosinate, genetic transformation 7766	gene mapping 12779
nucleotide sequences 3517	glutamate-ammonia ligase, mutations 235	nucleotide sequences 12779
dehydrins	glutamyl-tRNA reductase	microsatellites 2498, 11670
DNA hybridization 10319	gene expression 3520, 5434	mutagens 4450, 5272, 6660, 9094,
nucleotide sequences 10319	nucleotide sequences 5434 growth period 3518	10318, 10320
deoxynucleoside triphosphates 5272	growth regulators 3521	NAD(P)H-plastoquinone-oxidoreductas
deoxyribonuclease gene expression 11667	gene expression 322, 7875-7876,	gene expression 5436
nucleotide sequences 11667	13003	naked grain 3528
desiccation, gene expression 322	genetic engineering 13003	naringenin-chalcone synthase
development	habit	gene expression 10329
gene mapping 4301	genetics 5437	nucleotide sequences 10329
restriction fragment length polymor-	mutations 5437	nitrogen 11678
phism 4301	haemoglobin, gene expression 227	nucleic acids 3438
diseases 5317, 12795	haploidy 1452, 2502, 2507, 4456, 5439,	nutrients 2396, 3523, 11678
gene mapping 12800	7879, 11672	nucleotide sequences 3525
DNA binding proteins	artificial selection 7878	nutritive value 3527
gene expression 1449, 6657	maternal effects 7881	Oryza sativa
nucleotide sequences 1449, 6657	multivariate analysis 7880	intergeneric hybridization 6558
DNA hybridization 11666	stability 7881	protoplast fusion 6558
DNA replication 233	harvest index	outcrossing 5433
drought resistance 4310, 5400, 7900,	combining ability 12787	oxalate oxidase
9105, 10328	genotype environment interaction	gene expression 4464
artificial selection 12801	12787	nucleotide sequences 4464
gene expression 245	heat resistance 5400, 10322	oxidoreductases, gene mapping 1461
gene mapping 246, 9103	height	pathogenesis-related proteins 12799
genetic markers 9103	gene mapping 4301	gene expression 251, 4463, 9104,
elongation factors	genetics 5437, 9097	12803
gene mapping 2495	mutations 5437	gene mapping 5313
nucleotide sequences 2495	restriction fragment length polymor-	mutations 9104
restriction fragment length polymor-	phism 4301	pathogens genetic markers 12713
phism 2495	herbicides, genetic transformation 7766	
embryo culture 2508, 3515, 7879	Heterodera avenae 9086	polymerase chain reaction 12713 phenolic compounds 9107
endosperm	gene mapping 9115	phenylalanine ammonia-lyase, gene
gene expression 6653	restriction fragment length polymor-	
mutations 6661	phism 9115	expression 11677 phosphoric monoester hydrolases 2503
nucleotide sequences 6653	histones 2499	phosphorus 3523
enzymes	hordein	photosynthesis 10322
gene expression 10317 mutations 6661, 7883, 10317	genetic distance 2509 genetics 4454	gene expression 5436
Erysiphe graminis 254-256, 1462-1463,		mutations 236
5446, 5449, 9106-9107, 10330,	polymorphism 9098, 10323 recombination 2509	nucleotide sequences 4504
11678	hybrid seed production 4448	phytase 7882
amplified fragment length polymor-	hydrolases	phytic acid
phism 1464	gene expression 12782	amplified fragment length polymor
gene expression 257, 4462, 4464-	nucleotide sequences 12782	phism 11668
4465, 10329, 12803	ideotypes 237, 2394	gene mapping 11668
gene mapping 1464, 5450	inbreeding depression 7889	linkage 11668
genetic markers 2519, 5450	induced mutations 3516, 9094	mutations 11668
genetics 3532, 6671, 9108-9110,	inflorescences	Pisum sativum, crop mixtures 2829
12802	genetics 2505, 7884	plant composition, genetics 2511
nucleotide sequences 10329	linkage 228	plant embryos
random amplified polymorphic DNA	mutations 5447, 7884	gene expression 1449, 3517, 3524
2519	pleiotropy 1452	nucleotide sequences 3517
restriction fragment length polymor-	random amplified polymorphic DNA	plastids, gene expression 4447
phism 4314	228	pollen 5433
esterases	inorganic pyrophosphatase	pollen culture 4455
gene mapping 6655	gene expression 9096	polyploidy, genetics 4452
induced mutations 10320	nucleotide sequences 9096	potassium, nucleotide sequences 3525
ethyl methanesulfonate 4450, 9094	interspecific hybridization 1450, 1458,	proteins 5310
flowering, genetics 4448	2502, 6670, 7879-7880, 11676	gene expression 1455, 9093
forage 12708, 12790	isoenzymes	nucleotide sequences 1455, 9093
fructans	gene mapping 6655	protoplast culture 241
gene expression 5435	induced mutations 10318	Pseudomonas syringae
genetic engineering 5435	jasmonic acid, gene expression 251,	gene expression 252
Fusarium culmorum 4311	7875-7876	genetic engineering 252
gamma radiation 3516, 5353, 6660, 9094	lasers 7879	psoralens 6660

Iordeum vulgare cont.	Hordeum vulgare cont.	Hordeum vulgare cont.
Puccinia graminis	somaclonal variation 4456, 7894, 9100	yields cont.
gene mapping 259	random amplified polymorphic DNA	genotype environment interaction
genetics 9111	4457	12787
Puccinia hordei 5446, 7904	restriction fragment length polymor-	Horticultural crops
amplified fragment length polymor- phism 10331	phism 4457 somatic embryogenesis 11673	cryopreservation 6544
gene mapping 10331	sowing date 2514, 10312	genetic engineering 8987 genetic resources 6544
genetics 7903	stability 10328	in vitro culture 6545
linkage 7903	artificial selection 12785	induced mutations 6545
Puccinia striiformis 5318, 9112, 12791	starch 243, 6668	Hosta capitata
amplified fragment length polymor-	mutations 2510	gene flow 3274
phism 4467	stems 5427	seed dispersal 3274
gene mapping 4467 Pyrenophora graminea	genetics 5437 mutations 5437	Huernia
gene mapping 2469	sterility, induced mutations 6660	chromosome morphology 7572
genetic markers 2469	stomata 3521	chromosome number 7572 DNA 7572
Pyrenophora teres 2518, 5445-5446,	stress	Humulus lupulus
12796, 12798-12799	artificial selection 12785	amplified fragment length polymorphism
genotype environment interaction	gene expression 9104	5160
7901 anality 243 2512 3528 3520 5310	mutations 9104	biotechnology 12789
quality 243, 2512, 3528-3529, 5310, 5442, 6668, 7895, 9102, 10327,	sulfur	breeding 3335
11674, 12790	gene expression 1455 nucleotide sequences 1455	cultivars, Ultra 2265
artificial selection 5440	telomerase	essential oils 8858 genetic resources 12572
biotechnology 12789	chromosomes 11521	Phorodon humuli 8858
gene mapping 1454	polymerase chain reaction 11521	Pseudoperonospora humuli 8858
genetic markers 5440	tillering 2394	restriction fragment length polymorphism
genetics 242, 9101	tissue culture 11673	5161
genotype environment interaction 7896	tocopherols 238 tocotrienols 238	variety trials 12573, 13609
germplasm releases 10326	toxic substances 2396, 2500, 8995	Hyadaphis tataricae, Lonicera 4119
restriction fragment length polymor-	gene mapping 2517	Hybrid chlorosis
phism 5441	genetics 2517	Secale cereale, genetics 4475 Triticum aestivum, genetics 4475
techniques 12788	transcription factors	Hybrid necrosis
quantitative traits	gene expression 6653	triticale 11656
amplified fragment length polymor-	nucleotide sequences 6653	Triticum aestivum 6649, 11656
phism 10331 gene dosage 10316	transposable elements	genetics 7790
gene mapping 1454, 10331	nucleotide sequences 3512, 3514, 6652	Triticum turgidum, genetics 7790
mutations 10316	polymerase chain reaction 3513	Hybrid seed production
random amplified polymorphic DNA	trihydroxystilbene synthase, genetic trans-	Allium porrum 5862 Beta vulgaris (sugarbeet) 11079, 12362
2492-2493, 5439	formation 10946	Brassica napus 7267
recombination, restriction fragment length	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	genetic transformation 7267
polymorphism 4449	tion 4354	Brassica napus (rape) 4949
repetitive DNA DNA hybridization 4446	trypsin inhibitors 240 Ustilago segetum 4466	Brassica oleracea 2933
nucleotide sequences 3445, 4446	variety classification 2498	Brassica oleracea (broccoli) 1803
restriction fragment length polymor-	amplified fragment length polymor-	Brassica oleracea (cabbages) 2931, 8346
phism 3445	phism 229, 2497	Cucumis melo 12135 Cucumis sativus 8392
restriction fragment length polymorphism	genetic markers 229, 6656	Elaeis guineensis 896
2492, 5430-5431	polymorphism 9098	Glycine max 9389
Rhopalosiphum maidis 10333-10334 Rhynchosporium secalis 1459, 5446,	random amplified polymorphic DNA 229, 11519	Helianthus, germplasm releases 3975
9092	repetitive DNA 229	Helianthus annuus 3110
gene mapping 5448	restriction fragment length polymor-	germplasm releases 3973
genetic transformation 1460	phism 229	Hordeum vulgare 4448
genetic variance 4461	variety trials 4296, 7764, 7895, 10312-	Lycopersicon esculentum 10811 male sterility 1348
genetics 6669, 7902	10314, 10334, 12777-12778	Oryza sativa 2641, 3615-3616, 4540,
techniques 12797	computer programming 7874	8052, 9231, 12942-12944, 12970
ribosome-inactivating proteins 12700 gene expression 226	multivariate analysis 7874 vomitoxin 4311	Pennisetum glaucum 343
ribosomes, mutations 4447	water balance 4310, 9105	germplasm releases 2621
RNA 12700	gene mapping 1451	Pennisetum purpureum 343
RNA polymerase, chloroplast genetics	random amplified polymorphic DNA	Theobroma cacao 2097
230	1451	Triticum aestivum 7789 random amplified polymorphic DNA
roots 3523	restriction fragment length polymor-	4355
salinity 1458, 7754, 7899	phism 1451  Xanthomonas campestris, gene mapping	restriction fragment length polymor-
amplified fragment length polymor- phism 1457	4460	phism 4355
artificial selection 248	xyloglucan endotransglycosylase	Zea mays 1492, 7933, 9148, 10419-
gene mapping 1457	gene expression 3522	10420
genetic variance 2516	nucleotide sequences 3522	germplasm releases 1481, 5545
genetics 4459	yield components 4466	Hybrid varieties Asparagus officinalis 7048
heritability 2516, 4459	amplified fragment length polymor- phism 7877	Beta vulgaris (sugarbeet) 6145-6146
in vitro selection 250	combining ability 7887	Brassica oleracea (cauliflowers) 10784
seeds 11675 gene expression 12784	gene mapping 7886	Capsicum 10835
genetic variance 1452, 2504	genetic variance 7889, 12786	Capsicum annuum 5899, 5942
techniques 7885	genetics 6663, 7891	Coffea 9860
heritability 1452	genotype environment interaction	Coffee arabica 7367
nucleotide sequences 11671	7896	Cucumis melo 5961-5962
senescence	heritability 7889-7890, 12786	Cucumis sativus 5972-5973, 6549, 7106 Daucus carota 5814
gene expression 3519	heterosis 7877, 7889 somaclonal variation 6665, 7893	Helianthus annuus 6092-6093
nucleotide sequences 3519	yield correlations 225, 2518, 5438, 6664,	Lycopersicon esculentum 737, 2946,
sister chromatid exchange 5272 sodium azide 4450, 10318, 10320	7888, 7890	5899-5900, 5906, 6549, 8364,
soil pH 2396	mathematics 2506	10802
soil toxicity	yields	Momordica charantia 5979, 7116
gene mapping 2517	combining ability 12787	Musa 1967 Orchidaceae 13577
mamatian 75 17	ECHC IIIabbiliz ,744.)	01011000000 10011

Hybrid varieties cont.	Hypericum cont.	In situ hybridization
ornamental orchids 2226-2227, 3302,	tissue culture 1169	Zea mays
5124, 7563, 10038, 12538	Hypericum maculatum	phosphoprotein phosphatase 288
Oryza sativa 348, 2640, 6752, 6755,	dry matter 1176	protein kinase 288
		In vitro culture 5283, 12685
9210, 12925	plant composition 1176	in vitro culture (see also Anther culture;
Ostrinia nubilalis 8000	Hypericum perforatum	
Protea 9996	apomixis 10057	Cell culture; Embryo culture; Ovule
Rhododendron 5088, 11225	chromosome number, somaclonal varia-	culture; Protoplast culture; Tissue
Saccharum 3133-3134	tion 10056	culture)
Secale cereale 6686	dry matter 1176	In vitro culture
Solanum melongena 6549	hypericin, somaclonal variation 10056	Allium cepa 13189
		Allium sativum 13189
Solanum tuberosum 4689, 9510, 12027	plant composition 1176	Bambusa arundinacea 7612
Sorghum bicolor 330, 5305, 10501	polyploidy, somaclonal variation 10057	
Sorghum sudanense 5305	tissue culture 3314	Blechnum spicant 3309
Triticum aestivum 4320, 4336, 4338	Hypoxylon mammatum, Populus tremuloides	books 13627
Triticum spelta 7769	4074	Citrus 9710
Zea mays 297, 3544, 5305, 5479, 7924,	Hystrix coreana	Datura fastuosa 5283
		essential oil plants, conferences 10096
7934, 8000, 8005, 9134, 10458	chromosome banding 5673	fertilization 1343
history 9126	chromosome morphology 5673	
Hybrid vigour (see Heterosis)	Hystrix patula	genetic resources 12686
Hybridization 1352	chromosome banding 5673	horticultural crops 6545
(see also Graft hybridization; Intergeneric	chromosome morphology 5673	Litchi chinensis 1996
hybridization; Interspecific hybridiza-	IAA	Lolium perenne 8147
tion; Protoplast fusion; Wide		Lycopersicon esculentum 9594
hybridization)	Arabidopsis thaliana 11449	medicinal plants, conferences 10096
Aphelandra pulcherrima, multivariate	mutations 4255, 4274, 12653	Melilotus 9337
	Pisum sativum	
analysis 10049	genetics 8278	Mentha 7595
genetic markers 5270	mutations 8278	Musa 6039, 10963
mathematics 2364, 5270	Populus, gene expression 4073	Nicotiana 2121
nucleocytoplasmic interaction 7748	Zea mays, mutations 1511	ornamental ferns, spores 13579
Oryza sativa		ornamental plants 6304
gene mapping 12946	Ice nucleation, Hippophae rhamnoides	Orychophragmus violaceus 7340
history 1557	10958	Pisum sativum 6942
Saccharum officinarum 6122	Ideotypes	Polymnia sonchifolia 8341
	Agropyron 11884	
Tulipa gesneriana 1119	Brassica pekinensis, artificial selection	Solanum tuberosum 12032-12033
Hydrogen peroxide	10794	spice plants, conferences 10096
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Capsicum 5954	Syzygium cumini 5283
tion 13436	Capsicum annuum 5954	Valeriana officinalis 1179
Oryza sativa 10572		Zea mays 1495-1496
Solanum tuberosum 4695	Hordeum vulgare 237, 2394	In vitro selection
Hydrolases	Medicago sativa, artificial selection	Acacia saligna, salinity 12456
Hordeum vulgare	5685-5686	Actinidia deliciosa, soil pH 1962
gene expression 12782	Oryza sativa, genetics 9245	
	Pisum sativum 11988	Anthurium, Radopholus citrophilus 11265
nucleotide sequences 12782	Prunus dulcis 8490	Arachis hypogaea
Lupinus angustifolius	Saccharum officinarum 13395	drought resistance 11051
gene expression 5704	triticale 2394	Mycosphaerella berkeleyi 8577
nucleotide sequences 5704	Triticum aestivum 174, 2394	Arnebia euchroma, shikonin 1165
Hydroperoxide dehydratase, Arabidopsis		Asparagus officinalis, Gibberella
thaliana, gene expression 12624	Zea mays 2593	fujikuroi 13202
Hydroponics	Idiogram (see Chromosome morphology)	bacteria, reviews 11497
Cucumis sativus 4789	Ilex	Beta vulgaris
Fragaria ananassa 12222	chemotaxonomy 4108	herbicides 8625
Hydroxamic acids	flavonoids 4108	
	genetic resources 9906	imidazolinone 8625
Zea mays	Ilex kudingcha, tissue culture 12505	Beta vulgaris (sugarbeet) 9851
Diabrotica virgifera 7979	Ilex paraguariensis	quality 11089
genetic engineering 2594	breeding 9907-9910	Brassica, salinity 3097
β-Hydroxylase		Brassica juncea
Pisum sativum	conferences 10100	drought resistance 4960
genetics 2836	genetic resources 9904-9906	salinity 4960
nucleotide sequences 2836	plant embryos 9912	
Hydroxymethylglutaryl-CoA reductase	population genetics 9904	Capsicum annuum, drought resistance
	provenance trials 9909	771
Camptotheca acuminata	seed orchards 9907	Casuarina equisetifolia, salinity 3232
gene expression 1166		Cicer arietinum
nucleotide sequences 1166	seeds 9912	atrazine 1673-1674, 5778
Hydroxymethylpyrimidine kinase, Brassica	sexual reproduction 9911	formothion 1673
napus (rape), nucleotide sequences	tissue culture 9913	herbicides 1673-1674, 5778
12271	Imidazolinone	monocrotophos 1673
Hydroxyproline	Beta vulgaris	Cichorium intybus
Daucus carota, in vitro selection 1789	genetics 8625	
	in vitro selection 8625	chlorsulfuron 732
Onobrychis viciifolia, induced mutations		herbicides 732
8231	Immunoglobulins, genetic transformation,	Coffea arabica, Colletotrichum kahawae
Hydroxyproline-rich glycoproteins, angio-	reviews 12605	931
sperms, reviews 1342	Immunology, grasses 2702	Coriandrum sativum, drought resistance
Hymenula cerealis, triticale 2539	Immunophilins, Spinacia oleracea, nucleo-	8850
Hyoscyamine, Datura 7586	tide sequences 8358	
Hyoscyamine dioxygenase, Catharanthus	Impatiens	Cucumis melo, Fusarium oxysporum
roseus, nucleotide sequences 1150		1857
Hyoscyamus albus, protoplast fusion 13588	cultivars	
	cultivars Ambience 7518	Cuminum cyminum, Alternaria burnsii
	Ambience 7518	8851
Hyoscyamus muticus	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519	8851 Cyamopsis tetragonoloba
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520	8851
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588 streptomycin, in vitro selection 6379	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520 Tempest 7521	8851 Cyamopsis tetragonoloba
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520	8851  Cyamopsis tetragonoloba  atrazine 1673  formothion 1673
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588 streptomycin, in vitro selection 6379	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520 Tempest 7521	8851  Cyamopsis tetragonoloba atrazine 1673 formothion 1673 herbicides 1673
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588 streptomycin, in vitro selection 6379 tissue culture 6380	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520 Tempest 7521 Impatiens balsamina development, gene expression 10018	8851  Cyamopsis tetragonoloba atrazine 1673 formothion 1673 herbicides 1673 monocrotophos 1673
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588 streptomycin, in vitro selection 6379 tissue culture 6380 Hyoscyamus niger cultivars, Aekla 3316	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520 Tempest 7521 Impatiens balsamina development, gene expression 10018 flowering, gene expression 10018	8851  Cyamopsis tetragonoloba atrazine 1673 formothion 1673 herbicides 1673 monocrotophos 1673 Cymbopogon martinii, salinity 1213
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588 streptomycin, in vitro selection 6379 tissue culture 6380 Hyoscyamus niger cultivars, Aekla 3316 spermidine synthase	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520 Tempest 7521 Impatiens balsamina development, gene expression 10018 flowering, gene expression 10018 Impatiens laumonieri, taxonomy 1096	8851  Cyamopsis tetragonoloba atrazine 1673 formothion 1673 herbicides 1673 monocrotophos 1673  Cymbopogon martinii, salinity 1213 Daucus, Erwinia carotovora 7015
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588 streptomycin, in vitro selection 6379 tissue culture 6380 Hyoscyamus niger cultivars, Aekla 3316 spermidine synthase gene expression 6550	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520 Tempest 7521 Impatiens balsamina development, gene expression 10018 flowering, gene expression 10018 Impatiens laumonieri, taxonomy 1096 Impatiens sarawakensis, taxonomy 1096	8851  Cyamopsis tetragonoloba atrazine 1673 formothion 1673 herbicides 1673 monocrotophos 1673 Cymbopogon martinii, salinity 1213 Daucus, Erwinia carotovora 7015 Daucus carota
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588 streptomycin, in vitro selection 6379 tissue culture 6380 Hyoscyamus niger cultivars, Aekla 3316 spermidine synthase gene expression 6550 nucleotide sequences 6550	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520 Tempest 7521 Impatiens balsamina development, gene expression 10018 flowering, gene expression 10018 Impatiens laumonieri, taxonomy 1096 Impatiens sarawakensis, taxonomy 1096 Impatiens tujuhensis, taxonomy 1096	8851  Cyamopsis tetragonoloba atrazine 1673 formothion 1673 herbicides 1673 monocrotophos 1673 Cymbopogon martinii, salinity 1213 Daucus, Erwinia carotovora 7015 Daucus carota Erwinia carotovora 5833
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588 streptomycin, in vitro selection 6379 tissue culture 6380 Hyoscyamus niger cultivars, Aekla 3316 spermidine synthase gene expression 6550 nucleotide sequences 6550 Hypericin, Hypericum perforatum,	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520 Tempest 7521 Impatiens balsamina development, gene expression 10018 flowering, gene expression 10018 Impatiens laumonieri, taxonomy 1096 Impatiens sarawakensis, taxonomy 1096 Impatiens tujuhensis, taxonomy 1096 Importin	8851  Cyamopsis tetragonoloba atrazine 1673 formothion 1673 herbicides 1673 monocrotophos 1673  Cymbopogon martinii, salinity 1213 Daucus, Erwinia carotovora 7015 Daucus carota Erwinia carotovora 5833 glyphosate 9542
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588 streptomycin, in vitro selection 6379 tissue culture 6380 Hyoscyamus niger cultivars, Aekla 3316 spermidine synthase gene expression 6550 nucleotide sequences 6550 Hypericin, Hypericum perforatum, somaclonal variation 10056	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520 Tempest 7521 Impatiens balsamina development, gene expression 10018 flowering, gene expression 10018 Impatiens laumonieri, taxonomy 1096 Impatiens sarawakensis, taxonomy 1096 Impatiens tujuhensis, taxonomy 1096	8851  Cyamopsis tetragonoloba atrazine 1673 formothion 1673 herbicides 1673 monocrotophos 1673  Cymbopogon martinii, salinity 1213 Daucus, Erwinia carotovora 7015 Daucus carota Erwinia carotovora 5833 glyphosate 9542
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588 streptomycin, in vitro selection 6379 tissue culture 6380 Hyoscyamus niger cultivars, Aekla 3316 spermidine synthase gene expression 6550 nucleotide sequences 6550 Hypericin, Hypericum perforatum,	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520 Tempest 7521 Impatiens balsamina development, gene expression 10018 flowering, gene expression 10018 Impatiens laumonieri, taxonomy 1096 Impatiens sarawakensis, taxonomy 1096 Impatiens tujuhensis, taxonomy 1096 Importin	8851  Cyamopsis tetragonoloba atrazine 1673 formothion 1673 herbicides 1673 monocrotophos 1673  Cymbopogon martinii, salinity 1213 Daucus, Erwinia carotovora 7015 Daucus carota Erwinia carotovora 5833 glyphosate 9542 herbicides 9542
Hyoscyamus muticus protoplast fusion 13588 streptomycin, in vitro selection 6379 tissue culture 6380 Hyoscyamus niger cultivars, Aekla 3316 spermidine synthase gene expression 6550 nucleotide sequences 6550 Hypericin, Hypericum perforatum, somaclonal variation 10056	Ambience 7518 Celebration Candy Pink 7519 Shadow 7520 Tempest 7521 Impatiens balsamina development, gene expression 10018 flowering, gene expression 10018 Impatiens laumonieri, taxonomy 1096 Impatiens sarawakensis, taxonomy 1096 Impatiens tujuhensis, taxonomy 1096 Importin Oryza sativa	8851  Cyamopsis tetragonoloba atrazine 1673 formothion 1673 herbicides 1673 monocrotophos 1673  Cymbopogon martinii, salinity 1213 Daucus, Erwinia carotovora 7015 Daucus carota Erwinia carotovora 5833 glyphosate 9542

In vitro selection cont.	Inbreeding cont.	Induced mutations cont.
Daucus carota cont.	Beta vulgaris (sugarbeet)	Arabidopsis thaliana cont.
toxic substances 700, 1789	cytoplasmic male sterility 4004	flowering 6475, 10190
forest trees, salinity 12444	morphology 3151	glycine-tRNA ligase 12635
Fragaria ananassa, cold resistance 4859-	Caesalpinia echinata, random amplified	inflorescences 10189
4860 fungi raviawa 11407	polymorphic DNA 10076	morphology 5236
fungi, reviews 11497 Gladiolus, Fusarium oxysporum 7557,	Eucalyptus globulus 11176	ornithine decarboxylase 3404
11291	Fragaria ananassa 4821	photolyases 6486
Gladiolus grandiflorus 11287	Lolium multiflorum isoenzymes 10586	photoreceptors 11460 photosynthesis 7731
Glycine max	microsatellites 10586	plant embryos 12635
toxic substances 960	mathematics 11478	pollen germination 5244
tungsten 960	Medicago sativa 521	polyembryony 8950
Hordeum vulgare	Oryza glumaepatula 3629	recombination 2337
cold resistance 247	Pinus caribaea, isoenzymes 6282	roots 3404, 5244
salinity 250	Secale cereale 6684	seeds 82
Hyoscyamus muticus, streptomycin 6379	Solanum tuberosum, mathematics 4682	spermine 2351, 6512
Ipomoea batatas, salinity 8335	Trifolium incarnatum	stems 3400
Lithospermum erythrorhizon, shikonin 1165	Fusarium oxysporum 1655 Meloidogyne incognita 1655	tobacco mosaic tobamovirus 7738 X radiation 1303, 2337
Lotus corniculatus, vigour 2759	Vitex lucens 4078	Arachis hypogaea 4981, 8559, 8577
Lycopersicon esculentum, salinity 10822	Zea diploperennis 2566	chlorophyll 7326
Lycopersicon pennellii, salinity 10822	Zea mays 2543, 2548-2550, 2566, 3545-	senescence 12327
Malus pumila, Alternaria alternata 5998	3546, 5476, 7922, 9130	yield components 8560-8561, 8566,
Mangifera indica, Glomerella cingulata	development 11709	9813-9814
9718	Inbreeding depression 3360	Artemisia pallens 5156
Medicago sativa	Abelmoschus esculentus 12141	Atropa belladonna
drought resistance 9333	Anacardium occidentale, yield compo-	amiprofos-methyl 3179
fusaric acid 10610	nents 9754	tubulin 3179
salinity 5691	Blandfordia grandiflora 10026	Betula pendula, anatomy 9935
Medicago varia	Brassica juncea oils 8514	books 12590  Borago officinalis, seed production
proline 3692	yields 8514	10058
salinity 3692 Musa	computer simulation 11481	Brassica campestris (sarson) 8506
Fusarium oxysporum 9701	Cucurbita texana 13250	Brassica carinata
Mycosphaerella fijiensis 3929	Dactylis glomerata 10584	erucic acid 7294
Nasturtium officinale, Spongospora sub-	genetics 7649	fatty acids 7294
terranea 9582	mathematics 2365	Brassica juncea
Nicotiana tabacum	Glycine max 1683	anthocyanins 7276
cucumber mosaic cucumovirus 6188	yield components 13082	earliness 5887
manganese 6176	Hordeum vulgare 7889 Juglans regia 6066	leaves 11010 yield components 5887, 13359
toxic substances 960, 6176	Mimulus, dominance 10006	Brassica napus (rape)
tungsten 960	Mimulus guttatus, epistasis 6323	erucic acid 8520
Oryza sativa	Ophiopogon xylorrhizus, isoenzymes	fatty acids 8520, 9788
aluminium 2670 cold resistance 3642, 3649	11250	growth period 8520
development 12984	Pinus radiata 9966	incompatibility 12275
herbicides 8108	Pinus washoensis, isoenzymes 4084	Camelina sativa
lysine 8085	Pseudotsuga menziesii 7483	fatty acids 4987, 9820
Magnaporthe grisea 8104, 11851	Sorghum bicolor 334	linolenic acid 4987, 7341  Cannabis sativa 7419
nutritive value 8085	Trifolium alexandrinum 8201 Vicia faba, yield components 11961	Capsicum annuum 2968
Pseudomonas fuscovaginae 3655	Vigna radiata, yield components 2865	yield components 1843
Rhizoctonia solani 2675	Vigna unguiculata, yield components	Catharanthus roseus 10055
salinity 2666, 4561, 4563, 5620,	3769	Chrysanthemum morifolium 1083
8095, 9280	Zea mays 9128	Cicer arietinum 13135
Piper nigrum, Phytophthora capsici 8852	Incompatibility 1338, 1352	development 2846
reviews 11496 Saccharum officinarum, phosphates 8600	Ananas comosus 9722	quality 10710
Sesamum indicum	Arabidopsis 877	respiration 2846
Fusarium oxysporum 8584	Brassica 877	Corchorus 5041
Macrophomina phaseolina 8584	Brassica napus (rape), induced mutations 12275	crops, books 10114  Cucumis sativus, yield components 7111
Solanum melongena	Brassicaceae 877	Cyamopsis tetragonoloba, yield compo-
atrazine 762	Cichorium intybus 12087	nents 1755
herbicides 762	Prunus armeniaca, genetics 817	Cymbidium 6364
Solanum tuberosum	Solanum chacoense 9523	Dendranthema, colour 6334
Phytophthora infestans 9533	Solanum phureja 9523	Dendranthema grandiflora 7539
quality 13166	Solanum tuberosum 9523	colour 7534
sterols 9533	Vigna radiata 668	flowers 7534
yield components 13166 Sorghum bicolor, salinity 1545	Vigna umbellata 668	inflorescences 7535  Dendranthema morifolium
Trigonella foenum-graecum, salinity 8849	Indole synthase, Zea mays, mutations 3568 Indoleacetate-lysine synthetase, Nicotiana	flowering 11257
triticale, aluminium 4406	tabacum, genetic transformation 3171	growth period 11257
Triticum aestivum	Induced mutations	Eragrostis tef 505
aluminium 4406	Allium cepa 2368, 10220, 10777	Festuca pratensis
cold resistance 5391	Amaranthus edulis	fertility 5661
Gibberella zeae 4426, 9072	phosphoenolpyruvate carboxylase	pollen 5661
proline 5391	2684	Fragaria ananassa 6554
salinity 212, 7849, 11638, 12754	photosynthesis 2684	Gerbera jamesonii, inflorescences 7535
Tulipa gesneriana 11287	Ananas comosus	Gladiolus 13574 Glycine max 9381-9382
Vigna mungo, drought resistance 8303	isoenzymes 9724 morphology 9724	fatty acids 10998
Vigna unguiculata	Arabidopsis thaliana 11433	fluorescence 9416
atrazine 1673-1674 formothion 1673	arginine decarboxylase 3404	linolenic acid 11950
herbicides 1673-1674	aspartate aminotransferase 10185	morphology 6911
monocrotophos 1673	auxins 10172	necroses 9455, 11958
Vitis, Viteus vitifoliae 10953	cold resistance 2358, 10205	nodulation 5737, 9438, 10650, 13087
Zea mays	development 2351, 5245, 8950,	oils 9427
polyamines 3580	10189-10190	proteins 9427
salinity 3580	DNA repair 5240, 6486	roots 9416, 9455 seeds 9408
Inbreeding 7652	flavonoids 82	30043 7100

Induced mutations cont.	Induced mutations cont.	Inflorescences
Glycine max cont.	Phaseolus vulgaris cont.	Arabidopsis thaliana
stearic acid 1684	yield components 610, 8266, 11970	gene expression 2342, 6500
storage 9408	Phlox drummondii 7528	genetic transformation 2342
yield components 2790, 8245	Picea abies 9981	induced mutations 10189
Gossypium 972	Pinus sylvestris 9973	modifiers 10189
Gossypium barbadense, quality 13472	anatomy 9935	mutations 2342, 6500, 11451
Gossypium hirsutum	Pisum sativum 10683	nucleotide sequences 6500
Amrasca biguttula 9928	flowers 10687	Collinsia heterophylla, mutations 10019
habit 13465	fruits 10687	Dendranthema grandiflora, induced
Helicoverpa armigera 9928	leaves 10687	mutations 7535
quality 13470	light 623	Eleusine coracana 10524
Hamatocactus setispinus, chloroplasts	nodulation 629, 2842	Gerbera jamesonii, induced mutations
3308	phytochrome 623	7535
Helianthus annuus	Populus 9951	Glycine max, mutations 9412
fatty acids 7311, 10998	Prunus avium	Hordeum vulgare
oleic acid 894, 7311	development 10905	genetics 2505, 7884
palmitic acid 894	leaves 10905	linkage 228
yield components 2034	Psophocarpus tetragonolobus, tannins	mutations 5447, 7884 pleiotropy 1452
Hordeum spontaneum 3516 Hordeum vulgare 3516, 9094	4681	random amplified polymorphic DNA
canopy 5353	Pyrus communis	228
chlorophyll 4450, 10318	habit 812	Medicago sativa, artificial selection 818
esterases 10320	height 812	Musa
isoenzymes 10318	Quercus robur, anatomy 9935	epistasis 9694
leaves 5353	reviews 11496	genetic variance 9694
sterility 6660	Ricinus communis, inflorescences 4985	Oryza sativa 429, 9255
horticultural crops 6545	root crops 2869	artificial selection 9242
Jasminum polyanthum	Rosa 3259	mutations 10545
fragrance 1064	Rosa hybrida colour 8761	Panicum miliaceum, genetics 11754
volatile compounds 1064	flowers 8761	Ricinus communis
Lens culinaris, chlorophyll 1723	height 8761	chimaeras 4985
Linum usitatissimum (linseed)	Secale cereale 6688	induced mutations 4985
linolenic acid 3105	Sesamum indicum 3126, 3991	Solanum 10747
morphology 11026	yield components 11054, 12334	Solanum acaule 10747
seeds 11026	Silene pratensis, hermaphroditism 10014	Sorghum bicolor 9201, 12909
yields 11026	Solanum macrocarpon	Triticum aestivum 3458, 11576, 11580
Lotus japonicus	Leucinodes orbonalis 9614	epistasis 3459
nitrogen fixation 562	quality 9614	gene location 2427
nodulation 562	Solanum melongena	genetics 2424, 7813
Lycium barbarum, Fusarium oxysporum	atrazine 762	mutations 3459
2238	herbicides 762	somaclonal variation 2427
Lycopersicon esculentum 3829	Tigridia vanhouttei 11280	Triticum turgidum, genetics 7813
Alternaria alternata 12110	Tradescantia 11483	Zea mays 2582
chlorophyll 4762	chromosome aberrations 3307	artificial selection 306, 12880
male sterility 12099	Trifolium pratense	gene expression 10438
Macrotyloma uniflorum nutritive value 4680	seed production 2750, 6889	gene mapping 10431-10432
plant composition 4680	self compatibility 6889	genetic variance 2579
Malus pumila	Trigonella foenum-graecum, nodulation	genetics 2579
Alternaria alternata 5998	2242	mutations 303, 3563, 10431-10432,
spur types 5991	triticale	10438
variegation 804	growth period 5471	Zigadenus paniculatus, natural selection
Morus, mixoploidy 9683	height 5470	3301
Musa 9701, 10963, 13310	Triticum 2404	Information processing
Nicotiana plumbaginifolia	Triticum aestivum	Gossypium, quality 6213
amiprofos-methyl 3179	dormancy 161	variety trials, conferences 7629
tubulin 3179	lodging 7868	Initiation factors
Nicotiana sylvestris	male sterility 5348	Arabidopsis thaliana
amiprofos-methyl 3179	Puccinia recondita 7868	gene mapping 6468
tubulin 3179	yield components 7792, 7868	nucleotide sequences 6468
Nicotiana tabacum 12387	Vicia faba 6920-6921	Injuries
chromosome aberrations 4025	Vigna mungo 8301 chlorophyll 6974, 10724	Arabidopsis thaliana, gene expression
cucumber mosaic cucumovirus 6188	yield components 6974	3407, 10203, 12624, 12659
morphology 4025, 11114	Vigna radiata 9501, 10723	Betula pendula, gene expression 7429 Brassica napus
Onobrychis viciifolia, hydroxyproline	chlorophyll 667	gene expression 12291
8231 Opera agricus 420, 5584, 6703, 10537	yield components 3781	genetic engineering 12291
Oryza sativa 429, 5584, 6793, 10537 chlorophyll 9235, 9251	Vigna unguiculata	
colour 1584, 5595, 9251	proteins 13144	Lycopersicon esculentum, gene expression 5919
cytoplasmic male sterility 407	seeds 13144	Nicotiana tabacum 12402
globulins 8084	Uromyces appendiculatus 6971	gene expression 940, 5005, 11129,
glutelins 417	yield components 662	12291, 12659, 13435
height 6785	Volvariella diplasia	genetic transformation 12291, 1265
leaves 1583, 5595, 9251	adenine 4202	13435
Magnaporthe grisea 9227	cellulase 2268, 4202	Picea glauca 13516
morphology 9235	Zea mays 5520, 10398	Inorganic pyrophosphatase
nitrate reductase 10547	cell division 10395	Hordeum vulgare
regenerative ability 10555	chlorophyll 10406	gene expression 9096
salinity 9282	chromosome aberrations 10395,	nucleotide sequences 9096
waxes 1583	10405, 10407	Insects
xanthine dehydrogenase 10547	chromosome pairing 10406	Arabidopsis thaliana, natural selection
yield components 9235	development 2578, 9152	2362
Papaver somniferum	endosperm 10396	Arachis hypogaea 8581
quality 7587, 12554	ethyl methanesulfonate 10396	Brassica oleracea (cabbages) 4743
yields 7587, 12554	leaves 9152	Cajanus cajan 1739, 8294
Phaseolus vulgaris	mutagens 10396	Cicer 4669
growth period 13110	nutrients 10477	Cicer arietinum, genetic markers 13138
morphology 13110 nitrogen fixation 13112	phosphoenolpyruvate carboxylase	Citrus reticulata
nodulation 2825	5496	gene expression 9713
Hoddianon 2023	phosphorus 10477	genetic transformation 9713

sects cont.	Intergeneric hybridization cont.	Intergeneric hybridization cont.
crops	Arabidopsis thaliana, Brassica napus	Elymus hispidus
genetic engineering 17, 6440 genetic transformation 5200, 12601	(rape) 4948 Atylosia scarabaeoides, Cajanus cajan	Triticum aestivum 154, 2476-2477, 4436, 7784, 9078, 10267,
forest trees, genetic engineering 6261	1735	11640, 12725
genetic engineering, reviews 4222, 7683 genetic transformation 1267	Avena sativa, Zea mays 4469	Triticum durum 5338, 11564
Glycine max 1696, 5745	Brassica, Sinapis 13195 Brassica campestris	Elymus sibiricus, Triticum aestivum 240: Erianthus elephantinus, Saccharum
random amplified polymorphic DNA	Crambe abyssinica 8509, 9768	sinense 2078
2811	Diplotaxis tenuisiliqua 11009	Festuca
Gossypium 2147, 7413 combining ability 6245	Moricandia arvensis 7273	Lolium 2701, 11879
genetic transformation 6232-6233,	Raphanus sativus 1802, 2013-2014	Lolium multiflorum 8129 Festuca arundinacea
6238, 6243, 11154	Brassica carinata, Orychophragmus vio- laceus 6079	Lolium multiflorum 1631, 5647, 5649
Gossypium barbadense 981, 3203, 4053	Brassica chinensis, Raphanus sativus	6867, 11871
Gossypium hirsutum 981, 4053 genetic engineering 6242	4735-4737	Lolium perenne 6863, 6865
Liquidambar styraciflua, genetic transfor-	Brassica fruticulosa, Raphanus sativus 2917	Festuca pratensis Lolium multiflorum 1630, 2707,
mation 13500	Brassica juncea	11870
Lycopersicon peruvianum 1837 Oryza sativa, genetic transformation	Crambe abyssinica 8505, 8509, 9768	Lolium perenne 1630, 8148
3663	Diplotaxis catholica 12273	Hordeum chilense Triticum aestivum 258, 11522
Petunia hybrida, genetic transformation	Diplotaxis erucoides 7275 Erucastrum abyssinicum 2022	Triticum sphaerococcum 258
3294 Saccharum officinarum 7351	Moricandia arvensis 13354	Hordeum geniculatum, Triticum aestivun
Solanum melongena, genetics 8384	Orychophragmus violaceus 6079	4354  Hordeum marinum, Secale cereale 8993
Solanum tuberosum 1787	Raphanus sativus 1802, 2013-2014,	Hordeum vulgare
genetic engineering 8320	4735, 4737 Brassica maurorum, Raphanus sativus	Oryza sativa 6558
Vigna unguiculata 3773, 10719, 13146 Zea mays 7962, 7977	2917	Triticum aestivum 4354
artificial selection 2600	Brassica napus	Leymus chinensis, Triticum aestivum 4350
genetic engineering 2561	Crambe abyssinica 9768	Leymus racemosus, Triticum aestivum
reviews 7968	Diplotaxis catholica 7277 Hirschfeldia incana 13352	2406, 7793
techniques 7975 nterchanges (see Chromosome	Brassica napus (rape)	Lycopersicon esculentum, Solanum lycopersicoides 12096
translocation)	Crambe abyssinica 8509	Miscanthidium violaceum, Saccharum
nterferon, Lycopersicon peruvianum,	Moricandia nitens 11008	officinarum 2078
genetic transformation 7058  tergeneric hybridization	Raphanus raphanistrum 872, 3102, 12272	Miscanthus, Saccharum officinarum 12347
Aegilops	Raphanus sativus 4947	Miscanthus japonicus, Saccharum
Secale cereale 4352	Sinapis alba 3102	officinarum 2078
triticale 12838 Triticum 5403	Brassica oleracea	Miscanthus sinensis, Saccharum
Triticum aestivum 2412, 4373, 4397,	Erucastrum abyssinicum 2022 Raphanus sativus 1802	officinarum 2078 Oryza sativa
5350, 11577	Brassica oleracea (kale), Erucastrum	Porteresia coarctata 1571
Triticum durum 11577, 11660	abyssinicum 10786	Sorghum bicolor 5576
Aegilops caudata, Triticum aestivum 159 Aegilops comosa, Triticum aestivum	Brassica oxyrrhina, Raphanus sativus 2015, 2917	Zea mays 6814 Pennisetum glaucum, Triticum aestivum
9021, 12774	Brassica pekinensis, Raphanus sativus	4363
Aegilops crassa	4735-4737	Psathyrostachys juncea, Triticum aes-
triticale 7920  Triticum aestivum 4368	Cajanus cajan Flemingia bracteata 8290	tivum 5344 Secale cereale
Aegilops cylindrica	Flemingia bractedia 8290 Flemingia macrophylla 8290	Thinopyrum distichum 9122
Hordeum vulgare 2501	Rhynchosia bracteata 8290	triticale 268, 5307
Triticum aestivum 9020, 12722 Aegilops juvenalis	Chrysanthemum morifolium, Den-	Triticum 10342 Triticum aestivum 272, 2414, 2534,
Dasypyrum villosum, Triticum 4386	dranthema shiwogiku 1084, 10013 Citrus, Poncirus trifoliata 3069	4351, 4360, 4475, 5340, 5357,
triticale 7920	Citrus limonia, Poncirus trifoliata 3068	10266, 10342, 11555-11556,
Aegilops kotschyi, Triticum aestivum 159, 4369	Citrus sinensis	11563 Triticum monococcum 10344
Aegilops markgrafii, Triticum aestivum	Fortunella crassifolia 4915	Triticum turgidum 4353
4365	Poncirus trifoliata 6050 Citrus sunki, Severinia buxifolia 10970	Thinopyrum distichum, Triticum durum
Aegilops ovata, Triticum aestivum 6611	Coffea arabica, Psilanthus ebracteolatus	2408 Tripsacum, Zea mays 10415, 10425
Aegilops speltoides, Triticum aestivum 214, 4429, 11562	12369	Tripsacum dactyloides, Zea mays 5550,
Aegilops tauschii	Dactylis glomerata, Phleum pratense 6858	11717
Hordeum vulgare 3515	Dasypyrum villosum	triticale
triticale 1368 Triticum aestivum 1424, 2459, 3473,	Secale cereale, Triticum durum	Triticum aestivum 273, 4352, 4406, 6559, 7791, 10342, 10345,
7808	11561 Triticum 5413	11656
Triticum turgidum 3507, 5415	Triticum aestivum 2412, 2414, 9014,	Triticum durum 4352
Aegilops triuncialis Triticum aestivum 10309	11645	Triticum monococcum 10344 Triticum turgidum 4352
Triticum turgidum 10309	Triticum dicoccum 9014	Zea mays 271
Aegilops umbellulata, Triticum aestivum	Triticum durum 9073 Doritis pulcherrima, Phalaenopsis 11315	Triticum, Zea mays 6613
4364 Aegilops uniaristata, Triticum aestivum	Elymus	Triticum aestivum 11576 Zea 11557
1423	Leymus 6871	Zea mays 1400, 3449, 4357, 5347,
Aegilops variabilis, Triticum aestivum	Triticum 5337 Triticum aestiyum 4352 4373	7795-7796, 8994
5340	Triticum aestivum 4352, 4373 Triticum durum 4352, 4441	Triticum durum, Zea mays 12724 International Center for Agricultural
Aegilops ventricosa Triticum aestivum 4369	Triticum turgidum 4352	Research in the Dry Areas, reports
Triticum durum 11558	Elymus caninus, Kengyilia rigidula	1230, 5172
Agropyron tsukushiense	11887  Flymus elongatus Triticum aestivum 154	International Crops Research Institute fo
Kengyilia laxiflora 13040	Elymus elongatus, Triticum aestivum 154, 5340, 5357, 6648, 11563, 11640,	the Semi-Arid Tropics, reports 1227 International Network for the Improve-
Kengyilia rigidula 11887 Aloe aristata, Gasteria lutzii 3306	12768	ment of Banana and Plantain, report
Alpinia purpurata, Etlingera elatior 2208	Elymus farctus	2270 International Plant Canatia Passauras
Amblyopyrum mutica, Triticum aestivum	Triticum aestivum 1422, 5340 Triticum durum 1395	International Plant Genetic Resources Institute, reports 1228

Interspecific hybridization cont. Internodes Interspecific hybridization cont. erspecific hybridization cont.
Gossypium hirsutum 973, 981, 2140,
2142, 6199, 6204, 6206, 6215,
6222, 7404, 7407, 8672, 11142,
11144, 11146, 12413-12414, 13464, Brassicaceae 2938 Cajanus 8290 Aegilops, heterosis 11577 Arabidopsis thaliana gene expression 12642 Cajanus cajan 8290 Calamagrostis canescens 1640 mutations 12642 Calamagrostis canescens 1640
Calamagrostis stricta 1640
Camellia chrysantha 11231
Camellia japonica 11231
Capsicum annuum 5945, 10841, 12121
Capsicum chinense 5945, 10841, 12121
Carica 9732, 13323
Carica cauliflora 3950, 13322
Carica papaya 3950, 13322-13323
Castanea dentata 866 13469 Oryza glaberrima 419, 11843 Oryza sativa 419, 423, 11843 Sorghum bicolor, heterosis 3592 Gossypium sturtianum 12413 Gossypium trilobum 6199, 7404 Helianthus 12315
Helianthus annuus 2042, 4973, 6096, 9801, 12297, 12299-12300, 12315
Helianthus argophyllus 2042, 4973, 9801
Helianthus petiolaris 12299-12300
Helianthus praecox 12297
Helianthus tuberosus 6096
Hordeum 4449
Hordeum hyllogram 2502, 4440 Helianthus 12315 Triticum aestivum 164, 10277 heterosis 11577 Triticum durum, heterosis 11577 Interspecific hybridization 1338 Abies 9983 Acacia auriculiformis 11190 Acacia mangium 11190 Achillea 12558 Achillea monticola 1152 Castanea dentata 866 Castanea mollissima 866 Chamaecyparis obtusa 11209 Hordeum bulbosum 2502, 4449, 6670, 7879-7880 Chamaecyparis pisifera 11209 Achillea pratensis 1152 Aconitum jaluense 4174 Chiloglottis trapeziformis 7565 Chiloglottis valida 7565 Cicer arietinum 638, 6955 Hordeum spontaneum 1450, 1458, 11676 Hordeum vulgare 1450, 1458, 2502, 6670, 7879-7880, 11676 Ipomoea batatas 10766, 12055 Ipomoea triloba 10766, 12055 Aconitum japonicum 4174 Actinidia arguta 4896 Cicer pinnatifidum 638 random amplified polymorphic DNA Cicer reticulatum 6955 4887 Cichorium endivia 5898 Ipomopsis aggregata 6331 Ipomopsis tenuituba 6331 Actinidia deliciosa 4896 Cichorium intybus 5898 Citrus 9702, 12251 random amplified polymorphic DNA Iris brevicaulis 3299 Iris fulva 3296, 3299, 7551 4887 Citrus aurantium 6051 Citrus clementina 3941, 6048 Citrus deliciosa 3941, 10969 Citrus depressa 3940 Citrus limonia 6051 Citrus nobilis 10969 Actinidia kolomikta 4897 Actinidia kolomikta 4897 Actinidia polygama 4897 Aegilops tauschii 6569 Allium 3811, 7029 Allium ampeloprasum 714 Allium cepa 714, 4724 Allium fistulosum 714, 4724 Allium giganteum 7029 Allium roylei 4724 Iris germanica 8813 Iris hexagona 3296, 7551 Iris tectorum 8813 Juglans nigra 13340 Juglans regia 13340 Citrus paradisi 3940-3941 Citrus sinensis 6048, 6051 Kengyilia hirsuta 11887, 13040 Kengyilia laxiflora 13040 Citrus sunki 6051 Citrus unshiu 6048 Allium roylei 4724 Allium schoenoprasum 714 Alstroemeria 3297, 8812 Alstroemeria aurea 1109 Kengyilia rigidula 11887 Larix decidua 2182 Larix sibirica 2182 Coffea arabica 9860, 9864 Coffea bengalensis 8628 Lathyrus odoratus 8792 Lens 2845, 4664 Coffea canephora 8628, 9860, 9864 Coffea eugenioides 9860 Alstroemeria pelegrina 1109 Amelanchier 9645 Lens culinaris 2845 Leucaena 564 Coffea liberica 6158-6159, 9871 Anigozanthos 13557 Coffea pseudozanguebariae 6158-6159, 9871 Leucaena diversifolia 5717, 13060 Leucaena leucocephala 5717, 13060 Leucaena pulverulenta 5717 Annona cherimola 7249 Annona squamosa 7249 Cucumis hystrix 790, 1880 Anoectocĥilus formosanus 5132 Cucumis longipes 9622 Cucumis melo 774, 9621-9622 Leucospermum conocarpodendron 7506 Leucospermum patersonii 7506 Lilium 11297 Anoectochilus koshunensis 5132 Arachis 4980 Arachis 4980
Asplenium 11325
Aster falcatus 12517
Aster occidentalis 12517
Avena 5462
Avena eriantha 6636
Avena fatua 9118
Avena insularis 10336
Avena magna 10336 Cucumis metuliferus 774 Cucumis myriocarpus 9621 Cucumis sativus 790, 1880 Lilium 11297
Lilium callosum 10035
Lilium formosanum 1117
Lilium lancifolium 11299
Lilium leichtlinii 11299
Lilium longiflorum 1117, 8818, 11305
Lilium maculatum 8818 Cucurbita 5969 Cucurbita moschata 9624 Cucurbita pepo 9624 Cuphea tolucana 9821 Cuphea wrightii 9821 Cymbidium 11319 Daucus 7015 Avena magna 10336 Avena maroccana 6636 Lilium regale 10035 Lilium wilsonii 11299 Avena nuda 6636 Limonium 6328 Delphinium cardinale 1082 Avena sativa 5462, 9118, 10336 Limonium caspium 6328 Delphinium grandiflorum 1082 Baptisia lactea 9346 Limonium latifolium 6328 Delphinium nudicaule 1082 Baptisia sphaerocarpa 9346 Limonium perezii 11252 Dianthus 11251 *Beta* 6148 Limonium sinuatum 11252 Beta maritima 7357, 11071 Beta patellaris 929, 6157 Beta procumbens 929, 6156-6157 Dianthus capitatus 10024 Liriodendron chinense 3229 Dianthus caryophyllus 10024, 11251 Elaeis guineensis 12319 Liriodendron tulipifera 3229 Lolium multiflorum 11876 Beta vulgaris (sugarbeet) 929, 6156-6157, 7357, 11071
Beta webbiana 6157
Brachiaria brizantha 10596 Elaeis oleifera 12319 Lolium perenne 11876 Lotus 4576 Elymus 4585 Elymus canadensis 4583 Lupinus albus 6893 Elymus grandis 4585 Lúpinus angustifolius 6893 Brachiaria ruziziensis 10596 Brassica 2014 Elymus sibiricus 4583 Lupinus mutabilis 6893 Epipactis helleborine 1125 Lycopersicon 9608, 13210 Epipactis leptochila 1125 Eucalyptus 5051 Brassica campestris 726, 873-874, 3801, 7039, 7283, 9767 Brassica campestris (sarson) 11016 Lycopersicon cheesmanii 750 Lycopersicon chilense 8369, 10819 Lycopersicon esculentum 750-751, 1818-1820, 4756-4757, 4773, 5907, 5918, 7066, 7081, 8369, 9586, 9592, 9608, 10819, 12097, 12107, 13207, 13210 Eucalyptus grandis 995 Brassica campestris (turnip rape) 7287, Eucalyptus urophylla 995 Fagopyrum esculentum 8109-8110 Brassica campestris (turnips) 1801, 3817 Brassica carinata 2029, 7300, 9773, Fagopyrum homotropicum 8109-8110 Festuca arundinacea 2718 11016 Festuca gigantea 2718 Lycopersicon hirsutum 4757, 9586, 9592, 12107, 13207 Brassica fruticulosa 9767 Brassica juncea 2029, 2935, 3100, 7284, 7287, 7301, 9773, 9798, 11022, 13355 Fragaria 4842 Fragaria ananassa 4841-4843, 4852 Lycopersicon pennellii 5918, 7081 Fragaria chiloensis 4843 Lycopersicon peruvianum 1818-1820, 4756, 4773, 7066, 8369, 12097 Fragaria nilgerrensis 4852 4756, 4773, 7066, 8369, 12097
Lycopersicon pimpinellifolium 750-751,
5907, 7066, 7081, 12107
Lycoris africana 11281
Lycoris radiata 11281
Malus baccata 12153
Malus pumila 12153
Manihot dichotoma 12049
Manihot esculenta 2890, 5837, 12049
Manihot glaziovii 2890, 5837, 12049
Manihot pseudoglaziovii 2890 Brassica napus (rape) 873-874, 3100, 3102, 7284, 7301, 9767, 9798, 11022 Fragaria vesca 4841, 4852 Fragaria virginiana 4843 Glycine max 582, 1687, 4621, 13075 Glycine soja 582, 1687, 13075 Gossypium 972, 6204, 6206 Brassica napus (swedes) 3801 Brassica nigra 3100, 3102, 7300 Brassica oleracea 726, 2938, 3100, 7039, 7300, 9767 Gossypium 972, 6204, 6206 Gossypium arboreum 6199, 7404, 11142 Gossypium barbadense 973, 981, 2142, 6204, 6215, 6222, 7407, 11144, 11146, 12414, 13464, 13469 Brassica oleracea (kale) 3801 Brassica oxyrrhina 7283 Brassica pekinensis 1801, 2935, 3817 Gossypium harknessii 2140, 8672

Medicago 519, 4576, 8198	Interspecific hybridization cont.	Interspecific hybridization cont.
Medicago arborea 1649	Prunus avium 3015, 8428	Solanum sparsipilum 696
Medicago caerulea 2735	Prunus besseyi 9656 Prunus canescens 8428, 12181	Solanum torvum 9612
Medicago coerulea 1649, 8198	Prunus cerasus 3015, 8428, 12181	Solanum tuberosum 676, 685, 696-697, 1762, 2876-2877, 4686, 4692, 4701,
Medicago falcata 1649, 2734-2735, 8198	Prunus davidiana 10921, 10934	5798, 7009-7010, 9523, 9534, 9537,
Medicago sativa 1649, 2734	Prunus domestica 6005	10736-10739, 12025-12026, 12029,
Melilotus 9337	Prunus dulcis 814-815, 4807, 8436,	12042, 13176
Mentha aquatica 7595	10916, 12145	Solanum vernei 696
Mentha canadensis 7595	Prunus fruticosa 8428	Sorghum bicolor 2605, 3591, 5305,
Mentha longifolia 11336	Prunus mume 9652	10505
Mentha spicata 7595, 11336	Prunus persica 814-815, 4807, 8418,	Sorghum sudanense 3591, 5305, 10505
Mimulus guttatus 1088	8436, 10916, 10921, 10934, 12145	Thymus baeticus 4190
Mimulus platycalyx 1088	Prunus (plums) 8418	Thymus bracteatus 6388
Nicotiana alata 7380, 9884	Prunus salicina 9652	Thymus mastichina 4190
Nicotiana glauca 7387, 11137	Prunus spinosa 6005	Thymus pulegioides 6388
Nicotiana gossei 11124	Prunus triloba 9656	Tradescantia hirsutiflora 11324
Nicotiana langsdorffii 7387, 9884, 11137	Prunus ussuriensis 9656	Tradescantia subacaulis 11324
Nicotiana plumbaginifolia 9884	Pyrus communis 12163	Trifolium 4576
Nicotiana suaveolens 3180	Pyrus pyraster 12163	Trifolium ambiguum 541
Nicotiana tabacum 3180, 7380, 11124	Quercus gambelii, random amplified	Trifolium nigrescens 542, 4605
Nothofagus obliqua 1014	polymorphic DNA 2158	Trifolium repens 541-542, 4605
Nothofagus procera 1014	Quercus grisea, random amplified	Triticum 4417
Oenothera picensis 2209	polymorphic DNA 2158	Triticum aestivum 194, 220, 222, 1429,
Oenothera villaricae 2209	Rhamnus cathartica 2264	1432, 2412, 2463, 4349, 5350,
ornamental bulbs, reviews 11279	Rhamnus utilis 2264	5382, 6643, 7769, 7790, 7813,
Ornithogalum dubium 11277	Rhizophora samoensis 7459	7858, 9049, 9073, 9076, 11576
Ornithogalum multifolium 11277	Rhizophora stylosa 7459	Triticum araraticum 10268
Ornithogalum thyrsoides 11277	Rhododendron arboreum 5088	Triticum boeoticum 5350, 9076
Oryza 4546, 9232, 9234, 9237, 12960	Rhododendron catawbiense 12509	Triticum dicoccoides 1416, 3481, 6569
Oryza olaherrima 4541, 4560, 6801	Rhododendron caucasicum 5088	Triticum dicoccum 11541
Oryza glaberrima 4541, 4569, 6801	Rhododendron fortunei 12509	Triticum durum 220, 1416, 1429, 1432,
Oryza glumaepatula 9234 Oryza granulata 395	Rhododendron kaempferi 9999 Rhododendron kiusianum 9999	3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596
Oryza longistaminata 13019	Ribes 9670	Triticum macha 2412, 2463
Oryza minuta 398	Rosa 1073, 2203	Triticum monococcum 7858, 9076, 10268
Oryza nivara 6768	Rubus 4810	Triticum polonicum 5382
Oryza officinalis 2643, 6772, 8108, 9266	Rubus coreanus 12202	Triticum spelta 7769
Oryza punctata 8108	Rubus cuneifolius 12202	Triticum sphaerococcum 4349
Oryza rufipogon 4562, 6768, 13019	Rubus idaeus 3900	Triticum timopheevii 4349, 5350
Oryza sativa 394-395, 398, 2643, 4541,	Rubus occidentalis 3900	Triticum turgidum 2412, 7790, 7813,
4546, 4562, 4569, 6768, 6772,	Rubus parvifolius 1926	11596
6801, 8108, 9232, 9266, 12960,	Rubus phoenicolasius 1926	Tulipa 11306
13019	Rubus strigosus 3900	Tulipa agenensis 1119, 11306
Paeonia rockii 11220	Sabal mexicana 1015	Tulipa fosteriana 11313
Paeonia suffruticosa 11220	Sabal minor 1015	Tulipa gesneriana 1119, 11306, 11313
Papaver setigerum 6382	Saccharum 12348	Ulmus davidiana 6274, 7454
Papaver somniferum 6382	Saccharum barberi 3999, 11065, 13397	Ulmus pumila 6274, 7454
Paspalum dilatatum 9317	Saccharum officinarum 2078, 3999-4000,	Ulmus wilsoniana 6274
Paspalum juergensii 9317	11065, 12347, 13397	Vaccinium 7176
Paspalum malacophyllum 9317	Saccharum robustum 2078, 3999, 11065	Vaccinium ashei 8441
Passiflora amethystina 4933	Saccharum sinense 3999-4000	Vaccinium constablaei 8441
Passiflora edulis 856, 4933	Saccharum spontaneum 2078, 3999-4000,	Vaccinium corymbosum 831, 8441,
Passiflora quadrangularis 856	11065, 12347	10941
Pennisetum glaucum 6740, 8028	Salix 9953	Vaccinium darrowii 831, 10941 Vaccinium macrocarpon 7175
Pennisetum purpureum 6/40, 8028	Salix alba, amplified fragment length	Vaccinium macrocarpon 7175 Vaccinium reticulatum 7175
Penstemon 11260, 13555	polymorphism 5064  Salix fragilis, amplified fragment length	Vaccinium vitis-idaea 7175
Petunia 6349	polymorphism 5064	Vigna mungo 10722
Phaseolus acutifolius 2821, 2828	Salix rubens, amplified fragment length	Vigna radiata 668, 10721-10722, 10727
Phaseolus polyanthus 9473	polymorphism 5064	Vigna sublobata 10727
Phaseolus vulgaris 2821, 2828, 9473 Picea mariana 12474	Salvia aethiopis 1192	Vigna subterranea 1748
random amplified polymorphic DNA	Salvia grandiflora 1192	Vigna umbellata 668, 10721
1046	Salvia scabiosifolia 1192	Vigna unguiculata 1748, 12015
Picea rubens 12474	Salvia sclarea 1192	Vigna vexillata 12015
random amplified polymorphic DNA	Santalum album 12571	Vitis 8458
1046	Santalum spicatum 12571	Vitis berlandieri 7209
Pinus 9967	Sesamum alatum 7336	Vitis candicans 4883
genetic markers 5069	Sesamum indicum 7336, 13384	Vitis champini 4883
Pinus brutia 2176, 7468	Sesamum mulayanum 13384	Vitis coignetiae 12232
Pinus echinata 1035	Setaria italica 4526	Vitis labrusca 4883, 12232
Pinus halepensis 2176, 7468	Setaria viridis 4526	Vitis labruscana 12231
Pinus mugo 4086	Sideritis 3188	Vitis lanata 4883
Pinus sylvestris 4086	Solanum 4687, 4692, 10739, 12025	Vitis rotundifolia 4883
Pinus taeda 1035	Solanum acaule 2876	Vitis rupestris 7209
Pleurotus 10084	Solanum berthaultii 697, 7010, 12042	Vitis vinifera 4883, 8458, 12231-12232
Pleurotus ostreatus 10084	Solanum brevidens 685, 4701, 10738	Zea diploperennis 2566, 9157 Zea luxurians 10394
Poa infirma 1621	Solanum bulbocastanum 9534	Zea mays 2566, 2569, 9157-9158
Poa supina 1621	Solanum chacoense 6990, 9523, 13176 Solanum commersonii 2877, 4686, 5798	Zea mays 2500, 2509, 9157-9158  Zea mexicana 2569, 9158
Populus alba 7448, 7451	Solanum commersonii 2877, 4686, 5798, 10736	Zea mexicana 2309, 9138  Zea perennis 10394
Populus balsamifera 9950	Solanum fendleri 7009	Zoysia 4590
Populus deltoides 1007, 8707-8708,	Solanum kurtzianum 13161	Introgression, Dactylorhiza incarnata 6363
8890, 9949-9950	Solanum maternum 6062	Inulin
Populus glandulosa 7451	Solanum melongena 9612	Cichorium intybus 731
Populus nigra 7449, 9949 Populus tremula 6269, 7448	Solanum microdontum 12029, 13161	Cynara scolymus
Populus tremula 0209, 7446 Populus tremuloides 6269	Solanum nigrum 10737, 12026	gene expression 10799
Populus trichocarpa 1007, 7449, 8707-	Solanum phureja 676, 1762, 6990, 9523,	genetic engineering 10799
8708, 8890, 9950	9537	Helianthus tuberosus
Potentilla microphylla 2214	Solanum rechei 13161	gene expression 10799
Potentilla peduncularis 2214	Solanum sisymbriifolium 9612	genetic engineering 10799

Inulin cont.	Ipomoelin	Irrigation cont.
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Ipomoea batatas	Triticum aestivum, genotype environmen
tion 10799	gene expression 1793	interaction 7843
Inversions (see Chromosome translocation)	nucleotide sequences 1793	Zea mays 316
Ion transport	Ipomopsis aggregata	Isariopsis (see Phaeoisariopsis)
Arabidopsis thaliana	flowering	Isoamylase, Zea mays, gene expression
gene expression 7710	genetic variance 3283	10472
nucleotide sequences 7710	heritability 3283	Isocitrate dehydrogenase
	flowers 6331	Arabidopsis thaliana
molecular genetics 11402	grazing, natural selection 4137	gene expression 5230
Oryza sativa	interspecific hybridization 6331	nucleotide sequences 5230
gene expression 11774		Eucalyptus globulus
nucleotide sequences 11774	pollination 6331	gene expression 13493
Ions, Dendranthema 6334	natural selection 4137	nucleotide sequences 13493
Ipomoea	Ipomopsis tenuituba	Nicotiana tabacum
flowering 2901	flowers 6331	genetic transformation 12385
seeds 2901	interspecific hybridization 6331	puoleotide seguences 12385
taxonomy 9548	pollination 6331	nucleotide sequences 12385
Ipomoea batatas	Iris	Solanum tuberosum
biotechnology 2899	chemotaxonomy 1113	gene expression 9521
breeding 2897	flavonoids 1113	genetic engineering 9521
	phylogeny 1113, 10031	Isocitrate lyase, Cucumis sativus, gene
mathematics 703	taxonomy, chloroplast genetics 5120	expression 1877
carotenes 5841	xanthones 1113	Isoenzymes
Ceratocystis fimbriata, techniques 13180		Abies amabilis, genetic variation 4096
colour 706	Iris brevicaulis	Abies equitrojani, polymorphism 12479
cryopreservation 705, 1792	interspecific hybridization 3299	Abies grandis, genetic variation 4095
cultivars	pollen competition 3299	Abies sachalinensis
J-Red 5838, 9545	Iris ensata	clines 1049
Kyushu-120 9545	fruits 7555	
Norin-49 9545	genetic resources 7555	genetic distance 1049
cytokinins, genetic transformation 3426	nucleolus organizer, somaclonal variation	polymorphism 1049
	3298	Acacia aulacocarpa, genetic distance
DNA fingerprinting 10765	seeds 7555	1012
gene mapping 2900	Iris fulva	Actinidia
genetic distance 10764	interspecific hybridization 3296, 3299,	genetics 4900
genetic resources 2898	7551	polymorphism 9681
growth period, artificial selection 2902		Actinidia chinensis, polymorphism 9681
growth regulators, genetic transformation	pollen competition 3299	Actinidia deliciosa, polymorphism 9681
3426	Iris germanica	Aegilops tauschii 11661
interspecific hybridization 10766, 12055	colour, genetics 8813	genetic variation 6650
ipomoelin	flowers, genetics 8813	Agastache rugosa, genetics 5157
gene expression 1793	interspecific hybridization 8813	Agrostis stolonifera
nucleotide sequences 1793	tissue culture 3300	genetic variation 11891
Meloidogyne incognita 13182	<i>Iris hexagona</i> , interspecific hybridization	polymorphism 11891
	3296, 7551	
random amplified polymorphic DNA	Iris hollandica, senescence, gene expression	Albizia julibrissin 7460
2908	11286	Allium, genetic variation 3811
Meloidogyne javanica 13182	Iris hybrida, variety trials 6353	Allium sativum, polymorphism 5869
methyl jasmonate, gene expression 1793	Iris oxypetala	Alnus acuminata
peroxidases	fruits 7555	genetics 1019
gene expression 9546, 12051	genetic resources 7555	polymorphism 1019
genetic engineering 9546, 12051		Alnus nitida, genetic variation 7461
plant introduction 3802	seeds 7555	Alocasia 9552
polyploidy, mathematics 703	Iris pumila	Amaranthus, genetic variation 1619
protoplast culture 10767, 12054	light 13576	Amphicarpaea bracteata, genetic varia-
protoplast fusion 12055	shade 13576	tion 2770
protoplasts 10767	Iris setosa	Ananas comosus
	fruits 7555	induced mutations 9724
quality 706, 2907	genetic resources 7555	polymorphism 7234
random amplified polymorphic DNA	seeds 7555	
2900, 3802, 9547, 10764	Iris sibirica, variety trials 6353	somaclonal variation 7234, 9724
salinity, in vitro selection 8335	Iris tectorum	Ancistrocladus korupensis, genetic varia
Sclerotinia sclerotiorum 4711	colour, genetics 8813	tion 1149
seed production 10763	flowers, genetics 8813	angiosperms, genetic variation 120
starch 10768	interspecific hybridization 8813	Annona cherimola
artificial selection 2902		linkage 9737
sucrose synthase	Arghidensis thaliana gene expression	polymorphism 7249
gene expression 5839, 8334	Arabidopsis thaliana, gene expression	Annona squamosa, polymorphism 7249
nucleotide sequences 5839, 8334	3405	Arabidopsis thaliana
sweet potato chlorotic stunt crinivirus	Arachis hypogaea 8573	gene mapping 10183
13181	Brassica napus (rape) 7298	linkage 10183
sweet potato feathery mottle potyvirus	Cajanus cajan 12013	Argania spinosa 12340
	Cicer arietinum, genetics 650	Aster ascendens, genetic variation 12517
13181	Glycine max, gene mapping 5735	Aster falcatus, genetic variation 12517
tissue culture 705, 2870, 2905-2906,	Lens culinaris, genetics 10703	Aster occidentalis, genetic variation
12053	Lycopersicon esculentum 4768	12517
tocopherols 5841	Oryza glaberrima 8092	
trypsin inhibitors	Oryza sativa 1600, 1604, 6827, 8092,	Astragalus bibullatus, polymorphism
gene expression 12052	8096, 9284, 13004	10627
genetic engineering 12052	gene mapping 3644	Avena 11681
variety trials 704, 8333	genetic markers 3644	Banksia, genetic variation 1060
yield components		Beta vulgaris (sugarbeet), genetic mark-
artificial selection 10763	Phaseolus vulgaris 8267	ers 3152, 11086
multivariate analysis 2903	Solanum tuberosum 13163	Brassica campestris
	Trifolium subterraneum 547	genetic variation 2019, 3966
yield correlations 2904	triticale 10272	polymerase chain reaction 3966
yields 2907	Triticum aestivum 10272	Brassica campestris (turnip rape), genet
stability 10769	Vigna radiata 671	variation 11015
Ipomoea sofomarensis, taxonomy 12057	Irregular bearing	Brassica campestris (turnips), genetics
Ipomoea trifida, roots, artificial selection	Malus pumila 2992, 8408	9569
5840	Mangifera indica 8475	
Ipomoea triloba	Irrigation	Brassica chinensis 4736
interspecific hybridization 10766, 12055	Cicer arietinum 1727	Brassica juncea 3103
protoplast fusion 12055	Opuntia ficus-indica 862	Brassica napus (rape) 7281, 9766
Ipomoea ugborea, taxonomy 12056	Sorghum bicolor 335	genetic variation 2019, 3966, 11015
0	00. 6. WILL DICOUT 222	polymerase chain reaction 3966

oenzymes cont.	Isoenzymes cont.	Iconstrumed cont
Brassica oleracea	Eucalyptus diversifolia, genetic variation	Isoenzymes cont.
genetic variation 3966	5053	Macragamia, genetic variation 4939
polymerase chain reaction 3966	Eucalyptus globulus 12446	Macrozamia, genetic variation 9987
Brassica pekinensis 4736	Eucalyptus grandis, genetic variation	Macrozamia pauli-guilielmi, genetic vari
genetics 9569	4064	ation 9987
Bromus	Eucalyptus nitens, genetic variation 8699	Malus pumila 9638
genetic distance 11890		Mangifera indica
polymorphism 11893	Eucalyptus quadrangulata, genetic variation 8699	genetics 1991
Bromus hordeaceus 11889		linkage 1991
Calliandra calothyrsus, genetic variation	Eucalyptus urophylla, genetic variation 4064	Medicago 527-528
7462		Medicago sativa, genetic variation 4598
Calluna vulgaris 6312	Fagopyrum 11863 Fagopyrum esculentum, evolution 11864	Metasequoia glyptostroboides, genetic variation 7488
Capsicum annuum 763	Fagopyrum tataricum, evolution 11864	
genetics 5948		molecular genetics 24
Carica, genetic variation 853	Fagus sylvatica, genetic variation 4069, 9948	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
Carica papaya	Faidherbia albida, genetic variation 2166	tion 2114
genetic variation 853		Ophiopogon xylorrhizus, inbreeding
genetics 13325	Flagellaria guineensis, genetic variation 6401	depression 11250
polymorphism 13325	Flammulina velutipes, heterosis 5169	Opuntia, polymorphism 860
Castanea dentata, genetic variation	forest trees	Opuntia ficus-indica, polymorphism 861
12268		Oryza rufipogon, polymorphism 425
Castanea mollissima, polymorphism 9751	genetic variation 992	Oryza sativa 410, 430, 2674, 3638, 5599
Cathaya argyrophylla, genetic variation	polymorphism 12443 Gladiolus 4147	gene location 6783
9986		genetic variation 5593, 9250
_	Glycine dolichocarpa, genetic variation	multivariate analysis 5594
Cereus paravignus	6904	phylogeny 5615
Cereus peruvianus	Glycine max 10630	Panax pseudoginseng 7585
gene expression 1131	gene mapping 2793	Panax quinquefolius 7585
somaclonal variation 1134	genetic markers 2791	Pennisetum glaucum 2622, 6738
techniques 1132	linkage 2793	Pennisetum purpureum 10517
Chamaecyparis thyoides, genetic varia-	mutations 2800	Persea americana 3072
tion 4100	Glycine soja, genetic variation 5738	Phaseolus acutifolius
Cicer arietinum, polymorphism 8235	Glycine tabacina 5725	genetics 2821
Cinnamomum kanehirae, genetic varia-	Glycine tomentella, genetic variation	linkage 2821
tion 1020	6904	Phaseolus coccineus, genetic variation
Citrus aurantium 8467	Gossypium 7410	10673
Colocasia esculenta 9552	Hatiora	Phaseolus lunatus
genetic variation 12060	genetics 7573	genetic variation 1702
variety classification 12060	linkage 7573	polymorphism 11965
Colocasia gigantea 9552	Helianthus annuus	Phaseolus vulgaris
Crinum defixum 12532	genetic variation 893	genetic variation 10673
Crinum pratense 12532	polymorphism 12300	genetics 2821
Croton alabamensis, genetic variation	Helianthus argophyllus, genetic variation	linkage 2821
1058	893	Phyllanthus emblica, genetic variation
Cryptomeria japonica	Helianthus petiolaris	5130
genetic variation 1055	genetic variation 893	Picea abies, genetics 13515
linkage 3247	polymorphism 12300	Picea chihuahuana
Cucumis hystrix, genetic variation 775	Hevea brasiliensis, genetic variation	genetic drift 6292
Cucumis melo 12135	12430	genetic markers 6292
genetic variation 775	Hicksbeachia pinnatifolia, genetic varia-	heterozygosity 6292
Cucumis sativus 13265	tion 4939	Picea echinata, genetic variation 12469
genetic variation 775, 785	Hordeum spontaneum 12712	Pinus albicaulis, genetic variation 11199
Cunninghamia konishii	Hordeum vulgare	Pinus attenuata, genetic variation 7469
genetics 12488	gene mapping 6655	Pinus brutia, genetic variation 2172,
linkage 12488	induced mutations 10318	2174
polymorphism 12485	Juglans sinensis, genetic variation 2007	Pinus caribaea, inbreeding 6282
Cunninghamia lanceolata, polymorphism	Larix decidua	Pinus clausa, genetic variation 5073
12485	genetic distance 7482	Pinus echinata
Cupressus sempervirens, polymorphism	genetic variation 2182, 7482	gene mapping 5070
2190	Larix kyrilensis, genetic variation 6298	linkage 5070
Cyclobalanopsis glauca, genetic variation	Larix leptolepis, genetic variation 6298	Pinus greggii, genetic variation 7471
6277	Larix occidentalis, genetic variation 9984	Pinus halepensis, genetic variation 6285
Cymbidium	Larix sibirica, genetic variation 2182	Pinus kesiya, genetic variation 7473
genetic variation 8820	Larix sukaczewii, polymorphism 2184	Pinus nigra
genetics 6365	Lathyrus sativus, polymorphism 8235	genetic variation 1037
polymorphism 6365	Lens culinaris, genetic variation 11989	polymorphism 12468
Cymbidium ensifolium, genetic variation	Lentinula edodes 3343	Pinus pinaster, genetic variation 3236
8820	Lesquerella fendleri, genetic variation	Pinus pinea, genetic variation 4087
Cymbidium goeringii, genetic variation	3129	Pinus strobus
8820	Libocedrus chilensis	genetic variation 5072
Cymbidium sinense, genetic variation	genetic variation 12487	heterozygosity 5072
8820	genetics 12487	polymorphism 12467
Dactylis glomerata, polymorphism 11875	Liriodendron chinense, genetic variation	Pinus sylvestris
Dactylorhiza incarnata 6363	3228	genetic markers 1034
Delphinium bolosii, genetic variation	Lolium multiflorum	genetic variation 1034
12523	genetic variation 494	linkage 6283
Deschampsia flexuosa, polymorphism	genetics 13035	mutations 3240
5675	heterozygosity 13035	stress 3240
Deschampsia stricta, polymorphism 5675	inbreeding 10586	Pinus thunbergii, genetic variation 2173
Dioscorea 5842	Lolium perenne	Pinus virginiana, genetic variation 5073
Diospyros kaki, multivariate analysis	genetic variation 4580	Pinus washoensis, inbreeding depression
4924	population genetics 11878	4084
Dryandra, genetic variation 1060	Lolium rigidum, population genetics	Pistacia, variety classification 6072
Epipactis helleborine, genetic variation	11878	Pisum sativum 10691, 11983
	Lotus, polyploidy 10622	Poa annua, genetic variation 1621
1125 Enimatic lantachila, genetic variation	Lotus alpinus	Poa infirma, genetic variation 1621
Epipactis leptochila, genetic variation	genetic variation 10622	Poa supina, genetic variation 1621
1125	heterozygosity 10622	Populus nigra 6268
Epipactis youngiana, genetic variation	Lotus corniculatus	genetic variation 3220
1125	genetic variation 10622	Psathyrostachys juncea, polymorphism
Eucalyptus denticulata, genetic variation	heterozygosity 10622	2720
8699	nettranj granij 10022	

soenzymes cont.	Isoflavone 4'-O-methyltransferase	artificial selection 3076
Pseudotsuga menziesii 12481	Medicago sativa	Bacillus thuringiensis, genetic transfor-
polymorphism 3244	gene expression 4594 nucleotide sequences 4594	mation 6069
Psidium friedrichsthalianum, multivariate analysis 13332	Isoflavone reductase	breeding 3076, 10987
Psidium guajava, multivariate analysis	Citrus paradisi	cultivars
13332	gene expression 7222	Fernette 864
Pterocarpus macrocarpus, polymorphism	nucleotide sequences 7222	Fernor 864
9956	Isoflavones, Cicer 11995	NY83-05 2006
Pyrola japonica, genetic variation 10054	Isomerases	Cydia pomonella 6068
Quercus 6268	Zea mays	genetic transformation 6069
Quercus chrysolepis	gene expression 9145	drought resistance 8491
clonal variation 4068	nucleotide sequences 9145	embryo culture 10990 fruits 7256
genetic variation 4068	Isopentenyl diphosphate isomerase  Arabidopsis thaliana	genetic resources 3956, 6065, 6067-6068,
Quercus glauca, genetic variation 8711	gene expression 4245	9748
Quercus petraea genetic variation 5266, 8705	nucleotide sequences 4245	Gnomonia leptostyla 6068
population genetics 11180	Isopentenyl transferase	habit 6066
Quercus robur, population genetics	Catharanthus roseus, genetic transforma-	inbreeding depression 6066
11180	tion 1157	interspecific hybridization 13340
Quercus suber, polymorphism 1002	Nicotiana tabacum, genetic transforma-	leaves 8491
Raphanus sativus 4736	tion 2118, 7378	variety classification, random amplified
Rhododendron 6268	Isoplexis canariensis, tissue culture 1171	polymorphic DNA 9749
Rosa 5096	Isoprenoids	variety trials 10988-10989, 12265-12266
Rosa laevigata 4128	gene expression 11405	Zeuzera pyrina 6068
Saccharum 12348 Sarracenia rubra, genetic variation	nucleotide sequences 11405	Juglans sigillata drought resistance 8491
12548	Isotoma petraea, ribosomal DNA, restriction fragment length polymorphism 3305	leaves 8491
Schlumbergera buckleyi	Itea virginica, cultivars 13522	Juglans sinensis, isoenzymes, genetic varia-
genetics 10048	Ixiolirion tataricum	tion 2007
linkage 10048	artificial selection 11276	Juncus accuminatus, tissue culture 10079
Schlumbergera truncata	domestication 11276	Juniperus
genetics 10048	Ixora, variety classification, random ampli-	Botryosphaeria stevensii 2192
linkage 10048	fied polymorphic DNA 3254	Cercospora sequoiae 2192
Sesamum alatum 7336	Jacalin	colour 11210
Sesamum indicum 7336	Brassica napus (rape)	Gymnosporangium juniperi-virginianae
Silene dioica	gene expression 13356	2192
genetic variation 11249	nucleotide sequences 13356	habit 11210
polymorphism 11249 Siphonochilus aethiopicus, polymorphism	Jacaranda mimosifolia, tissue culture 1021 Jaeschkea, cytotaxonomy 8796	Kabatina juniperi 2192 taxonomy, random amplified
1159	Jaltomata paneroi, taxonomy 10980	polymorphic DNA 5083
Solanum nigrum 12026	Japan	Juniperus conferta
Solanum tuberosum 12026	reports	cultivars 11223
Spiranthes diluvialis 7566	National Institute of Agrobiological	Aussie Green N Gold 11222
Sutherlandia 13585	Resources 1229	leaves 11223
Theobroma cacao, genetic variation 4014	National Institute of Genetics 11343	variegation 11223
Thymus vulgaris, genetic variation 8854	Jasminum, taxonomy 5159	Juniperus deppeana, chromosome morphol-
Trifolium, polymorphism 11909	Jasminum nudiflorum	ogy 7486
Trifolium pratense, genetic variation 6891	cytoplasmic inheritance 10072	Juniperus phoenicea
Triticum dicoccoides 12712	pollen 10072  Jasminum officinale	flowering 5082 sexual reproduction 5082
Triticum monococcum, genetic variation	cultivars 5089	Juniperus scopulorum
9035	cytoplasmic inheritance 10072	Kabatina juniperi 1056
Vaccinium	pollen 10072	Pseudocercospora juniperi 1056
heterozygosity 12206	tissue culture 5158	Juniperus virginiana
polyploidy 12206	Jasminum polyanthum	Rabatina juniperi 1056
vegetables, genetic markers 10238	fragrance, induced mutations 1064	Pseudocercospora juniperi 1056
Vicia	gamma radiation 1064	Kabatina juniperi
genetic variation 1661	volatile compounds, induced mutations	Juniperus 2192
polymorphism 13050	1064	Juniperus scopulorum 1056
Vicia benghalensis, genetic variation 1659	Jasminum sambac	Juniperus virginiana 1056
Vicia faba	esterases 10073 fragrance 10073	Kalanchoe blossfeldiana
gene location 9467	Jasmonates	β-glucuronidase gene expression 10044
genetics 9467	Arabidopsis thaliana	genetic transformation 10044
linkage 9467	gene mapping 8934	pathogenesis-related proteins, genetic
polymorphism 11962	mutations 8934	transformation 9881
Vicia sativa 10691	nucleotide sequences 8934	Kanamycin kinase, genetic transformation
Vigna dolomitica, genetic distance 10720	Jasmonic acid	8906
Vigna lobatifolia, polymorphism 13150	Arabidopsis thaliana 11470	Karasurin
Vigna reticulata, genetic distance 10720	gene expression 3407, 10203	Trichosanthes kirilowii
Vigna vexillata 13148	gene expression 30	gene expression 794
polymorphism 13150	Hordeum vulgare, gene expression 251,	nucleotide sequences 794
Vigna wittei, genetic distance 10720 Vitis 13296	7875-7876	Karyotype (see Chromosome morphology)
variety classification 10949	Lycopersicon esculentum, gene expression 8373	Kaurene synthase
Vitis vinifera	Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Arabidopsis thaliana mutations 8944
genetic variation 7201	tion 7875	
polymorphism 7201, 12233	Oryza sativa, gene expression 3641, 9288	nucleotide sequences 8944  Kengyilia, taxonomy 4403, 10602
variety classification 12235	Juglans	Kengyilia eremopyroides, taxonomy 10602
Widdringtonia cedarbergensis, genetic	cold resistance 13341	Kengyilia hirsuta, interspecific hybridization
variation 2187	cultivars	11887, 13040
Widdringtonia nodiflora, genetic varia-	Pelan 8488	Kengyilia laxiflora
tion 2187	Pyatiletka 8488	Agropyron tsukushiense, intergeneric
Widdringtonia schwarzii, genetic varia-	Selektsioner 8488	hybridization 13040
tion 2187	Zarya Vostoka 8488	cytotaxonomy 13040
Xanthosoma 9552 Yucca filamentosa, polymorphism 9930	naringenin-chalcone synthase, gene	interspecific hybridization 13040
Zea mays 7929, 10354	expression 13340	Kengyilia rigidula
genetic variation 10463	Juglans nigra, interspecific hybridization	Agropyron tsukushiense, intergeneric
β-glucosidase 10444	13340	hybridization 11887
		chromosome pairing 11887

Kengyilia rigidula cont.	Larix cont.	Leaves cont.
Elymus caninus, intergeneric hybridiza-	monoterpenes 4097	Arabidopsis thaliana cont.
tion 11887	Larix decidua	nucleotide sequences 4263
interspecific hybridization 11887	interspecific hybridization 2182	Arachis hypogaea 2062
taxonomy 11887	isoenzymes	genetics 12326
Ketoacyl-CoA synthase	genetic distance 7482	mutations 12326
Brassica napus (rape)	genetic variation 2182, 7482	Brassica, genetics 1801
gene expression 13357	population genetics 2182	Brassica juncea, induced mutations
linkage 6087	tissue culture 8720	11010
nucleotide sequences 6087	Larix eurolepis, tissue culture 8720	Cajanus cajan, genetics 8289
Kinases	Larix kamtschatica, fertilization 2183	Capsicum frutescens 9618
Arabidopsis thaliana	Larix kyrilensis, isoenzymes, genetic varia-	Chenopodium 5643
gene expression 10155	tion 6298	Chrysanthemum morifolium 1083
nucleotide sequences 10155	Larix laricina	Cicer arietinum, genetics 11994, 13136
Brassica oleracea (kale)	embryo culture 1050	Citrus aurantium 6051
gene expression 725	genetic transformation 1050	Citrus limonia 6051
molecular genetics 725	Larix leptolepis, isoenzymes, genetic varia-	Citrus sinensis 6051
Kinesin	tion 6298	Citrus sunki 6051
Arabidopsis thaliana, gene expression	Larix occidentalis	Coffea arabica 3159
3428	isoenzymes, genetic variation 9984	Collinsia heterophylla, mutations 10019
Lotus japonicus	population genetics 9984	Cornus 5067
gene expression 557	Larix sibirica	Cotoneaster integerrimus 7505
nucleotide sequences 557	interspecific hybridization 2182	Cotoneaster niger 7505
Nicotiana tabacum, gene expression 3428	isoenzymes, genetic variation 2182	Cryptomeria japonica, genetics 8723-
Koeleria gracilis, cultivars, Ilo 2384	population genetics 2182	8725
Kunzea, essential oils 1208	Larix sukaczewii, isoenzymes, polymor-	Cucumis sativus 1884
Kunzea ericoides, essential oils 1208	phism 2184	genetics 5977, 10855
Lablab purpureus	Lasers	mutations 5977
Aphis craccivora 6979	Arachis hypogaea 4981	Daucus carota, genetics 5821
genetic markers 8223	Hordeum vulgare 7879	Dendrobium 1122
polymerase chain reaction 8223	Linum usitatissimum (linseed) 11026	Dioscorea 5842
restriction fragment length polymorphism	Oryza sativa 1573, 9235	Durio zibethinus, variety classification
567	Triticum aestivum 11559-11560	10979
yield components, heritability 673	Zea mays 10407	Elaeis guineensis, somaclonal variation
yield correlations 673	Latex	2049
Lacandonia schismatica	Hevea brasiliensis	Glycine max 10643
development 8975	genotype environment interaction	epistasis 9398
ovules 8975	11169	gene mapping 6910
seeds 8975	heritability 11169	genetics 9398, 9402, 11940
Laccase	Lathyrus	linkage 11942
Agaricus bisporus	chromosome pairing 5712	mutations 9402
gene expression 10082	DNA 5713	restriction fragment length polymor-
nucleotide sequences 10082	phylogeny 4615	phism 6910
Lactalbumin, Nicotiana tabacum, genetic	chloroplast genetics 9349	Gossypium barbadense, mutations 9920
transformation 11111	polyploidy 5712	Gossypium hirsutum 12416
Lactate dehydrogenase	taxonomy, chloroplast genetics 9349	Helianthus annuus 11030
Lycopersicon esculentum	Lathyrus odoratus, interspecific hybridiza-	Hordeum 4305
gene expression 3836, 3838	tion 8792	Hordeum vulgare
nucleotide sequences 3836, 3838	Lathyrus sativus	genetics 5353
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	breeding, books 10107	induced mutations 5353
tion 11106	genetic resources, books 10107	Juglans regia 8491
Lactoylglutathione lyase	isoenzymes, polymorphism 8235	Juglans sigillata 8491
Glycine max	legumin, genetics 6898	Juniperus conferta 11223
gene expression 6170	neurotoxins 2765-2766	Liriodendron chinense 3229
nucleotide sequences 6170	multivariate analysis 8232	Liriodendron tulipifera 3229
Nicotiana tabacum, gene expression 6170	phenolic compounds 9353	Lycopersicon esculentum
Lactuca	tannins 9353	gene expression 13211
genetic resources 5191	vicilin, genetics 6898	genetic engineering 13211
microsatellites, polymerase chain reaction	yield components	genetics 2390
5895	genetic variance 10626	molecular genetics 739
taxonomy, microsatellites 12084	multivariate analysis 8232	mutations 739, 2390
Lactuca sativa	yield correlations 2766	Magnolia officinalis 12504
Aphidoidea 8363	Latitude	Malus 5997
Bremia lactucae 8362	Arabidopsis thaliana 12654	Malus pumila 1906
genetics 5896	Beta maritima 11088	Medicago sativa, mutations 5684
mutations 3823	Dactylis glomerata 3671	Mentha longifolia 11336
cold resistance 10797	parthenogenesis 5277	Mentha spicata 11336
cultivars 5299, 9578	Lavandula angustifolia	Morus 3923-3924
Kristine 3821	cultivars, Codreanca 1138	Nicotiana gossei, somaclonal variation
diseases, nucleotide sequences 12082	stress 7605	11124
microsatellites, polymerase chain reaction	yield components, multivariate analysis	Nicotiana tabacum 2117
5895	7605	somaclonal variation 11124
nutrients 8361	Lawns and turf	Oryza 9277
polyploidy 4721	Agrostis capillaris 4130	Oryza sativa
precipitation 13201	Agrostis stolonifera 2204	gene expression 3624, 6762
protected cultivation 10797	Festuca arundinacea 3263, 4130-4131	genetics 431, 1583, 5595, 9251
regenerative ability 8360	Festuca nigrescens 3263	heritability 6794
taxonomy, microsatellites 12084	Festuca rubra 3263, 4131	heterosis 6762
tissue culture 4721, 12083	grasses 3261, 4129-4130	induced mutations 1583, 5595, 9251
toxic substances 8361	Lolium perenne 3263, 4130-4131	Panicum virgatum 11755
variety trials 1812, 12081	Poa pratensis 3263, 4131	Pisum sativum
Xanthomonas axonopodis 3822	Lead, Nicotiana 961	genetics 2390, 2841
yield components, heritability 7047	Leaves	induced mutations 10687
Lagerstroemia indica, cold resistance, tech-	Alnus hirsuta 2168	linkage 10687
niques 1255	Amphicarpaea bracteata 1756	mutations 2390, 2838
Lagerstroemia parviflora, tissue culture	Ananas bracteatus, genetics 9729	pleiotropy 2841
4110	Ananas comosus, genetics 9729	Poa pratensis 5650, 5654
Laminaria digitata, cryopreservation 2269	Antirrhinum majus 13572	Prunus avium, induced mutations 10905
Landolphia kirkii, cryopreservation 125	Arabidopsis thaliana	Prunus padus 7158
Larix	gene expression 1320	Prunus persica, mutations 10923
chromosome morphology 9962	mutations 1320, 4263, 12645	Prunus sibirica 4803

Leaves cont.	Legumin cont.	Leptinella dioica, cultivars, Grasslands Pahia
Quercus petraea 1001	Pisum sativum	3262
Quercus robur 1001	gene expression 10688	Leptinotarsa decemlineata Solanum 7009, 13176
Ribes 7168	genetic engineering 4554	Solanum melongena, genetic transforma-
Solanum tuberosum, techniques 8317	mutations 10688	tion 7094, 8385
Sorghum bicolor 12909	Leguminosae (see Fabaceae) Lens	Solanum tuberosum 2883
Trifolium repens, artificial selection 9335	Ascochyta fabae, genetics 2845	artificial selection 697
Trifolium subterraneum 6890 Triticum 4305	height, genetics 4664	biosafety 10754
Triticum 4505 Triticum aestivum 9038, 11582	interspecific hybridization 2845, 4664	genetic transformation 698, 7011,
artificial selection 5354	Lens culinaris	10754
heritability 5363	amplified fragment length polymorphism	Leptochloa, nomenclature 10603
Vitis vinifera 841, 3047, 12234	11991	Leptochloa southwoodii, taxonomy 5677
genetics 7203	artificial selection 10695	Leptochloa srilankensis, taxonomy 13041
techniques 13295	Ascochyta fabae 1725-1726	Leptocodon
Vochysia guatemalensis 1018	genetics 2845	pollen 3289 taxonomy 3289
Zea diploperennis 10442	Ascochyta lentis 3762, 13130	Leptographium wingfieldii, Pinus sylvestris
Zea mays 3579, 10442	breeding 9492 chlorophyll, induced mutations 1723	2178
gene mapping 281	chlorosis, genetics 10703	Leptopharsa heveae, Hevea brasiliensis
genetics 301	chromosome morphology 10700	6251
heterosis 4493 induced mutations 9152	crop residues 13129	Leptosphaeria (see also Magnaporthe)
linkage 10460	cultivars	Leptosphaeria maculans
mutations 281, 6710, 10450-10452,	Arbolito 1722	Arabidopsis thaliana 8956
10461, 11691	Nadezhda 5768	Brassica juncea 7301, 9798
nucleotide sequences 10451, 11691	Narendra Massor-1 10698	gene mapping 11022
Lectins	Northfield 8285	genetics 886
Allium ursinum	Yanitsa 10699	restriction fragment length polymor-
gene expression 713	Fusarium oxysporum 4666	phism 11022  Brassica napus (rape) 2026, 7301, 9796,
nucleotide sequences 713	gamma radiation 1723	9798, 9898
Brassica napus (rape)	gene mapping 632, 11991 genetic resources 9492	gene mapping 4961, 11022
gene expression 13356	reviews 10694	genetic markers 3100, 13364
nucleotide sequences 13356	germination 633, 8286	genetics 13362
Galanthus nivalis	growth period 10701	random amplified polymorphic DNA
gene expression 11858	interspecific hybridization 2845	3100
genetic engineering 10531, 11858, 13023	iron, genetics 10703	restriction fragment length polymor-
genetic engineering 12602	isoenzymes, genetic variation 11989	phism 11022
Glycine max	linkage 11991	Nicotiana tabacum 9898
gene expression 13057	nitrogen fixation 3761	Leptosphaeria nodorum
genetic engineering 3173, 13057	Pleospora herbarum 4665	Aegilops, nucleocytoplasmic interaction
Gossypium hirsutum	quality 633	5403 triticale 275, 12855
gene expression 13483	random amplified polymorphic DNA	Triticum aestivum 2467, 5410
genetic transformation 13483	632, 11989-11991 restriction fragment length polymorphism	artificial selection 12757
Lotus corniculatus	11991	nucleocytoplasmic interaction 5403
gene expression 13057	seeds 633, 3761	Triticum dicoccoides, nucleocytoplasmic
genetic transformation 13057	translocation 3761	interaction 5403
Narcissus 11293	Uromyces viciae-fabae 10704	Leptosphaerulina crassiasca, Arachis hypo-
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	genetics 10705	gaea, germplasm releases 11052
tion 472  Oryza sativa	variety classification	Leptosphaerulina trifolii
gene expression 10531, 11858, 13023	mitochondrial genetics 5769	Medicago sativa 2742
genetic transformation 472, 10531,	restriction fragment length polymor-	heritability 2743, 11907
11858, 13023	phism 5769	Lesquerella fendleri
Pisum sativum, genetic engineering 472	variety trials 633, 10696-10697	fatty acids
Sambucus nigra, nucleotide sequences	viruses 10706 yield components 6949	gene expression 3996 genetic engineering 3996
3925	artificial selection 5767, 8284	germplasm releases 6113
Leghaemoglobin	multivariate analysis 1724	genetic resources 906
Glycine max, gene expression 5736	yield correlations 13129	germination 3129
Phaseolus vulgaris, fluorescence in situ	yields 13128	isoenzymes, genetic variation 3129
hybridization 13108	combining ability 10702	maternal effects 3130
Pisum sativum 3751	Lens orientalis	oils 906
Vigna unguiculata	variety classification	pollen competition 3130
gene expression 8295	mitochondrial genetics 5769	pollination 7338
nucleotide sequences 8295 Legislation 6427, 6467	restriction fragment length polymor-	Lethals
(see also Breeders' rights)	phism 5769	Arabidopsis thaliana, plant embryos
Beta vulgaris (sugarbeet) 12356	Lentinula	6492
biotechnology, books 8877	phylogeny, restriction fragment length	Gossypium, genetics 13464
breeding 2301	polymorphism 1225 taxonomy 12580	Gossypium hirsutum, genetics 13464 Hordeum vulgare
crops 6428	Lentinula edodes	gene mapping 11669
genetic engineering 34, 7669	benomyl 12578	genetic markers 11669
genetic engineering 1250	cultivars, Tainung-1 5167	Pinus radiata 9966
genetic resources 8883, 11374-11375	DNA fingerprinting 5168	Theobroma cacao
genetic transformation 27, 6426	esterases 3343	chlorophyll 8630
ornamental bulbs, genetic resources	fungicides 12578	photosynthesis 8630
11273	isoenzymes 3343	Lettuce mosaic potyvirus
seed production 8888	morphology 3343	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
vegetative propagation 8888	polyploidy 12578	tion 11136
Zea mays 6700 L <b>egumes,</b> gene banks 12698	reproduction 3343	Solanum tuberosum
Legumin	Lentinus, reproduction 4201	gene expression 13173
Lathyrus sativus, genetics 6898	Lepidiota picticollis, Saccharum officinarum 6135	genetic transformation 13173
Metasequoia glyptostroboides	Lepidium	Leucaena
gene expression 5080	development 9581	domestication 1666
nucleotide sequences 5080	flowers 9581	height, heritability 5717  Heteropsylla cubana 564
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Lepidium sativum	interspecific hybridization 564
tion 8641	genetic resources 906	quality, heritability 5717
Oryza sativa, genetic transformation	oils 906	random amplified polymorphic DNA
4554	Leptine, Solanum chacoense, genetics 12031	13060

Leucaena cont.	I tales and	7.7. 4 . 1
restriction fragment length polymorphism	Light cont. Deschampsia cespitosa 8164	Lilium davidii development 8817
13060	evolution 11499	nuclei 6359
taxonomy, chloroplast genetics 2768	Gardenia jasminoides 12707	pollen 6359
variety trials 563-564  Leucaena diversifolia, interspecific hybridi-	gene expression 1271, 5202, 8900	proteins 8817
zation 5717, 13060	reviews 36  Glycine max, gene expression 8242	Lilium formolongi flowering 1117
Leucaena leucocephala	Hordeum vulgare, gene expression 244	protoplast culture 11303
germination 2764	Iris pumila 13576	Lilium formosanum
interspecific hybridization 5717, 13060 nutritive value 1669	Lycopersicon esculentum, gene expres-	flowering 1117
seed treatment 2764	sion 12100, 13212 molecular genetics 11499	interspecific hybridization 1117  Lilium henryi, bulbs, storage 1115
variety trials 563	Nicotiana plumbaginifolia	Lilium lancifolium, interspecific hybridiza-
Leucaena pulverulenta, interspecific hybridization 5717	genetics 3177	tion 11299
Leucinodes orbonalis	mutations 3177	Lilium leichtlinii, interspecific hybridization 11299
Solanum macrocarpon, induced muta-	Oryza sativa 1579, 2673 heterosis 8063	Lilium longiflorum
tions 9614	Pharbitis nil	anther culture 1118
Solanum melongena, genetic transformation 7093	gene expression 8791, 8794, 12521	anthers, gene expression 4150
Leucospermum	nucleotide sequences 12521	bulbs, storage 1115 cell culture 4151, 7561, 11300
cultivars, Highgold 8734	Piper arieianum 4185 Piper sancti-felicis 4185	development, gene expression 4150
variety trials 7494	Pisum sativum	DNA repair, nucleotide sequences 7559
Leucospermum conocarpodendron germination 7506	gene expression 626	flowering 1117
interspecific hybridization 7506	induced mutations 623 mutations 1718	genetic transformation 6357, 11300 heat resistance 11305
seeds 7506	nucleotide sequences 13118	interspecific hybridization 1117, 8818,
Leucospermum patersonii	Raphanus sativus	11305
germination 7506 interspecific hybridization 7506	gene expression 8337	ovule culture 11305 pollen, genetic transformation 11296
seeds 7506	nucleotide sequences 8337	pollen germination 6358
Leucostoma cinctum	Rosa hybrida 12707 Secale cereale, gene expression 270	proteins, polymorphism 7560
Prunus dulcis 4807	Triticum aestivum 7809	protoplast culture 11301
Prunus persica 3899, 4807 Leucostoma persoonii	Vitis 3045	serine proteinases, gene expression 4150 somaclonal variation 11302
Prunus 13281	Zea mays, gene expression 4481 Lignin	tissue culture 4151, 8818, 11300
Prunus dulcis 4807	Antirrhinum majus, gene expression 7545	variety classification 7560
Prunus persica 3899, 4807 Levansucrase	Arabidopsis thaliana	Lilium maculatum interspecific hybridization 8818
Cichorium intybus, genetic transformation	gene expression 2343, 11461	tissue culture 8818
5435	genetic transformation 2343, 11461 forest trees, genetic engineering 9940	Lilium parryi, random amplified
Hordeum vulgare	gene expression, reviews 6455	polymorphic DNA, genetic distance
gene expression 5435 genetic engineering 5435	genetic engineering 6449, 11401	Lilium regale, interspecific hybridization
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	reviews 6455	10035
tion 5435	Glycine max 589 Nicotiana tabacum 5018, 11132	Lilium wilsonii, interspecific hybridization
Leymus chromosome pairing 6871	gene expression 953, 3182	11299 Limnanthes alba
Elymus	genetic transformation 953, 2116,	seed production 3993
intergeneric hybridization 6871	3182, 7545, 12393  Populus, genetic engineering 9949	self pollination 3993
Triticum, intergeneric hybridization 5337	Populus alba	Limnanthes douglasii acylglycerol-3-phosphate acyltransferase,
genomes 2721, 6871	genetic engineering 3222	genetic engineering 4959
taxonomy 2721, 6870-6871	genetic transformation 7447	trierucin
Leymus chinensis, Triticum aestivum, inter-	Populus tremula genetic engineering 3222	gene expression 7295
generic hybridization 4350  Leymus cinereus, cultivars, Trailhead 5664	genetic transformation 7447	genetic engineering 7295  Limonia acidissima, Xanthomonas axono-
Leymus racemosus	Prunus persica 3899	podis 3942
chromosome addition 2406, 7793	Saccharum officinarum 9830	Limonium
restriction fragment length polymorphism	Zea mays artificial selection 3588	cultivars, Oceanic White 8786 interspecific hybridization 6328
2406 Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	mutations 10436	pollination 6328
tion 2406, 7793	Ligules	Limonium caspium
Libocedrus chilensis	Sorghum bicolor gene mapping 11746	interspecific hybridization 6328
isoenzymes genetic variation 12487	linkage 11746	pollination 6328  Limonium latifolium
genetics 12487	restriction fragment length polymor-	interspecific hybridization 6328
Libocedrus macrolepis, chromosome mor-	phism 11746	pollination 6328
phology 7486	Ligusticum pseudodaucoides, taxonomy 11332	Limonium perezii
Licheninase, Nicotiana tabacum, genetic transformation 4019	Ligustrum undulatum, cultivars, Lemon	embryo culture 11252 interspecific hybridization 11252
Ligases, Zea mays, nucleotide sequences	Lime and Clippers 8732	pollen germination 6332
12864	Lilium	tissue culture 11252
Light	aneuploidy 10036 bulbs, storage 1115	Limonium sinuatum embryo culture 11252
Arabidopsis thaliana gene expression 626, 2345, 6495,	chromosome aberrations 10036	interspecific hybridization 11252
6505, 8927, 10148, 11426,	chromosome number 10036	tissue culture 11252
11431, 11441, 11447-11448,	development 10037	Linamarase
12637 gene mapping 11441	DNA 11298 flowering, genetics 11299	Trifolium repens genetics 10617
genetic transformation 11448	Fusarium oxysporum, artificial selection	linkage 10617
genetics 8949	11292	Linkage (see also Gene location; Gene
molecular genetics 11422	genetic resources 8816 interspecific hybridization 11297	mapping) Annona cherimola, isoenzymes 9737
mutations 83, 2345, 4273, 8949, 11422, 11441, 11447, 11452,	pollen 10037	Arabidopsis thaliana, isoenzymes 10183
12637	polyploidy 11297	Beta vulgaris (sugarbeet) 8615
reviews 5254	quality, genetics 11304	Brassica napus (rape)
Capsicum annuum 12707	tissue culture 7562 vegetative propagation 5122	colour 9774 erucic acid 6087, 9774
chloroplast genetics 5202 Cucumis melo 12707	Lilium callosum, interspecific hybridization	ketoacyl-CoA synthase 6087
Cucurbita pepo 12707	10035	Brassica oleracea (cauliflowers) 12072

Linkage cont.	Linkage cont.	Linum usitatissimum (flax) cont.
Cajanus cajan	Prunus persica cont.	quality cont.
habit 8291	fruits 3896	genetic variance 4056
height 8291	Meloidogyne incognita 12197	seeds, linkage 8689
Cicer arietinum, Fusarium oxysporum	Meloidogyne javanica 12197	stress 11157
11999	quality 3896	tissue culture 5040, 11156
Cryptomeria japonica	Sphaerotheca pannosa 10918	yield components, genetic variance 4050
height 3247	quantitative traits, statistics 6528	Linum usitatissimum (linseed)
isoenzymes 3247	Schlumbergera buckleyi	Alternaria linicola 2031
Cucumis sativus	isoenzymes 10048	anther culture 12295
sex 2979	self incompatibility 10048	artificial selection 4964
viruses 2979	Schlumbergera truncata	colour
yield components 1878	isoenzymes 10048	genetics 3972
Cunninghamia konishii, isoenzymes	self incompatibility 10048	linkage 3104
12488	Secale cereale 9121	mutations 3104
Dianthus caryophyllus, flowers 5105	Solanum tuberosum 8316	ethyl methanesulfonate 3105
Glycine max 5727, 9378-9379	Globodera rostochiensis 1771	haploidy 4964
chlorophyll 9380	Phytophthora infestans 1771	lasers 11026
chromosome pairing 9380	Sorghum bicolor, ligules 11746	linoleic acid 9800
colour 9389	statistics 2366	linolenic acid
drought resistance 9419	Trifolium repens	genetics 3105
esterases 2793	linamarase 10617	induced mutations 3105
fertility 9389	shikimate dehydrogenase 10617	lipoxygenase, genotype environment
flowering 9410	Triticum aestivum	interaction 3106
flowers 9389	cold resistance 5386	Melampsora lini, genetics 7418
fluorescence 6908, 9416	Diuraphis noxia 11650	morphology, induced mutations 11026
glycinin 9396	heat resistance 1426	mutagens 3105
isoenzymes 2793	heat shock proteins 1426	palmitic acid
leaves 11942	height 10275	linkage 3104
lipoxygenase 9432	Puccinia graminis 11650	mutations 3104
necroses 9456	Turnera krapovickasii, heterostyly 907	pollen culture 4964
peroxidases 9456	Turnera scabra, heterostyly 907	quality 4964, 9800
photoperiodism 9410	Turnera subulata, heterostyly 907	seeds
roots 9416, 9456	Vicia faba	genetics 3972
seeds 9396	aneuploidy 6922	induced mutations 11026
Gossypium arboreum 6199	isoenzymes 9467	linkage 3104
Gossypium hirsutum 6199	Vigna radiata	mutations 3104
Gossypium trilobum 6199	Riptortus clavatus 10727	yield components
Hatiora, isoenzymes 7573	vignatic acids 10727	combining ability 11025
Helianthus annuus	Zea mays	genetics 11024-11025
Plasmopara halstedii 895, 7317	endosperm 10391-10392	genotype environment interaction
Sclerotinia sclerotiorum 7317	leaves 10460	2030
Hordeum	zein 3562	yields
Erysiphe graminis 6670	Linoleic acid	heterosis 4963
Puccinia hordei 6670	Brassica napus (rape)	induced mutations 11026
Hordeum vulgare	gene mapping 11018	Lipaphis erysimi, Brassica 5893
aminopeptidase 10321	random amplified polymorphic DNA	Lipid transfer proteins
aspartate aminotransferase 10321	11018	Arabidopsis thaliana, nucleotide
barley yellow dwarf luteovirus 10332	Linum usitatissimum (linseed) 9800	sequences 11429
inflorescences 228	Linolenic acid	
		Daucus carota, gene expression 2886
phytic acid 11668	Brassica carinata 882	Hordeum vulgare
Puccinia hordei 7903	Brassica napus (rape), artificial selection	gene expression 234, 12781
Lens culinaris 11991	2024	nucleotide sequences 234
Linum usitatissimum (flax)	Camelina sativa, induced mutations	Lycopersicon pennellii
flowers 8689 male sterility 8689	4987, 7341	gene expression 9602
	Glycine max 9431	nucleotide sequences 9602
seeds 8689	genetics 582, 11950	Oryza sativa
Linum usitatissimum (linseed)	induced mutations 11950	gene expression 6758, 11781
colour 3104	Glycine soja, genetics 582	nucleotide sequences 11781
palmitic acid 3104	Linum usitatissimum (linseed)	Prunus dulcis
seeds 3104	genetics 3105	gene expression 2004
Lycopersicon esculentum	induced mutations 3105	nucleotide sequences 2004
acid phosphatase 2960	Oenothera lamarckiana, artificial selec-	Lipids
flowers 4757	tion 908	Arabidopsis thaliana
Fusarium oxysporum 1831	Linum suffruticosum, genetic transformation	gene expression 6494
Meloidogyne incognita 2960	4055	mutations 6494
self compatibility 4757	Linum usitatissimum	nucleotide sequences 6494
tobacco mosaic tobamovirus 1831	cultivars, CDC Triffid 6091	Fragaria vesca 4864
tomato yellow leaf curl bigeminivirus	genetic transformation 4055	Oryza sativa
755	herbicides, genetic transformation 6091	somaclonal variation 13001
Lycopersicon hirsutum	Linum usitatissimum (flax)	techniques 4556
flowers 4757	anther culture 2150	Triticum aestivum 7826
self compatibility 4757	breeding 3207	Vigna unguiculata 663
Malus pumila, Venturia inaequalis 12160	chlorsulfuron, genetic transformation	Lipoxygenase
Mangifera indica, isoenzymes 1991	3208	Glycine max 13083
mathematics 6527, 8966, 10219	cultivars, Vega-2 11155	gene expression 8248
Oryza sativa, photoperiodism 8065	fertilization 5040	genetics 5730
Phaseolus acutifolius, isoenzymes 2821	flowers, linkage 8689	germplasm releases 3719
Phaseolus vulgaris, isoenzymes 2821	Fusarium oxysporum	linkage 9432
Picea abies 1045	genetics 11158	mutations 2800
Picea mariana, genetic markers 11203	modifiers 11158	Hordeum vulgare
Pinus echinata, isoenzymes 5070	genetic transformation 8688	gene expression 239, 6662, 12784
Pinus sylvestris	herbicides, genetic transformation 3208	nucleotide sequences 6662
isoenzymes 6283	male sterility	Linum usitatissimum (linseed), genotype
self compatibility 6283	artificial selection 983	environment interaction 3106
Pisum sativum	linkage 8689	Nicotiana tabacum
flowers 10687	Melampsora lini	gene expression 11134
fruits 10687	genetics 7418	genetic transformation 11134
leaves 10687	molecular genetics 4057	Triticum aestivum, gene expression 140
Prunus persica 10917	peroxidases 11157	9025
flowers 3896	quality 7417	Lippia alba, essential oils 13590

		₩ X X
Liquidambar, phylogeny, chloroplast genet-	Lolium multiflorum cont.	Lolium perenne cont.
ics 9959	cold resistance cont.	isoenzymes
Liquidambar styraciflua	gene mapping 1631	genetic variation 4580
insects, genetic transformation 13500 peroxidases, genetic transformation	cultivars, Niodachi 10587	population genetics 11878
13500	cutting 5656 diclofop, germplasm releases 2714	lawns and turf 3263, 4130-4131 morphology 8147
somatic embryogenesis 9957	digestibility 496	somaclonal variation 6856
tissue culture 9957	DNA hybridization 5647, 11870-11871	mutations 8148
Liriodendron chinense	drought resistance	mycorrhizas 10589
interspecific hybridization 3229	DNA hybridization 1631	Neothypodium 10589
isoenzymes, genetic variation 3228 leaves 3229	gene mapping 1631	nitrogen 4581, 8144-8146
Liriodendron tulipifera	embryo culture 5649 energy resources 8130	nutrients 4581, 8132 heritability 2711
interspecific hybridization 3229	Festuca, intergeneric hybridization 8129	nutritive value 8149
leaves 3229	Festuca arundinacea, intergeneric hybrid-	pollen germination 10582
somatotropin, genetic transformation	ization 1631, 5647, 5649, 6867,	polyploidy 495, 2710, 2713
6276	11871	proteins 8148
Listeria denitrificans, Allium cepa 9566 Listeria monocytogenes, Allium cepa 9566	Festuca pratensis, intergeneric hybridiza-	protoplast culture 6856
Litchi chinensis	tion 1630, 2707, 11870 flooding 6864	quality 2712, 8129 artificial selection 11881
cultivars	gene banks 13035	heritability 11881
Aili 10974	genetic markers 8141	random amplified polymorphic DNA
Feizixiao 3949	genetic resources 5656	8141, 8147
Fengli 10974	genetic transformation 493, 5646	Rhynchosporium orthosporum 9303
Mianbaoli 10974 Songmei-2 3948	herbicides, germplasm releases 2714	ryegrass mosaic rymovirus 9303
Songmei-5 3948	interspecific hybridization 11876	seasonal growth, genotype environment interaction 4579
Songmei-9 3948	isoenzymes	seed testing 5648
Songmei-12 3948	genetic variation 494 genetics 13035	senescence
Ziniangxi 10974	heterozygosity 13035	gene expression 1630
embryo culture 9740	inbreeding 10586	gene mapping 1630
fruits 8477	microsatellites, inbreeding 10586	silage 8129
growth period 9731 growth regulators 8477	morphology, multivariate analysis 494	somaclonal variation 9301
in vitro culture 1996	nutrients 8132	synthetic varieties 8143 ultrastructure 10582
pollen germination 7236	phylogeny, random amplified	variety classification
quality 7237	polymorphic DNA 9302 pollen culture 5647	amplified fragment length polymor-
seedlessness 8477	population genetics 13035	phism 6861, 8142
Lithospermum erythrorhizon	quality 6867	random amplified polymorphic DNA
phenylalanine ammonia-lyase	random amplified polymorphic DNA	5659
gene expression 8830 nucleotide sequences 8830	8141	restriction fragment length polymor- phism 11877
shikonin, <i>in vitro</i> selection 1165	senescence	variety trials 2700, 2707, 7670
Lobelia cardinalis, taxonomy 3284	gene expression 1630	yields 8133, 8144
Lobesia botrana, Vitis vinifera 4884	gene mapping 1630  Triticum aestivum, protoplast fusion 4356	Lolium rigidum
Lodging	variety trials 8125, 9300	ecotypes 5658
Glycine max 9418	Lolium perenne	genetic resources 5658
Medicago sativa 8184	aneuploidy 10588	glucose-6-phosphate isomerase, polymor- phism 5658
Nicotiana tabacum artificial selection 12403	breeding 2690	isoenzymes, population genetics 11878
heritability 12403	caffeate O-methyltransferase	Triticum aestivum 12772
Oryza sativa 3630	gene expression 6862 nucleotide sequences 6862	Lolium temulentum, chromosome pairing
heritability 5598	cell culture 6856	5657
triticale 2531	centres of diversity 8139	Lonicera
Triticum aestivum 164, 4414, 9037	chlorophyll 8128	cold resistance 4119 cultivars 5089, 13522
genetic variance 11578 induced mutations 7868	chromosome pairing 6865	Hyadaphis tataricae 4119
Zea mays 5507, 7943	cold resistance 2713, 9303, 11880	Lonicera periclymenum
artificial selection 9161, 11708	artificial selection 11881	population genetics 6309
combining ability 7941	heritability 11881 polyploidy 13034	random amplified polymorphic DNA
genetic variance 7941	combining ability 8143	6309
Lolium 2701	competitive ability, polyploidy 13034	Lotus cytotaxonomy 2761
cytogenetics 2701 DNA hybridization 3675	crop mixtures 8133	embryo culture 4576
drought resistance 10004	cultivars 9297	evolution, chloroplast genetics 560
Festuca, intergeneric hybridization 2701,	Advent 1629	interspecific hybridization 4576
11879	APM 2708 Aries HD 3673	isoenzymes, polyploidy 10622
heat resistance 10004	CSLp90-102 3673	morphology, polyploidy 10622
molecular genetics 3675	CSLp92-109 3674	protoplast fusion 4576 taxonomy 5707
random amplified polymorphic DNA	Elf 2709	Lotus alpinus
3676 ryegrass mosaic rymovirus, genetic trans-	Sodrė 2707	isoenzymes
formation 8140	Vega 2707	genetic variation 10622
taxonomy	Zvilgė 2707	heterozygosity 10622
restriction fragment length polymor-	defoliation 4581	polyploidy 10623
phism 11879	development 4581, 8145-8147 digestibility 495, 8150-8151, 9298	restriction fragment length polymorphism 10623
ribosomal DNA 11879	energy resources 8130	Lotus corniculatus
variety trials 2392  Lolium boucheanum	fertility, somaclonal variation 6856	chromosome elimination 8217
cultivars	Festuca arundinacea, intergeneric hybrid-	cultivars, AC Langille 5705
Antilope 11876	ization 6863, 6865	dihydrokaempferol 4-reductase
Dorcas 11876	Festuca pratensis, intergeneric hybridiza-	gene expression 1099, 8218
Redunca 11876	tion 1630, 8148	genetic engineering 8218
Lolium hybridum	gene banks 8139 genetic markers 8141	genetic transformation 1099 evolution, chloroplast genetics 560
digestibility 496	genetic resources 4574	genetic transformation 9341
variety trials 9300  Lolium multiflorum	genetic transformation 493, 5646	isoenzymes
breeding 6860	genomes, random amplified polymorphic	genetic variation 10622
chromosome pairing 5657	DNA 6863	heterozygosity 10622
cold resistance 6864	in vitro culture 8147	lectins
DNA hybridization 1631	interspecific hybridization 11876	gene expression 13057

in

Lycopersicon esculentum cont.

Lotus corniculatus cont.	Luffa aegyptiaca, precocity 10856	Lycopersicon esculentum cont.
lectins cont.	Lupinus	ACC oxidase gene expression 1824, 4760
genetic transformation 13057	genetic resources 2756	genetic engineering 1824
Medicago sativa, protoplast fusion 8217	books 13623 Glomerella cingulata 13053	genetic transformation 1824, 9606
naringenin-chalcone synthase gene expression 608	phylogeny, molecular genetics 4611	ACC oxidoreductase
genetic transformation 608	plant embryos 6893	gene expression 2957, 10817
nodulation	seeds, storage 2772	genetic transformation 12093
gene expression 2740, 13057	Lupinus albus	nucleotide sequences 10817
genetic transformation 13057	breeding 553	ACC synthase gene expression 2950, 2957, 4760,
nutritive value 559	interspecific hybridization 6893	8371
rhizomes 9342	Lupinus angustifolius	genetic transformation 2950, 12093
genetics 13056 tannins	cultivars Belara 9338	acid phosphatase, linkage 2960
combining ability 5706	Mason 13051	adenosine diphosphate-ribose, gene
gene expression 8218	Myallie 9339	expression 4770
genetic engineering 8218	Tallerack 9340	Agrobacterium tumefaciens 13221
genetic variance 2760, 5706	WALUP0509 9338	alcohol dehydrogenase gene expression 13213
genotype environment interaction 2760	WALUP2039 9340	genetic transformation 13213
tissue culture 9341, 9343	development 11916	alkaloids 10820
vigour, in vitro selection 2759	genetic transformation 555 glufosinate, genetic transformation 5721	Alternaria alternata
yield components	herbicides, genetic transformation 5721	genetics 12110
genetic variance 2760	hydrolases	induced mutations 12110
genotype environment interaction	gene expression 5704	Alternaria solani 7076-7078, 13223 heritability 12113
2760	nucleotide sequences 5704	ammonium, genetics 9592
yield correlations 2760  Lotus japonicus	interspecific hybridization 6893	anatomy 9610
DNA fingerprinting 2758	Pleiochaeta setosa, heritability 556 soil pH 11916	anoxia
ethyl methanesulfonate 562	Lupinus havardii	gene expression 3836
gene expression 558	cultivars	nucleotide sequences 3836
gene mapping 2758	Texas Ice 10621	anthocyanins, mutations 744 auxins
genetic markers 2758 genetic transformation 558	Texas Sapphire 10621	gene expression 10813
Glomus intraradices	Lupinus luteus	mutations 10813
genetics 13055	cultivars, Wodjil 11914 cyclins, nucleotide sequences 2757	Bemisia argentifolii 7089
mutations 13055	nodulation, molecular genetics 5703	Bemisia tabaci 3845
β-glucuronidase	proteins	biosafety 6551  Botrytis cinerea, genetic transformation
gene expression 11918 genetic markers 11918	gene expression 11915, 13052	10828
glutamate-ammonia ligase	polymerase chain reaction 11915	breeding 10812
gene expression 557	ribosomal DNA, nucleotide sequences 554	calmodulin, gene expression 4759
nucleotide sequences 557	ribosomes, gene expression 13052	calyx, gene expression 5915
green fluorescent protein gene expression 11918	Lupinus mutabilis, interspecific hybridiza-	capsanthin, genetic transformation 590 capsorubin, genetic transformation 590
genetic markers 11918	tion 6893	β-carotene, heterosis 2954
kinesin	Lycianthes jalicensis, taxonomy 13336	catechol oxidase, gene expression 4769
gene expression 557	Lycium barbarum  Fusarium oxysporum, induced mutations	cell division
nucleotide sequences 557 mutagens 562	2238	gene expression 2948
mycorrhizas	gamma radiation 2238	nucleotide sequences 2948 cellulase, gene expression 5916
genetics 13055	Lycopersicon	chlorophyll
mutations 13055	cultivars, Elitsa 5907 diseases 10825	genetics 5914
nitrogen fixation, induced mutations 562	genetic resources 10825	induced mutations 4762
nodulation genetic transformation 561	interspecific hybridization 9608, 13210	chlorophyll <i>a/b</i> binding protein, gene expression 13212
induced mutations 562	Nacobbus aberrans 1836	chromosome addition 2878, 12096
molecular genetics 5708	nomenclature 9599	chromosome morphology, fluorescence
nodulins	Oidium lycopersici, genetics 13224	situ hybridization 7059
gene expression 1664	Oidium lycopersicum 5923, 10829 pests 10825	chromosome pairing, mutations 5913
nucleotide sequences 1664, 11917 sucrose synthase	pollen germination 2953	chromosome transmission 5799
gene expression 1663	salinity	citrus exocortis viroid, gene expression 5926
genetic transformation 1663	genetic markers 5918	cold
Lotus roudairei, taxonomy 5707	random amplified polymorphic DNA 5918	gene expression 12108
Lotus tenuis aneuploidy 3700	Solanum lycopersicoides	nucleotide sequences 12108
unreduced gametes, artificial selection	fertility 4756	cold resistance 2956, 10824 gene expression 7071-7072
13054	protoplast fusion 4756	genetic variance 9601
Lotus uliginosus	viruses 5931	heritability 9601
tannins	yields, artificial selection 2953	mutations 3835
genetic variance 2760	Lycopersicon cheesmanii interspecific hybridization 750	nucleotide sequences 7071-7072
genotype environment interaction 2760, 10624	salinity, genotype environment interaction	colour, germplasm releases 4767
heritability 10624	750	cucumber mosaic cucumovirus genetic engineering 2959
yield components	Lycopersicon chilense	genetic transformation 5928, 7083
genetic variance 2760	interspecific hybridization 8369, 10819	7084
genotype environment interaction 2760	protoplast fusion 8369 regenerative ability, random amplified	cultivars 2956, 5899-5900, 5904, 6549
yield correlations 2760	polymorphic DNA 10819	11506 Amalia 5909
Low input agriculture	tomato yellow leaf curl bigeminivirus	Chelnok 10801
Hordeum vulgare 4458	10830	Dongnong-706 10806
Zea mays, reviews 5524, 5526 Luciferase	Lycopersicon esculentum	Dubrava 10801
Nicotiana tabacum	abnormal development, gene expression 10815	Gnom 10801
gene expression 9876	abscisic acid 9594, 12098	Hongza-1 7056 INCA 9-1 5908
genetic transformation 9876	gene expression 748, 4770, 5920,	Jifan-3 2947
Oryza sativa, genetic transformation	8374, 9583	Krasnaya Strela 2946
12935 Luffa acutangula, Pseudoperonospora	genetic engineering 9583	Longfan-3 10802
cubensis 3864	mutations 741 abscission, gene expression 5916	Mariela 5909
	Some on probability 3710	Olya 2946

cultivars cont.	Lycopersicon esculentum cont.	Lycopersicon esculentum cont.
Qifan-6 10805	glucose-1-phosphate adenylyltransferase	nutrients 4768, 13229
Severnyi Ekspress 2946	gene expression 13209	gene expression 13214
Shenfen 3 10803	genetic transformation 3789 nucleotide sequences 13209	genetics 9592
Siletz 5905	glucosyltransferase, gene expression 8378	nucleotide sequences 13214 octadecanoids, gene expression 8373
Viki 5906	β-glucuronidase	Oidium lycopersicum 5923, 10829
Xinfan-4 7055	gene expression 8365	ovules 13210
Xinfan-5 10804	genetic transformation 8365	oxalate oxidase, genetic transformation
cytokinins	glutamate-ammonia ligase, gene expres-	7074
gene expression 10813	sion 12100	ozone, gene expression 2957
mutations 10239, 10813	glutathione peroxidase	parthenocarpy
cytoplasmic male sterility 12098	gene expression 10809	gene expression 1821
mitochondrial genetics 12094	nucleotide sequences 10809	genetic transformation 7060
nucleotide sequences 12094	growth period 4761	genetics 9589
cytosol aminopeptidase	growth regulators 9594, 12098	pathogenesis-related proteins
gene expression 5910	gene expression 748, 8371, 8373,	gene expression 3839, 7080
nucleotide sequences 5910	9583, 10813, 12102	genetic engineering 3839
dehydrins, gene expression 747	genetic engineering 9583	pectinesterase
determinate and indeterminate habit	mutations 741, 3835, 10813, 13221 nucleotide sequences 12102	gene expression 1815, 10807
2946, 9590, 10812 development	habit 12113	genetic transformation 9598, 10807
gene expression 1824, 3832, 4763,	heat 9603	nucleotide sequences 1815
5915, 9591, 12102	heat resistance 1829, 4765, 8375	peroxidases, gene expression 5924, 7069
genetic engineering 1824, 10810	heat shock proteins	phosphate transporters, gene expression 12101
genetic transformation 1824	gene expression 7068, 7071-7072,	phosphates
genetics 2390	12108	gene expression 13214
molecular genetics 739	nucleotide sequences 7071-7072,	nucleotide sequences 13214
mutations 739, 2390, 3832, 12090	12108	photosynthesis
nucleotide sequences 4763, 12090,	height 12113	gene expression 13216
12102	Helicoverpa armigera 5933	genetics 5914
DNA binding proteins, nucleotide	heterosis, ascorbic acid 12106	phytochrome
sequences 13228	hybrid seed production 10811	gene expression 5912, 9591
DNA hybridization 2878, 5799, 9587	hybrid varieties 737, 2946, 5899-5900,	nucleotide sequences 10808
drought resistance 9600	5906, 6549, 8364, 10802	phytoene synthase
gene expression 748, 3837	in vitro culture 9594	gene expression 7057
nucleotide sequences 3837	induced mutations 3829	genetic transformation 7057
embryo culture 7066	injuries, gene expression 5919 interspecific hybridization 750-751, 1818-	Phytophthora 7082
ethylene	1820, 4756-4757, 4773, 5907, 5918,	Phytophthora infestans
gene expression 3837, 8371, 8379,	7066, 7081, 8369, 9586, 9592,	gene mapping 7081
12092, 12102	9608, 10819, 12097, 12107, 13207,	genetic transformation 5925
mutations 3835, 8379, 13221	13210	genetics 8324
nucleotide sequences 3837, 12102	iron 4768	restriction fragment length polymor-
promoters 12092	jasmonic acid, gene expression 8373	phism 7081
extensins	lactate dehydrogenase	Phytophthora nicotianae 1832
gene expression 740	gene expression 3836, 3838	plant disorders 3844
nucleotide sequences 740 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase,	nucleotide sequences 3836, 3838	heritability 7088 plant pigments, mutations 13212
nucleotide sequences 738	leaves	pollen, genetic engineering 10810
flowers, linkage 4757	gene expression 13211	pollen germination
β-fructofuranosidase	genetic engineering 13211	gene expression 2951
genetic transformation 7063	genetics 2390	genetic transformation 2951
gene expression 1823	molecular genetics 739	pollination 10811
fructokinase, gene expression 10814	mutations 739, 2390	polyamines 8376, 10818
fruit cracking 3844, 9610	light, gene expression 12100, 13212 lysine-tRNA ligase	mutations 12104
heritability 7088	gene expression 4768	polygalacturonase
fruits 1829, 3834, 9593, 9610	mutations 4768	gene expression 4758, 7057, 8371,
gene expression 3830, 5916, 13215	nucleotide sequences 4768	10816, 12105, 13215
gene mapping 2955	male sterility	genetic engineering 13215
genetic engineering 13215	genetics 12099	genetic transformation 3743, 4758,
genetics 2955, 9597	induced mutations 12099	7057, 9598, 10820, 10828,
nucleotide sequences 3830	mannosidases, gene expression 8372	11512, 12105
Fulvia fulva	mechanical damage, gene expression	nucleotide sequences 10816
gene expression 13222	4759	profilin
genetic engineering 13222	meiosis	gene expression 5911 nucleotide sequences 5911
genetic transformation 13225	molecular genetics 2952	prosystemin
genetics 7079, 9605	mutations 5913	gene expression 8365
molecular genetics 4772	Meloidogyne	genetic transformation 8365
nucleotide sequences 3841	molecular genetics 1835	protected cultivation 5899
recombination 8381	nucleotide sequences 13228	protein kinase 13220
fungi, genetic transformation 11512	Meloidogyne chitwoodi, genetics 4774	gene expression 8368
Fusarium oxysporum	Meloidogyne hapla, genetics 4774  Meloidogyne incognita 13229	nucleotide sequences 8368
linkage 1831 molecular genetics 12111	gene mapping 5932	proteinase inhibitors, gene expression
β-galactosidase	linkage 2960	743
gene expression 12103	meristems	proteinases, gene expression 5926
nucleotide sequences 12103	mutations 12090	protoplast fusion 8369, 12097
gamma radiation 4762, 12099	nucleotide sequences 12090	Pseudomonas syringae 13220
gene expression, techniques 2949	metallothionein	genetics 9604
gene mapping 1817-1818, 11269, 13208	gene expression 12091	quality 746, 1826, 1828, 9595-9596,
genetic resources 10800	gene location 12091	10821
genetic transformation 3828-3829, 6551,	nucleotide sequences 12091	artificial selection 10826
12095	molecular genetics 3829	gene expression 12105
germacrene C synthase	mutagens 12099	gene mapping 2955, 12107
gene expression 8366	mutations 4768	genetic transformation 12105
nucleotide sequences 8366	naringenin-chalcone synthase, gene	genetics 2955, 9597
germination 1830, 9601	expression 5912, 13212	germplasm releases 4767 heterosis 5917
heritability 749	Neoleucinodes elegantalis 8383	restriction fragment length polymor-
mutations 744	nitrate reductase, gene expression 742	phism 12107
Glomerella cingulata 9606	nitrite reductase, gene expression 742	Panom 12101

Lycopersicon peruvianum cont.

officinarum 6137

quantitative traits	transposable elements	interferon, genetic transformation 7058
gene mapping 1820, 12107	gene expression 4040	interspecific hybridization 1818-1820,
restriction fragment length polymor-	genetic transformation 4040	4756, 4773, 7066, 8369, 12097
phism 12107, 13207	molecular genetics 9584	Meloidogyne incognita, gene mapping
Ralstonia solanacearum 1832-1834,	nucleotide sequences 738	5932
7075, 10827, 12109	2-tridecanone 745, 757	protoplast fusion 8369, 12097 quantitative traits, gene mapping 1820
artificial selection 10826	ubiquitin conjugating enzyme	ribonucleases 8370, 9588
combining ability 4771	gene expression 7070	self incompatibility 8370, 9588
epistasis 751	nucleotide sequences 7070	gene expression 1822
genetics 751-752, 9897	ultraviolet radiation, gene expression 12100	tomato spotted wilt tospovirus, genetics
random amplified polymorphic DNA 9585	2-undecanone 745, 757	4773, 12114
regenerative ability, random amplified	variety trials 737, 746, 1813-1814, 1828,	tomato yellow leaf curl bigeminivirus
polymorphic DNA 10819	3826-3827, 5901, 5903, 9595-9596	10830
reproduction 9603	Verticillium albo-atrum, gene expression	Lycopersicon pimpinellifolium
restriction fragment length polymorphism	5924	embryo culture 7066
2878, 5799, 9587, 11269	Verticillium dahliae 7054	Fulvia fulva, genetics 7079
ribonucleases, gene expression 4764	genetic markers 12112	germination 1830
ribulose-bisphosphate carboxylase	random amplified polymorphic DNA	interspecific hybridization 750-751, 5907,
gene expression 8367, 13212	12112	7066, 7081, 12107
genetic transformation 8367	vitamins 1827	Phytophthora infestans 13226
promoters 8367	water balance, gene expression 5920	gene mapping 7081
ripening 3834, 7089	Xanthomonas vesicatoria 2958, 3840,	restriction fragment length polymor-
gene expression 4758, 4760, 5915-	5921-5922, 8380	phism 7081
5916, 8371, 12092, 12103,	xylose isomerase, genetic transformation	plant composition 13227 Ralstonia solanacearum
13213	8908	epistasis 751
genetic transformation 4758, 9606, 13213	yield components 8375 combining ability 3833	genetics 751
mutations 12104	genetic variance 3833	salinity 1830
nucleotide sequences 12103	heritability 12113, 13217	genotype environment interaction 750
promoters 12092	heterosis 4765, 5917, 7064	tomato yellow leaf curl bigeminivirus
salinity 1830, 8376-8377	stability 13218	13227
gene expression 747, 7069, 13219	yield correlations 4766, 9593, 13218	Xanthomonas vesicatoria 3840
genetic transformation 7074, 13219	yields 9590	Lycoris africana
genotype environment interaction 750	zeaxanthin epoxidase	chromosome pairing 11281
heritability 749	gene expression 1816	interspecific hybridization 11281
in vitro selection 10822	nucleotide sequences 1816	Lycoris radiata
seedlessness, genetic transformation 7061	Lycopersicon hirsutum	chromosome pairing 11281
self compatibility 13210	altitude 10823	interspecific hybridization 11281
linkage 4757	ammonium, genetics 9592	Lygus lineolaris
senescence, gene expression 4764	Bemisia argentifolii 13230	Brassica juncea 8531
Solanum acaule, protoplast fusion 12094	cold resistance 10823	Gossypium hirsutum, germplasm releases
Solanum lycopersicoides	flowers, linkage 4757	3200, 3204
intergeneric hybridization 12096 protoplast fusion 9587	interspecific hybridization 4757, 9586, 9592, 12107, 13207	Lygus rugulipennis, Pinus sylvestris 13510 Lysimachia congestiflora, cultivars, Golden
Solanum tuberosum, protoplast fusion	Macrosiphum euphorbiae 758	Harvest 8787
2878, 5799	nutrients, genetics 9592	Lysine
Spodoptera littoralis 5934	photoperiodism 13230	Aegilops 5310
stilbene synthase, genetic transformation	photosynthesis 10823	Hordeum vulgare 5310
5925	Phytophthora infestans 13226	Nelumbo nucifera, somaclonal variation
stomata, gene expression 8374	plant composition 13227	8340
storage 1828	plant hairs 13230	Nicotiana tabacum
stress 7070	quantitative traits, restriction fragment	gene expression 7389
gene expression 4693, 4769, 7073	length polymorphism 13207	genetic transformation 7389
nucleotide sequences 4693, 7073	self compatibility, linkage 4757	Oryza sativa
sucrose-phosphate synthase, genetic	temperature, genetics 9592	genotype environment interaction
transformation 3831	Tetranychus urticae 757	1594
temperature	tomato yellow leaf curl bigeminivirus	in vitro selection 8085
gene expression 10815	13227	maternal effects 1594
genetics 9592	2-tridecanone 745, 757	mutations 2649
Tetranychus urticae 757 thioredoxins	2-undecanone 745, 757	Sorghum bicolor 3593
gene expression 4693	<b>Lycopersicon parviflorum,</b> Oidium lycoper- sicum 10829	Triticum 5310
nucleotide sequences 4693	Lycopersicon pennellii	Zea mays 3571 mutations 10478
tissue culture 1825, 7065, 7067, 10818	drought resistance	Lysine-ketoglutarate reductase
tobacco mosaic tobamovirus	gene expression 9602	Arabidopsis thaliana
genetics 5930	nucleotide sequences 9602	gene expression 48, 3389
linkage 1831	germination 1830	nucleotide sequences 48, 3389
pleiotropy 5930	interspecific hybridization 5918, 7081	Lysine-tRNA ligase
tocopherols 1827	lipid transfer proteins	Lycopersicon esculentum
tomato mosaic tobamovirus 9609	gene expression 9602	gene expression 4768
gene mapping 9607	nucleotide sequences 9602	mutations 4768
genetics 5929	Phytophthora infestans	nucleotide sequences 4768
nucleotide sequences 7087	gene mapping 7081	Lysozyme
random amplified polymorphic DNA	restriction fragment length polymor-	Nicotiana tabacum
9607	phism 7081	gene expression 3163
tomato spotted wilt tospovirus 754, 5927	polyamines 8376	genetic transformation 3163
genetics 4773, 12114	quantitative traits	Macadamia
molecular genetics 756	gene mapping 7062	isoenzymes, genetic variation 4939
tomato yellow leaf curl bigeminivirus	random amplified polymorphic DNA	population genetics 4939
753, 3828, 3843, 5927, 8377, 9608,	7062	random amplified polymorphic DNA
10830 DNA hybridization 7086	restriction fragment length polymor-	13346
	phism 7062	Macadamia integrifolia
gene mapping 755 genetic transformation 3842, 7085,	salinity 1830, 8376	pathogenesis-related proteins
8382	in vitro selection 10822 Spodoptera littoralis 5934	gene expression 4940
genetics 5929	Lycopersicon peruvianum	nucleotide sequences 4940
linkage 755	embryo culture 7066	Maclura pomifera, flowering, gene expression 6037
random amplified polymorphic DNA	gene mapping 1818	sion 6037  Maconellicoccus hirsutus, Saccharum
755	insects 1837	officinarum 6137

Macradenia, taxonomy 4159	Maize dwarf mosaic potyvirus	Eleusine coracana, germplasm releases
Macrolepiota procera, protoplast culture 7621	Zea mays 1527-1528, 2598, 5544, 11738	2626
Macrophomina phaseolina	Zea mays (sweetcorn) 2597	Fragaria ahilaansis 4843
Corchorus 13486	Maize mosaic nucleorhabdovirus, Zea mays, germplasm releases 1530	Fragaria chiloensis 4843 Fragaria virginiana 4843
Glycine max 1694, 3727	Maize rayado fino marafivirus, Zea mays	genetic engineering 1351
Parthenium argentatum 2154	4514	Glycine max 4622
Phaseolus acutifolius 6933	Maize streak monogeminivirus	genetics 9386, 10640
Phaseolus vulgaris 1704	Zea mays 10492	germplasm releases 10640
genetic markers 13117 genetics 13117	genetic markers 6726	mutations 9386
Ricinus communis 6107	genetics 6726	Gossypium hirsutum
Sesamum indicum 3123	restriction fragment length polymor- phism 6726	genetics 11143
in vitro selection 8584	Maize yellow stripe tenuivirus, Zea mays,	somaclonal variation 11143 hybrid seed production 1348
Vigna unguiculata 3774	artificial selection 7953, 7961	Linum usitatissimum (flax)
techniques 3775	Majorana (see Origanum)	artificial selection 983
Macrosiphum euphorbiae, Lycopersicon hir-	Malate dehydrogenase	linkage 8689
sutum 758	Agastache rugosa, genetics 5157	Lycopersicon esculentum
Macrosporium (see Pleospora)	Beta vulgaris (sugarbeet), genetic mark-	genetics 12099
Macrotyloma uniflorum gamma radiation 4680	ers 3152, 11086	induced mutations 12099
nutritive value, induced mutations 4680	Brassica napus (rape) mitochondrial genetics 3963	Nicotiana tabacum
plant composition, induced mutations	nucleotide sequences 3963	gene expression 5010 genetic transformation 63, 8643
4680	Cereus peruvianus, gene expression 1131	mitochondrial genetics 5010
sowing date 2868	Cucurbita maxima	Oryza sativa 410, 415, 2645, 3620, 5589
yield components	gene expression 8390	6771, 6776, 6780, 8052, 8056,
artificial selection 12018	nucleotide sequences 8390	9238-9240
heritability 8304	Medicago sativa, nucleotide sequences	artificial selection 6777, 9242
Macrozamia	11898	gene mapping 4544
isoenzymes, genetic variation 9987	Nicotiana tabacum, genetic transforma-	genetic drift 9244
population genetics 9987  Macrozamia pauli-guilielmi	tion 4653 Pisum sativum	genetics 4545, 6775, 8051, 8054
isoenzymes, genetic variation 9987	gene expression 4653	germplasm releases 5587 gibberellins 5585
population genetics 9987	genetic engineering 4653	molecular genetics 12952
Macrozamia riedlei, ribosomal DNA, restric-	Sorghum bicolor	pleiotropy 1577
tion fragment length polymorphism	gene expression 5553	random amplified polymorphic DNA
3305	mutations 5553	6775
Madia sativa	Malate dehydrogenase (oxaloacetate-decar-	Phaseolus vulgaris, gene mapping 4646
genetic resources 906	boxylating) (NADP <sup>+</sup> )	Raphanus raphanistrum, mitochondrial
oils 906 Magnaporthe grisea	Flaveria bidentis gene expression 3276	genetics 711  Sesamum indicum, genetic transformation
Eleusine coracana 5630, 11769	genetic transformation 3276	904
Oryza sativa 466, 1611, 1613-1615,	Nicotiana tabacum	Solanum commersonii 679
2679, 3650, 3658, 5629-5630, 5632,	gene expression 3276	Solanum tuberosum 679, 1762
6834, 6838, 6841, 8103, 9287,	genetic transformation 3276	Sorghum bicolor 330, 4520
10572-10573, 13007, 13012-13014	Malate synthase, Cucumis sativus, gene	genetics 2608
artificial selection 8102	expression 1877	germplasm releases 2608
combining ability 6840	Malaxis biloba	mitochondrial genetics 12907
gene expression 8101, 9288, 11850	morphology 7568 taxonomy 7568	Triticum aestivum 1401, 5349, 9022-9023 genetics 5348, 10271, 11567
gene mapping 465, 1605, 1612, 5633, 11848	Malaxis lyonnetii, taxonomy 5129	induced mutations 5348
genetic markers 468, 1606	Male sterility 1350	Vicia faba, mitochondrial genetics, nucle
genetics 467, 469, 1605, 2677, 4566,	(see also Cytoplasmic male sterility)	otide sequences 9465
5631, 6839, 8100, 13016	Aegilops, genetics 10271	Zea mays 7937, 10421
heritability 3631, 6840, 11851	Allium sativum 5866	gene mapping 10422-10423
in vitro selection 8104, 11851	random amplified polymorphic DNA	mutations 10422-10424
induced mutations 9227	4728	Maleic acid, Cicer arietinum 5776-5777
molecular genetics 461	Allium schoenoprasum, restriction frag- ment length polymorphism 719	Maleic hydrazide
nucleotide sequences 10574, 11850 restriction fragment length polymor-	annuals 2216	Oryza sativa 6793 Tradescantia 3307
phism 1612, 5633	Arabidopsis thaliana	Malic enzyme, Beta vulgaris (sugarbeet),
somaclonal variation 2678	gene expression 63	genetic markers 11086
techniques 13015	gene mapping 5243	Malting quality, Hordeum vulgare, gene
Pennisetum glaucum	genetic engineering 63	mapping 5443
gene mapping 6743	mutations 63, 5243, 11438	Malus
random amplified polymorphic DNA	Brassica campestris (turnip rape)	apomixis
6743	artificial selection 11013 genetics 11013	genetic markers 2991 random amplified polymorphic DNA
restriction fragment length polymor- phism 6743	Brassica juncea 4953	2991
Magnaporthe salvinii, Oryza sativa 466,	Brassica napus 7267	apple scar skin viroid 8416
6842, 13011	gene mapping 4954	Choreutis pariana 5999
Magnesium	genetic transformation 7267	cryopreservation 10861
Dactylis glomerata, techniques 3672	random amplified polymorphic DNA	Erwinia amylovora 9632
Festuca arundinacea, artificial selection	4954	flowering 8410
500	Brassica napus (rape) 8508	fruits 8410
Magnesium chelatase	genetic transformation 3092	gene banks 12150
Nicotiana tabacum	genetics 2016 germplasm releases 2016	gene mapping 12153 genetic resources 1897, 7132, 12150
gene expression 3169, 4022 nucleotide sequences 3169, 4022	Brassica oleracea, genetics 2933	leaves 5997
Magnolia	Brassica oleracea (cabbages)	molecular genetics 2333
molecular genetics 9997	genetics 8346	Nectria galligena 10871
phylogeny 9997	random amplified polymorphic DNA	ornamental value 8410
taxonomy 7511	12074	phylogeny, chloroplast genetics 3875
Magnolia delavayi	Brassica pekinensis, genetics 8348	Podosphaera leucotricha 5997, 10871
flowering 10000	Cajanus cajan, germplasm releases	Popillia japonica 5999
pollination 10000	10523 Cansinum annuum 12124	quality, multivariate analysis 10869 random amplified polymorphic DNA
Magnolia officinalis, leaves 12504	Capsicum annuum 12124 Phytophthora capsici 4785	12153
Magnolia soulangiana, tissue culture 1063 Mahonia, nomenclature 6318, 7510	Citrus, nucleocytoplasmic interaction	rootstocks 13274
Maize chlorotic mottle machlomovirus,	3938	taxonomy 7132
Zea mays germplasm releases 5545	Coffea arabica 5000	Venturia inaequalis 5996, 7136, 10871

Malus baccata	Malus pumila cont.	Venturia inaegualis cont
cultivars, Zha'ai Shandingzi 1905	flowers	Venturia inaequalis cont. genetics 1913, 2994-2995, 3876,
height 1905	gene expression 7129	7137
interspecific hybridization 12153	nucleotide sequences 7129	linkage 12160
rootstocks 1905	fruits 8412	polymerase chain reaction 12160
Malus floribunda	gene expression 2989	random amplified polymorphic DNA
gene mapping 10866	fungi 10872-10873	
random amplified polymorphic DNA	fungicides 10872-10873	12162
10866	gamma radiation 804, 5998	viruses 2996
variety classification, repetitive DNA	gene banks 9630	yield components, heritability 10868
10866	gene mapping 801, 10866	yield correlations 10868
Malus pumila	genetic engineering 1894	yields 10874
ACC oxidoreductase	genetic transformation 7121, 10865	Malus robusta, cryopreservation 5992
gene expression 13277	B-glucuronidase	Malus sikkimensis, chromosome banding
nucleotide sequences 13277	gene expression 7126	5987
Aculus schlechtendali 8417	genetic transformation 7126	Malus sylvestris
	growth regulators 802	genetic resources 13275
Agrobacterium tumefaciens, genetic	Gymnosporangium clavipes 3877	plant hairs 13275
transformation 2988, 9636	Gymnosporangium juniperi-virginianae	Mamestra configurata
Alternaria 8414	3877	Brassica juncea 887
Alternaria alternata	habit 8408	Sinapis alba 887
artificial selection 12159	genetic transformation 12148	Mammillaria
in vitro selection 5998		chromosome pairing 2228, 6374, 7571
induced mutations 5998	genetics 8407	DNA 2228, 6374, 7571
mutations 12159	haploidy, polymerase chain reaction 5989	Mammillaria crinita, nomenclature 4169
anther culture 7130	height 9638	
Aphis pomi 8417	interspecific hybridization 12153	Mammillaria glochidiata, nomenclature
ascorbic acid, artificial selection 5994	irregular bearing 2992, 8408	4169
biotechnology 1896, 7125	isoenzymes 9638	Manduca sexta
Botryosphaeria obtusa 3877	leaves 1906	Nicotiana tabacum
Botrytis cinerea 8414	molecular genetics 2333	genetic engineering 8656
breeding 1896, 3870-3871, 5986, 7122,	mutations 799, 12155	genetic transformation 4048
12149	Nectria galligena 1912	Manganese
browning 3874	neomycin phosphotransferase	Glycine max 587
	gene expression 7126	Nicotiana bigelovii 5020
catechol oxidase, nucleotide sequences 9637	genetic transformation 7126	Nicotiana tabacum 5020
	Penicillium expansum 8414	in vitro selection 6176
cold 803	peroxidases 9638	Solanum tuberosum 13163
cold resistance 806, 5995, 7133-7135	polymorphism 9640	Triticum aestivum 3486, 5398, 6641,
colour, mutations 1907, 5990	pests, genetic markers 807	12750
cryopreservation 5992, 10861	Physalospora piricola 4794	Triticum durum 6641
cultivars 797, 799, 2987, 5984, 10862	Phytophthora 8415	Mangifera indica
Ariwa 1898		Botryosphaeria ribis 3071
Bolero 8403	Podosphaera leucotricha 10874	breeding 7228
Catarina 9635	pollen 3872	conferences 8864
Chanteline 12151	multivariate analysis 3873	
Co-op-23 8401	polyploidy 12156	Ceratocystis fimbriata 8474
CPRÔ-9 1899-1900	pollen culture 10870	cultivars 3070
Cripps Pink 10860	pollination 802, 1904, 3872	Cardozo Mankurad 7229
Delblush 8404	polygalacturonase	Celebration 9714
EPAGRI 407-Lisgala 5990	gene expression 13277	Kensington Red 9715
EPAGRI 408-Condessa 13273	nucleotide sequences 13277	Longyan Xiangmang 3944
Gold Chief 800	precocity 2992	diseases 8474
Huaguan 4793	quality 1909, 2994, 3874, 5993, 8412,	fertility 9716
Jinfu 9633	12158	fruits 7232, 8471
	heritability 10868	genetic markers 13317
Jonagold 7124	multivariate analysis 7131	Gibberella fujikuroi 8475
Kulikovskoe 10863	somaclonal variation 10870	Glomerella cingulata 8474
Nizkorosloe 10863	quantitative traits, gene mapping 12154	in vitro selection 9718
Pamyat' Voinu 10863	random amplified polymorphic DNA	irregular bearing 8475
Pillnitzer Supporter-4 8405	10866	isoenzymes
Pillnitzer Supporter-1 8406	regenerative ability 10865	genetics 1991
Pillnitzer Supporter-2 8406	ripening	linkage 1991
Pillnitzer Supporter-3 8406	gene expression 13277	morphology 9717
Polka 8402	nucleotide sequences 13277	Oidium mangiferae 1994, 8474
Primevère 1902	rooting capacity 7121	outcrossing 3945, 7231
Primiera 800	roots 2986	pollen 9717
Qioukouhong 1901	rootstocks 1903, 1910, 2990, 5986, 7127,	pollination 7231, 9716
Rafzubin 798	7133-7135, 8396, 8405, 8413, 9640	A CONTRACTOR OF THE CONTRACTOR
Red Elstar 7123	artificial selection 8406	polyembryony, random amplified
SA252-107 8402	clonal variation 7128	polymorphic DNA 6059
SA256-24 8403		Procontarinia matteiana 8476
Santana 1900	self incompatibility, polymerase chain	protected cultivation 7233
Shouyang Duanfu 10864	reaction 5988-5989	quality 1993, 8473
Tengmei-1 9634	somaclonal variation 1908	reproduction 3070
Williams' Pride 8401	sorbitol-6-phosphate 2-dehydrogenase	sex 7230, 8471
Yueshuai 8400	gene expression 13430	somatic embryogenesis 10973
development	genetic engineering 13430	tissue culture 1992, 8472
	spur types 9639	variety trials 6058, 7232
gene expression 13276	induced mutations 5991	Manglietia, taxonomy 7511
gene mapping 10867	storage 803	Manihot
genetic transformation 13276	tissue culture 805, 2993, 8409, 12157	drought resistance 2890
random amplified polymorphic DNA	variegation, induced mutations 804	taxonomy, amplified fragment length po
10867	variety classification 1906	ymorphism 1791
diseases 12158	amplified fragment length polymor-	Manihot dichotoma
genetic markers 807	phism 12152	apomixis 12049
drought resistance 2986, 8413	multivariate analysis 3873	interspecific hybridization 12049
Dysaphis 8417	repetitive DNA 10866	Manihot esculenta
Dysaphis devecta, genetic markers 4795	variety trials 8398-8399	
Dysaphis plantaginea 8417	Venturia inaequalis 806, 2996, 5995,	antisense RNA, genetic transformation 12047
Erwinia amylovora 796-797, 1895, 1910-	9641, 10874, 12161	
1911	artificial selection 808-809, 9635	apomixis 10761, 12049
ethylene 802	gene mapping 9642	archaeology 13179
fibre 8411	genetic markers 9642, 12160	biotechnology 2888 breeding 1964
	A THURST STATE IN THE	DICEIDIO 1904

Manihot esculenta cont.	Mathematics cont.	Matteuccia struthiopteris
carotenes 2894	forest trees	vicilin
diseases, genetic engineering 7019	genotype environment interaction	gene expression 7622
genetic engineering 9544	6260	nucleotide sequences 7622
genetic resources 1790 genetic transformation 12048	population genetics 13490	Maturase
glucose-1-phosphate adenylyltransferase,	gene flow 4280, 11476	Solanum tuberosum, mitochondrial genet
genetic transformation 12047	gene mapping 6523	ics 13157
interspecific hybridization 2890, 5837,	genetic distance 1337, 5264 genetic drift 2375	Triticum aestivum, mitochondrial genetic
12049	genetic drift 2373 genetic markers 1337, 4219	13157 <i>Mauritia</i> , evolution 9822
microsatellites, genetics 13178	genetics 7743, 12671	Maurocenia frangula, taxonomy 9960
Phenacoccus manihoti 5837	genotype environment interaction 1251,	Maxillaria
phosphinothricin acetyltransferase,	3366, 6433, 8890-8891	anatomy 11316
genetic transformation 12047	Glycine max	morphology 11316
polymers, genetic transformation 4710	artificial selection 9357	taxonomy 11316
polyploidy 2891	quantitative traits 9377	Maxillaria christensonii, taxonomy 12543
quality 2895	Helianthus annuus, vigour 3976	Mayetiola destructor
random amplified polymorphic DNA 10761	heritability 3, 12677	Aegilops 12775
somatic embryogenesis 2893, 7018,	heterosis 2367	Triticum aestivum, germplasm releases
12050	Hordeum vulgare	1443
Sphaceloma manihoticola 2896	barley yellow dwarf luteovirus 7765 breeding 9084	Maysin Zea mays 7974
stability 8332	yield correlations 2506	artificial selection 9184
starch 701, 13179	hybridization 2364, 5270	genetics 7967
tissue culture 7018, 8306	inbreeding 11478	restriction fragment length polymor-
variety classification, random amplified	inbreeding depression, genetics 2365	phism 9185, 10373
polymorphic DNA 2889, 10762	Ipomoea batatas	Mechanical damage
vegetative propagation 702	breeding 703	Brassica napus (rape) 9794
yield components artificial selection 9543	polyploidy 703	Glycine max 589
heterosis 2892	linkage 6527, 8966, 10219	Lycopersicon esculentum, gene expres-
Manihot glaziovii	Mentha, taxonomy 1203	sion 4759
apomixis 12049	mutations 1334, 12668, 12671	Triticum aestivum 11635
interspecific hybridization 2890, 5837,	Oryza sativa	Mechanical harvesting
12049	competitive ability 9291 variety trials 12927	Capsicum 5954 Capsicum annuum 5954
Manihot pseudoglaziovii, interspecific	weeds 9291	triticale 3436
hybridization 2890	yields 8067	Triticum aestivum 3436
Mannosidases, Lycopersicon esculentum,	outcrossing 8966	Mechanical properties, Trifolium subter-
gene expression 8372	Phaseolus vulgaris	raneum 8210
Marasmius (see also Crinipellis) Marrubium vulgare	photoperiodism 3740	Medicagenic acid, Medicago sativa 11900
chromosome number 2232	yield components 3740	Medicago
essential oils 1181	photoperiodism 7749	alfalfa mosaic alfamovirus 8198
genetic resources 2232	phylogeny 129	breeding 518
quality 1181	Picea abies	cold resistance 9332 coumestrol 535
Marssonina (see also Gnomonia)	artificial selection 5076	embryo culture 4576
Marssonina brunnea, Populus interameri-	molecular genetics 9974  Pinus ponderosa	fluorescence in situ hybridization 1649
cana 2161	air pollution 1044	genetic resources 514-515, 535
Maruca vitrata, Vigna unguiculata 3777, 13145	ozone 1044	interspecific hybridization 519, 4576,
Maternal effects	pleiotropy 12673	8198
crops 10130	pollination 117, 11490	isoenzymes 527-528
Cuphea tolucana, morphology 9821	polyploidy 8971	protoplast fusion 4576
Cuphea wrightii, morphology 9821	population genetics 108, 1335, 6535,	repetitive DNA 1649
Hordeum vulgare, haploidy 7881	8967-8968, 12668	Rhizobium 535
Lesquerella fendleri 3130	quantitative genetics 4279	seeds 528
Nemophila menziesii	quantitative traits 1337, 5204, 5219, 5267, 5269, 7747	sexual reproduction 527  Medicago aculeata
germination 3278	selection 1334	cold resistance 531
seeds 3278	self incompatibility 6535	nitrogen 531
Oryza sativa	population genetics 112, 4282	nutrients 531
cytoplasmic male sterility 2647	sexual reproduction 121, 4286, 8974	Rhizobium 531
lysine 1594 proteins 1594	Solanaceae, self incompatibility 4287	Medicago arborea, interspecific hybridiza-
quality 6815, 10557	Solanum tuberosum, inbreeding 4682	tion 1649
yield correlations 2647	Sorghum bicolor, Colletotrichum gramin-	Medicago caerulea
Silene vulgaris 7527	icola 8897	chromosome banding 2735
Triticum aestivum, dormancy 10278	triticale	interspecific hybridization 2735  Medicago coerulea
Zea mays	genotype environment interaction 8892	alfalfa mosaic alfamovirus 8198
oils 9171	sprouting 7915	interspecific hybridization 1649, 8198
proteins 9171	Triticum aestivum 4331	Medicago falcata
seeds 9171	barley yellow dwarf luteovirus 7765	alfalfa mosaic alfamovirus 8198
starch 9171  Mathematics	genotype environment interaction	apomixis, genetic markers 8180
angiosperms, self incompatibility 4287	11623	chromosome banding 2735
Arabidopsis thaliana, nucleotide	Triticum durum, genotype environment	genetic resources 8166
sequences 10169	interaction 10295	interspecific hybridization 1649, 2734-
Arachis hypogaea, gene banks 9811	variety trials 7660, 10122	2735, 8198
artificial selection 3, 4218-4219, 5186,	Vicia faba, genotype environment inter-	protoplast fusion 2734
7651, 12592	action 8892	quality 526
Avena sativa, barley yellow dwarf lute-	yield correlations 5264	random amplified polymorphic DNA
ovirus 7765	Zea mays alachlor 8009	526, 6882 <i>Medicago littoralis</i> , cultivars, Herald 520
Brassica napus (rape), stability 885	aractificial selection 12859	Medicago lupulina
breeders' rights 7671	genetic markers 12859	genetic resources 516, 8166
composite varieties 4216, 5185	genotype environment interaction	sexual reproduction 1651
crops	8892	Medicago murex
diseases 8897	herbicides 8009	alfalfa mosaic alfamovirus, genetics 274
stability 6555 development 7749	multivariate analysis 5264	Rhizobium 532
epistasis 2364	variety classification 9167	Medicago polymorpha
evolution 2376, 7750, 12673	yield correlations 5264	alfalfa mosaic alfamovirus, genetics 274
fertility 2376	Matricaria (see also Chamomilla)	outcrossing 13045

Medicago sativa cont. Medicago sativa cont. isoflavone 4'-O-methyltransferase gene expression 4594 Medicago polymorpha cont. self compatibility, random amplified polymorphic DNA 8178 Sinorhizobium 9331 random amplified polymorphic DNA 13045 nucleotide sequences 4594 leaves, mutations 5684 Leptosphaerulina trifolii 2742 heritability 2743, 11907 Rhizobium 532 Sinorhizobium meliloti 11903 Medicago sativa somaclonal variation, random amplified polymorphic DNA 4599 somatic embryogenesis 10609 artificial selection 8186 source sink relations, mutations 11902 starch, mutations 11902 concerning definitions. Acyrthosiphon kondoi 6878 air pollution 536 lodging 8184 amino acids 10611 Lotus corniculatus, protoplast fusion amplified fragment length polymorphism 8217 10605 malate dehydrogenase, nucleotide sequences 11898 medicagenic acid 11900 Megachile rotundata 10607 morphology 8183 artificial selection 11901 annexins superoxide dismutase gene expression 11899 gene expression 5692 genetic transformation 5692 synthetic varieties 5681, 8191 tannins, artificial selection 8188 nucleotide sequences 11899 anther culture 10608 apomixis mutations 2736 tissue culture 10609 mutations 8177 random amplified polymorphic DNA unreduced gametes 519, 8177 mutations 2736 nematoda 8199 restriction fragment length polymor-phism 2736 arabinogalactans 2736 nitrogen fixation 8191 random amplified polymorphic DNA nodulation gene expression 523, 2740, 3691, 5688, 8195 restriction fragment length polymorphism 2736
variety classification, random amplified polymorphic DNA 3688
variety trials 1647, 2732, 4593, 5645, 6877, 8167-8169, 10604
Verticillium albo-atrum 6888
viild correlations 516, 8182 gene expression 10606 nucleotide sequences 10606 artificial selection 517 genetics 534 mutations 534, 3691, 5684 aspartate-ammonia ligase gene expression 530 nucleotide sequences 523 nodulins 5722 genetic transformation 530 gene expression 10612 Bemisia argentifolii, heritability 2745 breeding 513, 2692-2693 carbohydrates, artificial selection 6886 cell division 8176 genetic engineering 11905 yield correlations 516, 8182 genetic transformation 11905 yields, artificial selection 8181-8182 promoters 11905 Medicago truncatula nutritive value 2737, 8189 gene mapping 8172 Osmia cornuta 10607 ozone 536, 11906 gene expression 523 genetic transformation 2739, 6880 nucleotide sequences 523 glutamate-ammonia ligase chalcone reductase, genetic engineering pests 1648, 9323-9324 gene expression 1650 4145 phenylalanine ammonia-lyase 6888 nucleotide sequences 1650 molecular genetics 8172 chromosome banding 6883 phosphoprotein phosphatase chromosome elimination 8217 gene expression 6881 mycorrhizas, gene expression 4597 nodulation 2739 nucleotide sequences 6881 photosynthesis 11906 cold, gene expression 6887 cold resistance 2741-2742 gene expression 9330, 10613 molecular genetics 5690 nucleotide sequences 9330 gene expression 5692 Phytophthora medicaginis 3693, 8197, genetic transformation 5692 9325 germplasm releases 10614 Colletotrichum trifolii 8197, 9325 Phytophthora megasperma, artificial selection 8170 nodulins gene expression 2738, 5689 nucleotide sequences 5683, 5689 artificial selection 8170 pollen compatibility 3689 gene expression 11897 phosphate transporters, gene expression 4597 genetic transformation 4596, 11897 cultivars Eureka 6878 Flairdale 3687 Jindera 6879 nucleotide sequences 11897 pollination 8179, 10607 Rhizobium 532-533 mutations 1653 polygalacturonase tissue culture 2739 Multistar 1648 Parade 9324 gene expression 13047 Medicago varia nucleotide sequences 13047 morphology, somaclonal variation 1652 proline, *in vitro* selection 3692 Sequel HR 8170, 9325 polyploidy 6884 Tahoe 9323 promoters proteins, somaclonal variation 1652 Tsuyuwakaba 11896 gene expression 11897 salinity, in vitro selection 3692 Vera 5681 genetic transformation 11897 seeds, somaclonal variation 1652 self compatibility 6885 cytoplasmic male sterility, mitochondrial genetics 2733
digestibility 529, 8187, 9329, 11904
diseases 1648, 9323-9324
Ditylenchus dipsaci 6878
artificial selection 8196
DNA fingerprinting 8171
dormancy, artificial selection 13046 nucleotide sequences 11897 proteins, artificial selection 5687 protoplast fusion 2734 Medicinal plants breeding 1138-1140, 1142, 13583 mitochondrial genetics 2733 conferences 1231 Pseudomonas syringae, gene expression chromosome number 6376 1654 gene banks 3314 quality 526, 529, 8183, 8187, 10611 artificial selection 5687, 8188 quantitative traits 9327 genetic resources 1137, 1142-1143, 1146dormancy, artificial selection 13046 1148 drought resistance, in vitro selection 9333 in vitro culture, conferences 10096 random amplified polymorphic DNA 526, 5684, 6882, 8173-8175, 8190, 9327, 10605 pharmaceutical products, genetic engiecotypes 3688 fertility 6884 neering 4182 secondary metabolites, artificial selection 1141 regenerative ability 10610 artificial selection 8186 flavonoids 11903 flavonoids 11903
gene expression 1654
forage, artificial selection 11901
β-fructofuranosidase, mutations 11902
fusaric acid, *in vitro* selection 10610
gene mapping 5684, 10605
genetic distance 8173, 9327
genetic markers 5682, 8177
genetic resources 516, 529, 3685-3686,
5680, 8166, 9328
genetic transformation 6880
genetic transformation 6880
genetic transformation 6880
genetic transformation 6880
genetic transformation 6880 Medicinal properties, Prunus africana 1145 restriction fragment length polymorphism 521, 5684, 8175 Megachile rotundata Medicago sativa 10607 Rhizobium, gene expression 3690, 8195 roots 537, 9328, 11903 salinity 525, 537 Trifolium repens 10607

Meiosis (see also Chromosome pairing)

Allium sativum 715 gene expression 5691 Arabidopsis thaliana gene expression 5241, 6488 nucleotide sequences 5241, 6488 Asparagus officinalis 10798 Ginkgo biloba 6300 germplasm releases 10614 in vitro selection 5691 Sclerotinia trifoliorum 5693 artificial selection 538, 4600, 5694 genetic transformation 6880 glutamate-ammonia ligase gene expression 9326 genetic engineering 9326 grazing, artificial selection 5685-5686 habit 516, 525, 8190 heterozygosity 521 histones, nucleotide sequences 4595 ideotypes, artificial selection 5685-5686 inbreeding 521 inflorescences, artificial selection 8182 heritability 538 Mingo stude dood of the control of t seed production 8190 artificial selection 8192 books 8872 genotype environment interaction 8193-8194 Oenothera, techniques 1086 Paspalum 506 Paspalum regnellii, mutations 6872 reviews 11485 stability 8192 seeds inflorescences, artificial selection 8182 artificial selection 524, 8185 Solanum microdontum, restriction frag-ment length polymorphism 12029 Solanum tuberosum 4687 interspecific hybridization 1649, 2734 genetics 522 isoenzymes, genetic variation 4598 heritability 524

leiosis cont.	Meloidogyne chitwoodi, Lycopersicon	Mentha cont.
Solanum tuberosum cont.	esculentum, genetics 4774	in vitro culture 7595
restriction fragment length polymor-	Meloidogyne exigua, Coffea arabica 3160	monoterpenes 7595
phism 12029 Sorghum bicolor 5308	Meloidogyne graminicola, Oryza sativa, ran-	Puccinia menthae 7599
Triticum aestivum 155, 1399, 9019	dom amplified polymorphic DNA 13022	taxonomy, mathematics 1203
Zea mays	Meloidogyne hapla	Mentha aquatica, interspecific hybridization 7595
genetics 4494, 10400	Capsicum 1850	Mentha arvensis
mutations 4494, 10400	Cucumis sativus 5971	cultivars, Himalaya 7593
Zea mays (popcorn) 5308	Daucus carota	random amplified polymorphic DNA
Melaleuca, random amplified polymorphic DNA 13604	gene mapping 5815	13600
felaleuca cajuputi, genetic resources 7345	genetic markers 5836 genetics 5836	somaclonal variation 13600  Mentha canadensis, interspecific hybridiza
lelampsora allii-populina, Populus 4075	Lycopersicon esculentum, genetics 4774	tion 7595
Ielampsora epitea, Salix 6272	Onobrychis viciifolia 13063	Mentha longifolia
Ielampsora larici-populina	Meloidogyne incognita	essential oils 11336
Populus deltoides 8708	Abelmoschus esculentus 13271	interspecific hybridization 11336
gene mapping 7453 genetic markers 9949	Arabidopsis thaliana	leaves 11336
Populus nigra	gene expression 3411 genetic transformation 6520	Mentha piperita breeding 2231
gene mapping 7453	Cajanus cajan 660	cultivars, Cordial 1138
genetic markers 9949	Capsicum annuum 1839	β-farnesene, nucleotide sequences 4187
Populus trichocarpa 8708	genetics 9620	genetic transformation 5152, 13598
gene mapping 7453	germplasm releases 2972	protoplast fusion 10070
Melampsora lini	Capsicum chinense 1849 Cicer arietinum 1731	tissue culture 10069 Verticillium dahliae 10070
Linum usitatissimum (flax) genetics 7418	Coriandrum sativum 3329, 13597	xylulose-5-phosphate synthase
molecular genetics 4057	Cucumis melo 1862, 5964	gene expression 8853
Linum usitatissimum (linseed), genetics	Cucumis metuliferus 1862	nucleotide sequences 8853
7418	Cucurbita maxima 1872	Mentha spicata
Ielampsora medusae	Cucurbita moschata 1872	cultivars, Record 1138
Populus deltoides, genetics 8707	Glycine max gene mapping 3734	essential oils 11336 interspecific hybridization 7595, 11336
Populus trichocarpa, genetics 8707 <b>Ielampsora populnea</b>	restriction fragment length polymor-	leaves 11336
Pinus pinaster 5075	phism 3734	protoplast fusion 10070
Pinus sylvestris 6288	Gossypium hirsutum 979, 3201, 5036,	tissue culture 10069
<b>1elampsoridium betulinum</b> , Betula 4062	13476	Verticillium dahliae 10070
Aelanagromyza obtusa, Cajanus cajan 5782	germplasm releases 2146, 6225, 6231, 13482	Menthone, Calamintha nepeta 4196 Mercaptopurine, Zea mays 10407
Ielanagromyza sojae	Ipomoea batatas 13182	Meristems
Glycine max 6918 genetics 9461	random amplified polymorphic DNA	Arabidopsis thaliana, genetics 3397
heritability 9461	2908	Lycopersicon esculentum
Ielanaphis sacchari	Lycopersicon esculentum 13229	mutations 12090
Sorghum bicolor 11752	gene mapping 5932	nucleotide sequences 12090
Zea mays 10496	linkage 2960  Lycopersicon peruvianum, gene mapping	Zea mays, mutations 10441 Merostachys, taxonomy 8859
Meligethes aeneus, Brassica napus (rape)	5932	Mesembryanthemum crystallinum
9797	Musa 13313	aquaporin, genetic engineering 6167
Melilotus chromosome translocation 9337	Olea europaea 4978	ATP synthase, gene expression 8824
in vitro culture 9337	Oryza sativa, genetic transformation	cysteine proteinases
interspecific hybridization 9337	5636 Prunus persica 8435	gene expression 13582 nucleotide sequences 13582
Melilotus alba, nodulation, gene expression	amplified fragment length polymor-	myo-inositol, gene expression 11326
5688	phism 12197	pyruvate,phosphate dikinase
Melissa officinalis breeding 2231	gene mapping 12197	gene expression 13578
essential oils 1212	linkage 12197	genetic engineering 13578
quality 1212	Psidium friedrichsthalianum 2001 Psidium guajava 2001	ribosome-inactivating proteins
1elocactus	root crops 2871	gene expression 4170 nucleotide sequences 4170
chromosome morphology 10045	Solanum tuberosum 1772	salinity
chromosome number 10045	Trifolium incarnatum	gene expression 4170, 11326
DNA 10045	artificial selection 1655	nucleotide sequences 4170
Melocactus intortus, taxonomy 4168 Meloidogyne	inbreeding 1655	stress, gene expression 13582
Beta maritima, germplasm releases 2093	Zea mays, germplasm releases 10494  Meloidogyne javanica	Messenger RNA, Zea mays, gene expressi 4505
Lycopersicon esculentum	Avena nuda 12816	Metabolism
molecular genetics 1835	Avena sativa 12816	genetic engineering 29
nucleotide sequences 13228	Cucumis sativus 1890, 5971	molecular genetics, books 1239
Musa 1975	Daucus carota	Metalloproteinases
Oryza sativa, genetic transformation 6844	genetic markers 5836 genetics 5836	Glycine max gene expression 6905
Prunus 4800, 13282	Glycine max 4640	nucleotide sequences 6905
Prunus cerasifera, genetics 4804, 10936,	germplasm releases 2808	Metallothionein
13285	Ipomoea batatas 13182	Brassica oleracea (cauliflowers), genet
Prunus persica 8418	Musa 13313	transformation 3816
Prunus (plums) 8418	Prunus persica	Lycopersicon esculentum
Solanum 1784, 1786 Solanum tuberosum 13175	amplified fragment length polymor- phism 12197	gene expression 12091 gene location 12091
Trifolium 550, 4606	gene mapping 12197	nucleotide sequences 12091
Trifolium pratense 550	linkage 12197	Nicotiana tabacum
Trifolium repens 4606	Meloidogyne trifoliophila, Trifolium repens	gene expression 7388
Vitis vinifera 8456	4607	genetic transformation 7388
1eloidogyne arenaria	Melon rugose mosaic tymovirus, Cucumis	Pisum sativum, gene expression 5764
Arachis hypogaea 6105	melo 3859 <b>Mendoncia</b>	Metasequoia glyptostroboides isoenzymes, genetic variation 7488
Cucumis melo 5964 Cucumis sativus 1890, 5971	development 11262	legumin
Glycine max	flowers 11262	gene expression 5080
gene mapping 598	taxonomy 11262	nucleotide sequences 5080
restriction fragment length polymor-	Mentha	Metaxenia (see Xenia)
phism 598	essential oils 12565	Methane methylsulfonate, Brassica junce 13359
Zea mays, germplasm releases 10494	genetic resources 12565	15557

Methionine	Microloma sagittatum	Mimulus guttatus cont.
Bertholletia excelsa, genetic transforma-	flowers 11492	copper genetics 11263
tion 10996	pollen 11492	modifiers 2215, 2217
Fabaceae, genetic engineering 11511  Glycine max, genetic transformation 32	pollination 11504  Micropropagation (see Tissue culture)	pleiotropy 2217
Oryza sativa 4551	Microsatellites	inbreeding depression, epistasis 6323
Methionine adenosyltransferase, Pisum	Abies	interspecific hybridization 1088
sativum, gene expression 11984	chloroplast genetics 6297	nickel
Methotrexate	polymerase chain reaction 6297	genetics 1097
Daucus carota	Aegilops markgrafii 4365	modifiers 1097 quantitative traits
in vitro selection 700 molecular genetics 700	Aegilops tauschii 3511 Arabidopsis thaliana 2331, 11417	gene mapping 1088
Methyl jasmonate	polymerase chain reaction 57	random amplified polymorphic DNA
Arabidopsis thaliana	polymorphism 57	1088
gene expression 7721	Arabis lyrata 2331	self pollination, genetic markers 12519
mutations 7721	Arabis petraea 2331	toxic substances
Hordeum vulgare, gene expression 231	Asteraceae, nucleotide sequences 3107	genetics 1097, 11263 modifiers 1097, 2217
Stylosanthes humilis, gene expression 1793	Beta maritima 6147	pleiotropy 2217
1665	Cicer arietinum 4667, 6463  Daucus carota, polymerase chain reac-	Mimulus lewisii
Methyl methanesulfonate	tion 5816	anthocyanins 3277
Vicia faba 4641	Elymus 9307	pollination 3277
Zea mays 10395	polymerase chain reaction 5665	Mimulus nasutus, self pollination, genetic markers 12519
N-methyl-N-nitro-N-nitrosoguanidine, Volvariella diplasia 4202	Elymus caninus 9307	Mimulus platycalyx
N-methyl-N-nitrosourea	evolution 21	interspecific hybridization 1088
Catharanthus roseus 10055	Fagaceae 8702 genetic distance, computer programming	quantitative traits
Glycine max 9381	3412	gene mapping 1088
Hordeum vulgare 10318, 10320	Glycine max 574	random amplified polymorphic DNA
Oryza sativa 417	Helianthus, nucleotide sequences 3107	1088  Minthostachys andina, tissue culture 1173
Pisum sativum 10687	Hordeum spontaneum 11670	Miscanthidium violaceum, Saccharum
Trifolium pratense 2750, 6889 N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine,	Hordeum vulgare 2498, 11670	officinarum, intergeneric hybridization
Volvariella diplasia 2268	Lactuca polymerase chain reaction 5895	2078
N-methyl-N-nitrosourea	taxonomy 12084	Miscanthus
Capsicum annuum 765	Lactuca sativa	amplified fragment length polymorphism
Vicia faba 6920-6921	polymerase chain reaction 5895	5672 molecular genetics, taxonomy 5676
Methyltransferases Arabidopsis thaliana	taxonomy 12084	photosynthesis 5678
genetic transformation 12651	Lolium multiflorum, inbreeding 10586	Saccharum officinarum, intergeneric
nucleotide sequences 8930	Manihot esculenta, genetics 13178	hybridization 12347
Hordeum vulgare	Oryza 1569 Oryza longistaminata, evolution 12993	salinity 5678
gene expression 231, 4465, 12779	Oryza sativa 364, 376, 1569	Miscanthus japonicus, Saccharum
gene mapping 12779	Pennisetum glaucum 11759-11760	officinarum, intergeneric hybridization 2078
nucleotide sequences 12779 Nicotiana tabacum	Phaseolus vulgaris, variety classification	Miscanthus ogiformis, tissue culture 508,
gene expression 13424	11969	4587
genetic transformation 13424	Picea abies 3242	Miscanthus sacchariflorus, breeding 3334
molecular genetics 13432	Pinus pinaster 13505 Pinus radiata 11195	Miscanthus sinensis
nucleotide sequences 4228, 11394	Pinus resinosa 11197	breeding 3334
Oryza sativa, molecular genetics 13432	Populus tremuloides 11184	Saccharum officinarum, intergeneric
Pisum sativum gene expression 1721	Quercus 8702	hybridization 2078 Mites, Zea mays 7980
nucleotide sequences 1721	Quercus gambelii, population genetics	Mitochondria, Zea mays 10434
Prunus dulcis	12449	Mitochondrial genetics
gene expression 10985	Quercus myrsinaeifolia 3217	Aegilops, evolution 195
nucleotide sequences 10985	Quercus petraea 8703 gene flow 11180	Agaricus, RNA polymerase 1219
Metolachlor	Quercus robur 8703	Agaricus bisporus 3340, 4198-4199
Sorghum bicolor 12916 Zea mays 10498	gene flow 11180	development 7619 Agrocybe aegerita 7618
Metribuzin, Pisum sativum 4663	reviews 6463	Allium cepa, cytoplasmic male sterility
Metrosideros excelsa, cultivars, Dalese 8733	Rhododendron degronianum 12502	7031
Metroxylon, DNA 6392	Ribes 10940	Arabidopsis thaliana 6477
Metroxylon sagu	Ribes rubrum 10940 Solanum phureja 676	cytochrome-c oxidase 12622
breeding, books 1243	Solanum tuberosum 676	RNA editing 12622
genetic resources, books 1243  Mevalonate kinase	Swietenia humilis 3226	Beta maritima, cytoplasmic male sterility 11081
Nicotiana tabacum	Triticum aestivum 4365, 9013, 11543,	Beta vulgaris 11076
gene expression 13415	11547	Beta vulgaris (sugarbeet) 8613
genetic transformation 13415	height 10274, 10276	adenosinetriphosphatase 11075
Mexipedium xerophyticum, chromosome	Triticum dicoccoides 5332 Tuber melanosporum 12577	cytochrome-c oxidase 3148
morphology 3304  Michelia, taxonomy 7511	Vitis 12230	cytoplasmic male sterility 3148, 4004,
Microbotryum violaceum, Silene dioica	Vitis vinifera 1941, 3914, 7197, 12227	12363  Brassica campestris (turnips), cyto-
3292	variety classification 8445	chrome-c oxidase 7016
Microcitrus	Microtubules, Arabidopsis thaliana, muta-	Brassica juncea 12273
graft hybridization 10968	tions 6498	Brassica napus (rape)
phylogeny	Mimosa dispiculata, taxonomy 5068	cytoplasmic male sterility 876, 4951
random amplified polymorphic DNA 9707	Mimosa demissa, taxonomy 5068 Mimosa epitropica, taxonomy 5068	malate dehydrogenase 3963
restriction fragment length polymor-	Mimosa pigra, taxonomy 1023	ribosomes 10535 Cichorium intybus, cytoplasmic male ste-
phism 9707	Mimosa tweedieana, taxonomy 1023	rility 2942
Microcitrus australasica	Mimulus, inbreeding depression, dominance	Cucumis sativus, paternal effects 13258
somatic embryogenesis 850	10006	cytoplasmic male sterility 8977
tissue culture 850  Microcitrus australis Yanthomonas arona	Mimulus cardinalis	databases 5214
Microcitrus australis, Xanthomonas axono- podis 3942	anthocyanins 3277 pollination 3277	Daucus, phylogeny 12046
Microcycas calocoma	Mimulus guttatus	Daucus carota 4706
chromosome morphology 7487	cadmium	cytoplasmic male sterility 5819-5820, 10760
fluorescence in situ hybridization 7487	modifiers 2217	fertility 13177
Microcyclus ulei, Hevea brasiliensis 11161	pleiotropy 2217	phylogeny 5830, 10760, 12046

Mitochondrial genetics cont.	Mitotic recombination 8918	Molecular genetics cont.
development 11400 Diplotaxis catholica 12273	Zea mays 10399	Brassica oleracea cont.
evolution 11500	Mixoploidy Brassica carinata 6079	cytoplasmic male sterility 7039  Brassica oleracea (kale)
Fagus crenata 7441	Brassica juncea 6079	kinases 725
adenosinetriphosphatase 11183	Morus, induced mutations 9683	self incompatibility 725
cytochrome-c oxidase 11183	Orychophragmus violaceus 6079	Brassica oleracea (kohlrabi), cauliflower
Fagus japonica 7441	Populus canescens 9952	mosaic caulimovirus 4047
Glycine max	Models	Cantharellus, phylogeny 5171
evolution 9436	forest trees, artificial selection 12434	Capsicum annuum, transposable elements
repetitive DNA 9373 Glycine soja 5728	gene mapping 11406	1842
evolution 9436	genetic resources 11365, 11367 pollination 11493	cells 6460 conferences 10101
repetitive DNA 9373	quantitative genetics 11484	cellulose 1268
Gossypium hirsutum, cytoplasmic male	self compatibility 11494	cereals 139, 7757
sterility 7406, 12415	Modifiers	α-amylase 1369
Lens culinaris, variety classification 5769	Arabidopsis thaliana	phylogeny 7763
Lens orientalis, variety classification	development 10189	Cicer arietinum, variety classification
5769	inflorescences 10189	11993
Lycopersicon esculentum, cytoplasmic male sterility 12094	naringenin-chalcone synthase 10161	Citrus 2333
Medicago sativa	Linum usitatissimum (flax), Fusarium oxysporum 11158	Citrus unshiu 3937 colour 8899
cytoplasmic male sterility 2733	Mimulus guttatus	conifers, reviews 12459
protoplast fusion 2733	cadmium 2217	conservation, reviews 7704
Nelumbo nucifera, phylogeny 7028	copper 2215, 2217	Craterellus, phylogeny 5171
Nelumbo pentapetala, phylogeny 7028	nickel 1097	crops
Nicotiana tabacum 7381, 9879	toxic substances 1097, 2217	auxin binding proteins 3425
adenosinetriphosphatase 5010	Oryza sativa, cytoplasmic male sterility	bacteria 11380
male sterility 5010	12965	reviews 26
Oenothera 1078 Oryza 382, 8991	Zea mays, transposable elements 3553  Moeziomyces penicillariae	Cucurbita DNA binding proteins 13248
Oryza sativa 382, 387, 402	Pennisetum glaucum	glycerol-3-phosphate acyltransferase
adenosinetriphosphatase 6767	genetics 11767	789
restriction fragment length polymor-	pleiotropy 11767	Cynodon, variety classification 502
phism 11789	Moisture content	Daucus carota
ribosomes 10535	Morus 3924, 9684	DNA binding proteins 10758
temperature 12940	Saccharum officinarum	methotrexate 700
Petunia 1101	artificial selection 4992	toxic substances 700
cytoplasmic male sterility 1102  Phaseolus vulgaris, cytoplasmic male	heritability 4992  Zea mays, artificial selection 1505	development books 13626
sterility 11971	Molecular genetics 3382, 7650	conferences 10101
Phyllostachys, phylogeny 6398	Actinidia chinensis, sex 4892	reviews 8915
Pinus banksiana, statistics 1030	Agaricus bisporus, cellulose 3337	dictionaries 8878
Pinus contorta, statistics 1030	alkaloids, reviews 11413	diseases 1259, 1262, 11348, 11379
Pinus flexilis, gene flow 1033	angiosperms, development 10140	books 5182
Pinus sylvestris	anthocyanins 11517	reviews 8896
cytochrome-c oxidase 7475 evolution 7475	Aquilegia, phylogeny 3288	dormancy, reviews 2389 drought resistance, reviews 8894
Pisum sativum 6940, 8274	Arabidopsis thaliana 2333, 4244, 4485, 10149, 10166	edible fungi 7617
binding proteins 9485	abscisic acid 7726	Eleusine coracana, transfer RNA 5565
salinity 8282	books 13629	embryology, books 2279
Pleurotus, taxonomy 12576	cellulose 4264	Erythrina variegata, trypsin inhibitors
Pleurotus ostreatus 1220, 3341	centromeres 3386	4077
Poaceae 8991	cold 1325	ethylene, reviews 7688
Pseudotsuga menziesii, random amplified	cytokinins 71	evolution 12690 Fabaceae, nodulation 8879
polymorphic DNA 12480  Raphanus raphanistrum, male sterility	development 6504 flowering 11446	Festuca 3675
711	globulins 10196	Flaveria pringlei
reviews 2325	growth regulators 71, 7726	evolution 3279
Solanum acaule, cytoplasmic male steril-	histidine 12630	phosphoenolpyruvate carboxylase
ity 12094	light 11422	3279
Solanum tuberosum 5793-5794, 6940	morphology 11422	Flaveria trinervia
maturase 13157	nitrates 8940	evolution 3279 phosphoenolpyruvate carboxylase
Sorghum bicolor 11747 adenosinetriphosphatase 4521	nodulation 570 nutrients 8940	3279
cytoplasmic male sterility 331, 4521,	phosphoprotein phosphatase 7726	flowers 8899
9191	photosynthesis 7725	forest trees, drought resistance 7427
male sterility 12907	roots 6504, 8940	fruit crops 1893
statistics 1030	senescence 1313	fungi, books 5182
triticale 5469	transposable elements 3552	genomes, books 4213
Triticum, evolution 195	trehalose 8942	glutamate-ammonia ligase 137 glutathione transferase 11517
Triticum aestivum	Arayranthamum, phylogeny 4140	Glycine max 10636
adenosinetriphosphatase 4366 cytochrome-c oxidase 150	Argyranthemum, phylogeny 4140 aspartate aminotransferase 24	Heterodera glycines 10660
cytoplasmic male sterility 157, 3451,	Beta vulgaris (sugarbeet), Heterodera	nodulation 570
11568	schachtii 2094, 6156	Phytophthora sojae 9376
maturase 13157	binding proteins 6459	Gossypium hirsutum, cellulose 4264
Triticum timopheevii, adenosine-	books 7644, 11353	heat shock proteins 12599
triphosphatase 4366	Brassica	Hibiscus syriacus 12501
Vicia faba	quality 2023	Hordeum vulgare anoxia 12793
male sterility, nucleotide sequences	self incompatibility 9571, 12276 reviews 4739	cold resistance 5388
9465	Brassica campestris	ion transport 11402
NADH dehydrogenase, nucleotide sequences 9465	adenosinetriphosphatase 7039	isoenzymes 24
Vigna radiata 2859	allergens 11011	light 11499
Zea mays 5793, 10375	cytoplasmic male sterility 7039	Linum usitatissimum (flax), Melampsora
adenosinetriphosphatase 2555	pathogenesis-related proteins 8529	lini 4057
cytochrome-c oxidase 2555	Brassica napus (rape), transposable ele-	Lolium 3675
cytoplasmic male sterility 4495, 4497	ments 3962	Lotus japonicus, nodulation 5708 Lupinus, phylogeny 4611
ribosomes 4482	Brassica oleracea adenosinetriphosphatase 7039	Lupinus, phytogeny 4011 Lupinus luteus, nodulation 5703
Mitosis (see Cell division)	auchosmeurphosphatase 7057	suprimo monoj modamitoti o 100

Monoterpenoids cont.

Molecular genetics cont.	Molecular genetics cont.	Monoterpenoids cont.
Lycopersicon esculentum 3829	Spinacia oleracea, heat shock proteins	Foeniculum vulgare 1197
development 739	9576	Morchella, taxonomy, molecular genetics 4203
Fulvia fulva 4772	stomata 7687 stress, conferences 6411	Moricandia arvensis
Fusarium oxysporum 12111 leaves 739	symbiosis, phylogeny 3423	Brassica campestris, intergeneric hybrid
meiosis 2952	taxonomy, books 1245	zation 7273
Meloidogyne 1835	techniques, books 4215	Brassica juncea
tomato spotted wilt tospovirus 756	transposable elements 3377, 3418, 3427,	intergeneric hybridization 13354
transposable elements 9584	5203 reviews 3383	protoplast fusion 13354 tissue culture 4956
Magnolia 9997 Malus 2333	Triticum aestivum	Moricandia nitens
Malus pumila 2333	development 12727	Brassica napus (rape), intergeneric
Medicago truncatula 8172	germination 12727	hybridization 11008
nodulation 5690	glutenins 7835	gene expression
metabolism, books 1239	quality 182 transposable elements 6608	glycine decarboxylase 11008 photosynthesis 11008
Miscanthus, taxonomy 5676	tropisms 11499	protoplast culture 7291
Morchella, taxonomy 4203 Nicotiana clevelandii, tomato black ring	Vicia faba, globulins 10196	Morphine
nepovirus 4047	viruses, reviews 6439	Papaver somniferum 1180
Nicotiana tabacum 945, 6168	Zea diploperennis, transposable elements	genetics 1177
Agrobacterium rhizogenes 935	3554 Zea mays 3551, 4485, 6697, 7926	Morphology Allium sativum 4730
methyltransferases 13432 ribosomal RNA 13418	alternative oxidase 10378	Alnus nitida 7461
sterols 13432	anthocyanins 11697	Alopecurus pratensis 6876
transposable elements 4024	cell division 9149	Amelanchier bartramiana 3882
nodulation	Cochliobolus carbonum 6725	Amelanchier laevis 3882
phylogeny 3423	cytoplasmic male sterility 4496 endosperm 5498	Amphicarpaea bracteata 1756
reviews 4232	evolution 5311	Ananas comosus induced mutations 9724
nuclei 11395 nutrients 11402	habit 11705	somaclonal variation 9724
Oryza sativa 3433, 4539, 11785, 12938	plastids 10385	Andrographis paniculata 7582
abscisic acid 454	promoters 10385	Arabidopsis thaliana
α-amylase 11802	RNA binding proteins 12876 RNA polymerase 10385	genetic transformation 5236
DNA binding proteins 5579	techniques 282	induced mutations 5236 molecular genetics 11422
evolution 5311 growth regulators 454	transposable elements 294, 3552,	mutations 11422
Magnaporthe grisea 461	3554	Arachis glabrata 902
male sterility 12952	Molybdenum cofactor, genetics, reviews 7685	Arachis hypogaea 8567
methyltransferases 13432	Momordica charantia	Avena insularis 10336
salinity 454	cultivars	Beta vulgaris (beetroots) 10771
sterols 13432 sugars 11802	Cuilü-1 7116	Beta vulgaris (sugarbeet) 11085, 11087 inbreeding 3151
Xanthomonas oryzae 461, 6831,	Hengza Bitter Gourd-1 5979	Boehmeria 12426
10567	hybrid varieties 5979, 7116 yield components, genetic variance 5980,	Brassica juncea, multivariate analysis
oxidoreductases 22	7118	11014
reviews 11413	Monarda	Capsicum annuum, multivariate analysis
pathogenesis-related proteins 1262 pests 11379	chromosome morphology 7602	766 Castanea 4937
Petunia	chromosome number 7602	Chenopodium quinoa, multivariate analy
adenosinetriphosphatase 6350	Monellia caryella, Carya illinoinensis 7258 Monema flavescens, Diospyros kaki, genetic	sis 6851
cytoplasmic male sterility 6350	transformation 3073	Coffea 11100
Petunia hybrida, cytoplasmic male steril-	Monilia (see also Monilinia)	Colocasia esculenta 5844
ity 7549 Phaseolus vulgaris	Monilinia fructicola, Prunus persica 10935	Cotoneaster integerrimus 7505 Cotoneaster niger 7505
enzyme inhibitors 3747	Monilinia laxa, Prunus persica 12195	Cucumis sativus 13265
Zabrotes subfasciatus 3747	Monocotyledons, phylogeny, chloroplast genetics 2320	Cucurbita pepo 13251
phospholipase D 1284	Monocrotophos	Cuphea tolucana, maternal effects 9821
phosphoric manager by dralage 8022	Cicer arietinum, in vitro selection 1673	Cuphea wrightii, maternal effects 9821
phosphoric monoester hydrolases 8922 phylogeny 133	Cyamopsis tetragonoloba, in vitro selec-	Durio zibethinus, variety classification 10979
physiology, conferences 10101	tion 1673 Vigna unguiculata, in vitro selection	Festuca rubra, somaclonal variation 68.
Picea abies, mathematics 9974	1673	Fragaria 9672
Pisum sativum	Monoethanolamine, Gossypium barbadense	genetics, reviews 3362
cells 1717 proteins 1717	13472	Glycine dolichocarpa, multivariate anal
RNA polymerase 13122	Monogerm seeds	sis 6904  Glycine max, induced mutations 6911
plant embryos, books 7640	Beta vulgaris (sugarbeet) 3149, 9847 artificial selection 3144	Glycine tabacina 5725
Plantago major, taxonomy 6384	genetics 6151, 7361	Glycine tomentella, multivariate analysi
polyamines, reviews 6454, 10129	Monographella nivalis	6904
polyploidy, reviews 2370	Secale cereale 12829	Gossypium barbadense, genetics 11144
Populus tremula, drought resistance 7427 protein kinase 28, 8922	triticale 12854	Gossypium hirsutum genetics 11144
reviews 10143	Triticum aestivum 2465, 5389, 5407 Monoploidy (see Haploidy)	mutations 13477
proteins 1269	Monosomic analysis (see Gene location)	Hedysarum coronarium, multivariate
conferences 11346	Monosomics (see Aneuploidy)	analysis 1668
Pseudopanax, phylogeny 5142 Pyrus 2333	Monosporascus cannonballus, Cucumis	Helianthus annuus 11029
respiration 22	melo 10844 Monostroma nitidum, Porphyra yezoensis,	Lentinula edodes 3343
reviews 7698, 8923	protoplast fusion 12582	Linum usitatissimum (linseed), induced mutations 11026
salinity 5198, 5691	Monoterpene synthases	Lolium multiflorum, multivariate analys
seeds 8899	Abies grandis	494
books 7640 reviews 2389	gene expression 3243	Lolium perenne 8147
senescence 1270	nucleotide sequences 3243 Monoterpenes	somaclonal variation 6856
Solanum tuberosum	Larix 4097	Lotus, polyploidy 10622 Malaxis biloba 7568
Globodera rostochiensis 1771	Mentha 7595	Mangifera indica 9717
Phytophthora infestans 1771	Pinus sylvestris 4093	Maxillaria 11316
Sorghum bicolor 3433 evolution 5311	Monoterpenoids	Medicago sativa 8183
Cyolution 5511	Carum carvi 1197	artificial selection 11901

Morphology cont		
Morphology cont.  Medicago varia, somaclonal variation	Mucuna pruriens	Multivariate analysis cont.
1652	DOPA 1182 taxonomy 10628	Prisum sativum, yield components 2840
Morus alba 10955	Muhlenbergia montana, taxonomy 9321	Prunus armeniaca fruits 10892
Musa	Multiline varieties (see also Composite	quality 10892
heritability 844	varieties; Genotype mixtures)	yield components 10892
multivariate analysis 844	Multivariate analysis	Prunus dulcis, fatty acids 9745
Nervilia cumberlegei 7568	Aleurites fordii, quantitative traits 12342	Prunus persica
Nicotiana tabacum	Amaranthus, quantitative traits 4573	morphology 10927
DNA methylation 4021	Amaranthus hypochondriacus, yield com-	quality 10927
gene expression 4021 induced mutations 4025, 11114	ponents 6853	Pseudorchis albida, morphology 10040
Olea europaea 3981	Aphelandra pulcherrima hybridization 10049	Pseudorchis straminea, morphology
Oryza glumaepatula 9276	phylogeny 10049	10040 Psidium friedrichsthalianum, isoenzyme
Oryza sativa 6826, 8064	Arachis hypogaea	13332
gene mapping 8058	growth period 12330	Psidium guajava, isoenzymes 13332
genetics 8061	yield components 2055	Quercus acerifolia, taxonomy 9947
induced mutations 9235	Avena sativa, yield components 6679	Raphanus sativus, roots 12064
Pachyrhizus tuberosus, multivariate anal-	Azadirachta indica, yield components	Saccharum, yield components 13397
ysis 4719 Panicum maximum 6735	2239	Saccharum officinarum, yield compo-
Pennisetum glaucum, cytoplasmic inheri-	Brassica juncea, morphology 11014	nents 7347
tance 11761	Brassica napus (rape), yield components 12282	Saccharum robustum, yield components 7347
Pennisetum purpureum 10517	Capsicum annuum, morphology 766	Secale cereale, yield components 12822
statistics 10516	Cassia angustifolia, yield components	Sesamum indicum, yield components
Pentaclethra macrophylla 7339	5138, 13587	2068, 13385
Phaseolus vulgaris	Chenopodium quinoa, morphology 6851	Solanum melongena, yield components
induced mutations 13110	Cicer arietinum, yield components 5773	760
multivariate analysis 6923	Citrus, essential oils 6052	Solanum tuberosum, yield components
Pinellia ternata, genetic variance 5137	Cocos nucifera, fruits 12320	10743
Piper nigrum, multivariate analysis 5145- 5146	Diospyros kaki, isoenzymes 4924	Sorghum bicolor
Prunus padus 7158	Elaeis guineensis, yield components 12319	morphology 2614 quality 9196
Prunus persica, multivariate analysis	Eleusine coracana, yield components	yield components 4520
10927	8029	Spondias tuberosa, yield components
Pseudorchis albida, multivariate analysis	Fagopyrum esculentum, seeds 9292	2002
10040	Fagopyrum tataricum	Trifolium repens, yield components 539
Pseudorchis straminea, multivariate anal-	growth period 1618	triticale 3539
ysis 10040	habit 1618	quality 12843
Pseudotsuga menziesii, heritability 2186	forest trees, pollination 7424	yield components 12843
Psilanthus 11100 Ribes 7168	genotype environment interaction 7673-7674, 7676	Triticum aestivum drought resistance 2458
Saccharum	Gerbera hybrida, flowers 12524	gliadin 12745
heritability 917	Glycine dolichocarpa, morphology 6904	quality 2439
statistics 917	Glycine max	quantitative traits 1410
Secale cereale, mutations 12819	Heterodera glycines 10662	Triticum durum, quantitative traits 1410
Sorghum bicolor, multivariate analysis	yield components 9422-9423, 11945	variety trials 7675-7676
2614	Glycine tomentella, morphology 6904	Vetiveria zizanioides
Tanacetum vulgare 11333	Gossypium arboreum, quality 7408	essential oils 2262
Trifolium glomeratum 2749	Gossypium herbaceum, yield components 11147	yield components 2262 Vigna mungo, yield components 6977
Trifolium pratense, genetic markers 2751 Triticum aestivum 5345	Gossypium hirsutum, colour 8678	Vigna radiata, yield components 10726
genetic markers 9036	Hedysarum coronarium, morphology	Vigna umbellata, yield components
genetics 6617, 9036	1668	10725
Triticum dicoccum 4325	Helianthus annuus, yield components	Vigna unguiculata
Triticum durum 5345	3977	morphology 9497
gene location 9018	Hordeum vulgare	yield components 2854, 2856
Triticum monococcum 4325	anther culture 7880	Zea mays
Triticum spelta 4325, 5345	haploidy 7880	mathematics 5264 morphology 5491, 5517, 9153
Triticum zhukovskyi 5345 Vigna unguiculata, multivariate analysis	variety trials 7874 <i>Ipomoea batatas</i> , yield components 2903	quantitative traits 3547
9497	Lathyrus sativus	yield components 309, 1491, 1513,
Zea mays 1492, 5507	neurotoxins 8232	5517
genetics 10462	yield components 8232	Zoysia, morphology 507
multivariate analysis 5491, 5517,	Lavandula angustifolia, yield components	Mung bean yellow mosaic bigeminivirus
9153	7605	Vigna mungo, genetics 5790
Zoysia, multivariate analysis 507	Lens culinaris, yield components 1724	Vigna radiata 672
Morus	Lolium multiflorum, morphology 494 Malus, quality 10869	Murraya koenigii Phyllocnistis citrella 3943
chimaeras 9683	Malus pumila	rootstocks 3943
cold resistance 7215 dry matter 3923	pollen 3873	Murraya paniculata
leaves 3923-3924	quality 7131	somatic embryogenesis 850
mixoploidy, induced mutations 9683	variety classification 3873	tissue culture 850
moisture content 3924, 9684	Musa	Musa
Panonychus ulmi 8460	morphology 844	artificial selection 9691
taxonomy, random amplified	yield components 844	banana streak badnavirus 10961-10962
polymorphic DNA 3055	Oryza sativa	biotechnology 13305-13306
tissue culture 4904	aluminium 8094	breeding 1963-1964, 1974, 3056, 6038, 9689-9690, 10960, 13305
vegetative propagation 4904	isoenzymes 5594 quality 8079	books 7648
yield components, combining ability 4903	yield components 434, 2658, 8087	conferences 2271
yield correlations 7214	Pachyrhizus tuberosus, morphology 4719	chloroplast genetics 3926
Morus alba	Panicum miliaceum, yield components	chromosome morphology 6042
morphology 10955	340	chromosome number 1972
nutritive value 10955	Pennisetum glaucum, yield components	Colletotrichum musae 10964
tetraploidy 12245	6739	Cosmopolites sordidus 1975
Morus indica, variety trials 12244	Phaseolus vulgaris, morphology 6923	cryopreservation 12688, 13311
Morus rubra, flowering, gene expression	Pinus, fatty acids 9971	cucumber mosaic cucumovirus 10962 cultivars
6037	Pinus brutia, seedlings 12470 Pinus pinaster, fatty acids 9971	BITA-3 10961
Mosla chinensis, embryology 6389 Mowing (see Cutting)	Piper nigrum, morphology 5145-5146	PITA-14 10962
Transiting (ner comme)		

Musa cont.	Musa cont.	Arabiaopsis inaliana com.
diploidy 9689	yield components <i>cont</i> .	cell division 3395, 11451
diseases 1974	multivariate analysis 844	cells 12632
DNA 6042	vields 9695, 9699	cellulose 8936-8937
	combining ability 12249	chlorophyll 6509
techniques 6043		chloroplasts 10144
fertility 8463	heterosis 12249	Cochliobolus carbonum 1327
fruits 1973	polyploidy 12249	
polyploidy 3061	Muscari comosum, chromosome transloca-	cold resistance 11466
Fusarium oxysporum 1977, 3066	tion 11283	cucumber mosaic cucumovirus 3410
genetic markers 13312	Mussaenda	cytokinins 71, 4256, 10239
in vitro selection 9701	somatic embryogenesis 5092	2,4-D 6521
	tissue culture 5092	development 62, 66, 76, 78, 83,
somaclonal variation 9700		1315, 2345-2346, 2353, 4254,
gamma radiation 3059, 9701, 10963	Mutagens	4257, 4263, 4269, 5249-5250,
gene banks 9692	Allium cepa 10222, 13188	
gene mapping 1971	Allium fistulosum 2924	6501, 7716, 10178, 10180,
genetic markers 13307	Amaranthus edulis 2684	10191, 10200, 11421, 11447,
genetic resources 1965, 7216, 9507	Arabidopsis thaliana 2351, 2358, 3400,	11453, 12637, 12642
catalogues 3354	3404, 5240, 6486, 10189-10190	reviews 1316, 2344
	Arachis hypogaea 7326, 8560-8561,	diseases 3408, 6519
genetic transformation 1971, 13309		DNA methylation 5235
genetics 6039	8566, 9813-9814, 12327	
genotype environment interaction 8464	Borago officinalis 10058	DNA repair 8955
height	Brassica campestris (sarson) 8506	embryo sac 10201, 11437
genetic markers 13308	Brassica carinata 7294	epidermis 74
somaclonal variation 13308	Brassica juncea 7276, 11010, 13359	Érysiphe cichoracearum 11471
	Brassica napus (rape) 9788	ethylene 5253, 7393, 11450, 11454,
Helicotylenchus multicinctus 1975		12650
hybrid varieties 1967	Camelina sativa 4987	
in vitro culture 6039, 10963	Capsicum annuum 765, 1843	fatty acids 1307, 6521, 10177, 12644
induced mutations 9701, 10963, 13310	Catharanthus roseus 10055	fertility 12636
inflorescences	Cicer arietinum 2846, 10710, 13135	flavonoids 6490
epistasis 9694	Cymbidium 6364	flowering 66, 83, 2354, 3398, 4273,
genetic variance 9694	Glycine max 1684, 9381, 9416, 9438,	8948, 10178, 10215, 11453
	9455, 10650, 11958, 13087	flowers 4269, 10178, 10191
Meloidogyne 1975		
Meloidogyne incognita 13313	Gossypium barbadense 13472	gene expression 4239
Meloidogyne javanica 13313	Gossypium hirsutum 13465, 13470	germination 1306
morphology	Helianthus annuus 894, 2034	gibberellic acid 10186
heritability 844	Hordeum vulgare 4450, 5272, 6660,	gibberellins 78, 3399, 4261, 5246,
multivariate analysis 844	9094, 10318, 10320	6481, 8944, 11455
Mycosphaerella fijiensis 1965, 1978-	Linum usitatissimum (linseed) 3105	globulins 10196
		glucose-1-phosphate adenylyltransfer-
1982, 3057, 3065, 9699, 10961-	Lotus japonicus 562	ase 4260
10962	Lycopersicon esculentum 12099	
experimental design 8462	Nicotiana tabacum 6188, 11114, 12387	glutamate synthase 4271
gene dosage 843	genetic transformation 8639	growth period 3398
in vitro selection 3929	Onobrychis viciifolia 8231	growth regulators 71, 1308, 3399,
pleiotropy 843	Oryza sativa 417, 6793, 10537	4255-4256, 4261, 4274, 5246,
techniques 1976	Papaver somniferum 12554	5251, 5253, 7721, 7723, 7726,
	Phaseolus vulgaris 2825, 8266	7729, 8944, 10176, 10192,
parthenocarpy		
gene dosage 843	phenyl mercury acetate, <i>Phlox drum</i> -	11127, 11454-11455, 12650,
pleiotropy 843	mondii 7528	12653
pests 1974	Pisum sativum 629, 2842, 10683, 10687	heat shock proteins 11127
photosynthesis	Populus 9951	height 6506-6507
gene expression 7220	Secale cereale 6688	herbicides 1330, 6521, 10215
tissue culture 7220	Sesamum indicum 3991	IAA 4255, 4274, 12653
Phyllosticta musae 10964	Solanum melongena 762	inflorescences 2342, 6500, 11451
pollen 8463	Tradescantia 3307, 11483	internodes 12642
pollination 3060	techniques 10221	jasmonates 8934
polymerase chain reaction 6040	Tradescantia hirsutiflora 11324	kaurene synthase 8944
polyploidy 843, 1972, 3064, 6044	Tradescantia subacaulis 11324	leaves 1320, 4263, 12645
Pratylenchus 1975	Trifolium pratense 2750, 6889	light 83, 2345, 4273, 8949, 11422,
Pratylenchus goodeyi 13313-13314	Triticum aestivum 161	11441, 11447, 11452, 12637
quality 1973, 3057, 3063	Vicia faba 4641, 5272, 6920-6921	reviews 5254
Radopholus similis 1975, 1983, 3930,	Vigna mungo 6974	lipids 6494
*		
13314	Vigna radiata 3781, 9501, 10723	male sterility 63, 5243, 11438
random amplified polymorphic DNA	Vigna unguiculata 662, 6971	methyl jasmonate 7721
3058	Volvariella diplasia 2268, 4202	microtubules 6498
repetitive DNA 1970	Zea mays 2578, 5520, 9152, 10395,	morphology 11422
restriction fragment length polymorphism	10407	nitrate reductase 7722
3926	induced mutations 10396	nitrilase 2348
ribosomal DNA, DNA hybridization	Mutations 95, 103, 4289	nitrogen 10202
12247	(see also Chromosome aberrations; Induced	
		norflurazon 1330
ripening 9698	mutations)	nutrients 10202, 11465
gene expression 3927, 4906-4907	Actinidia deliciosa	ovules 62, 11437
nucleotide sequences 4907	hermaphroditism 9680	oxidoreductases 6509
roots 3928	sex 9680	paraquat 10215
somaclonal variation 3058, 7218-7219	Anigozanthos 13557	pathogenesis-related proteins 2360,
somatic embryogenesis 3062	Arabidopsis thaliana	
stomata 7217		8958, 10214
	abscisic acid 1308, 5251, 7723, 7726,	pectins 11436
sucrose-phosphate synthase, gene expres-	7729, 8953, 10192, 11127	Peronospora parasitica 1327, 2360,
sion 3927	ACC synthase 11450	8959
taxonomy 3064	actin 10157, 10170	phosphoprotein phosphatase 7726
tissue culture 3059, 4908-4909, 9691,	adenine phosphoribosyltransferase	photolyases 8955
9693, 9696-9697, 13310	5243	photoperiodism 8948
transpiration 7217	aluminium 87, 1321, 10206, 10208	
unreduced gametes 6045, 8463		photosynthesis 2350, 10177, 11452
	amino acids 8938	phototropism 7720
variety classification 10959	α-amylase 12643	phytoalexins 1327
polymerase chain reaction 6041	auxins 70, 4247, 4274, 8952, 10176,	phytochrome 65, 73, 75, 1306, 1311,
repetitive DNA 12248	11449	3402, 4266, 8949, 10187, 1144
variety trials 1966-1969, 1978, 3057	biotin 7730	phytoene desaturase 11440
vegetative propagation 9693	biotin synthase 7730	
wide hybridization 843, 3061, 8463	brassinolide 2353	plant embryos 2346, 3395, 6492,
yield components		6501, 7716, 12632
	brassinosteroids 1319, 6506-6507	plant hairs 10188
heritability 844	calcium 6498	pollen 61, 63, 10201, 11436, 11438

Arabidopsis thaliana cont.	Glycine max cont.	Nicotiana plumbaginifolia cont.
pollen germination 74, 6490	male sterility 9386	tubulin 13444
potassium 11465	nitrogen fixation 13086	zeatin 2113
proline 84	nodulation 13086	Nicotiana sylvestris
protein phosphatase 7729	seedlings 9400	starch 9888
proteins 12629	seeds 9406, 9415	tropisms 9888
Pseudomonas syringae 1327, 2360,	stems 11944	Nicotiana tabacum
8959, 10214, 11469	sterility 576	anthers 12390
pyrroline-5-carboxylate synthetase 84	trypsin inhibitors 9399	auxins 2115, 2119, 5016
roots 1311, 4257, 11421	Gossypium barbadense, leaves 9920	cell division 2119
reviews 1316, 2344	Gossypium hirsutum	chitinase 11120
salicylic acid 1326, 2360	fibres 2141	cucumber mosaic cucumovirus 4046
salinity 84, 11465	growth regulators 2141	cytokinins 949
seeds 76, 4254	morphology 13477	development 4030
senescence 69, 1313	Helianthus annuus, abscisic acid 12301	flowering 951
somatic embryogenesis 10200	Hibiscus cannabinus	growth regulators 2115, 5016
starch 12643	colour 3212	NAD(P)H-plastoquinone-
stomata 1314, 2349, 11459	flowers 3212	oxidoreductase 9892
sugars 2350	Hordeum vulgare	photoperiodism 951, 12399
toxic substances 87, 1321, 10206,	ammonia 235	phytochrome 12399
10208	cell division 5444	plant embryos 2110
transcription factors 6481, 8952	chlorophyll 236, 4453, 7883	ribulose-bisphosphate carboxylase
transposable elements 4261	chloroplasts 4453	4030
tropisms 79, 8951	endosperm 6661	Oenothera, chloroplasts 1079
tryptophan 12649	enzymes 6661, 7883, 10317	Oryza sativa
ubiquitin 10176 vernalization 8948	glutamate-ammonia ligase 235	cytoplasmic male sterility 11794
waxes 5255	habit 5437	development 10545
	height 5437	flowering 6787
xanthophylls 11452 Arachis hypogaea	inflorescences 5447, 7884	height 2654, 6789, 12974
chlorophyll 12326	pathogenesis-related proteins 9104	inflorescences 10545
leaves 12326	photosynthesis 236	lysine 2649
seeds 2058	phytic acid 11668	nitrate reductase 11834
artificial selection	quantitative traits 10316	salinity 8091
reviews 10131	ribosomes 4447	starch synthase 11801
techniques 10131	starch 2510	transposable elements 372
Beta vulgaris (beetroots), betalain 2919	stems 5437 stress 9104	Paspalum regnellii, meiosis 6872
binding proteins 12705	Lactuca sativa, Bremia lactucae 3823	Petunia, cytoplasmic male sterility 1102 Petunia hybrida
Brassica juncea	Linum usitatissimum (linseed)	anthocyanins 5116
fruits 7286	colour 3104	transposable elements 5116
seeds 7286	palmitic acid 3104	Pharbitis nil
Cajanus cajan, outcrossing 10713	seeds 3104	dihydrokaempferol 4-reductase 1077
Chrysanthemum morifolium	Lolium perenne 8148	naringenin 3-dioxygenase 2207
colour 10010	Lotus japonicus	transposable elements 1077
flowers 10010	Glomus intraradices 13055	Pharbitis purpurea, anthocyanins 3271
Cicer arietinum	mycorrhizas 13055	Phaseolus vulgaris, cytokinins 10239
colour 641	Lycopersicon esculentum 4768	Pinus sylvestris, isoenzymes 3240
flowers 641	abscisic acid 741	Pisum sativum
growth period 642	anthocyanins 744	anthocyanins 4655
height 642	auxins 10813	chlorophyll 11981
stems 641	chromosome pairing 5913	development 2390, 2838, 3754, 8278
Citrus unshiu 12252	cold resistance 3835	flowering 3756
Collinsia heterophylla	cytokinins 10239, 10813	fruits 8278
inflorescences 10019	development 739, 2390, 3832, 12090	gibberellins 2836, 3754, 8278, 13123
leaves 10019	ethylene 3835, 8379, 13221	growth regulators 2836, 8277, 13123
Coprinus cinereus	germination 744	habit 8277
cells 5170	growth regulators 741, 3835, 10813,	IAA 8278
development 5170	13221	leaves 2390, 2838
Cucumis sativus	leaves 739, 2390	legumin 10688
leaves 5977	lysine-tRNA ligase 4768	light 1718
seedlings 5977	meiosis 5913	nodulation 3759, 6948
Cuphea viscosissima	meristems 12090	phosphoenolpyruvate carboxylase
fatty acids 7343	plant pigments 13212	10686
seeds 7343	polyamines 12104	phosphoglucomutase 6943
Cymbopogon flexuosus, essential oils	ripening 12104	photosynthesis 11981
1210	Malus pumila 799, 12155	seeds 3754, 6943 starch 6943
Cymbopogon winterianus, geraniol 7603	Alternaria alternata 12159	
Daucus carota, somatic embryogenesis	colour 1907, 5990	starch synthase 3755, 8279
3798	mathematics 1334, 12668, 12671	vicilin 10688
development 10227	Medicago sativa 8177	plant embryos, reviews 2374
evolution 12662, 12664, 12666-12667,	apomixis 2736	polymerase chain reaction 10131
12678, 12691	β-fructofuranosidase 11902	Prunus persica habit 10923
Fabaceae, nodulation 570	leaves 5684	leaves 10923
Festuca pratensis	nodulation 534, 3691, 5684	plant hairs 10923
chlorophyll 498, 2717	source sink relations 11902 starch 11902	restriction fragment length polymorphism
senescence 498, 2717	unreduced gametes 2736	10131
flowering 10227	Medicago truncatula, Rhizobium 1653	Saccharum, buds 13394
fungi 11381	Nicotiana glauca	saponins 11381
gibberellins 12705	growth regulators 11137	Sarracenia purpurea, anthocyanins 1254.
Glycine max	tumours 11137	Secale cereale 10266
chlorophyll 9400, 9402	Nicotiana langsdorffii	chloroplasts 12820
colour 9415 development 9394, 9406	growth regulators 11137	chromosome pairing 10266
	tumours 11137	habit 12819
fasciation 13079 flowering 9412	Nicotiana plumbaginifolia	morphology 12819
globulins 10641	amiprofos-methyl 13444	self compatibility 11686
height 11944	cytokinins 4256	Sesbania rostrata
inflorescences 9412	growth regulators 2113, 4256	salinity 9351
isoenzymes 2800	herbicides 13444	soil pH 9351
leaves 9402	light 3177	Sinapis alba
lipoxygenase 2800	phytochrome 3177	development 66
Tipon Bonas Book		

Sinapis alba cont. flowering 66	Eucalyptus globulus, gene expression	Solanum tuberosum
Sorghum bicolor	13493	gene expression 10735
chlorophyll 333	gene expression 5288	nucleotide sequences 10735  Triticum aestivum, gene expression
ethylene 8015	Lolium perenne 10589 Lotus japonicus	10265
growth regulators 8015 malate dehydrogenase 5553	genetics 13055	NADPH-cytochrome-c2 reductase
phytochrome 8015	mutations 13055	Arabidopsis thaliana
statistics 12663, 12665, 12672, 12674	Medicago truncatula, gene expression	gene expression 44 nucleotide sequences 44
Trifolium repens	4597 Nicotiana tabacum, gene expression 9889	NADPH-ferrihemoprotein reductase
development 8208 roots 8208	Pisum sativum	Catharanthus roseus
triticale, height 7914	gene expression 625, 13126	gene expression 3318
Triticum aestivum 10266	nucleotide sequences 625, 13126	nucleotide sequences 3318
amylose 3464	Triticum durum 205	Nicotiana tabacum, genetic transformation 3318
chlorophyll 2425, 12728	Zea mays, gene expression 9154  Mycosphaerella (see also Didymella)	NAD(P)H-plastoquinone-oxidoreductase
chromosome pairing 10266 glutenins 3469	Mycosphaerella arachidis	Hordeum vulgare, gene expression 5436
height 3459	Arachis hypogaea 8576, 8579	Nicotiana tabacum, mutations 9892
inflorescences 3459	germplasm releases 11052	Naked grain, Hordeum vulgare 3528
quality 3480	Mycosphaerella berkeleyi Arachis hypogaea 2062, 6104, 8579	Nanna, Phleum pratense 5679 Napin
spikelets 11593	genetics 7330	Brassica napus (rape)
starch synthase 3480 Vicia faba, globulins 10196	germplasm releases 11052	gene expression 11005, 11007
Zea mays 10383, 10397	in vitro selection 8577	genetic transformation 11005
abscisic acid 3566, 5505	Mycosphaerella cruenta, Vigna radiata 672	Nicotiana tabacum gene expression 11005
α-amylase 9165	Mycosphaerella fijiensis Musa 1965, 1978-1982, 3057, 3065,	genetic transformation 11005, 11007
amylopectin 9172 anthers 10439	9699, 10961-10962	Narcissus
anthocyanins 3564, 11704	experimental design 8462	Fusarium oxysporum 11293
anthranilic acid 10439	gene dosage 843	artificial selection 11292 galanthamine 4148
carbohydrates 9165	in vitro selection 3929 pleiotropy 843	lectins 11293
cell division 10418	techniques 1976	Narcissus confusus, tissue culture 1172
cells 11691 chlorophyll 10449	Mycosphaerella graminicola	Narcissus pseudonarcissus, phytoene
chloroplasts 1510	Triticum aestivum 4422, 5402, 11644	synthase, genetic engineering 390
colour 10461	artificial selection 12757 combining ability 4423, 9070	Naringenin-chalcone synthase  Antirrhinum majus, genetic engineering
desiccation 3556	genetic variance 9070	1061, 4033
development 1500-1501, 4254, 5499, 9156, 9159, 10429, 10441,	Mycosphaerella pinodes, Pisum sativum	Arabidopsis thaliana
10451-10452, 10474	4661	DNA methylation 1297
DIMBOA 3568	Mycosphaerella sesamicola, Sesamum indicum 12339	gene expression 81, 1297, 5231, 10161
DNA binding proteins 9156	Mycosphaerella zeae-maydis, Zea mays	modifiers 10161
endosperm 1507, 5500, 10472, 10474, 10478	11735	nucleotide sequences 5231
epidermis 12881	Mycotoxins	Eustoma grandiflorum, genetic transfor-
evolution 1510	Oryza sativa 2679 Secale cereale 3429	mation 1080, 7531  Forsythia intermedia
gibberellins 2574	Triticum aestivum 3429	gene expression 1061
glucan branching enzyme 9172	Vicia faba 3429	genetic transformation 1061
glucose-1-phosphate adenylyltransfer- ase 10435, 12874	Zea mays 11735	Gentiana triflora
growth regulators 1511	genetics 3581-3582	genetic engineering 6325
IAA 1511	Myllocerus subfasciatus Solanum macrocarpon 13233	promoters 6325  Glycine max, gene expression 6907
indole synthase 3568	Solanum viarum 13233	Hordeum vulgare
inflorescences 303, 3563, 10431- 10432, 10438	Myo-inositol, Mesembryanthemum crystal-	gene expression 10329
leaves 281, 6710, 10450-10452,	linum, gene expression 11326	nucleotide sequences 10329
10461, 11691	Myristica fragrans gene banks 1186, 6385	Juglans, gene expression 13340
lignin 10436	yield correlations 6385	Lotus corniculatus gene expression 608
lysine 10478	Myrothecium roridum, Cucumis melo 3858	genetic transformation 608
male sterility 10422-10424 meiosis 4494, 10400	Myrtaceae, breeding, conferences 7626	Lycopersicon esculentum, gene expres-
meristems 10441	Myrtus communis fruits 9686	sion 5912, 13212
necroses 283	genetic resources 9686	Nicotiana tabacum gene expression 4033-4034
phytoene desaturase 4503	rooting capacity 969	genetic transformation 4033-4034
plant embryos 1501, 10427, 10429, 10450	yield components 970	Petroselinum crispum, gene expression
pollen 10418	Myzus persicae	7594
raffinose 1509, 3556	Cucumis melo, genetics 3860 Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Petunia hybrida
roots 10445-10447	tion 472	gene expression 1100, 6352, 8807, 13573
seeds 4254, 4503, 9159	Oryza sativa, genetic transformation 472	genetic engineering 6352
senescence 5499 somatic embryogenesis 9173	Prunus persica 10932	genetic transformation 1100, 3293,
spikelets 305	genetics 10937	6325, 13573
starch 313, 2586	NAA, Arabidopsis thaliana 11449 Nacobbus aberrans, Lycopersicon 1836	promoters 13573  Pharbitis purpurea 12516
starch synthase 7928	NADH dehydrogenase	Phaseolus vulgaris
tillering 10447	Nicotiana tabacum, chloroplast genetics	gene expression 608
transposable elements 281 vivipary 1509, 3556, 3560, 3564-	3164	genetic engineering 608
3566	Sorghum bicolor gene expression 1538	Pisum sativum 4658
waxes 4501, 5255	nucleotide sequences 1538	gene expression 631 nucleotide sequences 631
xanthophylls 3565-3566	Vicia faba, mitochondrial genetics, nucle-	Vigna unguiculata, gene expression 3772
Zea mays (sweetcorn), endosperm 11711	otide sequences 9465	Naringenin 3-dioxygenase
<b>Aycocentrospora acerina,</b> Daucus carota 7014	NADH dehydrogenase (ubiquinone)	Pharbitis nil
Aycoplasma-like organisms	Arabidopsis thaliana, gene expression	gene expression 2207 mutations 2207
Saccharum officinarum 11070	Nicotiana tabacum	nucleotide sequences 2207
Solanum tuberosum 2883	gene expression 6173	Nassella, taxonomy 10583
Zea mays, artificial selection 7961	genetic transformation 6173	Nasturtium, taxonomy 13206

Nasturtium officinale	Nematoda	Nicotiana alata
cultivars, Vicred 13204	Arabidopsis, genetics, books 2285	glycoproteins 7384
Spongospora subterranea, in vitro selec-	Beta vulgaris (sugarbeet), genetic mark-	gene expression 4027
tion 9582	ers 9853	nucleotide sequences 4027
Natural selection 127, 5265, 5296, 10232	crops	gynoecium
Arabidopsis thaliana	gene mapping 11382	gene expression 4027
glucosinolates 2362	genetic engineering 17, 11382	nucleotide sequences 4027
insects 2362	genetic transformation 1264-1266	interspecific hybridization 7380, 9884
nitrogen 10202		pollen germination 4029, 7384
nutrients 10202	genetics, books 2285	
plant hairs 2362	fodder plants 2696	ribonucleases, nucleotide sequences
Brassica napus (rape)	genetic engineering 12602-12603	11116
Helicoverpa zea 888	Glycine max 3713-3714	self incompatibility
	Medicago sativa 8199	gene expression 9884
Plutella xylostella 888	Prunus persica 12146	genetic engineering 9884
Brassica nigra	Solanum tuberosum, artificial selection	nucleotide sequences 11116
flowers 4955	10753	Nicotiana benthamiana
seeds 4955	Nemophila menziesii	beet necrotic yellow vein furovirus 2126
Calluna vulgaris	germination, maternal effects 3278	carotenoids
grazing 3666	seeds, maternal effects 3278	gene expression 9893
habit 3666	Neodiprion sertifer, Pinus sylvestris 6289	genetic engineering 9893
Campanula microdonta	Neoleucinodes elegantalis, Lycopersicon	cassava African mosaic bigeminivirus,
flowers 4136	esculentum 8383	genetic transformation 8654
pollination 4136		cymbidium ringspot tombusvirus, genetic
Campanula punctata	Neomicrocalamus, taxonomy 5163	transformation 9899-9900
flowers 4136	Neomycin phosphotransferase	fungi, genetic transformation 11512
pollination 4136	Malus pumila	gene expression 6451
cytoplasmic male sterility 123	gene expression 7126	
flowers 3422, 5293, 10226	genetic transformation 7126	grapevine leafroll-associated closter-
Gilia capitata 3286	Solanum tuberosum, genetic transforma-	ovirus, genetic transformation 6185
	tion 2873	groundnut rosette umbravirus, genetic
Hordeum spontaneum 3530	Neothypodium, Lolium perenne 10589	transformation 8652-8653
alcohol dehydrogenase 12783	Neovossia (see Tilletia)	plum pox potyvirus, genetic transforma-
Ipomopsis aggregata	Nephelium (see also Dimocarpus; Litchi)	tion 2125, 5024, 5199, 8651
grazing 4137	Nephotettix, Oryza sativa 3662, 9289	polygalacturonase, genetic transformation
pollination 4137	Nephotettix cincticeps	3743, 11512
outcrossing 8973	Oryza sativa 470, 13018	poplar mosaic carlavirus, genetic trans-
Penstemon centranthifolius	gene mapping 11848	formation 2124
flowers 10021	genetic markers 8107	potato mop-top furovirus, genetic trans-
pollination 10021	genetics 8107, 11852	formation 9901
Pharbitis purpurea, seeds 13561	restriction fragment length polymor-	potato X potexvirus, gene expression
pollination 3422		12406
Primula sieboldii, heterostyly 3273	phism 1616	ribulose-bisphosphate carboxylase,
Raphanus raphanistrum, flowers 5846	Nephotettix virescens, Oryza sativa 3661,	genetic transformation 2833
recombination 7739	5637, 8106	source sink relations 954
sex 123, 4283	Nervilia cumberlegei	tomato golden mosaic bigeminivirus,
sexual reproduction 8973	morphology 7568	gene expression 8636
statistics 2378	taxonomy 7568	transfer RNA, genetic transformation
	Nesocodon mauritianus	4237
Trifolium repens 546	nectar 10015	zucchini yellow mosaic potyvirus,
Triticum aestivum, proteins 1418	pollination 10015	genetic transformation 11135
Zigadenus paniculatus, inflorescences	Nesphostylis junodii, nomenclature 3783	Nicotiana bigelovii
3301	Netherlands, reports, Centre for Plant	cauliflower mosaic caulimovirus, genetic
Necroses	Breeding and Reproduction Research	
Elaeis guineensis, somaclonal variation	11341-11342	transformation 7394
2049	Neurotoxins	manganese 5020
Glycine max	Lathyrus sativus 2765-2766	tissue culture 5020, 6176
genetics 9455	multivariate analysis 8232	toxic substances 5020
induced mutations 9455, 11958	Neutron radiation	Nicotiana clevelandii
linkage 9456	Arabidopsis thaliana 7738, 11460	organelles, gene expression 13422
Zea mays		tomato black ring nepovirus, molecular
mutations 283	Glycine max 6911	genetics 4047
nucleotide sequences 283	Pisum sativum 10683	Nicotiana excelsior
Nectar	Nezara viridula, Glycine max 599	proteins
Alstroemeria aurea 7554	Nickel	gene expression 4038
Brassica napus (rape) 9775	Mimulus guttatus	nucleotide sequences 4038
Helianthus annuus 2033	genetics 1097	Nicotiana glauca
Nesocodon mauritianus 10015	modifiers 1097	cell culture 8620
Trochetia blackburniana 10015	Triticum, genetics 210	gene expression 7387
Vaccinium macrocarpon 3908	Nicosulfuron, Zea mays 9186	growth regulators, mutations 11137
Natarias Anglidansis thaliana 7717	Nicotiana	interspecific hybridization 7387, 11137
Nectaries, Arabidopsis thaliana 7717	evolution 7379	protoplast culture 8647
Nectria galligena	gene mapping 7379	ribonucleases 12392
Malus 10871	Helicoverpa armigera, genetic transfor-	self incompatibility 12392
Malus pumila 1912	mation 8657	tissue culture 7387
Nelumbo lutea, taxonomy 11327	in vitro culture 2121	tumours, mutations 11137
Nelumbo nucifera	lead 961	
chromosome banding 10772		Nicotiana glutinosa
chromosome morphology 10772	nomenclature 957	ACC oxidoreductase
chromosome number 10772	phylogeny, random amplified	gene expression 12379
cultivars	polymorphic DNA 2121	nucleotide sequences 12379
Dandingyuge 1365	protoplast fusion, reviews 11113	cucumber mosaic cucumovirus 6189
Ruyijiali 1365	ribonucleases	pathogenesis-related proteins
lysine, somaclonal variation 8340	gene expression 9884	gene expression 9902
phylogeny	genetic transformation 9884	nucleotide sequences 9902
mitochondrial genetics 7028	ribulose-bisphosphate carboxylase,	tobacco mosaic tobamovirus
restriction fragment length polymor-	polymerase chain reaction 3167	gene expression 9902
phism 7028	rooting capacity 961	nucleotide sequences 9902
taxonomy 11327	self incompatibility	Nicotiana gossei
threonine, somaclonal variation 8340	gene expression 9884	flowers, somaclonal variation 11124
	genetic transformation 9884	interspecific hybridization 11124
Nelumbo pentapetala	toxic substances 961	leaves, somaclonal variation 11124
phylogeny	viruses	tissue culture 11124
mitochondrial genetics 7028		Nicotiana langsdorffii
restriction fragment length polymor-	gene expression 944	growth regulators, mutations 11137
phism 7028	nucleotide sequences 944	growth regulators, mutations 11157

Nicotiana langsdorffii cont.	Nicotiana sylvestris cont.	Nicotiana tabacum cont.
interspecific hybridization 7387, 9884,	putrescine methyltransferase	aspartate kinase
11137	gene expression 9878	gene expression 7713
tumours, mutations 11137	nucleotide sequences 9878	genetic transformation 7713
Nicotiana plumbaginifolia	spermidine synthase	atrazine
ACC oxidase, genetic transformation	gene expression 6550	random amplified polymorphic DNA
1824	nucleotide sequences 6550	6192
adenosinetriphosphatase	starch, mutations 9888	somaclonal variation 6192
gene expression 9895	tropisms, mutations 9888	auxin binding proteins
genetic engineering 9895	tubulin, induced mutations 3179	gene expression 5015
alcohol dehydrogenase	Nicotiana tabacum	genetic transformation 7706
gene expression 10158	abnormal development 2117	nucleotide sequences 5015
genetic transformation 10158	nucleotide sequences 2117	auxins 4035
amiprofos-methyl	abscisic acid	gene expression 2115, 8637, 9877,
induced mutations 3179	gene expression 2356, 3178	13431
mutations 13444	genetic transformation 3178, 9583	genetic transformation 12401 mutations 2115, 2119, 5016
apoaequorin	ACC oxidase, genetic transformation	nucleotide sequences 8637, 9877
gene expression 13429	1854, 3857	
genetic transformation 13429	acetyl-CoA carboxylase	Bacillus thuringiensis
Atropa belladonna, protoplast fusion	gene expression 1301	gene expression 2099 genetic transformation 2099, 7397
3179	genetic transformation 1301	betaine, genetic transformation 7390
calcium	acid phosphatase, genetic engineering	binding proteins, genetic transformation
gene expression 13429	3089	7543, 12401
genetic transformation 13429	adenosinetriphosphatase	biosafety 6551
chromatin 7382 cytokinins, mutations 4256	gene expression 5010, 6166 genetic transformation 9895	breeding 11103
		cabbage leaf curl bigeminivirus, genetic
death 7382 development, genetic transformation 1824	mitochondrial genetics 5010	transformation 4043
β-glucuronidase	adenosylhomocysteinase gene expression 4021	cadmium
gene expression 2101, 9895	genetic transformation 4021	gene expression 7388
genetic engineering 2101, 9895	adenylyl cyclase, nucleotide sequences	genetic transformation 7388
growth regulators, mutations 2113, 4256	4035	caffeate O-methyltransferase
herbicides, mutations 13444	agmatine	gene expression 3182
interspecific hybridization 9884	gene expression 5459	genetic transformation 3182
light	genetic transformation 5459	caffeoyl-CoA O-methyltransferase
genetics 3177	Agrobacterium rhizogenes	gene expression 5018
mutations 3177	gene expression 13438	nucleotide sequences 5018
nitrate reductase	genetic transformation 935, 6181,	calmodulin
gene expression 5014, 11130	13412	gene expression 9891
genetic transformation 5014, 6174,	molecular genetics 935	genetic transformation 13439
11130	Agrobacterium tumefaciens, genetic	carbohydrates 3185
nitrates, gene expression 11126	transformation 3373, 4023, 9896,	carbon, genetic transformation 950
phytochrome	13437	carbonate dehydratase
genetics 3177	air pollution 3183, 8648	gene expression 11119, 13560
mutations 3177	albumins	genetic engineering 3282, 13560
protoplast fusion 3179	gene expression 13120	catalase, genetic transformation 11122,
ribonucleases	genetic transformation 13120	12396, 13436
gene expression 5011	alcohol dehydrogenase	catechol oxidase
genetic transformation 5011	gene expression 948, 12375	gene expression 5012
self incompatibility	promoters 12375	nucleotide sequences 5012
gene expression 5011	aldehyde dehydrogenase	cell culture 4036
genetic transformation 5011	gene expression 947	cell cycle, gene expression 11107
stress 11130	nucleotide sequences 947	cell division 11115, 12388
superoxide dismutase, genetic engineer-	amylases, genetic transformation 6902	gene expression 3428, 5009, 6170,
ing 12699	anther culture 11125, 12403	13417
tubulin	anthers	genetic transformation 5009
induced mutations 3179	gene expression 3173, 12390	mutations 2119
mutations 13444	genetic transformation 3173	cells 5019
zeatin, mutations 2113	mutations 12390	genetic transformation 7385
Nicotiana repanda, chromosome transloca-	anthocyanins, genetic transformation	cellulase, genetic transformation 824
tion 946	11266	chaperonins, gene expression 6178
Nicotiana rustica, pollen, genetic transfor-	Anthonomus grandis, genetic transforma-	chitinase
mation 1283	tion 6190	gene expression 4031, 9889, 12405,
Nicotiana suaveolens	anthranilate synthase	13414
interspecific hybridization 3180	gene expression 12400	genetic engineering 3696
tissue culture 3180 Nicotiana sylvestris	nucleotide sequences 12400 antibodies	genetic transformation 4031, 8658,
		11120, 13414
amiprofos-methyl, induced mutations 3179	gene expression 2100, 8638, 13442	mutations 11120
chitinase	genetic engineering 11110	chlorophyll 11509
gene expression 3168	genetic transformation 2100, 11110, 13442	chlorophyll a/b binding protein
genetic transformation 3168	antioxidants 12404	gene expression 2112
cyclins	antisense RNA	genetic transformation 6496
gene expression 2104	gene expression 13423	chloroplast genetics 939, 9879
nucleotide sequences 2104	genetic transformation 13423	gene expression 5004
growth regulators	antiviral proteins, genetic transformation	chloroplast processing enzyme
gene expression 11127	2123	gene expression 13423
genetic transformation 11127	aquaporin	genetic transformation 13423
heat shock proteins	gene expression 6167	chloroplasts
evolution 12377	genetic transformation 6167	gene expression 3165, 12380
gene expression 11127, 12377	arginine decarboxylase	genetic engineering 3165
genetic transformation 11127	gene expression 5459	nucleotide sequences 3165
nucleotide sequences 12377	genetic transformation 5459	cholesterol oxidase, genetic transforma- tion 6190
Helicoverpa zea 7398	aromatic-L-amino acid decarboxylase,	chromosome aberrations, induced muta-
peroxidases 7398	genetic transformation 5136	tions 4025
gene expression 5008	artificial selection 11125	chromosome translocation 946
pollen	ascorbate peroxidase 11122	cinnamoyl-CoA reductase, genetic trans-
gene expression 4028	gene expression 8650	formation 5052
nucleotide sequences 4028	aspartate-ammonia ligase, genetic trans-	cinnamyl-alcohol dehydrogenase, genetic
protoplast fusion 3179	formation 2832	transformation 12393

icotiana tabacum cont. cold	Nicotiana tabacum cont.	Nicotiana tabacum cont.
gene expression 13413	flowering	heat resistance, genetic transformation
genetic transformation 9577	gene expression 11123	5021
nucleotide sequences 13413	mutations 951 flowers	heat shock 2109 genetic transformation 962
coproporphyrinogen oxidase, genetic	gene expression 7109	heat shock proteins
transformation 12404	nucleotide sequences 7109, 9883	evolution 12377
4-coumarate-CoA ligase	somaclonal variation 11124	gene expression 12377
gene expression 953	fructans, genetic transformation 5435	genetic transformation 7312
genetic transformation 953	β-fructofuranosidase	nucleotide sequences 12377
cryptogein, genetic transformation 5022 cucumber mosaic cucumovirus 6189	gene expression 4036	height
genetic transformation 6186, 12409	genetic transformation 12375	genetic variance 6172
in vitro selection 6188	gene expression 5019	heritability 6172 Helicoverpa armigera
induced mutations 6188	genetic transformation 952, 5019 fructosyltransferase, genetic transforma-	gene expression 968
mutations 4046	tion 2943	genetic transformation 968, 7397
cultivars	Fulvia fulva	Helicoverpa zea 7398
Kharmanli-43 6162	gene expression 13222	Heliothis virescens 967
KY908 3162 Ruska-1 6163	genetic transformation 13222	genetic transformation 4048
Ticha-117 11104-11105	fungi	herbicides
Virginia K14 6161	genetic engineering 7392	genetic transformation 5026, 6191, 9903, 11139
cyclins, genetic transformation 8828	genetic transformation 11512  Fusarium solani, gene expression 6182	random amplified polymorphic DNA
cytochrome, genetic transformation 4032	gene expression 941, 945, 5003, 5208,	6192
cytokinins	6168, 7375, 7377, 8642, 9882,	somaclonal variation 6192
gene expression 4033-4034, 8646	13420	heterosis 11112
genetic transformation 949, 962,	genetic markers 936	histidine-tRNA ligase, genetic transfor-
2118, 8646 mutations 949	genetic transformation 728, 936, 938,	mation 12628 histidinol-phosphate aminotransferase
cytoplasmic male sterility	941, 2102, 2106-2107, 2111, 4036, 4070, 5003, 5006, 6551, 6985,	gene expression 12376
DNA hybridization 946	7375-7377, 8504, 8635, 9882,	nucleotide sequences 12376
polymerase chain reaction 946	11109	histones
cytosine deaminase	techniques 3166	gene expression 11107
gene expression 937	germin, genetic transformation 7814	genetic transformation 2340
genetic transformation 937	germination, gene expression 3178	homeobox genes
2,4-D, genetic transformation 5026 defensins, genetic transformation 8655	gibberellin 20-oxidase	gene expression 13427
desiccation desiccation	gene expression 13427 nucleotide sequences 13427	genetic transformation 13427 homoserine dehydrogenase
genetic engineering 959	gibberellins	gene expression 7713
genetic transformation 7575	gene expression 13428	genetic transformation 7713
development 5019, 9885	genetic transformation 13428	hydrogen peroxide, genetic transforma-
DNA methylation 4021	gliadin, genetic transformation 7822	tion 13436
gene expression 41, 4021, 7109, 13426	globulins	indoleacetate-lysine synthetase, genetic transformation 3171
genetic transformation 10810, 12395	gene expression 3170 genetic transformation 3170	induced mutations 12387
mutations 4030	Glomus intraradices, gene expression	injuries 12402
nucleotide sequences 7109, 9883	9889	gene expression 940, 5005, 11129,
dihydrodipicolinate synthase	β-glucanase, gene expression 12405,	12291, 12659, 13435
gene expression 7389 genetic transformation 7389	5007 glucose oxidase, genetic transformation	genetic transformation 12291, 12659 13435
dihydrofolate reductase	9898	interspecific hybridization 3180, 7380,
genetic markers 12384	glucose-1-phosphate adenylyltransferase,	11124
genetic transformation 12384	gene expression 11121	inulin, genetic transformation 10799 isocitrate dehydrogenase
diseases, gene expression 4040	β-glucuronidase combining ability 12386	genetic transformation 12385
DNA, techniques 12387 DNA binding proteins 7383	gene expression 2101, 11918, 12386	nucleotide sequences 12385
gene expression 41, 943, 3165,	genetic markers 11918	isoenzymes, genetic transformation 2114
13413, 13426	genetic transformation 2101, 9895	isopentenyl transferase, genetic transfor-
genetic engineering 3165	glufosinate, genetic transformation 6191,	mation 2118, 7378
nucleotide sequences 943, 3165,	9903, 12412	jasmonic acid, genetic transformation 7875
13413 DNA methylation 11108, 13420-13421	glutathione peroxidase, genetic transfor- mation 2122	kinesin, gene expression 3428
gene expression 13424	glutathione reductase, genetic transforma-	lactalbumin, genetic transformation
genetic transformation 13424	tion 11118	11111
DNA repair 3172, 6171	glutathione transferase	lactate dehydrogenase, genetic transfor-
drought resistance	gene expression 6177	mation 11106 lactoylglutathione lyase, gene expression
gene expression 2356	genetic transformation 2122, 6177 glycerol-3-phosphate acyltransferase,	6170
genetic transformation 3367, 7390,	genetic transformation 789	leaves 2117
7677, 11128 embryo culture 9885	glycoproteins 7384	somaclonal variation 11124
5-enol-pyruvyl shikimate-3-phosphate	nucleotide sequences 8634	lectins, genetic transformation 472
synthase, genetic transformation	glycosides 967	legumin, genetic transformation 8641
11138	glycosyltransferases, gene expression	Leptosphaeria maculans 9898
epoxide hydrolase	8640 green fluorescent protein	lettuce mosaic potyvirus, genetic trans- formation 11136
gene expression 13443 genetic transformation 13443	gene expression 11918, 13414	levansucrase, genetic transformation 543
nucleotide sequences 13443	genetic markers 11918	licheninase, genetic transformation 4019
ethyl methanesulfonate 6188, 11114,	genetic transformation 13414	lignin 5018, 11132
12387	growth period 6175	gene expression 953, 3182
ethylene	heterosis 9894	genetic transformation 953, 2116,
gene expression 7393, 13435	growth regulators 2117, 4035	3182, 7545, 12393 lipoxygenase
genetic transformation 7393, 13435	gene expression 2115, 3178, 4033- 4034, 8637, 8646, 11129,	gene expression 11134
farnesyl-diphosphate farnesyltransferase	12398, 13431	genetic transformation 11134
gene expression 1714 genetic transformation 1714	genetic transformation 2118, 3178,	lodging
ferredoxin	7875, 8646, 9246, 9583, 12398,	artificial selection 12403
gene expression 3757	12401	heritability 12403
genetic transformation 3/3/, 82/3	mutations 2115, 5016	luciferase
ferritin, genetic transformation 10039	nucleotide sequences 8637 haploidy 12403	gene expression 9876 genetic transformation 9876
flavonoids, genetic transformation 7545	Improved 12100	8

Nicotiana tabacum cont.	Nicotiana tabacum cont.	Nicotiana tabacum cont. protoporphyrinogen oxidase
lysine	pectate lyase	gene expression 3175
gene expression 7389	gene expression 47	genetic transformation 11139
genetic transformation 7389	nucleotide sequences 47	nucleotide sequences 3175
lysozyme	pepper severe mosaic potyvirus, genetic	Pseudomonas syringae, genetic transfor-
gene expression 3163	transformation 13440	mation 252, 13439
genetic transformation 3163	Peronospora tabacina 11132	pyrroline-5-carboxylate synthetase,
magnesium chelatase	peroxidases 7398	genetic transformation 1322
gene expression 3169, 4022	gene expression 5008, 13363	
nucleotide sequences 3169, 4022	genetic transformation 2114, 9546,	. pyruvate decarboxylase
malate dehydrogenase, genetic transfor-	12051, 13363	gene expression 948, 9887
mation 4653	phaseolin : 0075 12207	genetic transformation 9887
malate dehydrogenase (oxaloacetate-	gene expression 9875, 12397	pyruvate kinase, genetic transformation
decarboxylating) (NADP <sup>+</sup> )	genetic transformation 2823, 12397	12395
gene expression 3276	phenolic compounds 11132	pyruvate,phosphate dikinase, genetic transformation 13578
genetic transformation 3276	genetic transformation 4048	
male sterility	phenylalanine ammonia-lyase	quality
gene expression 5010	gene expression 943, 3182, 6182	combining ability 13433
genetic transformation 63, 8643	genetic engineering 8656	genetic variance 13433
mitochondrial genetics 5010	genetic transformation 621, 943, 3182	quantitative traits
Manduca sexta	phosphate transporters, genetic transfor-	dominance 938
genetic engineering 8656	mation 8644	epistasis 938
genetic transformation 4048	phosphoenolpyruvate carboxylase, genetic	radiation 4025
manganese 5020	transformation 3279	Ralstonia solanacearum 6180
in vitro selection 6176	photoperiodism	genetics 9897
metallothionein	gene expression 3176	recombination 6171
gene expression 7388	genetic transformation 3176	Rhizoctonia solani, genetic transforma-
genetic transformation 7388	mutations 951, 12399	tion 2123, 4041
methyltransferases	photosynthesis 952, 2111, 8648	ribonucleases, genetic transformation
gene expression 13424	chloroplast genetics 4020, 13425	11507, 12389
genetic transformation 13424	gene expression 6173, 8645, 11119,	ribosomal RNA
molecular genetics 13432	13425	molecular genetics 13418
mevalonate kinase	genetic transformation 4020, 6173,	nucleotide sequences 2103
gene expression 13415	7386, 8645, 11117, 12394,	ribosome-inactivating proteins, genetic
genetic transformation 13415	12396, 13425	transformation 226, 4041
mitochondrial genetics 7381, 9879	phytochrome	ribulose-bisphosphate carboxylase
molecular genetics 945, 6168	gene expression 3176, 12383	gene expression 8645, 9891, 11121,
morphology	genetic transformation 3176, 3534,	12383
DNA methylation 4021	4470, 9890, 12383	genetic transformation 3183, 8645,
gene expression 4021	mutations 12399	12383
induced mutations 4025, 11114	Phytophthora, gene expression 8649	mutations 4030
mutagens 6188, 11114, 12387	Phytophthora nicotianae 6183, 11133	RNA polymerase
genetic transformation 8639	gene expression 11134	chloroplast genetics 13419
mycorrhizas, gene expression 9889	genetic transformation 5022, 11134	gene expression 13419
Myzus persicae, genetic transformation	genetics 3184	promoters 13419
472	plant embryos 9885	salicylate 1-monooxygenase
NADH dehydrogenase, chloroplast genet-	mutations 2110	gene expression 13222
ics 3164	plastocyanins, genetic transformation	genetic transformation 13222
NADH dehydrogenase (ubiquinone)	622, 10237	salicylic acid 12408
gene expression 6173	pollen 2109, 4025, 12391	gene expression 12407
genetic transformation 6173	DNA methylation 3174	genetic transformation 3187
NADPH-ferrihemoprotein reductase,	gene expression 47, 948, 4026,	nucleotide sequences 12407
genetic transformation 3318	12381-12382	salinity
NAD(P)H-plastoquinone-oxidoreductase,	genetic engineering 4026	gene expression 958, 13434
mutations 9892	genetic transformation 63, 4026,	genetic transformation 958, 4039,
napin	10810, 12381-12382	7390, 7677, 13434
gene expression 11005	nucleotide sequences 47	sedoheptulose-1,7-bisphosphatase, genet
genetic transformation 11005, 11007	pollen culture 955	transformation 12394
naringenin-chalcone synthase	pollen germination 7384	seedlessness
gene expression 4033-4034	gene expression 2951	genetic transformation 11507, 12389
genetic transformation 4033-4034	genetic transformation 2951	paternal effects 12389
nicotine 7376	polyamines 13441	seeds, genetic transformation 9861,
nitrate reductase	polygalacturonase, genetic transformation	11007
gene expression 942, 958, 13416	11512	self incompatibility
genetic transformation 942, 950, 958,	potassium, genetic transformation 7385	gene expression 4688
6174, 13416	potato X potexvirus	genetic transformation 4688
nitrogen, genetic transformation 950	gene expression 4042	senescence 1854
nitrogen fixation, genetic engineering	genetic transformation 964, 2127,	genetic transformation 1310
4037	4042, 6184	serine/threonine specific protein
nitrogenase, genetic engineering 4037	potato Y potyvirus 6187	phosphatase
nuclei 9879	gene expression 2099	gene expression 13434
techniques 12387	genetic transformation 2099, 4044,	genetic transformation 13434
nutrients, genetic transformation 950	5023, 10751, 11136	sorbitol-6-phosphate 2-dehydrogenase
oxalate oxidase, genetic transformation	proline, genetic transformation 3367,	gene expression 13430
7814	4039	genetic transformation 13430
oxygenases	promoters, genetic transformation 9861	source sink relations 3185
gene expression 13428	protein kinase 12402	Spodoptera litura, genetic transformation
genetic transformation 13428	gene expression 8649, 12410, 13417	2128
ozone 8648	protein phosphatase	starch
gene expression 6033	gene expression 5017	gene expression 3181
genetic transformation 3183, 6033	nucleotide sequences 5017	nucleocytoplasmic interaction 3181
parthenocarpy 2961	proteinase inhibitors	stearoyl-CoA desaturase, genetic transfer
pathogenesis-related proteins	gene expression 968	mation 2341
gene expression 963, 6164-6165,	genetic transformation 968	sterol methyl-transferases
6179, 7393, 9881, 11129,	proteins	
11131, 12659	evolution 12374	gene expression 11458
genetic engineering 776, 7392, 9881	gene expression 4746, 12378	nucleotide sequences 11458
genetic transformation 3839, 7391,	genetic transformation 4746, 6919,	sterols, molecular genetics 13432
7393, 12411, 12659, 13436	9577, 9861	stress 11122, 12404
nucleotide sequences 963, 6179	nucleotide sequences 12374, 12378	gene expression 6177-6178, 11128,
indicated orders of 100, 0177	nacional sequences 123/4, 123/8	12291

Nicotiana tabacum cont.	Nicotiana tomentosiformis	Nitrogen cont.
stress cont.	heat shock proteins	Sorghum bicolor, genotype environment
genetic transformation 2122, 6177, 12291	evolution 12377	interaction 9197
strictosidine synthase, genetic transforma-	gene expression 12377 nucleotide sequences 12377	triticale 12841, 12848-12849 Triticum aestivum 199-200, 3475, 6633,
tion 5136	Nicotinamide, Pisum sativum 4658	7839, 9038, 11626
sulfate adenylyltransferase	Nicotine, Nicotiana tabacum 7376	Triticum durum 9065
gene expression 9886 genetic transformation 9886	Nigella damascena	Zea mays 317, 5527, 6720, 7949, 11727
sulfur	chromosome aberrations 3272 X radiation 3272	11729, 12887 artificial selection 318, 5525
gene expression 13120	Nigella degenii	genetic markers 5523
genetic transformation 13120	evolution 3267	Nitrogen fixation (see also Bradyrhizobium
superoxide dismutase	self compatibility 3267	Rhizobium)
gene expression 12699 genetic transformation 12699	Nilaparvata lugens Oryza officinalis 6846	Arachis hypogaea combining ability 6103
temperature, genetic transformation 3373	Oryza sativa 2680, 3662, 6846, 9286,	germplasm releases 3120
tissue culture 3180, 5020, 6176, 9896,	11856	heterosis 7328
11124	gene expression 13023	Beta vulgaris (sugarbeet) 11093
tobacco etch potyvirus	gene mapping 474 genetic markers 1606	crops, conferences 4209 Faidherbia albida 1024
gene expression 965 genetic transformation 965, 4044	genetic transformation 13023	Glycine max 1689, 3721, 4634, 8255,
tobacco mosaic tobamovirus 5018,	genetics 473	11952, 11954
12408, 13441	Nitrate reductase	artificial selection 1690
gene expression 5007, 12407, 12410, 13442-13443	Arabidopsis thaliana gene expression 7722	gene mapping 4633 mutations 13086
genetic transformation 3186-3187,	genetic transformation 4259	Lens culinaris 3761
3839, 4044, 5025, 6186, 7395,	mutations 7722	Lotus japonicus, induced mutations 562
8655, 13442	Lycopersicon esculentum, gene expres-	Medicago sativa 8191
genetics 12407	sion 742 Nicotiana plumbaginifolia	Nicotiana tabacum, genetic engineering 4037
nucleotide sequences 12407 tobacco vein mottling potyvirus, genetics	gene expression 5014, 11130	Oryza sativa 450, 11383
4045	genetic transformation 5014, 6174,	Phaseolus vulgaris 3741, 9476
tobacco yellow dwarf monogeminivirus,	11130	induced mutations 13112
genetic engineering 9880	Nicotiana tabacum gene expression 942, 958, 13416	Stylosanthes scabra 5710 Trifolium 4604
tomato mottle bigeminivirus, genetic transformation 4043	genetic transformation 942, 950, 958,	Trifolium pratense, heritability 8212
tomato spotted wilt tospovirus, genetic	6174, 13416	Trifolium repens 13048-13049
transformation 5025, 7396	Oryza sativa	Triticum aestivum 7840
tomato yellow leaf curl bigeminivirus,	induced mutations 10547 mutations 11834	Nitrogenase Nicotiana tabacum, genetic engineering
genetic transformation 8382 toxic substances 956, 5020	Zea mays, gene expression 304, 9154	4037
in vitro selection 960, 6176	Nitrates	Pisum sativum, genetics 2843
transcription factors	Arabidopsis thaliana	Noctuidae, Gossypium, genetic transforma-
gene expression 13435	gene expression 4275 genetic transformation 8943	tion 7412 Nodulation
genetic transformation 13435	molecular genetics 8940	Allocasuarina verticillata, genetic trans-
transpiration 952 transposable elements	nucleotide sequences 4275	formation 7464
gene expression 2108, 4040, 5005,	Beta vulgaris (beetroots), genotype envi-	Alnus glutinosa
10387	ronment interaction 8338 Glycine max 1689	gene expression 4079 nucleotide sequences 4079
gene tagging 4490	Nicotiana plumbaginifolia, gene expres-	Amphicarpaea bracteata, genetics 2770
genetic transformation 287, 2105, 2330, 4490, 6169, 10387	sion 11126	Arabidopsis thaliana, molecular genetics
molecular genetics 4024	Phaseolus vulgaris 10674	570 Arachis hypogaea 8567, 8572
nucleotide sequences 2108	Nitric oxide  Arabidopsis thaliana, gene expression	genetic transformation 7329
trehalose, genetic transformation 7390,	11468	Casuarina glauca, genetic transformatio
11128 trichodiene synthase	Glycine max, gene expression 11468	7464
gene expression 5013	Nitrilase	Cicer arietinum 4668, 6953 artificial selection 647
genetic transformation 5013	Arabidopsis thaliana gene expression 2348, 4262	genetics 9494
trihydroxystilbene synthase	genetic transformation 2348	Fabaceae
gene expression 6033 genetic transformation 6033	mutations 2348	gene expression 8236
trypsin inhibitors, genetic transformation	nucleotide sequences 4262 Nitrite reductase	genetics 570 molecular genetics 8879
2128	Lycopersicon esculentum, gene expres-	mutations 570
α-tubulin	sion 742	gene expression 5288
gene expression 11700 genetic transformation 11700	Zea mays, gene expression 304	Glycine max 3720-3721, 5734
tungsten, in vitro selection 960	Nitrogen Arabidopsis thaliana	artificial selection 1690 gene expression 13057, 13085
ubiquitin	gene expression 6478	gene mapping 4633
gene expression 9876	mutations 10202	genetic engineering 13057
genetic transformation 9876, 12411	natural selection 10202	genetics 2801, 9441
uroporphyrinogen decarboxylase, genetic transformation 12404	nucleotide sequences 6478  Azolla microphylla 10091	induced mutations 5737, 9438, 10650, 13087
vaccines, genetic transformation 5201	Brassica juncea 8522	molecular genetics 570
variegation 11509	Cicer arietinum 647	mutations 13086
viruses	Cichorium intybus 9580	nucleotide sequences 13085
gene expression 944, 8650 genetic engineering 966	crops, genetics 3431 Glycine max 1691-1692	Lotus corniculatus gene expression 2740, 13057
genetic transformation 3185, 4044	Gossypium barbadense 4051	genetic transformation 13057
nucleotide sequences 944	Gossypium hirsutum 2143, 4051	Lotus japonicus
vivipary, genetic transformation 3270	Hordeum vulgare 11678	genetic transformation 561
xylose isomerase, genetic transformation	Lolium perenne 4581, 8144-8146	induced mutations 562 molecular genetics 5708
8908 yield components	Medicago aculeata 531 Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Lupinus luteus, molecular genetics 5703
combining ability 2120, 13433	tion 950	Medicago sativa
genetic variance 13433	Oryza sativa 450, 2648, 6838, 9278,	gene expression 523, 2740, 3691,
heterosis 2120	12969, 12999  Picum sativum capatics 2841	5688, 8195 genetics 534
zein	Pisum sativum, genetics 2841 Poa pratensis 1624	mutations 534, 3691, 5684
gene expression 2590	Solanum 9526	nucleotide sequences 523

Nodulation cont.	Nomenclature cont.	Sorghum bicolor 8019
Medicago truncatula 2739	Erica tenuipilosa 4116 Eruca hispida 12343	triticale 7791
gene expression 9330, 10613 molecular genetics 5690	Eucalyptus 11177	Triticum, anther culture 5374
nucleotide sequences 9330	Fabaceae 1362	Triticum aestivum 7791
Melilotus alba, gene expression 5688	Festuca 11883	adenosinetriphosphatase 4366
molecular genetics, reviews 4232	Geranium 3290	cytochrome-c oxidase 150
Phaseolus vulgaris	Hardwickia 13499	cytoplasmic male sterility 157 drought resistance 2459
complementation 2825	Helianthus porteri 11033	Erysiphe graminis 6644
epistasis 2825 induced mutations 2825	Hordeum bulbosum 9124 Leptochloa 10603	fertility 4368
phylogeny, molecular genetics 3423	Lycopersicon 9599	germplasm releases 2412
Pisum sativum 5763, 9491	Mahonia 6318, 7510	Leptosphaeria nodorum 5403
gene expression 4659	Mammillaria crinita 4169	yield components 4368
genetics 2843, 3759	Mammillaria glochidiata 4169	Triticum dicoccoides, Leptosphaeria
germplasm releases 10690	Nesphostylis junodii 3783	nodorum 5403
induced mutations 629, 2842	Nicotiana 957	Triticum timopheevii, adenosine- triphosphatase 4366
mutations 3759, 6948 Sesbania rostrata 9350	Pelargonium 5109 Pinus maximinoi 13507	Zea mays, colour 10455
gene expression 2769, 5719-5720	Raukaua 12563	Nucleolus
nucleotide sequences 5720	Rhododendron bakeri 4115	Raphanus sativus 5845
Trifolium repens 3696, 13048-13049	Rhododendron cumberlandense 4115	Zea mays 10411
gene expression 8211	Rubus 3904	Nucleolus organizer
genetic transformation 3694	Rubus (blackberries) 12204	Allium cepa 1795
Trigonella foenum-graecum, induced	Rutaceae 10972	Citrus sinensis 10971 Iris ensata, somaclonal variation 3298
mutations 2242	Salix fluviatilis 9954	Sequoiadendron giganteum, fluorescence
Vicia sativa gene expression 2755	Salix melanopsis 9954 Santolina 7606	in situ hybridization 9988
nucleotide sequences 2755	Secale creticum 9124	Triticum aestivum, recombination 10269
Vigna unguiculata	Solanum 5802, 12034	Triticum monococcum, recombination
gene expression 2857	Sorghum bicolor 2614	10269
nucleotide sequences 2857	Swertia 12529	Nucleotide sequences
Nodulins	Syzygium micklethwaitii 4186	Abies grandis, monoterpene synthases
Glycine max 5722	Syzygium sclerophyllum 4186	3243 Actinidia deliciosa
gene expression 3723 nucleotide sequences 3723	Thalictrum morisonii 13564 Triticum 11620	ripening 7211
Lotus japonicus	Triticum spelta 12746	sucrose-phosphate synthase 7211
gene expression 1664	Triticum turgidum 12746	xyloglucan:xyloglucosyl transferase
nucleotide sequences 1664, 11917	Viburnum foetens 1067	12242
Medicago sativa 5722	Viburnum grandiflorum 1067	Aegilops 11546
gene expression 10612	Vitis vinifera, cultivars 4873	repetitive DNA 3445
genetic engineering 11905	Norflurazon, Arabidopsis thaliana, muta-	Aegilops speltoides, ribosomal DNA 6605
genetic transformation 11905 promoters 11905	tions 1330 Nostoc muscorum	Aegilops tauschii
Medicago truncatula	genetic engineering 11383	Heterodera avenae 2486
gene expression 2738, 5689	genetic markers 11383	ribulose-bisphosphate carboxylase
nucleotide sequences 5683, 5689	Oryza sativa 11383	7808
Oryza sativa	Nothofagus	Agaricus bisporus
gene expression 10561	phylogeny 1022	glutamate-ammonia ligase 1223
genetic transformation 10561	taxonomy 1022	laccase 10082
Pisum sativum 5722	Nothofagus obliqua heterosis 1014	pyrroline-5-carboxylate dehydrogenase 1224
gene expression 13124 Sesbania rostrata	interspecific hybridization 1014	Agrocybe aegerita, fructification 10083
gene expression 9350, 11921	Nothofagus procera	alcohol dehydrogenase 2382
nucleotide sequences 9350	heterosis 1014	Allium cepa, development 5871
Nomenclature 1361, 12697	interspecific hybridization 1014	Allium ursinum, lectins 713
Aconitum variegatum 13591	Nuclei	Alnus glutinosa, nodulation 4079
Aegilops 5422, 11620	Ananas comosus 6060	Amanita muscaria, betalains 1221
Allium magicum 13190-13191 Allium nigrum 13190-13191	Lilium davidii 6359 molecular genetics 11395	Ananas comosus, transposable elements 13318
Allium roseum 13190	Nicotiana tabacum 9879	angiosperms
apomixis 6539	techniques 12387	evolution 5295
Astragalus 6901	Petunia, techniques 6532	flowers 5295
Berberis 6318, 7510	Pisum sativum, techniques 8276	Antirrhinum majus
Blaeria spicata 4116	reviews 12606	binding proteins 7543
Bruckenthalia 1069	Vicia faba 8262	development 11268
Canavalia maritima 13152 Canavalia rosea 13152	Zea mays 10364 Nucleic acids	transcription factors 11268 transposable elements 5112
Chrysanthemum 4141	Cajanus cajan 655	Apioideae, phylogeny 9540
Cinnamomum burmannii 7607	Geranium purpureum 6330	Arabidopsis thaliana 6469, 6477, 7708,
Cinnamomum heyneanum 7607	Geranium sylvaticum 6330	7711, 12615, 12623
Citrus 10972	Glycine max 13074	abscisic acid 11420
Clematis integrifolia 6342	Hordeum vulgare 3438	phosphatidylinositol-4-phosphate
Clitoria lactescens 13061	Triticum aestivum 3438	5-kinase 12656
Colonbasparmum managa 13400	Nucleocytoplasmic interaction	acetyl-CoA carboxylase 1301
Colophospermum mopane 13499 Corallorhiza bulbosa 12544	Aegilops, Leptosphaeria nodorum 5403	acyl-CoA desaturase 4270
Corallorhiza punctata 12544	Aegilops tauschii, drought resistance 2459	adenosinetriphosphatase 4241 Agrobacterium tumefaciens 4248
Crataegus granatensis 9646	Capsicum annuum, Phytophthora capsici	alcohol dehydrogenase 378
Crataegus nevadensis 9646	4785	aldehyde oxidase 10179
Cucumis melo, genetics 13240	Citrus, male sterility 3938	alternative oxidase 1290
Cyclamen europaeum 10032	Gossypium barbadense, photosynthesis	amine oxidase (copper-containing)
Cyclamen purpurascens 10032 Datura 6383	6207	6473
Dendranthema 4141	Gossypium harknessii 8672 Gossypium hirsutum 8672	anthers 11419
Dendrocalamus copelandii 2266	hybridization 7748	ascorbate peroxidase 43 ATP/ADP transporter 10165
Dolichos junodii 3783	Nicotiana tabacum, starch 3181	auxins 7727, 8945
Drosera anglica 13580	Oryza sativa	bacteria 8960
Drosera longifolia 13580	quality 12992	binding proteins 54, 11425, 11432,
Elionurus 13042	Xanthomonas oryzae 5622	13101
Erica spiculifolia 1069	yield components 9262, 12969	brassinosteroids 1318

Nucleotide sequences cont.	Nucleotide sequences cont.	Nucleotide sequences cont.
Arabidopsis thaliana cont.	Arabidopsis thaliana cont.	Brassica campestris cont.
cell division 2948 cells 12633	ornithine-oxo-acid aminotransferase	glycoproteins 12279
cellulose 4264	10207	proteinases 9770
cellulose synthase 4265	oxophytodienoate-reductase 6502 pectate lyase 47	self incompatibility 2018, 9770, 12279
chaperonins 3385	peptidases 4240	Brassica campestris (turnips), cyto-
chloroplast genetics 5232	peroxidases 12627	chrome-c oxidase 7016
chloroplasts 10205, 11429	peroxitedoxins 6503	Brassica juncea
cold 4276	phosphate transporters 2329	cadmium 9791
cold resistance 10205, 12657	phosphodiesterase 50	glutamate-cysteine ligase 7297
cryptochrome 7719	phospholipase D 4246	glutathione 9791
cyclase 11457	phosphoprotein phosphatase 4249	heavy metals 7297
cyclin-dependent kinase inhibitors	photolyases 5228	Brassica napus (rape)
12616	photoperiodism 10198	acetyl-CoA carboxylase 871
cyclins 4272	photosynthesis 4504	binding proteins 6078
cyclophilin 4242	plant embryos 7715-7716, 12635	erucic acid 6087, 9790
cytochrome P-450 12633	pollen 47, 11419	hydroxymethylpyrimidine kinase
cytochrome P-450 monooxygenase	polypeptides 8939	12271
6507	polyubiquitin 45	jacalin 13356
cytochromes 8926	potassium transporters 4267-4268	ketoacyl-CoA synthase 6087
cytokinins 4256, 11442	protein kings 64, 3302, 4335, 4343	lectins 13356
defensins 5261	protein kinase 64, 3392, 4235, 4243,	malate dehydrogenase 3963
desaturases 7728	4272, 5225, 11418 protein phosphatase 8932	thiamin-phosphate pyrophosphorylase 12271
development 66, 7715-7716, 10180,	protein-tyrosine-phosphatase 10175	thioglucosidase 4945
10199, 11421	proteins 1293, 3390, 4236, 4251,	Brassica oleracea
dimethylallyl <i>trans</i> transferase 4238 diseases 6518	5248, 6480, 6482-6483, 6508,	glycoproteins 12279
DNA binding proteins 2345, 2356,	7721, 10153, 11428, 11445,	oleosins 2932
5237, 8925, 8927, 12625, 12657	12620, 12626	pollen 2932
DNA ligase 7709	Pseudomonas syringae 5260	self incompatibility 12279
DNA repair 4253, 5228, 5232	rapamycin 13101	Brassica oleracea (cabbages)
dormancy 6503	ribosomes 3391	pollen 13196
drought resistance 12657	RNA polymerase 56, 1298, 6485,	self incompatibility 13196
phosphatidylinositol-4-phosphate	10154	Brassica oleracea (cauliflowers)
5-kinase 12656	roots 4275, 11421	adenosinetriphosphatase 5882
elongation factors 3391	saccharopine dehydrogenase 48, 3389	calmodulin 5882
ethylene 12650	salinity 10210-10211	galactonolactone dehydrogenase 4740
ethylene receptor 12639	seeds 6503, 10199, 11420 senescence 8946-8947	proteins 8345
ferrochelatase 12617	spermidine synthase 6550	Bromheadia finlaysoniana, dihydrokaempferol 4-reductase
fertility 12636	sterol glucosyltransferase 1291	12539
flowering 66, 10198	sterol methyl-transferases 11458	Bromus, phylogeny 2729
flowers 4258, 6493	stress 10167, 10175	Bryonia cretica, ribosome-inactivating
formaldehyde dehydrogenase 378	thionins 8962	proteins 2235
fungi 5261	trans-cinnamate 4-monooxygenase 44	Camptotheca acuminata, hydroxymethyl-
geranylgeranyl pyrophosphate synthase 58	transcription factors 8928, 10150	glutaryl-CoA reductase 1166
geranyltranstransferase 4238	transfer RNA 4237	Capsicum annuum
germins 52	transport proteins 11462	catalase 12120
gibberellins 3399, 6479	transposable elements 3394, 10156	cellulase 10837
glucan branching enzyme 11431	trehalose-phosphatase 6471	superoxide dismutase 7100
glucose-1-phosphate adenylyltransfer-	trehalose-6-phosphate synthase 6470 tropisms 11430	systemin 4293  Carica papaya, superoxide dismutase
ase 4260	tryptophan 12649	7238
glutamate decarboxylase 11423	ubiquitin conjugating enzymes 5224	carotenoids, reviews 11384
glutamate synthase 4271, 10173	uroporphyrinogen-III methyltransfer-	Catharanthus roseus
glutamine amidotransferase 11457	ase 1317	cell division 5134
glutathione 11472	xyloglucan endotransglycosylase	cyclins 8828
glutathione peroxidase 4278	12618	17-O-deacetylvindoline O-acetyltrans
glutathione transferase 10152	zinc 11462	ferase 11330
glycine-tRNA ligase 12635	Artemisia annua	DNA binding proteins 6326
glyoxalase 53	dimethylallyltranstransferase 2234	hyoscyamine dioxygenase 1150
growth regulators 3399, 4256, 8945, 12650	geranyl <i>trans</i> transferase 2234	NADPH-ferrihemoprotein reductase
guanosine diphosphate 5227	artificial selection	3318 nutrients 2236
heat shock proteins 3406	reviews 10131	phosphates 2236
herbicides 11472	techniques 10131 Asparagus 4747	Ceratopteris richardii, development
histidine-tRNA ligase 12628	Asteraceae, microsatellites 3107	11322
inflorescences 6500	Avena fatua	cereals 8039
initiation factors 6468	dormancy 1475	databases 374
ion transport 7710	plant embryos 1475	evolution 11518
isocitrate dehydrogenase 5230	Avena sativa, sterol glucosyltransferase	Cicer arietinum
isopentenyl diphosphate isomerase	1291	development 637, 10707
4245	Bauhinia, phylogeny 6250	tubulin 10707
jasmonates 8934	Beta, phylogeny 9852	Citrullus lanatus
kaurene synthase 8944	Beta lomatogona, transposable elements	glucose-1-phosphate adenylyltransfer
kinases 10155	7355	ase 10846
leaves 4263 lipid transfer proteins 11429	Beta nana, transposable elements 7355	heat shock proteins 4787  Citrus paradisi, isoflavone reductase
	Beta vulgaris, transposable elements 7355	7222
lipids 6494 lysine-ketoglutarate reductase 48,	Beta vulgaris (sugarbeet) 8613	Citrus sinensis
1ysine-ketogiutarate reductase 46, 3389	adenosinetriphosphatase 11075	abscission 8468
mathematics 10169	β-glucanase 9841	fruits 1988
meiosis 5241, 6488	α-glucosidase 922	β-glucanase 8468
methyltransferases 8930	protein kinase 3147	pectinesterase 8466
NADPH-cytochrome-c2 reductase 44	Betula pendula, phosphate translocator	ripening 1988
naringenin-chalcone synthase 5231	993	thiamin 1988
nitrates 4275	Brassica, phylogeny 12066, 12287	Citrus unshiu, fruits 3067
nitrilase 4262	Brassica campestris	Clarkia breweri, benzylacetate 10017
nitrogen 6478	binding proteins 2012	Coffea arabica
nutrients 4275, 11462	glutathione reductase 13349	proteins 9861

Nucleotide sequences cont.	Nucleotide sequences cont.	Nucleotide sequences cont.
Coffea arabica cont.	Glycine max	Hordeum vulgare cont.
seeds 9861	agglutinins 4619	sulfur 1455
xanthosine-N <sup>7</sup> -methyltransferase	ascorbate peroxidase 11929	transcription factors 6653
13410	aspartate aminotransferase 9371	transposable elements 3512, 3514,
Coix lacryma-jobi, DNA binding proteins	aspartate-ammonia ligase 13073	6652 xyloglucan endotransglycosylase 3522
4571	binding proteins 5729, 11936	Hyoscyamus niger, spermidine synthase
computer programming 8965	Bradyrhizobium 13085 chitinase 4625	6550
conifers	coat proteins 11937	Ipomoea batatas
cytochrome-c oxidase 9961 phylogeny 11194	cytochrome P-450 10637	ipomoelin 1793
Corylus avellana, heat shock proteins	DNA binding proteins 11933	sucrose synthase 5839, 8334
7259	farnesyl-diphosphate farnesyltransfer-	isoprenoids 11405
Craterostigma plantagineum	ase 5302	Lactuca sativa, diseases 12082
desiccation 8826	germination 13077	Lilium longiflorum, DNA repair 7559
sucrose-phosphate synthase 2206	lactoylglutathione lyase 6170	Lithospermum erythrorhizon, phenylala-
vivipary 3270	metalloproteinases 6905	nine ammonia-lyase 8830
Cucumis melo	nodulation 13085	Lolium perenne, caffeate O-methyltrans-
ascorbate peroxidase 778	nodulins 3723	ferase 6862
polygalacturonase 12134	peroxidases 2794	Lotus japonicus glutamate-ammonia ligase 557
ripening 778, 12134	phosphoenolpyruvate carboxylase 3724	kinesin 557
Cucumis sativus	proteins 8242, 8244, 9370	nodulins 1664, 11917
ACC synthase 3862 carotenoids 7110	ribosomal DNA 11932	Lupinus angustifolius, hydrolases 5704
development 7109	seeds 4625, 13077	Lupinus luteus
diacylglycerols 7107	soybean mosaic potyvirus 9454	cyclins 2757
flowering 7110	superoxide dismutase 11935	ribosomal DNA 554
flowers 7109, 13261	transposable elements 11937, 11939	Lycopersicon esculentum
gynoecium 3862	urate oxidase 3723	ACC oxidoreductase 10817
sex 13261	Glycine soja, ribosomal DNA 11932	anoxia 3836
Cucurbita, ascorbate peroxidase 7105	Gossypium hirsutum	cell division 2948
Cucurbita maxima	acyl carrier protein 2138	cold 12108
gibberellin dioxygenase 786	cellulose 4264	cold resistance 7071-7072
malate dehydrogenase 8390	cellulose glucosyltransferase 6198	cytoplasmic male sterility 12094
proteinase inhibitors 12136	ribosomal DNA 2137	cytosol aminopeptidase 5910 development 4763, 12090, 12102
proteins 12137 Cuphea wrightii	gymnosperms evolution 5295	DNA binding proteins 13228
acyl carrier protein synthase 7343	flowers 5295	drought resistance 3837
fatty acids 7343	heat shock proteins 5218	ethylene 3837, 12102
Cynara scolymus, fructosyltransferase	Helianthus, microsatellites 3107	extensins 740
2943	Helianthus annuus	farnesyl-diphosphate farnesyltransfer-
Cynodon dactylon	acyl-(acyl-carrier-protein) deasaturase	ase 738
allergens 5668	12304	fruits 3830
pollen 5668	aquaporin 3113	Fulvia fulva 3841
cytochrome P-450 11399	Helianthus tuberosus	β-galactosidase 12103
databases 11386-11390	1,2-β-fructan 1F-fructosyltransferase	germacrene C synthase 8366
Daucus carota	13184	glucose-1-phosphate adenylyltransfer-
DNA methyltransferase 5824	oxygenases 8339	ase 13209
DNA repair 7013 glutamate-ammonia ligase 10757	sucrose 1F-fructosyltransferase 13184	glutathione peroxidase 10809
pathogenesis-related proteins 4708	Hemerocallis, thiol proteases 5108 Hevea brasiliensis, allergens 12429	growth regulators 12102 heat shock proteins 7071-7072, 12108
phylogeny 9540	Holcus lanatus	lactate dehydrogenase 3836, 3838
roots 4708	allergens 6875	lysine-tRNA ligase 4768
Dendranthema pacificum 10012	pollen 6875	Meloidogyne 13228
Dianthus caryophyllus, anthranilate N-	Hordeum, transposable elements 3514	meristems 12090
benzoyltransferase 4135	Hordeum spontaneum	metallothionein 12091
Dioscorea, phylogeny 4713	alcohol dehydrogenase 12783	nutrients 13214
Dioscorea tokoro, glucose-6-phosphate	β-amylase 11676	pectinesterase 1815
isomerase 9549	Hordeum vulgare	phosphates 13214
Diospyros kaki, β-galactosidase 12259	alcohol dehydrogenase 10315	phytochrome 10808
Elymus trachycaulus, repetitive DNA	β-amylase 11676	polygalacturonase 10816
11885	barley yellow dwarf luteovirus 6672	profilin 5911
Eschscholzia californica alkaloids 7522	binding proteins 6658 calmodulin 6658	protein kinase 8368
berberine 5101	death 3517	ripening 12103 stress 4693, 7073
Eucalyptus	dehydrins 10319	thioredoxins 4693
development 2156	deoxyribonuclease 11667	tomato mosaic tobamovirus 7087
flowers 2156	DNA binding proteins 1449, 6657	transposable elements 738
Eucalyptus globulus	elongation factors 2495	ubiquitin conjugating enzyme 7070
flowers 12445	endosperm 6653	zeaxanthin epoxidase 1816
homeotic genes 12445	Erysiphe graminis 10329	Lycopersicon pennellii
isocitrate dehydrogenase 13493	germination 11671	drought resistance 9602
Eucalyptus gunnii, cinnamyl-alcohol	gibberellins 11664	lipid transfer proteins 9602
dehydrogenase 6265	glucan endo-1,3-β-D-glucosidase	Macadamia integrifolia, pathogenesis-
evolution 2382, 11503, 12679	11665	related proteins 4940
Fabaceae, phylogeny 569 Fagopyrum 11863	glutamyl-tRNA reductase 5434	Malus pumila
Fagus sylvatica	hydrolases 12782	ACC oxidoreductase 13277
dormancy 1003, 5060	inorganic pyrophosphatase 9096 lipid transfer proteins 234	catechol oxidase 9637
seeds 5060	lipoxygenase 6662	flowers 7129
Flaveria pringlei, phosphoenolpyruvate	methyltransferases 12779	polygalacturonase 13277 ripening 13277
carboxylase 5107	naringenin-chalcone synthase 10329	Matteuccia struthiopteris, vicilin 7622
Fragaria ananassa	nutrients 3525	Medicago sativa
ascorbate peroxidase 9671	oxalate oxidase 4464	annexins 11899
dihydrokaempferol 4-reductase 12218	photosynthesis 4504	arabinogalactans 10606
heat shock proteins 4844	plant embryos 3517	cell division 523
ripening 9671, 12217-12219	potassium 3525	histones 4595
Garcinia mangostana	proteins 1455, 9093	isoflavone 4'-O-methyltransferase
fatty acids 7251	repetitive DNA 3445, 4446	4594
stearic acid 7251 thioesterases 7251	seeds 11671	malate dehydrogenase 11898
tinocsterases 7231	senescence 3519	nodulation 523

cleotide sequences cont.	Nucleotide sequences cont.	Nucleotide sequences cont.
Medicago sativa cont. phosphoprotein phosphatase 6881	Oryza sativa cont.	Picea, protein kinase 6291
pollen 11897	cysteine endopeptidase 377, 3628 databases 374	Picea abies, heat shock proteins 7481 Picea mariana
polygalacturonase 13047	development 10544	gynoecium 13512
promoters 11897	DNA binding proteins 455, 2635	homeotic genes 13512
Medicago truncatula glutamate-ammonia ligase 1650	DNA polymerase 12930	Pinus banksiana, phenylalanine ammo-
nodulation 9330	drought resistance 6822 elongation factors 4538	nia-lyase 9963  Pinus densiflora, stilbene synthase 6284
nodulins 5683, 5689	esterases 11850	Pinus radiata
Mentha piperita	expansins 2667	cellulase 8715
β-farnesene 4187 xylulose-5-phosphate synthase 8853	farnesyl-diphosphate farnesyltransfer-	β-glucanase 8715
Mesembryanthemum crystallinum	ase 5302 ferredoxin 12937	Pinus taeda abscisic acid 4091
cysteine proteinases 13582	formaldehyde dehydrogenase 378	drought resistance 4091
ribosome-inactivating proteins 4170	fructose-bisphosphate aldolase 2649	xylem 13503
salinity 4170  Metasequoia glyptostroboides, legumin	importin 11780 ion transport 11774	Pisum sativum ACC synthase 10681
5080	lipid transfer proteins 11781	ascorbate peroxidase 43
methyltransferases 4228, 11394	Magnaporthe grisea 10574, 11850	carboxy-lyases 1715
Musa, ripening 4907 Nicotiana, viruses 944	oleosins 10544	cell cycle 6944
Nicotiana alata	pathogenesis-related proteins 8098, 13012	cell division 3750 choline-phosphate cytidylyltransferase
glycoproteins 4027	potassium 11774	9488
gynoecium 4027	proteasomes 361	cold resistance 4660
ribonucleases 11116	pyruvate, orthophosphate dikinase 138	cycloartenol synthase 1712
self incompatibility 11116  Nicotiana excelsior, proteins 4038	pyruvate,phosphate dikinase 11835 Rhizoctonia solani 8098	dehydrins 10692 DNA binding proteins 3753, 10682
Nicotiana glutinosa	ribosomal DNA 11784	DNA methyltransferase 6941
ACC oxidoreductase 12379	ribosomes 384, 10534	dormancy 11985
pathogenesis-related proteins 9902	RNA 8044	β-fructofuranosidase 1711
tobacco mosaic tobamovirus 9902 Nicotiana sylvestris	roots 11835 seeds 3628	fungi 13126 gibberellin dioxygenase 620
cyclins 2104	small nuclear RNA 1568	Glomus mosseae 625
heat shock proteins 12377	starch synthase 12932	glucans 9489
pollen 4028 putrescine methyltransferase 9878	stress 11835 sucrose transporter 5596	glutathione peroxidase 5760 glutathione reductase 1716
spermidine synthase 6550	transposable elements 393	glycine decarboxylase 9486
Nicotiana tabacum	Xanthomonas oryzae 6833, 10565,	β-hydroxylase 2836
abnormal development 2117	10567	light 13118
adenylyl cyclase 4035 aldehyde dehydrogenase 947	Oxalis phylogeny 12068	methyltransferases 1721 mycorrhizas 625, 13126
anthranilate synthase 12400	ribosomal DNA 12068	naringenin-chalcone synthase 631
auxin binding proteins 5015	Oxalis tuberosa	plastocyanins 10237
auxins 8637, 9877	phylogeny 12068 ribosomal DNA 12068	poly(A) polymerase 11978 proteins 3749, 9489
caffeoyl-CoA <i>O</i> -methyltransferase 5018	Panax, ribosomal RNA 2233	RNA binding proteins 13121
catechol oxidase 5012	Panax pseudoginseng	roots 3750
chloroplasts 3165	β-amyrin 13584	seeds 1715
cold 13413 development 7109, 9883	oxidosqualene cyclase 13584  Pelargonium, phylogeny 12507	senescence 6944 starch synthase 8279
DNA binding proteins 943, 3165,	Perilla frutescens, anthocyanins 3994	thioredoxins 1719
13413	Petroselinum crispum	topoisomerase 10684
epoxide hydrolase 13443	cinnamyl-alcohol dehydrogenase 7598 DNA binding proteins 10067	transposable elements 9487
flowers 7109, 9883 gibberellin 20-oxidase 13427	fatty acid desaturases 2259	Poaceae, phylogeny 485 population genetics 109
glycoproteins 8634	Petunia hybrida	Populus deltoides, cytochromes 6267
growth regulators 8637	anthers 7548	Potentilla, phylogeny 12506
heat shock proteins 12377 histidinol-phosphate aminotransferase	anthocyanins 6696  DNA binding proteins 6348	promoters, databases 5215  Prunus avium, allergens 1920
12376	transposable elements 7547	Prunus dulcis
isocitrate dehydrogenase 12385	Phalaris coerulescens, ribosomal DNA	lipid transfer proteins 2004
magnesium chelatase 3169, 4022	503 Pharbitis nil	methyltransferases 10985  Prunus persica
pathogenesis-related proteins 963, 6179	DNA binding proteins 12521	auxins 10924
pectate lyase 47	flowering 10016	binding proteins 10924
pollen 47	light 12521	cellulase 824
protein phosphatase 5017 proteins 12374, 12378	naringenin 3-dioxygenase 2207 proteins 8791, 10008	development 10922 growth regulators 10924
protoporphyrinogen oxidase 3175	Phaseolus coccineus, ribosomal DNA	phosphoenolpyruvate carboxylase
ribosomal RNA 2103	13107	10922
salicylic acid 12407	Phaseolus vulgaris	Pseudotsuga menziesii
sterol methyl-transferases 11458 tobacco mosaic tobamovirus 12407	arcelins 13106 drought resistance 611	cysteine proteinase 2185 dormancy 1053
transposable elements 2108	glycine-rich proteins 11967	Psophocarpus tetragonolobus, chitinase
viruses 944	pathogenesis-related proteins 613	8305
Nicotiana tomentosiformis, heat shock	proteins 9477 ribosomal DNA 607	Pyrus pyrifolia gynoecium 12172
proteins 12377 Oryza 6819	ribulose-bisphosphate carboxylase	proteins 12172
catalase 11828	3737	ribonucleases 12169
Oryza australiensis, transposable ele-	stress 9477	self incompatibility 12169
ments 392	transfer RNA 4644 vascular system 11967	Raphanus, phylogeny 12066 Raphanus sativus
Oryza sativa 381, 2636, 8040 abscisic acid 11781	Phleum pratense, allergens 4586	chloroplasts 8337
alcohol dehydrogenase 378	Phyllostachys aurea	light 8337
alterantive oxidase 3614	prolamins 12574	self incompatibility 709 Rhododendroideae, phylogeny 1066
amylose 8077, 9269	taxonomy 12574 phylogeny 8902	Rhododendron, phylogeny 8743
anoxia 3613 anthers 389, 3614	Phytolacca americana	ribosomal DNA 11503
chitinase 9224	antiviral proteins 3325, 7588	ribosomal RNA 11403
chloroplasts 384, 10534	proteins 10064	ribulose-bisphosphate carboxylase 11503

Nucleotide sequences cont.	Nucleotide sequences cont.	Nucleotide sequences cont.
Ricinus communis	Triticeae cont.	Zea mays cont. endosperm 10386
germination 13382 proteins 4983	phylogeny 1370 Triticum 11546	evolution 11724
sterol methyl-transferases 11458	repetitive DNA 3445	farnesyl-diphosphate farnesyltransfer-
sucrose 13382	Triticum aestivum 3446	ase 5302
Rubus, phylogeny 6015	acetyl-CoA carboxylase 4341	fatty acid desaturases 4483
Saccharum officinarum	aluminium 11637	ferredoxin 3550 flowering 10457
calmodulin 9825	DNA binding proteins 4347	geranyltranstransferase 1487
sucrose-phosphate synthase 2076	DNA polymerase 12720 evolution 4361	germination 299
Saintpaulia phylogeny 1094	fimbrins 1421	glutathione transferase 4478
ribosomal DNA 1094	flowers 11544	glycine-rich proteins 5481
Sambucus nigra	friabilins 10288	growth regulators 9141
abscission 8461	gliadin 11609	herbicides 8008
lectins 3925	β-glucanase 1421	isomerases 9145 leaves 10451, 11691
pathogenesis-related proteins 8461	glutathione transferase 11548	ligases 12864
ribosome-inactivating proteins 3925, 4905	glutenins 9043, 11607, 11609 histones 7786	necroses 283
Secale cereale 6687	polyploidy 4361	pectin methylesterase 9139
β-amylase 3538	proteins 5364	peroxidases 4484
repetitive DNA 3445	Puccinia recondita 11545	phosphate transporters 4499
ribosomal RNA 11516	quality 1414, 10288	phosphoglucomutase 12891
thionins 4299	receptor-like kinase 11545	photosynthesis 4504 plant disorders 11739
Sechium edule ribosome-inactivating proteins 13270	ribosomal RNA 11516 RNA binding proteins 4348	plastids 10385
sechiumin 13270	thaumatin 1396	polyamine oxidase 10380
Sesamum indicum, oleosins 3124	thionins 4299	promoters 10385
Sesbania rostrata	thioredoxins 6606	protein kinase 10386
cell division 5720	toxic substances 11637	proteinases 9138
nodulation 5720	vernalization 1398	pyruvate, orthophosphate dikinase 138
nodulins 9350	Triticum boeoticum, ribosomal DNA 6605	ribulose-bisphosphate carboxylase 4486
Silene latifolia anthers 4138	Triticum durum	RNA polymerase 10385
flowers 4138	glutenins 2444	roots 289, 11730
sex chromosomes 11253	thioredoxins 6606	seeds 9159
Simmondsia chinensis, salinity 7344	Triticum monococcum	senescence 284
Sinapis alba	repetitive DNA 9011	starch synthase 7928, 10437, 11692
development 66	ribosomal DNA 6605  Triticum urartu, ribosomal DNA 6605	stress 11730 sucrose synthase 12879
flowering 66  Solanum acaule, cytoplasmic male steril-	Tropaeolum majus, \(\beta\)-glucosidase 12522	transposable elements 285
ity 12094	Vicia faba	uroporphyrinogen decarboxylase
Solanum nigrum, systemin 4293	aspartate-ammonia ligase 10668	11739
Solanum tuberosum	binding proteins 13101	waxes 4501
ACC synthase 3787	male sterility, mitochondrial genetics	zein 9142, 11694
aldolase 9524	9465	Zea parviglumis, alcohol dehydrogenase 11723
chitinase 3795 α-glucosidase 5796	NADH dehydrogenase, mitochondrial genetics 9465	Zinnia elegans
NADH dehydrogenase (ubiquinone)	proteins 6919	deoxyribonuclease 11667
10735	rapamycin 13101	pectate lyase 5104
Phytophthora infestans 692, 3795	Vicia sativa	Nullisomic analysis (see Gene location)
potassium 8315	nodulation 2755	Nuphar lutea, pollination 4172
preprotein translocase 12023	proteinases 4610	Nuphar pumila, pollination 4172 Nut crops
starch 9529 starch branching enzyme 9519	Vigna radiata 2859 cysteine proteinases 3779	cultivars 1892
stress 4693	pyrophosphatases 9502	diseases 8397
systemin 4293	techniques 9500	genetic resources 10858, 13272
thioredoxins 4693	Vigna unguiculata	Nutrients
uncoupling proteins 1761	extensins 2857	Actinidia deliciosa 4901
Sorghum bicolor	leghaemoglobin 8295	Allium cepa 722
adenosinetriphosphatase 4521 cytochromes 4517	nodulation 2857 phosphoribosylformylglycinamidine	Arabidopsis thaliana
cytoplasmic male sterility 331	cyclo-ligase 6964	gene expression 3405, 4275, 11462 genetic transformation 8943
β-glucosidase 9190	Vitis vinifera	genetics 11465
NADH dehydrogenase 1538	anthocyanins 10948	molecular genetics 8940
protein kinase 4518, 9187, 12905	flavonol 3-O-glucosyltransferase	mutations 10202, 11465
Spinacia oleracea	10948	natural selection 10202
ascorbate peroxidase 4745, 7045	glutamate synthase (ferredoxin) 1939	nucleotide sequences 4275, 11462
binding proteins 9575 choline monooxygenase 1811	Zea, evolution 11724 Zea luxurians, alcohol dehydrogenase	Avena sativa 4373
cold 9577	11723	Azolla microphylla 10091
glutathione peroxidase 3819	Zea mays 10377, 11695	Beta vulgaris (sugarbeet) 9849, 11094 Brassica chinensis 2937
immunophilins 8358	abscisic acid 5505	Brassica juncea 883-884, 8522
phosphorylase 729	alcohol dehydrogenase 11723	Brassica napus (rape) 883-884, 12288
proteins 9577	aldehyde oxidase 4479	Cajanus cajan 12013
pullulanase 10795	anoxia 12891	Catharanthus roseus
Sporobolus stapfianus, drought resistance 8163	anthocyanins 280, 6696	gene expression 2236
Streptocarpus	aquaporin 12877 binding proteins 8008	nucleotide sequences 2236
phylogeny 1094	carbonate dehydratase 2563	Cicer arietinum 647 Cichorium intybus 9580
ribosomal DNA 1094	catechol O-methyltransferase 290	crops, genetics 3431
Stylosanthes guianensis, ribosomal DNA	cells 11691	genetics, conferences 4210
10625	cinnamoyl-CoA reductase 12865	Glycine max 587, 1691-1692
taxonomy 8902	cinnamyl-alcohol dehydrogenase	gene expression 6914
transposable elements 3384, 6465  Trichosanthes kirilowii, karasurin 794	10436	Gossypium barbadense 4051
Trichosanines kiritowii, karasurin 194 Trifolium subterraneum	cysteine proteinase 284 cytokinins 9141	Gossypium hirsutum 2143, 4051
Halotydeus destructor 11911	cytoplasmic male sterility 4497	Hordeum vulgare 2396, 3523, 11678
pathogenesis-related proteins 11911	development 9159, 10451	nucleotide sequences 3525 Lactuca sativa 8361
Triticeae	dihydrokaempferol 4-reductase 9144	Lolium multiflorum 8132
germin 4308	DNA hinding proteins 201 0142	Lalium manager 4501 0132

Nutrients cont.	Nymphaea cont.	Oils cont.
Lolium perenne cont.	polyploidy 7576, 10052	Helianthus annuus 3978, 9804
heritability 2711	Nymphaea colorata, pollen 2230	Lepidium sativum 906
Lycopersicon esculentum 4768, 13229	Nymphaea nouchali, embryology 10053	Lesquerella fendleri 906
gene expression 13214	Nysius huttoni, Triticum aestivum 3510	Madia sativa 906
genetics 9592	Oat golden stripe furovirus, Avena sativa	Vernonia galamensis 906
nucleotide sequences 13214	6683	Zea mays 312, 3572
Lycopersicon hirsutum, genetics 9592 Medicago aculeata 531	Oat mosaic bymovirus, Avena sativa 6683	artificial selection 6718
molecular genetics 11402	Obtegomeria, taxonomy 11338 Ocimum	combining ability 1517
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	essential oils 4189	genetic markers 6718 heterosis 1517
tion 950	genetic resources 1189	maternal effects 9171
Oryza sativa 450, 2648, 3639, 9278,	taxonomy 12569	reciprocal effects 9171
12969, 12999	Ocimum basilicum	stability 1517
heritability 2665	cultivars 6549	Olea europaea
Phacelia linearis 1089	Gyozdichnyĭ 2387	clonal variation 11042
Phaseolus vulgaris 3741, 8267-8268,	essential oils 1201, 2255, 4189	cultivars
11976	Fusarium oxysporum 2260	Fs17 12321
Phleum pratense 8132	variety trials 2255	IRTA-i.18 11042
Pisum sativum, genetics 2841	Ocotea bullata, tissue culture 13589	Marfil 8542
Poa pratensis 1624	Octadecanoids, Lycopersicon esculentum,	development 3981
Populus interamericana 3221	gene expression 8373	fruits 9808
Saccharum officinarum 921, 12350	Oebalus pugnax, Oryza sativa 6830	genetic resources 7323
Secale cereale 4373, 7910 chromosome addition 3542	Oenothera	Meloidogyne incognita 4978
gene location 3542	chloroplasts	morphology 3981
Solanum 9526	mutations 1079	phenolic compounds 13377
Trifolium 4604	restriction fragment length polymor- phism 1079	photosynthesis 8545 plant composition 9808
Trifolium subterraneum 547	genetic transformation 10009	quality 12322
triticale 2396, 4373, 12841, 12848-12849	meiosis, techniques 1086	salinity 8545
chromosome addition 3542	mitochondrial genetics 1078	self incompatibility 8543
gene location 3542	tissue culture 10009	tissue culture 8544
Triticeae 4373	Oenothera biennis	training 12323
Triticum aestivum 198-200, 2396, 3475,	cell division 1085	variety classification 3116, 7324, 9808
3486, 4373, 4405, 6633, 7839,	fatty acids 911	random amplified polymorphic DNA
9038, 11580, 11621, 11626, 12750	organelles 1085	6100
artificial selection 9056	pollen 1085	Oleic acid
chromosome addition 3542	Oenothera erythrosepala	Helianthus annuus 3978
gene location 3542	fatty acids 911	induced mutations 894, 7311
genotype environment interaction	quality 10059	random amplified polymorphic DNA
7843	yield correlations 10059	4972
heritability 2665	Oenothera hookeri	stability 12305
Triticum durum 198, 5396, 9065, 12748	anther culture 7540	Oleosins
Triticum spelta 12732 Vigna radiata 671	protoplast culture 10060  Oenothera lamarckiana	Arabidopsis thaliana gene expression 68, 4941
Zea mays 314, 317, 319, 3578, 5527,	linolenic acid, artificial selection 908	genetic engineering 4941
6720, 7947, 7949, 9176, 11727,	seeds, artificial selection 908	Brassica napus (rape), gene expression
11729, 12887	Oenothera picensis	4950
artificial selection 318, 5525, 5532	anther culture 7540	Brassica oleracea
genetic markers 5523	chromosome pairing 2209	gene expression 2932
induced mutations 10477	interspecific hybridization 2209	nucleotide sequences 2932
Nutritive value	Oenothera villaricae	fatty oil plants, genetic transformation
Agropyron cristatum 8131	chromosome pairing 2209	4941
Beta vulgaris (beetroots) 10771	interspecific hybridization 2209	Oryza sativa
Bromus inermis, artificial selection 11892	Oidium (see also Uncinula)	gene expression 10544
Castanea sativa 3957	Euphorbia pulcherrima 1072	nucleotide sequences 10544
Cicer arietinum 3705	Oidium erysiphoides, Ziziphus mauritiana	Sesamum indicum, nucleotide sequences 3124
Dactylis glomerata 8131	6063  Oidium lycopersici, Lycopersicon, genetics	Omiodes indicata, Glycine max 2810, 9462
Daucus carota 5827 Eragrostis tef 10600	13224	Oncidium, genetic transformation 13520
Fabaceae, genetic engineering 11511	Oidium lycopersicum	Onobrychis arenaria, chemotaxonomy 6899
Festuca valesiaca 8131	Lycopersicon 5923, 10829	Onobrychis montana, chemotaxonomy 6899
Fragaria ananassa 833	Lycopersicon esculentum 5923, 10829	Onobrychis viciifolia
Glycine max	Lycopersicon parviflorum 10829	chemotaxonomy 6899
germplasm releases 3719	Oidium mangiferae, Mangifera indica 1994,	hydroxyproline, induced mutations 8231
random amplified polymorphic DNA	8474	Meloidogyne hapla 13063
9434	Oils	mutagens 8231
Hordeum vulgare 3527	Brassica juncea	protoplast culture 8231
Leucaena leucocephala 1669	heterosis 8514	sodium azide 8231
Lolium perenne 8149	inbreeding depression 8514	tissue culture 9347
Lotus corniculatus 559	Brassica napus (rape)	Opal phytoliths
Macrotyloma uniflorum, induced muta-	genetic engineering 6088, 7292	Oryza sativa 11800
tions 4680	genetic transformation 10997	genetic variance 10548 heritability 10548
Medicago sativa 2737, 8189	Calendula officinalis 906 Camelina sativa 906	Ophiopogon xylorrhizus, isoenzymes,
Morus alba 10955 Orychophragmus violaceus 4755	Camellia grijsii 905	inbreeding depression 11250
Oryza sativa 442, 10560	Coriandrum sativum 906	Ophiosphaerella herpotricha
in vitro selection 8085	Corylus avellana 867	Cynodon dactylon 10595
Pisum sativum 3758	Euphorbia lagascae 906	Cynodon transvaalensis 10595
Secale cereale 12825	fatty oil plants	Ophrys apifera, taxonomy 7569
Sorghum 10505	genetic engineering 868, 2011, 4942,	Opsin, Solanum tuberosum, genetic transfor
Sorghum sudanense 10505	6088, 7264	mation 3792
Trifolium pratense 9336	genetic transformation 10997	Opuntia
Trifolium repens 545	genetic transformation 1274	isoenzymes, polymorphism 860
triticale 10272	Glycine max 581, 9425, 9435	quality 8485
Triticum aestivum 10272	combining ability 9426	variety classification 860
Vigna mungo 3705	genetic transformation 6718, 10646	yields 8485
Zea mays 3572, 5521, 6717, 7945	heritability 9426	Opuntia ficus-indica clonal variation 855
Nymphaea	history 2797 induced mutations 9427	irrigation 862
chromosome aberrations 10052	stability 2796, 6912	isoenzymes, polymorphism 861
meiosis 10052	Stability 2770, 0712	isoonis, moo, porjanorpaism oor

Opuntia ficus-indica cont.	Ornithogalum	Oryza glaberrima cont.
variety trials 857	chromosome banding 7552	Digitaria horizontalis 4569
Opuntia pinkavae, taxonomy 9742	cultivars	evolution 447
Orchidaceae	Chesapeake Blaze 11277	flooding 419, 11843
breeding 4152-4153	Chesapeake Sunset 11277	haploidy 6801
DNA 11314, 12540	Chesapeake Sunshine 11277	Heterodera sacchari 13021
hybrid varieties 13577	genetic resources 11271	internodes 419, 11843
phylogeny 5126	Ornithogalum caudatum, tissue culture 6356	interspecific hybridization 4541, 4569,
Orchis	Ornithogalum dubium, interspecific hybridi-	6801
phylogeny	zation 11277	iron 8092
chloroplast genetics 6368	Ornithogalum gabrielianae, taxonomy 4149	polyploidy 6801
restriction fragment length polymor-	Ornithogalum multifolium, interspecific	seeds 11805
phism 6368	hybridization 11277	toxic substances 8092
Organelles	Ornithogalum thyrsoides, interspecific	Oryza glumaepatula
genetics 25	hybridization 11277	fertility 9234
Nicotiana clevelandii, gene expression	Ornithogalum virens	inbreeding 3629
13422	polyploidy 11282	interspecific hybridization 9234
Oenothera biennis 1085	tissue culture 11282	morphology 9276
Origanum	Ornithopus compressus cultivars	random amplified polymorphic DNA
breeding 2248, 2250 development 2257	87GEH76C 9344	3629
essential oils 1200, 12566	Charano 8230	taxonomy 9276  Oryza granulata, interspecific hybridizatio
artificial selection 2256	Santorini 9344	395
genetic resources 2246-2247, 2249, 2251-	Ornithopus sativus	Oryza latifolia
2254, 6387, 12566	cultivars	genomes
conferences 2276	Cadiz 2763	DNA hybridization 400
geography 2258	ZAF5 2763	fluorescence in situ hybridization
seeds 2257	Orobanche, Helianthus annuus 12314	4543
taxonomy 2258, 6387	Orobanche cernua	Oryza longistaminata
Origanum majorana	Helianthus 12315	evolution, microsatellites 12993
essential oils 1198	Helianthus annuus 12315	interspecific hybridization 13019
variety trials 12567	Orseolia oryzae	seeds 426-427, 11804
Origanum onites	Oryza sativa 6847, 9286, 13024	Oryza meyeriana
essential oils 1190	gene mapping 1617	chromosome morphology 437
genetic resources 1190	genetics 6845, 10577	tissue culture 437
Origanum vulgare	reviews 9290	Xanthomonas oryzae, somaclonal varia
essential oils, clonal variation 13601	restriction fragment length polymor-	tion 437
tissue culture 3314	phism 1617	Oryza minuta
Ornamental bulbs	Orychophragmus violaceus	genomes, fluorescence in situ hybridiza
biotechnology, reviews 11278	Brassica carinata, intergeneric hybridiza-	tion 4543
breeding, conferences 11352	tion 6079	interspecific hybridization 398
domestication 11288	Brassica juncea, intergeneric hybridiza-	Oryza nivara, interspecific hybridization
genetic resources 11272, 11274-11275	tion 6079	6768
legislation 11273	Brassica napus (rape), protoplast fusion	Oryza officinalis
interspecific hybridization, reviews 11279	7274	embryo culture 9266
Ornamental ferns, spores, in vitro culture 13579	genetic transformation 2071 in vitro culture 7340	esterases, genetic markers 6772
Ornamental orchids	mixoploidy 6079	genetic resources 6747
breeding 2225	nutritive value 4755	interspecific hybridization 2643, 6772,
hybrid varieties 2226-2227, 3302, 5124,	Oryza	8108, 9266
7563, 10038, 12538	amplified fragment length polymorphism	Nilaparvata lugens 6846
Ornamental plants	11777	peroxidases, genetic markers 6772
biotechnology 11217	chloroplast genetics 8991	protoplast fusion 6772
breeding 3248, 5085, 6301-6302, 6304,	chromosome number 6773	Oryza punctata
8728-8729	chromosome pairing 9237	interspecific hybridization 8108
conferences 8865	cytoplasmic male sterility 4546, 12960	seeds 426-427, 11804
cultivars 6303	DNA fingerprinting 1569	Oryza rufipogon
genetic engineering 11216	embryo culture 6806	anther culture 4562
genetic markers 12704	evolution	flooding 4562
genetic resources 3248, 8885, 9991,	catalase 11828	genetic markers 8060
11218	transposable elements 11786	genetic resources 11770
genetic transformation 11216	fertility 9234	habit 8060
reviews 3249	glumes 2655	interspecific hybridization 4562, 6768, 13019
in vitro culture 6304	interspecific hybridization 4546, 9232,	isoenzymes, polymorphism 425
polyploidy 5274	9234, 9237, 12960	restriction fragment length polymorphi
taxonomy 11219 genetic markers 11215	leaves 9277 microsatellites 1569	425
tissue culture, reviews 13521	mitochondrial genetics 382, 8991	ribosomal DNA, polymorphism 11829
variety classification 11218	nucleotide sequences 6819	Oryza sativa
Ornamental succulent plants, genetic	catalase 11828	abscisic acid
resources, books 6414	phylogeny 6819	gene expression 3641, 10529, 1178
Ornamental value	restriction fragment length polymor-	11839, 13003
Allium 3813	phism 449	genetic markers 457
Malus 8410	polymerase chain reaction 6819	genetic transformation 13003
Platanus occidentalis, artificial selection	potassium 5603	molecular genetics 454
2164	seeds 5603	nucleotide sequences 11781
Prunus mume 10893	somatic embryogenesis 6806	restriction fragment length polymo
Prunus (peaches) 10929-10930	taxonomy 9277	phism 457
Ornamental woody plants	tissue culture 9265, 12987	ACC synthase, gene expression 10563
gene banks 6305, 7493, 9992	yield components 9232	acid phosphatase 10552
plant introduction 9992	Oryza australiensis, transposable elements,	acyltransferases, genetic transformation
Ornithine decarboxylase	nucleotide sequences 392	11838
Arabidopsis thaliana, induced mutations	Oryza barthii	adenosinetriphosphatase 2673
3404	Heterodera sacchari 13021	gene expression 6767, 9223
Daucus carota	seeds 426, 11804	mitochondrial genetics 6767
gene expression 12044	Oryza brachyantha	Ageratum conyzoides 4569
genetic transformation 12044  Ornithing averagid aminetransferase	interspecific hybridization 395	agglutinins
Ornithine-oxo-acid aminotransferase Arabidopsis thaliana	seeds 426, 11804	gene expression 10531, 11853
gene expression 10207	Oryza glaberrima Ageratum convioides 4560	genetic transformation 10531, 118:
nucleotide sequences 10207	Ageratum conyzoides 4569 anther culture 6801	Agrobacterium tumefaciens, genetic
nacional sequences 10207	anther culture 0001	transformation 1567

ryza sativa cont.	Oryza sativa cont.	Oryza sativa cont.
alcohol dehydrogenase, nucleotide	chloroplasts <i>cont</i> .	cultivars cont.
sequences 378	nucleotide sequences 384, 10534	RCPL-3-2 357
allelopathy 3640, 3664	chromosome aberrations 1573	RCPL-3-6 357
alterantive oxidase	chromosome addition 8050, 10538	S102 2634
gene expression 3614	DNA hybridization 8045	Saraswati 9220
nucleotide sequences 3614	chromosome morphology 399, 3618	Te-Shan-Ai-2 9215
altitude 3603, 3645	chromosome number, somaclonal varia-	Toag92 1561
aluminium 8093, 11845	tion 6804	Vijetha 6751
combining ability 2671, 11844	chromosome pairing, gene mapping 4297	Xiangzaoxian-24 1365
heritability 2671	Cnaphalocrocis medinalis 6848	Xingxiangyou-77 9218
in vitro selection 2670	Cochliobolus lunatus 4565	Xinxiangyou-80 5575
multivariate analysis 8094	Cochliobolus miyabeanus	Yahui-420 2633
somaclonal variation 2670	genetics 10571	8-You-16 355
amino acids 9273, 10560	heritability 3631	Yumenohatamochi 8033
amplified fragment length polymorphism	Cochliobolus spicifer 3657	Zhongyouzao-3 1566
8049	colchicine 12976	cysteine endopeptidase
α-amylase	cold, genetics 2644	gene expression 3628
gene expression 4564, 6791, 7762,	cold resistance 451, 453, 458, 3645,	nucleotide sequences 377, 3628
8043, 10533, 11802, 11807,	3650, 5619, 6798, 6829, 9281,	cytoplasm, random amplified
12933	11836, 13002	polymorphic DNA 2639
genetic transformation 10533, 12933	artificial selection 3646-3647, 11837,	cytoplasmic male sterility 409, 412-413,
molecular genetics 11802	11847	416, 1574, 2648, 4546, 5586, 5588,
amylose	gene expression 10240	6778, 6781, 8055, 9241, 9243,
artificial selection 6813	genetic transformation 11838	11790-11793, 11795-11796, 12942,
gene expression 9269	heritability 11847	12947-12950, 12956, 12958-12962,
genetics 8077, 10556, 12989	in vitro selection 3642, 3649	12967-12969, 12973, 12983, 12992,
nucleotide sequences 8077, 9269	somaclonal variation 3648, 13001	13009
androecium 9240	colour 6830	amplified fragment length polymor-
aneuploidy 401	genetics 431, 5595, 9251	phism 10540
techniques 9236	induced mutations 1584, 5595, 9251	gene mapping 406, 408, 3621, 11794
anoxia	combining ability 6774, 9243	genetic markers 406
gene expression 455, 3613	compatibility 9233	genetics 1576, 3621, 5590, 8057,
nucleotide sequences 3613	genetics 12945	10539, 12951, 12963-12965
anther culture 435-436, 440, 1589, 2661,	competitive ability 475	germplasm releases 12955
2666, 4561-4562, 5587, 5611, 6788,	mathematics 9291	induced mutations 407
6799, 6801, 6805, 6807, 9236,	cryopreservation 10553	maternal effects 2647
10555, 11819, 12985	cultivars 2630	modifiers 12965
gene mapping 6802	A201 2632	mutations 11794
genetic markers 6802	ACM10 8038	polymerase chain reaction 11779
genetics 6800, 10554	Agrisul 354	protoplast fusion 414, 12954
anthers	Altamirano 12928	random amplified polymorphic DNA
gene expression 389, 3614	ASD20 8031	11794, 12953, 12957
nucleotide sequences 389, 3614	Birsa Dhan-105 356	restriction fragment length polymor-
anthocyanins	Birsa Dhan-201 1562	phism 11789
genetics 6786, 8066	Birsa Dhan-202 1562	2,4-D
pleiotropy 8066	Canastra 4536	random amplified polymorphic DNA
apomixis 411	Caofengzao-1 5576	11775
archaeology 448, 2664, 11800	Cibodas 1560	restriction fragment length polymor-
arginine 4551	Cilosari 9216	phism 11775
arginine decarboxylase	CO46 8037	somaclonal variation 11775
gene expression 11680	Confiança 4536	development 8089, 11803
genetic transformation 11680	Daesanbyeo 9212	gene expression 3624, 8059, 10544
aroma 8064	Donganbyeo 9211	genetics 12984
genetics 1595-1596, 10559	EMBRAPA-38 354	in vitro selection 12984
pleiotropy 1596	EMBRAPA-39 354	mutations 10545
artificial selection 3601, 3631, 9206-	FARO-44 9217	nucleotide sequences 10544
9207, 9209, 11771	FARO-45 9219	restriction fragment length polymor-
Bacillus thuringiensis	FARO-46 9219	phism 11797
genetic engineering 471	FARO-47 9219	digestibility 442
genetic transformation 11855	FARO-48 9219	Digitaria horizontalis 4569
bacterial artificial chromosomes 366	FARO-49 9219	diseases 5627
bilanafos, genetic transformation 4568,	FARO-50 9217	DNA, heterosis 403
10366	Fedearroz-50 5574	DNA binding proteins
binding proteins, gene expression 5223,	FKR33 6754	gene expression 455, 2635, 10529
5577, 11839	FKR42 6753	molecular genetics 5579 nucleotide sequences 455, 2635
biosafety 3611, 6551	FKR44 6753	
breeding 347-348, 350, 2640, 3600,	Hwasambyeo 9214	DNA fingerprinting 1569 DNA hybridization, techniques 6760
3602, 4534, 5570-5571, 6745-6746,	Indur Samba 8032	
6748, 6812, 9208	Jalaprabha 9220	DNA methylation 8041
history 3599	Jefferson 1564	DNA polymerase
calcium 11790	Jequitibá 10528	gene expression 12930
carbohydrates 12971	Jijing-14 3608	nucleotide sequences 12930
cell culture 4553, 6766	Keumobyeo-2 9213	domestication 1598, 6818
cell division, gene expression 1572	KK15-36-C 358	dormancy 12973 gene location 3626
Chilo suppressalis	L204 2631	gene mapping 10550
genetic engineering 471	Lafitte 1565	
genetic transformation 11854	Ligeirinho 354	restriction fragment length polymor- phism 10550
chitinase	Majhera-7 1563	drought resistance 2668, 3643, 6824-
gene expression 4790, 9224	Mandisovi 12928	6825, 8090, 13000
gene location 4549	MDU5 8038	artificial selection 11841
genetic engineering 4790	Milkana 5573	
genetics 4549	MTU9993 360	gene expression 6822, 13003
nucleotide sequences 9224	Nemat 12929	gene mapping 1601
chlorophyll	Padmanath 8035	genetic markers 1602
genetics 9251	Panindra 8034	genetic transformation 7677
induced mutations 9235, 9251	Parag-401 8030	nucleotide sequences 6822
somaclonal variation 6804	PESAGRO106 10527	restriction fragment length polymor-
chloroplast genetics 387, 4230, 5578	Qiufeng 4535	phism 1601
chloroplasts	Quebracho 12928	reviews 2669
gene expression 3624, 10534	Ranjini 8036	dry matter 12980

microsatellites 364, 376, 1569

gene mapping 8084

Oryza sativa cont.	Oryza sativa cont.	ion transport
Echinochloa colonum 475	globulins cont.	gene expression 11774
Echinochloa crus-galli 3664 ecotypes 5616	genetics 8084 induced mutations 8084	nucleotide sequences 11774
genetic markers 3638	restriction fragment length polymor-	iron 1600, 1604, 6827, 8092, 8096, 9284,
elongation factors	phism 8084	13004
gene expression 4538	glucan branching enzyme, gene mapping	gene mapping 3644
nucleotide sequences 4538	3633	genetic markers 3644
embryo culture 4537, 9266, 10552	β-glucuronidase	isoenzymes 410, 430, 2674, 3638, 5599
embryo sac 3619	gene expression 9228	gene location 6783 genetic variation 5593, 9250
embryology 411	genetic transformation 9228	multivariate analysis 5594
endopeptidases 9239 enzymes 3620, 8055	glufosinate, genetic transformation 6756, 6849	phylogeny 5615
heterosis 9247	glutelins	jasmonic acid, gene expression 3641,
esterases 5599	gene expression 375, 383, 10530,	9288
gene expression 11850	10532	lasers 1573, 9235
genetic markers 6772	genetic transformation 375, 10530	leaves
nucleotide sequences 11850	induced mutations 417	gene expression 3624, 6762 genetics 431, 1583, 5595, 9251
evolution 447, 6818	promoters 375	heritability 6794
molecular genetics 5311 expansins	growth period 2641, 2668, 3622, 3627,	heterosis 6762
gene expression 2667	5604, 12944, 12959 gene mapping 2653, 10550, 11798	induced mutations 1583, 5595, 9251
nucleotide sequences 2667	genetics 1581, 5602, 10546	lectins
experimental design 12924	genotype environment interaction	gene expression 10531, 11858, 13023
farnesyl-diphosphate farnesyltransferase	5618	genetic transformation 472, 10531,
gene expression 5302	restriction fragment length polymor-	legumin, genetic transformation 4554
nucleotide sequences 5302	phism 10550, 11798	light 1579, 2673
fatty acids, somaclonal variation 13001 female fertility, pleiotropy 1577	growth regulators 2645, 11795-11796	heterosis 8063
ferredoxin	gene expression 9246, 10529, 13003	lipid transfer proteins
gene expression 12937	genetic engineering 9246 genetic markers 457	gene expression 6758, 11781
nucleotide sequences 12937	genetic markers 437 genetic transformation 13003	nucleotide sequences 11781
fertility 410, 5591, 10541	genetics 1582	lipids
gene mapping 405	molecular genetics 454	somaclonal variation 13001
restriction fragment length polymor-	restriction fragment length polymor-	techniques 4556 lodging 3630
phism 405, 1575, 6771 flooding 419, 4562, 6826, 8089, 11843	phism 457	heritability 5598
amplified fragment length polymor-	habit, gene mapping 424	luciferase, genetic transformation 12935
phism 456	haploidy 6771, 6801, 12988	lysine
gene expression 4560, 10563	heat resistance 9281 heat shock 3620	genotype environment interaction
gene mapping 456	height 429, 8062, 12980	1594
flowering 6788, 12944, 12950	gene mapping 4548, 10542	in vitro selection 8085
genotype environment interaction 6790	genetics 1582, 2652, 2654, 9252,	maternal effects 1594 mutations 2649
mutations 6787	12974	Magnaporthe grisea 466, 1611, 1613-
flowers 12966, 12970	induced mutations 6785	1615, 2679, 3650, 3658, 5629-5630,
genetics 8061	mutations 2654, 6789, 12974 pleiotropy 5605	5632, 6834, 6838, 6841, 8103,
fluorescence, genetic transformation 5580	herbicides	9287, 10572-10573, 13007, 13012-
formaldehyde dehydrogenase, nucleotide	genetic engineering 5638	13014
sequences 378 fructose-bisphosphate aldolase	genetic transformation 4568, 6756,	artificial selection 8102 combining ability 6840
gene expression 6764	6849, 9231, 10366	gene expression 8101, 9288, 11850
genetic engineering 6764	in vitro selection 8108	gene mapping 465, 1605, 1612, 5633,
nucleotide sequences 2649	Heteranthera limosa 3664 Heterodera sacchari 13021	11848
fungi 6836	heterosis 9230, 11796, 12947	genetic markers 468, 1606
fungicides, gene expression 1610	genetic markers 11788	genetics 467, 469, 1605, 2677, 4566,
galactinol synthase, gene expression 10240	repetitive DNA 11788	5631, 6839, 8100, 13016 heritability 3631, 6840, 11851
gametocides 5592	Hieroglyphus banian 6848	in vitro selection 8104, 11851
gamma radiation 407, 434, 1583, 2661,	Hieroglyphus nigrorepletus 6848	induced mutations 9227
5584, 5595, 6785, 8084, 9251,	Hirschmanniella, genetic transformation	molecular genetics 461
9282, 10537, 10555	6844	nucleotide sequences 10574, 11850
gene banks 349	homeobox genes, genetic engineering 13427	restriction fragment length polymor-
gene expression 388, 5578, 8041, 9221- 9222	Hordeum vulgare	phism 1612, 5633
gene location 401	intergeneric hybridization 6558	somaclonal variation 2678 techniques 13015
gene mapping 362-368, 376, 379, 381,	protoplast fusion 6558	Magnaporthe salvinii 466, 6842, 13011
399, 2638, 3609, 4298, 5582, 6763,	hybrid seed production 2641, 3615-3616,	male sterility 410, 415, 2645, 3620,
8040, 8042, 8046-8047, 11778,	4540, 8052, 9231, 12942-12944,	5589, 6771, 6776, 6780, 8052,
12931, 12936	12970 hybrid varieties 348, 2640, 6752, 6755	8056, 9238-9240
genetic markers 3609, 5581-5582	hybrid varieties 348, 2640, 6752, 6755, 9210, 12925	artificial selection 6777, 9242
genetic resources 346, 349-352, 428, 451, 5568-5569, 10526	hybridization	gene mapping 4544
genetic transformation 370, 388, 3611,	gene mapping 12946	genetic drift 9244 genetics 4545, 6775, 8051, 8054
4537, 6551, 6757, 6759, 6761,	history 1557	germplasm releases 5587
6765-6766, 9221-9222, 9229,	hydrogen peroxide 10572	molecular genetics 12952
10578, 11785, 11818, 12710, 12939	ideotypes, genetics 9245	pleiotropy 1577
reviews 371 genetics 11771	importin gene expression 11780	random amplified polymorphic DNA
books 7641	nucleotide sequences 11780	6775
genotype environment interaction 12996	induced mutations 429, 5584, 6793,	maleic hydrazide 6793  Meloidogyne, genetic transformation
germination	10537	6844
artificial selection 11847, 13006	inflorescences 429, 9255	Meloidogyne graminicola, random ampli-
heritability 11847	artificial selection 9242	fied polymorphic DNA 13022
pleiotropy 5605	mutations 10545	Meloidogyne incognita, genetic transfor-
Gibberella fujikuroi 463 gibberellic acid, genetics 1582	insects, genetic transformation 3663	mation 5636
gibberellins 8062	internodes 419, 423, 11843 interspecific hybridization 394-395, 398,	methionine 4551
male sterility 5585	2643, 4541, 4546, 4562, 4569,	N-methyl-N-nitrosourea 417 methyltransferases, molecular genetics
globulins	6768, 6772, 6801, 8108, 9232,	13432
gene mapping 8084	9266, 12960, 13019	microsatellites 364, 376, 1569

ryza sativa cont.	Oryza sativa cont.	Oryza sativa cont.
restriction fragment length polymor-	photoperiodism <i>cont</i> . linkage 8065	quality <i>cont.</i> heterosis 9271-9272
phism 11789	photosynthesis 458, 1579, 9248, 9281,	heterozygosity 12990
molecular genetics 3433, 4539, 11785,	11806, 11808, 12971, 12975	maternal effects 6815, 10557
12938 morphology 6826, 8064	artificial selection 3646	multivariate analysis 8079
gene mapping 8058	genetic transformation 4550 heritability 3647	nucleocytoplasmic interaction 12992 techniques 445, 4556, 9274-9275
genetics 8061	heterosis 4547, 5601, 8063, 9247	quantitative traits
induced mutations 9235	somaclonal variation 459	gene mapping 369, 1578, 10543
mutagens 417, 6793, 10537 mycotoxins 2679	Phyllosticta oryzicola 464 phylogeny	genetic markers 369 restriction fragment length polymor-
Myzus persicae, genetic transformation	polymerase chain reaction 385	phism 1578, 10543
472	restriction fragment length polymor-	random amplified polymorphic DNA
Nephotettix 3662, 9289 Nephotettix cincticeps 470, 13018	phism 385	1570, 9226-9227, 11778, 11816
gene mapping 11848	phytochrome, gene location 12934 phytoene desaturase, gene expression	ratooning, gene mapping 2646 regenerative ability 1589
genetic markers 8107	1590	genetics 8075
genetics 8107, 11852	phytoene synthase	induced mutations 10555
restriction fragment length polymor- phism 1616	gene expression 390, 1590 genetic transformation 390	restriction fragment length polymor- phism 1588
Nephotettix virescens 3661, 5637, 8106	phytoliths 2664	repetitive DNA 3618
Nilaparvata lugens 2680, 3662, 6846,	plant composition 12976	fluorescence in situ hybridization
9286, 11856 gene expression 13023	genetic transformation 6814 plant disorders 2662, 4558	3612 reproduction, heterosis 6770
gene mapping 474	plant embryos, gene expression 6791	respiration 11806
genetic markers 1606	plastids	restriction fragment length polymorphism
genetic transformation 13023 genetics 473	cell culture 12986	362-363, 380, 386, 394, 2638,
nitrate reductase	gene mapping 12986 pleiotropy 429	4298, 5581, 6763, 8048, 9230 Rhizoctonia solani 6834-6835, 8099,
induced mutations 10547	pollination 404	10570, 13007
mutations 11834	polyamines 420	gene expression 8098
nitrogen 450, 2648, 6838, 9278, 12969, 12999	polyembryony 8053 polymerase chain reaction 11776	in vitro selection 2675 nucleotide sequences 8098
nitrogen fixation 450, 11383	polyploidy 6799, 6801	ribosomal DNA
nodulins	Porteresia coarctata, intergeneric hybrid-	nucleotide sequences 11784
gene expression 10561	ization 1571	polymorphism 11829 ribosomes
genetic transformation 10561  Nostoc muscorum 11383	potassium 3639, 5603 gene expression 11774	gene expression 10534-10535
nucleotide sequences 381, 2636, 8040	heritability 2665	mitochondrial genetics 10535
databases 374	nucleotide sequences 11774	nucleotide sequences 384, 10534
nutrients 450, 2648, 3639, 9278, 12969, 12999	Pratylenchus, genetic transformation 6844	ribulose-bisphosphate carboxylase, gene location 12934
heritability 2665	precocity 3606	rice ragged stunt oryzavirus, genetic
nutritive value 442, 10560	probenazole, gene expression 1610	transformation 13020
in vitro selection 8085 Oebalus pugnax 6830	prolamins 1592, 5600 promoters	rice stripe tenuivirus gene mapping 10575
oleosins	cell culture 12986	genetic transformation 3659
gene expression 10544	gene expression 11807	restriction fragment length polymor-
nucleotide sequences 10544 opal phytoliths 11800	gene mapping 12986 proteasomes	phism 10575 rice tungro bacilliform badnavirus 5635,
genetic variance 10548	gene expression 361	13018-13019
heritability 10548	nucleotide sequences 361	conferences 5177
Orseolia oryzae 6847, 9286, 13024 gene mapping 1617	proteinase inhibitors, genetic transformation 5636, 6844	genetic transformation 2637 rice tungro spherical waikavirus 5635,
genetics 6845, 10577	proteinases 9239	13018-13019
reviews 9290	proteins 441	gene mapping 11848
restriction fragment length polymor- phism 1617	combining ability 6817 genetic transformation 4555	genetics 11852 rice tungro virus 13017
oryzacystatin, genetic transformation	genetics 422, 8078	rice yellow mottle sobemovirus 5634
6844	genotype environment interaction	gene expression 6843
outcrossing 12966, 12970	1594 maternal effects 1594	gene mapping 1605, 3660 genetic transformation 6843
ovule culture 12983 palatability 6812	protoplast culture 3632	genetics 1605
artificial selection 6813	protoplast fusion 2660, 6772	restriction fragment length polymor-
parthenogenesis 5592	protoplasts 11820 techniques 9267	phism 3660 RNA, nucleotide sequences 8044
pathogenesis-related proteins gene expression 1610, 3641, 8098,	Pseudomonas fuscovaginae 2672, 3650,	RNA binding proteins, gene expression
13012	3656, 5621	1572
gene mapping 5313	in vitro selection 3655	RNA polymerase cell culture 12986
nucleotide sequences 8098, 13012 pathogens	Pseudomonas syringae 13012 Puccinia graminis, gene mapping 259	gene mapping 12986
genetic markers 12713	pyruvate, orthophosphate dikinase	roots 3623, 3625
polymerase chain reaction 12713	evolution 138	gene expression 11835 nucleotide sequences 11835
peroxidases 5626, 10552 gene expression 3652	gene expression 138 nucleotide sequences 138	salinity 452, 460, 1603, 9283, 9285,
genetic markers 6772	pyruvate,phosphate dikinase	11840, 13005
pesticides 10576	gene expression 11835	artificial selection 13006
genetic transformation 6756	nucleotide sequences 11835 quality 444, 446, 1591, 1593, 2662-2663,	combining ability 11846 gene expression 3641, 11839
phenolic compounds 3658 phenols, genetics 6782	3434, 3635-3636, 4558, 5612-5614,	genetic markers 10562
phloem, gene expression 2637	6809, 6816, 8076, 8080-8083, 8086,	genetic transformation 7677
phosphinothricin acetyltransferase,	9270, 10558, 11821-11822, 11824- 11827, 12924, 12949, 12991, 12999	genetics 11846 heterosis 6828
genetic transformation 11782-11783 phosphofructokinase, genetics 6784	combining ability 443, 6811, 6817,	in vitro selection 2666, 4561, 4563,
phosphogluconate dehydrogenase 3638	6840	5620, 8095, 9280
photoperiodism 432, 4551, 6780, 6788,	genetic variance 3634, 4557 genetics 1597, 6815, 10557	induced mutations 9282 molecular genetics 454
8056, 10541 gene mapping 8065	genetics 1397, 0813, 10337 genotype environment interaction	mutations 8091
genetics 1581, 5602, 8054, 8065,	3637, 9272, 11823	somaclonal variation 6825, 9280
10546	heritability 6840	stability 6823

Oryza sativa cont.	trongnoschle elements cont	yields cont.
Sarocladium oryzae 3651	transposable elements <i>cont</i> .  nucleotide sequences 393	gene mapping 2646
Scirpophaga incertulas		genetics 6784
gene expression 11857	somaclonal variation 373	heterosis 8063
genetic engineering 471	trypsin inhibitors	mathematics 8067
genetic transformation 3663, 11854-	gene expression 11853	111athernatics 6007
11855, 11857	genetic transformation 11853	stability 9279, 12997
seed moisture 1580	tungro spherical waikavirus, conferences	Zea mays, intergeneric hybridization
seed production 9238, 12941-12942	5177	6814
seed testing 6792	ubiquitin, genetic transformation 10366	Oryzacystatin
seedlings	ultrastructure 10553	* Brassica campestris (turnip rape), genetic
heritability 2650	variety classification 3638	transformation 11023
pleiotropy 5605	polymerase chain reaction 9225	Oryza sativa, genetic transformation
restriction fragment length polymor-	variety trials 353, 1558-1559, 2627-2629,	6844
phism 11797		Oryzalin, Eleusine indica, genetics 345
I	3603-3605, 3607, 3622, 5572, 5613,	Oryzas sativa, cultivars, Shakuntla 359
seeds 420, 428, 1580, 1591, 2662, 3635,	6746, 6750, 6810, 11772-11773,	Oryzopsis hymenoides, cultivars, Rimrock
4558-4559, 5603, 6830, 11803,	12925-12926	
11805, 13005	mathematics 12927	9315
gene expression 3628	vascular system 9255, 10549	Osmia cornuta
gene location 3626	water balance 9283	Medicago sativa 10607
gene mapping 8058	waterlogging 11842	Trifolium repens 10607
genetic variance 2651	waxes	Osmotin, Vitis vinifera, gene expression
genetics 1597, 8078	genetics 1583	1942
heritability 2651, 6794	induced mutations 1583	Osteospermum ecklonis, cultivars, Lusaka
nucleotide sequences 3628	weeds 475	8769
silicon 1589	mathematics 9291	Ostrinia furnacalis 7998
Sitotroga cerealella 8105	wide hybridization 396, 1597, 2642,	Zea mays 7998, 8005
small nuclear RNA, nucleotide sequences		artificial selection 8001
1568	2657, 5591, 5604, 5610, 6771,	Ostrinia nubilalis
	6776, 6795, 6800, 9230, 9249,	genetic transformation 8000
sodium, heritability 2665	10536, 11803, 12947	hybrid varieties 8000
sodium azide 10537	gene mapping 6769	
Sogatella furcifera 3662, 13025-13026	genetic markers 3617, 6769	Solanum tuberosum 697
soil types 8081	genetics 397, 2644, 3617, 12945	Zea mays 1533, 2599, 5547, 7954, 7969,
somaclonal variation 11816, 12988	restriction fragment length polymor-	7977, 7983, 8002
Sorghum bicolor, intergeneric hybridiza-	phism 2644	artificial selection 1534, 3588, 7994
tion 5576	X radiation 429, 5584, 9227	genetic markers 7988-7989
source sink relations, heterosis 9249	xanthine dehydrogenase, induced muta-	genetic transformation 326, 1535,
sowing date 11830	tions 10547	3587, 4510, 7963, 7989, 10495,
genotype environment interaction	Xanthomonas campestris 5625	11740
6790	genetics 10569	heritability 2601, 12900
stability 4559, 6821, 12994, 12998	Xanthomonas oryzae 2673-2674, 3651,	restriction fragment length polymor-
combining ability 11810	3653-3654, 5624, 5626, 9286,	phism 7988
starch 3434, 5614		Otiorhynchus sulcatus, Fragaria ananassa,
starch synthase	10566, 10568, 13007, 13009	genetic transformation 6025
	DNA hybridization 10564	Oulema, Triticum aestivum 2481
gene expression 12932	gene expression 3652, 6833, 11849	Oulema melanopus
gene mapping 3633	genetic markers 1606, 6832	
mutations 11801	genetic transformation 1609, 3610,	Triticum aestivum 224
nucleotide sequences 12932	11849	artificial selection 10310
sterility, genetics 2644	genetics 462, 1607-1608, 5623, 8097,	Outcrossing
sterols, molecular genetics 13432	10569, 13008, 13010	Abies procera 2181
storage, seeds 12972	molecular genetics 461, 6831, 10567	Acacia aulacocarpa 1012
streptomycin 11836	nucleocytoplasmic interaction 5622	Achillea 1152
stress	nucleotide sequences 6833, 10565,	Arabidopsis thaliana 12634
gene expression 11835	10567	Blandfordia grandiflora 10026
nucleotide sequences 11835	polymerase chain reaction 6832	Brassica napus (rape) 13351
somaclonal variation 459	yeast artificial chromosomes 365	Cajanus cajan
sucrose synthase, genetics 6784	yield components 5586, 9232, 12976,	germplasm releases 10713
sucrose transporter	12994	mutations 10713
gene expression 5596	artificial selection 1586, 10551	Calluna vulgaris 11230
nucleotide sequences 5596		
*	combining ability 433, 5606, 6797,	Cunninghamia konishii 12488
sugars	9260, 9263, 12978	Echinacea purpurea 13558
gene expression 11802	epistasis 1585, 4542	Eucalyptus urophylla
molecular genetics 11802	genetic variance 1578, 5583, 6796,	amplified fragment length polymor-
techniques, genetic transformation 11783	9260-9261, 12977	phism 2155
temperature 432, 3627, 6776, 8056,	genetics 9256	random amplified polymorphic DNA
12956, 12962	genotype environment interaction	2155
genetics 8051, 12963	5617, 8087, 9261, 11815,	Fagopyrum esculentum 11861
mitochondrial genetics 12940	11831-11833, 12981	genetic transformation 10133
tillage 6820	heritability 421, 434, 1586, 2656,	Gossypium hirsutum 3206
tillering 11808	3631, 4552, 5583, 5609, 6798,	Helianthus annuus 12300
artificial selection 5597	8068, 8070-8071, 9257, 9259,	Helianthus petiolaris 12300
gene mapping 11799	11811-11812, 11815	Hordeum vulgare 5433
genetics 5597	heterosis 1587, 2657, 4542, 5606-	Mangifera indica 3945, 7231
random amplified polymorphic DNA	5608, 6770, 6795, 6797, 11787,	mathematics 8966
11799	11808-11809, 11813, 11819,	
restriction fragment length polymor-	12979	Medicago polymorpha 13045
phism 11799	induced mutations 9235	natural selection 8973
		Oryza sativa 12966, 12970
Tilletia barclayana 2676, 5628, 6830,	multivariate analysis 434, 2658, 8087	Panicum virgatum 12918
6834, 6837	nucleocytoplasmic interaction 9262,	Pennisetum glaucum 342
tissue culture 438-439, 3625, 6808, 8074,	12969	Persea americana 3072
9268, 11817-11818	stability 1599, 8088, 11830, 11832	Prunus persica 8437, 12186
reviews 6803	statistics 12995	Pseudotsuga menziesii 3244
toxic substances 1604, 6827, 8092, 8096,	yield correlations 418, 434, 444, 2656,	Pterocarpus macrocarpus 9956
9284, 11845, 13004	2659, 4552, 5609-5610, 5619, 6798,	Setaria italica 4527
gene mapping 3644	6829, 8069-8070, 8072-8073, 9253,	Sorghum bicolor 12906
genetic markers 3644	9258, 9260, 9264, 11811-11812,	Sorghum sudanense 12906
transpiration 12975	11814, 12982	
transposable elements 10565	maternal effects 2647	statistics 11479
gene tagging 391	yields 6809, 9254, 12923	Vicia faba 9466
genetic markers 372		Overdominance (see Heterosis)
mutations 372	artificial selection 6749	Ovule culture
Mutations 5/2	combining ability 11810	Allium cepa 5874, 7033

vule culture cont.	Ozone cont.	Panicum virgatum cont.
Ananas comosus 9726	Lycopersicon esculentum, gene expres-	growth period, artificial selection 9203
Beta vulgaris (fodder beet) 9846	sion 2957	leaves 11755
Beta vulgaris (sugarbeet) 9845-9846,	Medicago sativa 536, 11906	outcrossing 12918
9850	Nicotiana tabacum 8648	soil pH 3595
Brassica 1802	gene expression 6033	soil toxicity 3595
Brassica juncea 2022, 9768	genetic transformation 3183, 6033	Panonychus ulmi, Morus 8460
Brassica oleracea 2022	Picea abies 9982, 13514	Pantoea stewartii, Zea mays (sweetcorn)
Brassica oleracea (kale) 10786	Pinus ponderosa, mathematics 1044	12893
Cicer arietinum 638	Pinus sylvestris, gene expression 12472	Papaver
Cicer pinnatifidum 638	Populus 12454, 13495	flowers 1162
Citrus reticulata 8469	Populus tremuloides 1009	fruits 1162
Crambe abyssinica 9768	Trifolium campestre 8215	Papaver rhoeas
Cucumis sativus 7103	Vitis vinifera, gene expression 6033	pollen 12557
Cucurbita pepo 7103, 9625	Pachycereus pringlei	pollination 4176
Delphinium cardinale 1082	pollination 10046	profilin 12557
Delphinium grandiflorum 1082	sexual reproduction 10046	self incompatibility 4176
Delphinium nudicaule 1082	Pachypodium bicolor, taxonomy 4166	Papaver setigerum
Erucastrum abyssinicum 2022, 10786	Pachypodium eburneum, taxonomy 4166	fatty acids 6382
Fagopyrum esculentum 8109	Pachyrhizus tuberosus	interspecific hybridization 6382
Fagopyrum homotropicum 8109	genetic resources 4719	Papaver somniferum
Lilium longiflorum 11305	morphology, multivariate analysis 4719	codeine
Oryza sativa 12983	Paclobutrazol, Actinidia 3922	genetics 1183
Raphanus 1802	Paeonia	heritability 1183
Triticum aestivum 6623	history, breeding 11221	Erwinia carotovora 3324
vules	phylogeny, chloroplast genetics 1095	ethyl methanesulfonate 12554
	Paeonia decomposita, taxonomy 5093	fatty acids 6382
Arabidopsis thaliana, mutations 62,	Paeonia delavayi, chromosome banding	flowers 10061
11437	7503	gamma radiation 12554
Brassica napus (rape), techniques 12277	Paeonia lactiflora	
Corylus avellana 13343		genetic resources 3315
genetics, reviews 11488	ovules 2212	interspecific hybridization 6382
Lacandonia schismatica 8975	seeds 2212	morphine 1180
Lycopersicon esculentum 13210	Paeonia rockii	genetics 1177
Paeonia lactiflora 2212	breeding 11220	mutagens 12554
Plumbago zevlanica, techniques 4177	chromosome banding 6311	plant composition 10061
Prunus armeniaca 9655	chromosome morphology 6311	poppy mottle virus 3324
Taxus baccata 2189	interspecific hybridization 11220	quality, induced mutations 7587, 12554
Vaccinium corymbosum 3906	variety classification 11220	seed production 1160
Zea mays 1495	Paeonia suffruticosa	seeds 10061
exalate oxidase	chromosome banding 6311	sowing date 1160
	chromosome morphology 6311	yield components
Hordeum vulgare	interspecific hybridization 11220	combining ability 12560
gene expression 4464	random amplified polymorphic DNA	heterosis 3320
nucleotide sequences 4464	1059	stability 10062
Lycopersicon esculentum, genetic trans-	variety classification, random amplified	yields, induced mutations 7587, 12554
formation 7074	polymorphic DNA 4105	Papaya ringspot potyvirus
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Palatability	Carica cauliflora 3950
tion 7814	Festuca arundinacea 3677	Carica papaya 3950, 9732
Triticum aestivum	Oryza sativa 6812	genetic transformation 4919, 13327-
gene expression 11585	artificial selection 6813	13329
genetic engineering 7814	Palmitic acid	Paraquat, Arabidopsis thaliana, mutations
xalates, Brassica napus (rape) 2028		10215
xalic acid	Glycine max, genetics 9429-9430	
Brassica napus (rape) 8528	Helianthus annuus, induced mutations	Parathion-methyl, Zea mays 8006
Helianthus annuus 11037	894	Pariana, taxonomy 7616
xalis	Linum usitatissimum (linseed)	Parsnip yellow fleck sequivirus, Apium
phylogeny, nucleotide sequences 12068	linkage 3104	graveolens 13200
	mutations 3104	Parthenium argentatum, Macrophomina
ribosomal DNA, nucleotide sequences	Panax, ribosomal RNA, nucleotide	phaseolina 2154
12068	sequences 2233	Parthenium glomeratum
xalis tuberosa	Panax pseudoginseng	clines 12432
phylogeny, nucleotide sequences 12068	β-amyrin	taxonomy 12432
ribosomal DNA, nucleotide sequences	gene expression 13584	Parthenium hysterophorus
12068	nucleotide sequences 13584	clines 12432
self incompatibility 9555	embryo culture 10063	taxonomy 12432
xidoreductases	isoenzymes 7585	Parthenocarpy
Arabidopsis thaliana	oxidosqualene cyclase	Cucumis sativus 5973
gene expression 6509	gene expression 13584	Lycopersicon esculentum
mutations 6509	nucleotide sequences 13584	gene expression 1821
Hordeum vulgare, gene mapping 1461	peroxidases 7585	genetic transformation 7060
molecular genetics 22	proteins, polymorphism 3319	genetics 9589
reviews 11413	salinity 10063	Musa
xidosqualene cyclase	seeds 3319	gene dosage 843
Panax pseudoginseng	tissue culture 1175, 5139, 7585	pleiotropy 843
gene expression 13584	Panax quinquefolius	Nicotiana tabacum 2961
nucleotide sequences 13584		Pistacia lentiscus 10995
	isoenzymes 7585	Solanum melongena 2961
xophytodienoate-reductase	peroxidases 7585	
Arabidopsis thaliana	tissue culture 7585	Parthenogenesis 6537
gene expression 6502	Panicum maximum	Aegilops caudata 159
nucleotide sequences 6502	breeding 482	Aegilops kotschyi 159
xycoccus (see Vaccinium)	morphology 6735	Beta vulgaris (sugarbeet) 6150
xygenases	variety trials 11753	Cucumis sativus
Helianthus tuberosus, nucleotide	yield components 6735	genetics 5976
sequences 8339	Panicum miliaceum	heritability 5976
Nicotiana tabacum	Atherigona 341	genotype environment interaction 5277
gene expression 13428	cultivars, Sunrise 2617	Helianthus annuus 3111
genetic transformation 13428	inflorescences, genetics 11754	latitude 5277
zone	yield components, multivariate analysis	Oryza sativa 5592
Betula pendula 13491	340	Poa pratensis
gene expression 9942	Panicum virgatum	amplified fragment length polymor-
Buddleja 1071	cultivars, Sunburst 9202	phism 11874
Fragaria ananassa 835	forage 11755	gene mapping 11874
1 ruguru anamasa oso		** **

Pactinophora gossyniella Gossynium

Partnenogenesis cont.	Hordeum vulgare 12799	arboreum 8686
Poa pratensis cont. genetic markers 8180	gene expression 251, 4463, 9104,	Pectins, Arabidopsis thaliana, mutations
random amplified polymorphic DNA	12803	11436
11874	gene mapping 5313	Pelargonium
Triticum aestivum 159, 11566	mutations 9104	alkaloids 2198
Paspalum	Kalanchoe blossfeldiana, genetic trans-	chemotaxonomy 2198
apomixis 506	formation 9881	colour 13525
chromosome number 5674	Lycopersicon esculentum	evolution 4114
meiosis 506	gene expression 3839, 7080	flowers 4114
Paspalum chaseanum	genetic engineering 3839	nomenclature 5109
chromosome pairing 6874	Macadamia integrifolia	phylogeny
self incompatibility 6874	gene expression 4940	chloroplast genetics 12507
Paspalum dilatatum	nucleotide sequences 4940	nucleotide sequences 12507
apomixis 9317	molecular genetics 1262	plant pigments 13525
chromosome pairing 9317	Nicotiana glutinosa	Pelargonium aridicola, taxonomy 5110
interspecific hybridization 9317	gene expression 9902	Pelargonium hirtipetalum, taxonomy 5110
pollen germination 10582	nucleotide sequences 9902	Pelargonium hortorum
taxonomy, chloroplast genetics 511	Nicotiana tabacum	colour, genetics 11232
ultrastructure 10582	gene expression 963, 6164-6165,	embryology 8740
Paspalum juergensii	6179, 7393, 9881, 11129,	flowers, genetics 11232
apomixis 9317	11131, 12659	random amplified polymorphic DNA
chromosome pairing 9317	genetic engineering 776, 7392, 9881	4112
interspecific hybridization 9317	genetic transformation 3839, 7391,	somaclonal variation 4111-4112 somatic embryogenesis 4111, 11233
Paspalum malacophyllum	7393, 12411, 12659, 13436	variety classification, DNA fingerprinting
apomixis 9317	nucleotide sequences 963, 6179	6308
chromosome pairing 9317	Oryza sativa	Pelargonium peltatum
interspecific hybridization 9317	gene expression 1610, 3641, 8098,	cultivars
Paspalum notatum apomixis	13012	Evka 9994
random amplified polymorphic DNA	gene mapping 5313	Pendresd 9995
1641	nucleotide sequences 8098, 13012	Ville de Dresden 9995
restriction fragment length polymor-	Phaseolus vulgaris	tissue culture 2197
phism 1641	gene expression 613 nucleotide sequences 613	variety classification, DNA fingerprinting
taxonomy, chloroplast genetics 511	Pinus monticola 3241	6308
yield components, artificial selection	Sambucus nigra	Pelargonium pubipetalum, taxonomy 5110
9311	gene expression 8461	Pelargonium zonale
Paspalum plicatulum	nucleotide sequences 8461	breeding 6306
apomixis 6874	Solanum tuberosum, genetic engineering	cultivars
self incompatibility 6874	5805	Bergpalais 12493
Paspalum regnellii, meiosis, mutations 6872	Trifolium subterraneum	Glacis 12494
Paspalum simplex	gene expression 11911	Jana 12495
apomixis 6874	nucleotide sequences 11911	Orapin 12496
restriction fragment length polymor-	Zea mays 5536	Pendaco 12497
phism 5671	Pathogens	Pensid 12498
polyploidy, restriction fragment length	biotechnology 12600	Sassa 12499
polymorphism 5671	breeding 6438	Sassy Dark Red 12500
self incompatibility 6874	gene expression 7681	Sidonia 12498
Paspalum vaginatum		Pellicularia (see also Thanatephorus)
Paspalum vaginatum cold resistance 512	gene expression 7681	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509	gene expression 7681 genetics 1253	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum)
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 interspecific hybridization 856, 4933	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum derum 4419	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum derum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4930 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum derum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4930 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514,
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4930 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymor-
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymor- phism 1553
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258 Nicotiana tabacum, seedlessness 12389 Pathogenesis-related proteins Arabidopsis thaliana	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258 Nicotiana tabacum, seedlessness 12389 Pathogenesis-related proteins Arabidopsis thaliana gene expression 2360, 7735, 8958,	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104 Pectin methylesterase	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518 flowering 343
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258 Nicotiana tabacum, seedlessness 12389 Pathogenesis-related proteins Arabidopsis thaliana gene expression 2360, 7735, 8958, 10212, 10214, 12614, 12659	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104 Pectin methylesterase Zea mays	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258 Nicotiana tabacum, seedlessness 12389 Pathogenesis-related proteins Arabidopsis thaliana gene expression 2360, 7735, 8958, 10212, 10214, 12614, 12659 genetic transformation 10212	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104 Pectin methylesterase Zea mays gene expression 9139	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518 flowering 343 forage, combining ability 6740, 8028
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 pastiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258 Nicotiana tabacum, seedlessness 12389 Pathogenesis-related proteins Arabidopsis thaliana gene expression 2360, 7735, 8958, 10212, 10214, 12614, 12659 genetic transformation 10212 mutations 2360, 8958, 10214	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104 Pectin methylesterase Zea mays gene expression 9139 nucleotide sequences 9139	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518 flowering 343 forage, combining ability 6740, 8028 gene flow 342
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora giberti, protoplast giberti, protoplast giberti, protoplast giberti, protoplast giberti, protoplast giberti, protoplast giberti, protoplast giberti, protoplast giberti, protoplast giberti, pr	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104 Pectin methylesterase Zea mays gene expression 9139 nucleotide sequences 9139 Pectinesterase	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518 flowering 343 forage, combining ability 6740, 8028 gene flow 342 genetic resources 10117, 10513
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258 Nicotiana tabacum, seedlessness 12389 Pathogenesis-related proteins Arabidopsis thaliana gene expression 2360, 7735, 8958, 10212, 10214, 12614, 12659 genetic transformation 10212 mutations 2360, 8958, 10214 Betula pendula, gene expression 11174 Brassica campestris, molecular genetics	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104 Pectin methylesterase Zea mays gene expression 9139 nucleotide sequences 9139 Pectinesterase Citrus sinensis	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518 flowering 343 forage, combining ability 6740, 8028 gene flow 342 genetic resources 10117, 10513 germination 11764
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258 Nicotiana tabacum, seedlessness 12389 Pathogenesis-related proteins Arabidopsis thaliana gene expression 2360, 7735, 8958, 10212, 10214, 12614, 12659 genetic transformation 10212 mutations 2360, 8958, 10214 Betula pendula, gene expression 11174 Brassica campestris, molecular genetics 8529	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104 Pectin methylesterase Zea mays gene expression 9139 nucleotide sequences 9139 Pectinesterase Citrus sinensis gene expression 8466	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518 flowering 343 forage, combining ability 6740, 8028 gene flow 342 genetic resources 10117, 10513 germination 11764 growth period, genetics 11764 heat resistance 3437 height
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258 Nicotiana tabacum, seedlessness 12389 Pathogenesis-related proteins Arabidopsis thaliana gene expression 2360, 7735, 8958, 10212, 10214, 12614, 12659 genetic transformation 10212 mutations 2360, 8958, 10214 Betula pendula, gene expression 11174 Brassica campestris, molecular genetics 8529 Cicer arietinum 5775	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104 Pectin methylesterase Zea mays gene expression 9139 nucleotide sequences 9139 Pectinesterase Citrus sinensis gene expression 8466 nucleotide sequences 8466	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518 flowering 343 forage, combining ability 6740, 8028 gene flow 342 genetic resources 10117, 10513 germination 11764 growth period, genetics 11764 heat resistance 3437 height
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258 Nicotiana tabacum, seedlessness 12389 Pathogenesis-related proteins Arabidopsis thaliana gene expression 2360, 7735, 8958, 10212, 10214, 12614, 12659 genetic transformation 10212 mutations 2360, 8958, 10214 Betula pendula, gene expression 11174 Brassica campestris, molecular genetics 8529 Cicer arietinum 5775 Daucus carota	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104 Pectin methylesterase Zea mays gene expression 9139 nucleotide sequences 9139 Pectinesterase Citrus sinensis gene expression 8466 nucleotide sequences 8466 Lycopersicon esculentum	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518 flowering 343 forage, combining ability 6740, 8028 gene flow 342 genetic resources 10117, 10513 germination 11764 growth period, genetics 11764 heat resistance 3437 height genetics 2623, 11764-11765 heritability 11765
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis obtusa 11209 Chamaecyparis pisifera 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258 Nicotiana tabacum, seedlessness 12389 Pathogenesis-related proteins Arabidopsis thaliana gene expression 2360, 7735, 8958, 10212, 10214, 12614, 12659 genetic transformation 10212 mutations 2360, 8958, 10214 Betula pendula, gene expression 11174 Brassica campestris, molecular genetics 8529 Cicer arietinum 5775 Daucus carota gene expression 4708	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104 Pectin methylesterase Zea mays gene expression 9139 nucleotide sequences 9139 Pectinesterase Citrus sinensis gene expression 8466 nucleotide sequences 8466 Lycopersicon esculentum gene expression 1815, 10807	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518 flowering 343 forage, combining ability 6740, 8028 gene flow 342 genetic resources 10117, 10513 germination 11764 growth period, genetics 11764 heat resistance 3437 height genetics 2623, 11764-11765 heritability 11765 hybrid seed production 343
Paspalum vaginatum cold resistance 512 tissue culture 509 Passiflora random amplified polymorphic DNA 10977 variety trials 13335 Passiflora amethystina chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 4933 protoplast fusion 4933 Passiflora edulis artificial selection 856 chromosome aberrations 4933 interspecific hybridization 856, 4933 plant introduction 4930 protoplast fusion 4933 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora giberti, protoplast culture 1103 Passiflora quadrangularis artificial selection 856 interspecific hybridization 856 plant introduction 4930 Passiflora telesiphe, taxonomy 13337 Paternal effects Chamaecyparis obtusa 11209 Cucumis sativus, mitochondrial genetics 13258 Nicotiana tabacum, seedlessness 12389 Pathogenesis-related proteins Arabidopsis thaliana gene expression 2360, 7735, 8958, 10212, 10214, 12614, 12659 genetic transformation 10212 mutations 2360, 8958, 10214 Betula pendula, gene expression 11174 Brassica campestris, molecular genetics 8529 Cicer arietinum 5775 Daucus carota	gene expression 7681 genetics 1253 Glycine max, polymerase chain reaction 11956 Gossypium hirsutum 13475, 13477 germplasm releases 13474 Hordeum vulgare genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Oryza sativa genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum aestivum 4419 genetic markers 12713 polymerase chain reaction 12713 Triticum durum 4419 Peach tree short life Prunus persica 8418, 8435 Prunus (plums) 8418 Peanut bud necrosis tospovirus, Glycine max 10659 Pectate lyase Arabidopsis thaliana gene expression 47 nucleotide sequences 47 Nicotiana tabacum gene expression 47 nucleotide sequences 47 Zinnia elegans gene expression 5104 nucleotide sequences 5104 Pectin methylesterase Zea mays gene expression 9139 nucleotide sequences 9139 Pectinesterase Citrus sinensis gene expression 8466 nucleotide sequences 8466 Lycopersicon esculentum	Pellicularia (see also Thanatephorus) Pendimethalin, Sorghum bicolor 12916 Penicillium digitatum, Citrus paradisi 7222 Penicillium expansum, Malus pumila 8414 Penicillium islandicum, Allium cepa 9566 Pennisetum, taxonomy 344 Pennisetum americanum (see Pennisetum glaucum) Pennisetum glaucum artificial selection 11766 aspartate aminotransferase 6738 Atherigona approximata 5564 breeding 10513 Cajanus cajan, crop mixtures 3766 carboxylesterase 6738 chromosome translocation 11762 Claviceps fusiformis 6742 germplasm releases 10520 colour, genetics 12919 cultivars ICMV88904 1552 Tifleaf-3 2619 X7 8026 cytoplasmic male sterility 4529, 10518 artificial selection 6737 germplasm releases 2620, 10514, 10520-10521 restriction fragment length polymorphism 1553 esterases 10518 flowering 343 forage, combining ability 6740, 8028 gene flow 342 genetic resources 10117, 10513 germination 11764 growth period, genetics 11764 heat resistance 3437 height genetics 2623, 11764-11765 heritability 11765

Downing to the state of the sta		
Pennisetum glaucum cont. isoenzymes 2622, 6738	Pentaclethra macrophylla, morphology 7339	Peroxidases cont.
Magnaporthe grisea	Pepper mild mottle tobamovirus, Capsi-	Vicia faba
gene mapping 6743	cum frutescens, genetics 7102	genetic markers 8264
random amplified polymorphic DNA	Pepper mottle potyvirus  Capsicum 12128	genetics 8264
6743	Capsicum annuum 12128	Vigna radiata 10721 Vigna umbellata 10721
restriction fragment length polymor-	Pepper severe mosaic potyvirus, Nicotiana	Zea mays
phism 6743	tabacum, genetic transformation 13440	gene expression 4484
microsatellites 11759-11760	Pepper veinal mottle potyvirus, Capsicum	nucleotide sequences 4484
Moeziomyces penicillariae	annuum 12129	Peroxiredoxins
genetics 11767	Peptidases	Arabidopsis thaliana
pleiotropy 11767	Arabidopsis thaliana	gene expression 6503
morphology, cytoplasmic inheritance	gene expression 4240	nucleotide sequences 6503
11761	nucleotide sequences 4240	Persea americana
outcrossing 342	Cocos nucifera 11040	breeding 9733
peroxidases 2622, 6738	Peptides, Pisum sativum, chromatin 11979	genetic markers 13317
plant hairs	Perileucoptera coffeella	genetic transformation 8478, 13330
genetics 11767	Coffea canephora	isoenzymes 3072
pleiotropy 11767 plant introduction 12917	gene expression 9862	outcrossing 3072
pollen 4529	genetic transformation 9862  Perilla frutescens	Phytophthora cinnamomi, artificial selec-
storage 4363, 11763	anthocyanins	tion 1998 quantitative traits
pollen germination 11763	gene expression 3994	gene mapping 1997
Puccinia 1554	genetics 909	random amplified polymorphic DNA
Puccinia substriata	nucleotide sequences 3994	1997
gene mapping 6743	Peronosclerospora sorghi, Zea mays, gene	repetitive DNA 1997
random amplified polymorphic DNA	expression 10487	taxonomy, random amplified
6743	Peronospora farinosa, Spinacia oleracea	polymorphic DNA 9734
restriction fragment length polymor-	7046	tissue culture 13330
phism 6743	Peronospora parasitica	variety classification, restriction fragmen
random amplified polymorphic DNA	Arabidopsis thaliana	length polymorphism 12257
11759-11760	genetics 8959	Persistence
roots	mutations 1327, 2360, 8959	Trifolium repens 3698
genetics 11765	Brassica napus (rape), genetics 3969	Trifolium subterraneum 543
heritability 11765	Peronospora tabacina, Nicotiana tabacum	Pestalotiopsis palmarum, Cocos nucifera
Sclerospora graminicola 1554, 3597,	11132	6099
5563, 9204, 10518	Peroxidases	Pesticides
genetics 10519	Acacia karroo 2163	Oryza sativa 10576
germplasm releases 10520-10522	Aegilops kotschyi 4369	genetic transformation 6756
seeds 11764	Aegilops ventricosa 4369	Zea mays 8006 Pests 3369, 6437
genetics 12919 sexual reproduction 4530	Arabidopsis thaliana, nucleotide sequences 12627	Allium 5881
temperature	Avena sativa, genetics 6678	Arachis hypogaea, germplasm releases
genetics 11765	Brassica carinata 878	2061
heritability 11765	Brassica juncea 878	Brassica campestris 8526
tissue culture 12921	Brassica napus (rape) 878	breeding 7684
combining ability 4531	gene expression 13363	Capsicum annuum 12119
genetic variance 4531	genetic transformation 13363	crops 7678
Tolyposporium penicillariae 4533	Capsicum annuum 763	genetic engineering, books 1240
germplasm releases 10520-10521	genetics 5948	gene expression, reviews 2309
Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Citrullus lanatus 8389	genetic engineering 11379
tion 4363	Citrus sinensis 7224	Gossypium, genetic transformation 6224
yield components	variety classification 12253	Gossypium hirsutum, germplasm releases
combining ability 2624-2625	Cocos nucifera 11040	3199, 6226-6227
cytoplasmic inheritance 11761	Cucumis sativus 13269	Lycopersicon 10825  Malus numila, constic markers 807
genetic variance 2623	Dianthus caryophyllus 6337 Gladiolus 4147	Malus pumila, genetic markers 807 Medicago sativa 1648, 9323-9324
genotype environment interaction 12920	Glycine max 2804	molecular genetics 11379
heterosis 3596, 5562	gene expression 2794	Musa 1974
multivariate analysis 6739	genetics 2794	Phaseolus vulgaris, artificial selection
yield correlations 11766	linkage 9456	11977
yields, heterosis 8027	nucleotide sequences 2794	Prunus persica 10933
Pennisetum purpureum	Gossypium hirsutum 8683	Zea mays 7990, 7997
Bipolaris sacchari 6741	Ipomoea batatas	conferences 8868
flowering 343	gene expression 9546, 12051	genetic engineering 2594
forage, combining ability 6740, 8028	genetic engineering 9546, 12051	Petasites hybridus, tissue culture 7537
hybrid seed production 343	Linum usitatissimum (flax) 11157	Petroselinum crispum
interspecific hybridization 6740, 8028	Liquidambar styraciflua, genetic transfor-	bergaptol O-methyltransferase, gene
isoenzymes 10517	mation 13500	expression 7594
morphology 10517	Lycopersicon esculentum, gene expres-	cinnamyl-alcohol dehydrogenase
statistics 10516	sion 5924, 7069	gene expression 7598
Pennisetum squamulatum, apomixis, gene	Malus pumila 9638	nucleotide sequences 7598 4-coumarate-CoA ligase, gene expression
mapping 10515	polymorphism 9640 Nicotiana sylvestris 7398	7594
Penstemon	gene expression 5008	diseases, gene expression 7597
chloroplast genetics 13555	Nicotiana tabacum 7398	DNA binding proteins
ecology 11255 evolution, repetitive DNA 11260	gene expression 5008, 13363	gene expression 10067
genetic markers 13555	genetic transformation 2114, 9546,	nucleotide sequences 10067
height 4132	12051, 13363	fatty acid desaturases
interspecific hybridization 11260, 13555	Oryza officinalis, genetic markers 6772	gene expression 2259
pollination 11255	Oryza sativa 5626, 10552	nucleotide sequences 2259
variety trials 4132	gene expression 3652	fungi 2259
Penstemon centranthifolius	genetic markers 6772	gene expression 4193
flowers, natural selection 10021	Panax pseudoginseng 7585	naringenin-chalcone synthase, gene
pollination, natural selection 10021	Panax quinquefolius 7585	expression 7594
Penstemon hirsutus	Pennisetum glaucum 2622, 6738	phenylalanine ammonia-lyase, gene
geography 12530	Quercus robur 9946	expression 7594
taxonomy 12530	Stylosanthes humilis 5711	phytoalexins, gene expression 1207
Penstemon tenuiflorus	gene expression 1665, 13363	Phytophthora sojae, gene expression
geography 12530	genetic engineering 13363	1206-1207 protein kinase, gene expression 4193
taxonomy 12530	Triticum aestivum 4369, 11643	protein kinase, gene expression 4193

Petroselinum crispum cont.	Petunia hybrida cont.	Pharbitis purpurea cont.
salicylic acid, gene expression 7597	tobacco yellow dwarf monogeminivirus	anthocyanins <i>cont</i> .  restriction fragment length polymor-
Septoria petroselini 1205, 2261	cont.	phism 3271
Petunia	promoters 13573	chalcone isomerase naringenin 3-diox-
adenosinetriphosphatase, molecular genet-	transposable elements	ygenase 12516
ics 6350	gene expression 7547	colour 12516
amplified fragment length polymorphism 7546	mutations 5116 nucleotide sequences 7547	gene expression 12516
carotenoids 8808	techniques 5115	dihydrokaempferol 4-reductase 12516
colour 8808	variety classification, random amplified	flavonol 3-O-glucosyltransferase 12516
cultivars	polymorphic DNA 2193	flowers 12516
Blue Chimes 8806	Petunia inflata	gene expression 12516
Blue Highlights 8800	embryo sac	naringenin-chalcone synthase 12516
Blushing Pink 8802	gene expression 4144	seeds, natural selection 13561
Brass Band 8744	genetic transformation 4144	Pharmaceutical products, medicinal plants
JACcofl 8744	receptor kinase	genetic engineering 4182
JACnor 8745	gene expression 4144	Phaseolin
Pink Chimes 8805	genetic transformation 4144	Nicotiana tabacum
Pink Highlights 8803	Peucedanum	gene expression 9875, 12397
Revolution Bluevein 8800	chemotaxonomy 8838	genetic transformation 2823, 12397
Revolution Pastel Pink-2 8801	fruits 3322	Phaseolus vulgaris 1709
Revolution Pinkmini 8802	taxonomy 3322	artificial selection 1707
Revolution Pinkvein 8803	Peucedanum japonicum, cultivars,	gene expression 10670
Revolution Violet-2 8804	Sikbangpoong-1 8827	genetic engineering 2823 polymorphism 9478
Sanberubu 8806	Phacelia linearis	Phaseolus
Sanberupi 8805	nutrients 1089	aneuploidy 6928
Signature 8745	sex 1089	chromosome morphology 6928
cytoplasmic male sterility mitochondrial genetics 1102	Phacelia tanacetifolia	chromosome number 6928
molecular genetics 6350	green manures 7025	gene banks 9352
mutations 1102	Heterodera schachtii 7025	phylogeny
gene expression 1101	Phaeoisariopsis griseola	chloroplast genetics 11975
interspecific hybridization 6349	Phaseolus vulgaris 13116 statistics 9471	restriction fragment length polymor-
mitochondrial genetics 1101	Phaeoramularia angolensis, Citrus 4916	phism 11975
nuclei, techniques 6532	Phakopsora pachyrhizi	Xanthomonas axonopodis
taxonomy, polymerase chain reaction	Glycine max 2804	genetic markers 2828
5113	germplasm 4636	random amplified polymorphic DNA
Petunia hybrida	techniques 13092	2828
amplified fragment length polymorphism,	Phalaenopsis	Phaseolus acutifolius
techniques 5115	ACC synthase, gene expression 12541	Agrobacterium tumefaciens, genetic
anthers	breeding 4155, 12537	transformation 3373
gene expression 7548	colour 11315	embryo culture 9474
nucleotide sequences 7548	Doritis pulcherrima, intergeneric hybridi-	Fusarium oxysporum 6933
anthocyanins	zation 11315	genetic transformation 6927
gene expression 6696 mutations 5116	gene expression 7564	interspecific hybridization 2821, 2828 isoenzymes
nucleotide sequences 6696	genetic transformation 7564, 8819	genetics 2821
Bacillus thuringiensis, genetic transfor-	variety classification, amplified fragment	linkage 2821
mation 3294	length polymorphism 7491	Macrophomina phaseolina 6933
chalcone reductase	Phalaris aquatica	temperature, genetic transformation 3373
gene expression 4145	cultivars	Uromyces appendiculatus, genetics 6934
genetic transformation 4145	Atlas PG 9312	Xanthomonas axonopodis 10678
cytoplasmic male sterility, molecular	Australian II 9313	Phaseolus coccineus
genetics 7549	Perla Retainer 9312	isoenzymes, genetic variation 10673
DNA binding proteins	genetic resources 4574  Pholoris grandingses breeding 2334	random amplified polymorphic DNA
gene expression 6348	Phalaris arundinacea, breeding 3334	10673
nucleotide sequences 6348	Phalaris coerulescens chromosome morphology 503	regenerative ability 11974
5-enol-pyruvyl shikimate-3-phosphate	ribosomal DNA	ribosomal DNA, nucleotide sequences
synthase, genetic engineering 11138	gene mapping 503	13107
fertility	nucleotide sequences 503	tissue culture 11974
amplified fragment length polymor- phism 11269	Pharbitis nil	Phaseolus lunatus
genetic markers 11269	adenosylmethionine decarboxylase, gene	dormancy 605
random amplified polymorphic DNA	expression 8794	genetic resources 605, 6924 isoenzymes
11269	cytokinins, genetic transformation 3426	genetic variation 1702
flavonoids	dihydrokaempferol 4-reductase, mutations	polymorphism 11965
gene expression 6351	1077	Phaseolus polyanthus
genetic transformation 6351	DNA binding proteins	interspecific hybridization 9473
flowering, gene expression 8807	gene expression 12521	plant embryos 9473
1,2-β-fructan 1F-fructosyltransferase	nucleotide sequences 12521	Phaseolus vulgaris
gene expression 13184	flowering 2901	Acanthoscelides obtectus 1709, 4652,
genetic transformation 13184	gene expression 10016	6938
gene expression 5114	nucleotide sequences 10016	Alternaria alternata 6935
genetic transformation 5114	growth regulators, genetic transformation 3426	aluminium 5752
insects, genetic transformation 3294	light	gene expression 6929
naringenin-chalcone synthase	gene expression 8791, 8794, 12521	Aphis craccivora 8273
gene expression 1100, 6352, 8807, 13573	nucleotide sequences 12521	arcelin 1709, 10672
genetic engineering 6352	naringenin 3-dioxygenase	arcelins  DNA hybridization 12106
genetic transformation 1100, 3293,	gene expression 2207	DNA hybridization 13106
6325, 13573	mutations 2207	nucleotide sequences 13106
promoters 13573	nucleotide sequences 2207	artificial selection 9472, 11963
protoplast culture 1103, 5117	proteins	bean common mosaic necrosis potyvirus
sucrose 1F-fructosyltransferase	gene expression 8791, 10008	germplasm releases 1706
gene expression 13184	nucleotide sequences 8791, 10008	bean common mosaic potyvirus 6932 genetics 612
genetic transformation 13184	seeds 2901	germplasm releases 1706
taxonomy, polymerase chain reaction	transposable elements, mutations 1077	bean golden mosaic bigeminivirus 1701
5113	Pharbitis purpurea	genetics 10679
tobacco yellow dwarf monogeminivirus	anthocyanin synthase 12516	bean yellow mosaic potyvirus 9480
gene expression 13573	anthocyanins	bilanafos, genetic transformation 11968
genetic transformation 13573	mutations 3271	breeding 604, 1699, 11963

haseolus vulgaris cont.	Phaseolus vulgaris cont.	Phaseolus vulgaris cont.
breeding cont.	naringenin-chalcone synthase	Zabrotes subfasciatus 1708-1709, 4651-
history 1698	gene expression 608	4652, 5756, 6937, 10672
cadmium 8268	genetic engineering 608	molecular genetics 3747
calcium 4647	nitrates 10674	Zea mays, crop mixtures 5750
cells 3738 centres of origin 3738, 9478	nitrogen fixation 3741, 9476	Phenacoccus manihoti, Manihot esculenta
chlorosis 8267	induced mutations 13112	5837
chromatin, gene expression 10670	nodulation	Phenolic compounds
cold resistance	complementation 2825	Aloe 2152 Arachis hypogaea 7331
combining ability 2826	epistasis 2825 induced mutations 2825	Brassica juncea 8527
heritability 2826	nutrients 3741, 8267-8268, 11976	Cynara cardunculus 736
reciprocal effects 2826	pathogenesis-related proteins	Cynara scolymus 736
Colletotrichum lindemuthianum 3744,	gene expression 613	Daucus carota 5829, 7014
3746, 5755, 8271, 9478, 13115-	nucleotide sequences 613	Dianthus caryophyllus 6345
13116	pests, artificial selection 11977	Eleusine coracana 11769
gene mapping 6936	Phaeoisariopsis griseola 13116	Hordeum vulgare 9107
genetic markers 4650 genetics 1705, 9479	statistics 9471	Lathyrus sativus 9353 Nicotiana tabacum 11132
random amplified polymorphic DNA	phaseolin 1709	genetic transformation 4048
4650, 6936	artificial selection 1707 gene expression 10670	Olea europaea 13377
statistics 9471	genetic engineering 2823	Oryza sativa 3658
colour 11973	polymorphism 9478	Pinus sylvestris 2178
gene mapping 4646, 13111	phenylalanine ammonia-lyase, gene	Pisum sativum 9353
genetics 2822, 3739, 4646, 10675	expression 943	Prunus 13281
crop mixtures, artificial selection 9475	phosphorus 3741, 11976	Prunus armeniaca 3006
cultivars 5299, 6549, 11506	photoperiodism 13109	Prunus persica 10935 Solanum tuberosum 3793
AC Hensall 2818 Black Knight 13104	gene mapping 10671	triticale 275
Burke 13105	genetics 3740	Triticum aestivum 11643
Haibushi 5749	mathematics 3740 phytoalexins 13115	Vitis vinifera 3919, 4879
IIHR220 4649	plant embryos 9473	Zea mays 4513
Mackinac 5748	polygalacturonase	artificial selection 1534
Maverick 2819	gene expression 11512	Phenols
Negro Tacaná 1701	genetic engineering 3743, 11512	Oryza sativa, genetics 6782
Nelson 6926	proteinase inhibitors 11972	Triticum aestivum, gene location 5352
Red Hawk 5747	proteins	Triticum durum, gene location 5352 Vigna unguiculata 13145
Simba 6926	gene expression 9477	Phenylalanine ammonia-lyase
Tío Canela-75 2817	nucleotide sequences 9477	Arabidopsis thaliana, gene expression
cytokinins, mutations 10239 cytoplasmic inheritance 5751	Pseudomonas savastanoi, genetics 612	6515
cytoplasmic male sterility 11972	Pythium aphanidermatum 8272 random amplified polymorphic DNA	Glycine max 9407
gene expression 11971	9470, 9478, 10673, 11964	Hordeum vulgare, gene expression 116
mitochondrial genetics 11971	regenerative ability 11974	Lithospermum erythrorhizon
development 11976	Rhizobium 3742, 9476	gene expression 8830
diseases	ribosomal DNA, nucleotide sequences	nucleotide sequences 8830  Medicago sativa 6888
artificial selection 11977	607	Nicotiana tabacum
random amplified polymorphic DNA	ribulose-bisphosphate carboxylase	gene expression 943, 3182, 6182
drought registeres 6030	gene expression 3737 nucleotide sequences 3737	genetic engineering 8656
drought resistance 6930 artificial selection 5753	seed production 2820, 8269	genetic transformation 621, 943, 313
gene expression 611	seeds 3738, 4647, 10672, 11973	Petroselinum crispum, gene expression
nucleotide sequences 611	gene mapping 13111	7594  Phaseolus vulgaris, gene expression 94
embryo culture 9474	genetics 2822, 3739, 10675	Pinus banksiana
enzyme inhibitors, molecular genetics	statistics 9471	gene expression 9963
3747	stress	nucleotide sequences 9963
ethyl methanesulfonate 2825	gene expression 9477	Pisum sativum
flowering 13109	nucleotide sequences 9477	gene expression 621, 5759
Fusarium oxysporum 3745 gamma radiation 610, 8266, 11970,	temperature 13109 Thanatephorus cucumeris 13114	genetic engineering 621
13110, 13112	tissue culture 6930, 11974	Phenylpropanoids, Pisum sativum, gene
gene banks 9470	toxic substances 5752	expression 3753  Phialophora cinerescens, Dianthus cary-
genetic markers 9472	gene expression 6929	ophyllus 6345
genetic resources 606, 3741, 6923, 6925,	transfer RNA	Phialophora gregata
9470, 10669, 10800, 11964	gene expression 4643-4644	Glycine max 2777, 4635, 10657
geography 606	nucleotide sequences 4644	genetics 594, 3728
glycine-rich proteins	Uromyces appendiculatus 13116	germplasm releases 3728
gene expression 11967	variety classification 2820	Vigna angularis 13151
nucleotide sequences 11967 promoters 11967	DNA fingerprinting 11969 microsatellites 11969	Philodendron, taxonomy 3312, 10051 Philodendron biribiriense, taxonomy 3313
growth period, induced mutations 13110	variety trials 1699-1700, 2815-2816,	Philodendron cipoense, taxonomy 3313
habit, genetics 3739	5746, 10677, 11966	Philodendron guaraense, taxonomy 1135
heat resistance, artificial selection 5749	vascular system	Philodendron rhizomatosum, taxonomy
interspecific hybridization 2821, 2828,	gene expression 11967	3313
9473	nucleotide sequences 11967	Phleum, cytotaxonomy 4591
iron 8267	promoters 11967	Phleum pratense
isoenzymes	wide hybridization 4645	allergens, nucleotide sequences 4586
genetic variation 10673	Xanthomonas axonopodis 614-615, 4649, 5754, 6932	breeding 2686, 2690 chlorophyll 8128
genetics 2821	heritability 2827, 8270	chromosome number 6858
linkage 2821 leghaemoglobin, fluorescence in situ	Xanthomonas campestris 13113	crop mixtures 8133
hybridization 13108	yield components 609, 10674	cultivars 9297
Macrophomina phaseolina 1704	combining ability 4648	Dactylis glomerata, intergeneric hybrid
genetic markers 13117	genetic variance 11970	zation 6858
genetics 13117	genetics 3740	digestibility 9298
male sterility, gene mapping 4646	heritability 610, 1703, 5750, 8266	embryo culture 6858
morphology	induced mutations 610, 8266, 11970	forage, germplasm releases 10598 Nanna 5679
induced mutations 13110	mathematics 3740 yield correlations 2824, 10676	nutrients 8132
multivariate analysis 6923	yields 8269	variety trials 2700, 8125
mutagens 2825, 8266	,	

Photoperiodism cont. Phleum pratense cont. yields 8133 Phosphoenolpyruvate carboxylase cont. Arabidopsis thaliana cont. Glycine max gene expression 10198 gene expression 3724 Phloem, Oryza sativa, gene expression 2637 gene mapping 10184 nucleotide sequences 3724 Phlox drummondii genetic engineering 3176 Nicotiana tabacum, genetic transformation 3279 chromosome aberrations 7528 mutations 8948 flowering 4139 nucleotide sequences 10198 Picea abies, genetics 13515 germination, heritability 5106 induced mutations 7528 Arachis hypogaea Pisum sativum mutagens, phenyl mercury acetate 7528 polyploidy 4139 seedlings, heritability 5106 tissue culture 4139 gene expression 10686 mutations 10686 combining ability 903 genetic variance 903 Avena sativa, genetic engineering 3176 Brassica juncea 3965 Fragaria ananassa 4846 Prunus persica gene expression 10922 nucleotide sequences 10922 Zea mays, induced mutations 5496 Phlox paniculata, genetic transformation 11248 Glycine max 4624, 9403 genetics 9411 Phosphofructokinase, Oryza sativa, genetics Phoenix dactylifera linkage 9410
Lycopersicon hirsutum 13230
mathematics 7749 Aspergillus parasiticus 2000 cryopreservation 854 Phosphoglucomutase Pisum sativum, mutations 6943 Rosa laevigata 4128 embryo culture 8481 Nicotiana tabacum plant composition 10975 gene expression 3176 genetic transformation 3176 Zea mays pollination 8479 gene expression 12891 nucleotide sequences 12891 seeds 10975 genetic transformation 3176 mutations 951, 12399 Oryza sativa 432, 4551, 6780, 6788, 8056, 10541 gene mapping 8065 genetics 1581, 5602, 8054, 8065, tissue culture 1999, 8480 Phosphogluconate dehydrogenase variety classification, random amplified Oryza sativa 3638 polymorphic DNA 13331 Pinus, phylogeny 4089 Phoma (see also Deuterophoma; Leptosphaeria; Pleospora) Phoma medicaginis, Pisum sativum 630 Phoma terrestris, Allium cepa 1799 Zea mays, gene expression 9163, 11706 Phospholipase D 10546 Arabidopsis thaliana gene expression 3401, 4246 linkage 8065 Phaseolus vulgaris 13109 Phomopsis (see also Diaporthe) genetic engineering 3401 nucleotide sequences 4246 gene mapping 10671 genetics 3740 Glycine max 10654 Helianthus annuus 2043 molecular genetics 1284
Ricinus communis **Phomopsis asparagi,** Asparagus officinalis 5897 mathematics 3740 Poa annua 1623 7897
Phomopsis phaseoli, Avena sativa 5463
Phoracantha semipunctata, Eucalyptus globulus, heritability 11179
Phorodon humuli, Humulus lupulus 8858
Phosphate translocator
Betula pendula
gene expression 993
nucleotide sequences 993
Phosphate transporters
Arabidopsis thaliana, nucleotide sequences 2329 gene expression 4984 genetic transformation 4984 Populus, gene expression 4073 Sorghum bicolor 8014 Phospholipids, Glycine max, genetic engineering 5733 Triticum aestivum 166, 2416, 3454, 4376, 5349, 9038, 11582
genetics 206, 3457, 4375
germplasm releases 12717 Phosphoprotein phosphatase Arabidopsis thaliana gene expression 4249, 6476 pleiotropy 4377 molecular genetics 7726 mutations 7726 Triticum durum 166 germplasm releases 12717 nucleotide sequences 4249 Vigna unguiculata 8297
Zea mays 2572, 7938, 10421
Photoreceptors, Arabidopsis thaliana, induced mutations 11460 Medicago sativa sequences 2329 gene expression 6881 Lycopersicon esculentum, gene expresnucleotide sequences 6881 sion 12101 molecular genetics 28 Medicago truncatula, gene expression Photosynthesis Zea mays Aegilops 5350 gene location 288
in situ hybridization 288
Phosphoribosylformylglycinamidine cyclo-Nicotiana tabacum, genetic transforma-Amaranthus edulis, induced mutations tion 8644 2684 Amaranthus hypochondriacus, gene Zea mays ligase gene expression 4499 expression 2683 Vigna unguiculata nucleotide sequences 4499 Amaranthus tricolor, gene expression gene expression 6964 nucleotide sequences 6964 **Phosphates** 2683 Arabidopsis thaliana gene expression 72, 1309, 2350 induced mutations 7731 molecular genetics 7725 mutations 2350, 10177, 11452 Catharanthus roseus gene expression 2236 Phosphoric monoester hydrolases Hordeum vulgare 250 nucleotide sequences 2236 molecular genetics 8922 Lycopersicon esculentum **Phosphorus** gene expression 13214 Actinidia deliciosa 4901 nucleotide sequences 13214 nucleotide sequences 4504 Cajanus cajan 12013 Saccharum officinarum, in vitro selection Beta vulgaris (sugarbeet) 9849 Hordeum vulgare 3523 8600 gene expression 2088 nutrients, Triticum aestivum 7841 Phosphatidylcholine desaturase, Arabidop-sis thaliana 12641 Brassica 6082 Phaseolus vulgaris 3741, 11976 Saccharum 8591 Brassica carinata 7300 Brassica juncea 7285, 8512 Phosphatidylinositol-4-phosphate 5-kinase
Arabidopsis thaliana Saccharum officinarum 12350 Trifolium 4604 Brassica napus (rape) 8512 abscisic acid gene expression 11008 Triticum aestivum 199-200 gene expression 12656 nucleotide sequences 12656 artificial selection 9056 Triticum durum 9065 Zea mays 314 Cucumis sativus genetics 12140 drought resistance heritability 12140 gene expression 12656
nucleotide sequences 12656
Phosphinothricin acetyltransferase
genetic transformation 12610
Manihot esculenta, genetic transformation
12047 Flaveria bidentis genotype environment interaction 10483 gene expression 3280 genetic transformation 3281 induced mutations 10477 Phosphorylase gene expression 23 Solanum tuberosum, gene expression 729 Gossypium barbadense 8673 12047 Spinacia oleracea
gene expression 729
nucleotide sequences 729
Photinia, cultivars, Paradise Burgundy 4103 nucleocytoplasmic interaction 6207 Gossypium hirsutum 8673, 8683 Oryza sativa, genetic transformation 11782-11783 genetic transformation 974

Hordeum vulgare 10322

gene expression 5436

mutations 236 Phosphodiesterase Arabidopsis thaliana Photolyases gene expression 50 nucleotide sequences 50 Arabidopsis thaliana nucleotide sequences 4504
Lycopersicon esculentum gene expression 5228 Phosphoenolpyruvate carboxylase
Amaranthus edulis, induced mutations induced mutations 6486 mutations 8955 gene expression 13216 genetics 5914 2684 nucleotide sequences 5228 Flaveria pringlei
molecular genetics 3279
nucleotide sequences 5107 Lycopersicon hirsutum 10823 Medicago sativa 11906 Miscanthus 5678 Moricandia nitens, gene expression 11008 Photoperiodism Allium cepa 3810, 7032 Arabidopsis thaliana Flaveria trinervia, molecular genetics 3279

amplified fragment length polymor-

phism 10184

Photosynthesis cont.	Phyllosticta (see also Ascochyta;	Phylogeny cont.
Musa	Mycosphaerella)	Dalechampia
gene expression 7220	Phyllosticta musae, Musa 10964	chloroplast genetics 11491
tissue culture 7220	Phyllosticta oryzicola, Oryza sativa 464	ribosomal DNA 11491
Nicotiana tabacum 952, 2111, 8648	Phyllotreta cruciferae	Daucus
chloroplast genetics 4020, 13425 gene expression 6173, 8645, 11119,	Brassica juncea 887	amplified fragment length polymor-
13425	Camelina sativa 9823	phism 12046 mitochondrial genetics 12046
genetic transformation 4020, 6173,	Sinapis alba 887 Phylogeny (see also Evolution)	random amplified polymorphic DNA
7386, 8645, 11117, 12394,	Actinidia, chloroplast genetics 7213	12046
12396, 13425	Adoxa, ribosomal DNA 6316	Daucus carota
Olea europaea 8545	Aegilops speltoides, repetitive DNA 4346	amplified fragment length polymor-
Oryza sativa 458, 1579, 9248, 9281,	Agropyron, random amplified	phism 12046
11806, 11808, 12971, 12975	polymorphic DNA 8153	chloroplast genetics 5830, 9540
artificial selection 3646	Allium	mitochondrial genetics 5830, 10760
genetic transformation 4550 heritability 3647	chloroplast genetics 5879	12046 nucleotide sequences 9540
heterosis 4547, 5601, 8063, 9247	random amplified polymorphic DNA	random amplified polymorphic DNA
somaclonal variation 459	5880 restriction fragment length polymor-	12046
Picea mariana 8718	phism 5879	restriction fragment length polymor-
heterosis 12474	Allium grayi, random amplified	phism 5830
Picea rubens, heterosis 12474	polymorphic DNA 12069	Digitaria, random amplified polymorph
Pinus ponderosa 1043	Alocasia 9552	DNA 1643
Piper arieianum 4185	angiosperms	Digitaria exilis, random amplified
Piper sancti-felicis 4185	flowers 10140	polymorphic DNA 1643  Dioscorea
Pisum sativum gene expression 2839, 4657	genetic markers 3424	glucose-6-phosphate isomerase 4713
mutations 11981	Annona, restriction fragment length poly- morphism 4934	nucleotide sequences 4713
Populus 12454, 13495	Aphelandra pulcherrima, multivariate	Diospyros
Populus canescens	analysis 10049	chloroplast genetics 12260
gene expression 12453	Apioideae	restriction fragment length polymor-
genetic transformation 12453	chloroplast genetics 9540	phism 12260
Populus deltoides, gene expression 11189	nucleotide sequences 9540	Diplotaxis siifolia, repetitive DNA 3090
Populus tremuloides, heritability 11188	Aquilegia, molecular genetics 3288	Erucastrum abyssinicum, repetitive DN 3096
Saccharum 9826	Arabidopsis thaliana, cyclophilin 4242	Erucastrum gallicum, repetitive DNA
Solanum tuberosum 1765	Argyranthemum, molecular genetics 4140	3096
Sorghum bicolor 12908 gene expression 9192	Artocarpus, restriction fragment length polymorphism 3955	Eucalyptus, chloroplast genetics 7436
restriction fragment length polymor-	Asparagus, restriction fragment length	Fabaceae
phism 9192	polymorphism 4751	chloroplast genetics 569, 1670, 5723
Theobroma cacao 8632	Atractylodes	genetic markers 1670
lethals 8630	chloroplast genetics 12562	nucleotide sequences 569
triticale, heterosis 12840	restriction fragment length polymor-	Ferocactus, chloroplast genetics 6375 Fraxinus, ribosomal DNA 2162
Triticum 5350	phism 12562	Glycine, polyploidy 9437
Triticum aestivum 5350, 11628	bamboos	Gossypieae
artificial selection 5354	chloroplast genetics 4197, 7614-7615 restriction fragment length polymor-	chloroplast genetics 3198
heterosis 1406, 7801 Triticum durum 7802	phism 7614-7615	ribosomal DNA 3198
Vitis 3045-3046	Bauhinia	Gossypium 7410
Vitis champini 8449	chloroplast genetics 6250	chloroplast genetics 3198 ribosomal DNA 3198
Vitis labrusca 8449	nucleotide sequences 6250	grasses
Vitis vinifera 8449	Beta	chloroplast genetics 9299
Zea mays 1519, 7950, 11703, 11731	nucleotide sequences 9852	restriction fragment length polymor-
heterosis 4493	random amplified polymorphic DNA	phism 9299
nucleotide sequences 4504	9852 ribosomal DNA 9852	gymnosperms, ribosomal RNA 3233
Phototropism Arabidopsis thaliana	Brassica 7266	Hemerocallis, random amplified
gene expression 7720	chloroplast genetics 12287	polymorphic DNA 11261
mutations 7720	nucleotide sequences 12066, 12287	Hordeum, random amplified polymorph DNA 4445
Phthorimaea operculella	Brassica chinensis 5890	Iris 1113, 10031
Solanum berthaultii 7010	Brassica pekinensis 5890	Lathyrus 4615
Solanum pinnatisectum 7010	Bromheadia 6367	chloroplast genetics 9349
Solanum sparsipilum 7010	Bromus	Lentinula, restriction fragment length
Solanum tuberosum 7010, 8330, 12042	nucleotide sequences 2729 ribosomal DNA 2729	polymorphism 1225
genetic transformation 9539	Cantharellus, molecular genetics 5171	Liquidambar, chloroplast genetics 9959
Solanum (tuberous species) 12042  Phyllachora torrendiella, Cocos nucifera	Carmichaelia 10001	Lolium multiflorum, random amplified polymorphic DNA 9302
11041	Castanea, random amplified polymorphic	Lupinus, molecular genetics 4611
Phyllanthus emblica	DNA 10991	Magnolia 9997
genetic resources 5130	cereals, molecular genetics 7763	Malus, chloroplast genetics 3875
isoenzymes, genetic variation 5130	Chaboissaea	mathematics 129
pollination 10978	chloroplast genetics 2730	Microcitrus
self incompatibility 10978	restriction fragment length polymor-	random amplified polymorphic DN.
Phyllocnistis, Salix sericea, heritability 3223	phism 2730 Chusquea 6396	9707 restriction fragment length polymor
Phyllocnistis citrella	chloroplast genetics 4197	phism 9707
Citrus 3943, 6056	Citrus	molecular genetics 133
Glycosmis pentaphylla 3943 Murraya koenigii 3943	random amplified polymorphic DNA	monocotyledons, chloroplast genetics
Phyllody, Sesamum indicum 8585	9707	2320
Phyllonorycter salicifoliella, Salix sericea,	restriction fragment length polymor-	Nelumbo nucifera
heritability 3223	phism 9707	mitochondrial genetics 7028
Phyllostachys	Clienthus 10001	restriction fragment length polymor
phylogeny 6208	Clianthus 10001	phism 7028
mitochondrial genetics 6398	Cobaea, ribosomal DNA 10022 Coffea, chloroplast genetics 8629	Nelumbo pentapetala mitochondrial genetics 7028
random amplified polymorphic DNA	Colocasia esculenta 9552	restriction fragment length polymor
6397 taxonomy 6399	Colocasia gigantea 9552	phism 7028
Phyllostachys aurea	conifers, nucleotide sequences 11194	Nicotiana, random amplified polymorp
prolamins, nucleotide sequences 12574	Corchorus 13485	DNA 2121
taxonomy, nucleotide sequences 12574	Craterellus, molecular genetics 5171	nodulation, molecular genetics 3423

molecular genetics 1771

Phylogeny cont.	Phylogeny cont.	Phytoene synthase cont.
Nothofagus 1022	Viceae, gynoecium 2773	Oryza sativa cont.
nucleotide sequences 8902	Vicia 1661	genetic transformation 390
Orchidaceae 5126	Vigna, random amplified polymorphic	Sinapis alba, gene expression 889
	DNA 6976	Phytolacca americana
Orchis (260)		antiviral proteins
chloroplast genetics 6368	Xanthosoma 9552	gene expression 3325, 7588
restriction fragment length polymor-	Physalis, cultivars 11506	
phism 6368	Physalospora (see also Botryosphaeria;	genetic engineering 2123
Oryza 6819	Glomerella)	nucleotide sequences 3325, 7588
restriction fragment length polymor-	Physalospora piricola, Malus pumila 4794	proteins, nucleotide sequences 10064
	Physiology	ribosome-inactivating proteins 12700
phism 449		RNA 12700
Oryza sativa	books 10113	
isoenzymes 5615	gene mapping, conferences 2273	Phytoliths, Oryza sativa 2664
polymerase chain reaction 385	molecular genetics, conferences 10101	Phytophthora
restriction fragment length polymor-	Triticum aestivum 4374	Eucalyptus marginata 9944
phism 385	Physopella zeae, Zea mays 6722	Lycopersicon esculentum 7082
	Phytase, Hordeum vulgare 7882	Malus pumila 8415
Oxalis, nucleotide sequences 12068		Nicotiana tabacum, gene expression 864
Oxalis tuberosa, nucleotide sequences	Phytic acid	
12068	Hordeum vulgare	Theobroma cacao 3161
Paeonia, chloroplast genetics 1095	amplified fragment length polymor-	combining ability 12373
Pelargonium	phism 11668	heritability 12373
chloroplast genetics 12507	gene mapping 11668	Phytophthora cactorum, Fragaria ananassa
nucleotide sequences 12507	linkage 11668	4865-4866, 12223
Phaseolus	mutations 11668	Phytophthora capsici
chloroplast genetics 11975	triticale 10272	Capsicum 5957
restriction fragment length polymor-	Triticum aestivum 10272	Capsicum annuum 1846, 2971, 12126,
phism 11975	Phytoalexins	13236
Phyllostachys	Arabidopsis thaliana, mutations 1327	genetics 5956
mitochondrial genetics 6398	Avena sativa, gene expression 2522	male sterility 4785
random amplified polymorphic DNA	Cicer arietinum 4670, 6954	nucleocytoplasmic interaction 4785
6397	Glycine max	techniques 3852
Picea abies, heat shock proteins 7481	gene expression 13088	Citrullus lanatus 12132
Pinus, phosphogluconate dehydrogenase	genetic engineering 13088	Cucumis 12132
4089	Petroselinum crispum, gene expression	Cucurbita 12132
	1207	Piper nigrum
Pithecellobium elegans, repetitive DNA		
8712	Phaseolus vulgaris 13115	in vitro selection 8852
Platanus acerifolia, random amplified	Vigna unguiculata 5787	somaclonal variation 8852
polymorphic DNA 8713	Phytochrome	Theobroma cacao 8633
Platanus densicoma, random amplified	Adiantum capillus-veneris	Phytophthora cinnamomi
polymorphic DNA 8713	gene expression 1292	Banksia 13527
Poaceae	genetic engineering 1292	Persea americana, artificial selection
		1998
chloroplast genetics 485	Arabidopsis thaliana 3396	
nucleotide sequences 485	gene expression 65, 2352, 6499,	Phytophthora clandestina, Trifolium subter
population genetics 8980	10187, 11441	raneum 549, 5701, 10620
Potentilla	gene mapping 73, 11441	Phytophthora colocasiae, Colocasia
nucleotide sequences 12506	genetic engineering 3176	esculenta 2913-2915, 7023
ribosomal DNA 12506	genetic transformation 1292	Phytophthora drechsleri, Cajanus cajan
		1737
Pseudopanax, molecular genetics 5142	genetics 8949	
Psilanthus, chloroplast genetics 8629	mutations 65, 73, 75, 1306, 1311,	Phytophthora fragariae
Quercus 11181	3402, 4266, 8949, 10187, 11441	Fragaria, genetics 1934
chloroplast genetics 2159	Avena sativa	Fragaria ananassa 4867-4868
Raphanus, nucleotide sequences 12066	gene expression 4470	genetics 4862
Raphanus raphanistrum, random ampli-	genetic engineering 3176, 3534,	random amplified polymorphic DNA
		4863
fied polymorphic DNA 12065	4073, 4470	
Raphanus sativus, random amplified	gene expression, reviews 36	Fragaria vesca 4864
polymorphic DNA 12065	Lycopersicon esculentum	Phytophthora infestans
reviews 2380, 5290	gene expression 5912, 9591	Lycopersicon esculentum
Rhododendroideae, nucleotide sequences	nucleotide sequences 10808	gene mapping 7081
1066	Nicotiana plumbaginifolia	genetic transformation 5925
Rhododendron, nucleotide sequences	genetics 3177	genetics 8324
8743		
	mutations 3177	restriction fragment length polymor-
Rubus	Nicotiana tabacum	phism 7081
chloroplast genetics 6015	gene expression 3176, 12383	Lycopersicon hirsutum 13226
nucleotide sequences 6015	genetic transformation 3176, 3534,	Lycopersicon pennellii
Saintpaulia, nucleotide sequences 1094	4470, 9890, 12383	gene mapping 7081
Sambucus, ribosomal DNA 6316	mutations 12399	restriction fragment length polymor-
Solanum	Oryza sativa, gene location 12934	phism 7081
amplified fragment length polymor-	Pisum sativum, induced mutations 623	
phism 6995		Lycopersicon pimpinellifolium 13226
	Populus	gene mapping 7081
chloroplast genetics 1766-1767, 2964	gene expression 4073	restriction fragment length polymor-
Solanum melongena, chloroplast genetics	genetic transformation 4073	phism 7081
2964	Sorghum bicolor, mutations 8015	Solanum 3794
Solanum (tuberous species), chloroplast	Phytoene desaturase	Solanum bulbocastanum 691, 9534
genetics 1768	Arabidopsis thaliana	
Streptocarpus, nucleotide sequences 1094		Solanum phureja 1777
	gene expression 889, 11440	Solanum pinnatisectum 691
Stylosanthes	mutations 11440	Solanum tuberosum 691, 1775-1776,
chloroplast genetics 11919	Oryza sativa, gene expression 1590	1778, 2883-2884, 5806-5807, 700
genetic markers 3701	Sinapis alba, gene expression 889	8322-8323, 8325-8326, 9534,
random amplified polymorphic DNA	Zea mays	12038-12039, 13169-13171
3701, 11919	gene expression 4503	
Swainsona 10001		amplified fragment length polymor-
symbiosis, molecular genetics 3423	mutations 4503	phism 10749, 13172
	Phytoene synthase	artificial selection 4697
Theobroma cacao, random amplified	Arabidopsis thaliana, gene expression	gene expression 692, 3795, 4696
polymorphic DNA 8631	889	gene mapping 10749, 13172
Triticeae, nucleotide sequences 1370	Lycopersicon esculentum	genetic engineering 5805
Triticum	gene expression 7057	
repetitive DNA 4346		genetic transformation 4696
restriction fragment length polymor-	genetic transformation 7057	genetics 693-694, 8324
	Narcissus pseudonarcissus, genetic engi-	germplasm releases 7002
phism 196	neering 390	in vitro selection 9533
Triticum boeoticum, amplified fragment	Oryza sativa	linkage 1771
length polymorphism 2454	gene expression 390, 1590	molecular genetics 1771

hytophthora infestans cont.	Picea abies cont.	Picea sitchensis cont.
Solanum tuberosum cont.	Heterobasidion annosum, heritability	quantitative traits
nucleotide sequences 692, 3795		
	11206	artificial selection 12476
Solanum (tuberous species) 12036	homeotic genes	heritability 2180
hytophthora medicaginis, Medicago sativa	gene expression 13513	regenerative ability 11205
3693, 8197, 9325	genetic engineering 13513	roots 12477
hytophthora megakarya		
	induced mutations 9981	tissue culture 5078
Theobroma cacao	linkage 1045	waterlogging 12477
gene mapping 4017	microsatellites 3242	Pieris brassicae
genetics 4017	molecular genetics, mathematics 9974	Brassica 3101
hytophthora megasperma, Medicago	ozone 9982, 13514	Brassica oleracea (cauliflowers), genetic
sativa, artificial selection 8170	polyamines, embryo culture 7479	transformation 5199
hytophthora nicotianae	provenance trials 2179, 6278, 6295, 7476	Pigeonpea sterility mosaic virus
Capsicum annuum 1846		Cajanus cajan 658, 2851
	quality	
Citrus 6054	genetics 7480	combining ability 6960
Lycopersicon esculentum 1832	genotype environment interaction	genetics 659, 1738, 8289, 8293
Nicotiana tabacum 6183, 11133	7480	Pimpinella anisum, somatic embryogenesis
gene expression 11134		10065
	random amplified polymorphic DNA	
genetic transformation 5022, 11134	1045	Pinellia ternata, morphology, genetic vari-
genetics 3184	regenerative ability 11205	ance 5137
Phytophthora palmivora	resins, heritability 1047	Pinguicula orchidioides, taxonomy 13565
Durio 10981	roots 5077	Pinosylvin synthase, Pinus sylvestris, gene
		expression 12472
Theobroma cacao 933, 2098, 4016, 8633	seed production 6294	
gene mapping 4017	somatic embryogenesis 1026, 7478,	Pinus
genetics 934, 4017	12475	chemotaxonomy 9971
heritability 934		chromosome morphology 9962, 9967
heritability 934	stilbenes 9979	
Phytophthora sojae	thinning 6295	chromosome number 6279
Glycine max 2780-2781, 2805, 3708,	tissue culture 7478, 9977	embryo culture 8716
3710-3712, 3729, 5742-5743, 8258-	ultraviolet radiation 9978	evolution 1041
		fatty acids, multivariate analysis 9971
8259, 9368-9369, 9450, 10632-	wood properties	
10633	artificial selection 6293	genomes 1041
gene mapping 2806	heritability 1048	interspecific hybridization 9967
		genetic markers 5069
genetic markers 2806	yield correlations 6294	
genetics 5741, 9451-9452, 13093	Picea chihuahuana	phosphogluconate dehydrogenase, phy-
germplasm releases 10652	isoenzymes	logeny 4089
heritability 9452		ribosomal RNA, restriction fragment
	genetic drift 6292	length polymorphism 5069
molecular genetics 9376	genetic markers 6292	
restriction fragment length polymor-	heterozygosity 6292	taxonomy 3237, 6287
phism 5741	Picea echinata, isoenzymes, genetic varia-	Pinus albicaulis, isoenzymes, genetic varia-
Chaine asia 2005		tion 11199
Glycine soja 2805	tion 12469	Pinus attenuata, isoenzymes, genetic varia-
Petroselinum crispum, gene expression	Picea glauca	
1206-1207	abscisic acid	tion 7469
Phytophthora vignae, Vigna unguiculata		Pinus banksiana
	gene expression 8717	carbon dioxide 1036
5787	genetic transformation 11202	chloroplast genetics, statistics 1030
Phytoplasmas	gene banks 13501	
Prunus domestica 7154	genetic transformation 3372	climate 1036
		DNA 5071
Prunus salicina 7154	growth regulators	mitochondrial genetics, statistics 1030
Prunus virginiana 10906	gene expression 8717	
Phytosterols	genetic transformation 11202	phenylalanine ammonia-lyase
Durania wanus (mana) 10000		gene expression 9963
Brassica napus (rape) 10998	injuries 13516	nucleotide sequences 9963
Dioscorea balcanica, tissue culture	Pissodes strobi 13516	temperature 1036
12058	polyamines 9980	
Glycine max 10998	somatic emb vogenesis	Pinus brutia
		altitude 2174
Helianthus annuus 10998	gene expression 8717	chemotaxonomy 2176
Picea	genetic transformation 11202	
chromosome morphology 9962	tissue culture 9980	development, heritability 2171
thromosome morphology 7702		flavonoids, chemotaxonomy 3238
chromosome number 6279	Picea mariana	interspecific hybridization 2176, 7468
protein kinase, nucleotide sequences	development, heterosis 12474	isoenzymes, genetic variation 2172, 2174
6291	drought resistance 8718	
Picea abies		seedlings, multivariate analysis 12470
	genetic markers, linkage 11203	terpenoids 2176
air pollution 9981-9982, 13514-13515	gynoecium	Pinus caribaea
amplified fragment length polymorphism	gene expression 13512	development
7477	genetic engineering 13512	
		genetics 12460
artificial selection 13511	nucleotide sequences 13512	heritability 12460
mathematics 5076	homeotic genes	isoenzymes, inbreeding 6282
cell division 9977-9978	gene expression 13512	Pinus cembra, provenance trials 4083
chromosome aberrations 9981-9982,	genetic engineering 13512	
		Pinus clausa, isoenzymes, genetic variation
13514	nucleotide sequences 13512	5073
chromosome banding 9976	interspecific hybridization 12474	Pinus contorta
chromosome morphology 9975	random amplified polymorphic DNA	chloroplast genetics, statistics 1030
cryopreservation 11205	1046	cold resistance 4090
development, heritability 1048	photosynthesis 8718	mitochondrial genetics, statistics 1030
DNA fingerprinting 7477	heterosis 12474	quantitative traits
flavonois 0070	water balance 8718	
flavonols 9979		genotype environment interaction
gene mapping 1045, 11204	Picea omorika, chromosome banding 9976	2177
genetic markers 3242, 12473	Picea rubens	heritability 2177
	development, heterosis 12474	yield correlations 7474
genetic resources 6257		
genetics	interspecific hybridization 12474	Pinus densiflora, stilbene synthase, nucleo-
isoenzymes 13515	random amplified polymorphic DNA	tide sequences 6284
phosphoenolpyruvate carboxylase	1046	Pinus echinata
13515	photosynthesis, heterosis 12474	interspecific hybridization 1035
germination 9978	Picea sitchensis	isoenzymes
gynoecium	cryopreservation 11205	gene mapping 5070
5J110001um 12512		
gene expression 13513	Elatobium abietinum, heritability 8719	linkage 5070
genetic engineering 13513	Pissodes strobi 13517	Pinus eldarica
	provenance trials 4094	Dioryctria sylvestrella 6290
heat shock proteins		flavonoids, chemotaxonomy 3238
gene expression 7481	quality	
nucleotide sequences 7481	genetics 7480	Pinus elliottii
phylogeny 7481	genotype environment interaction	breeding 1028, 8861
1 -i-ht swificial calcution 6202	7480	clonal variation 1028
height, artificial selection 6293	7 100	

Pinus alliottii cont		mt do a dia a cont
Pinus elliottii cont.	Pinus radiata cont.	Pinus taeda cont.
genotype environment interaction 1042	cellulase cont.	cell culture 9968
Pinus flexilis	nucleotide sequences 8715	cell division 9968
gene flow	development	Cronartium fusiforme
chloroplast genetics 1033	gene expression 11196, 11198	genetic markers 4092
mitochondrial genetics 1033	genetic engineering 11196	genetics 4092
random amplified polymorphic DNA	gene banks 13501	development, artificial selection 1029
1033	genetic transformation 8714	drought resistance
Pinus greggii, isoenzymes, genetic variation	β-glucanase	gene expression 4091
7471	gene expression 8715	nucleotide sequences 4091
Pinus halepensis	nucleotide sequences 8715	gene mapping, techniques 12463
chemotaxonomy 2176	inbreeding depression 9966	genetic markers 13504
flavonoids, chemotaxonomy 3238	lethals 9966	genetic resources 1027
flowering, heritability 4088	microsatellites 11195	genetic variation 1027, 1032
interspecific hybridization 2176, 7468	provenance trials 12461	habit, heritability 7470
isoenzymes, genetic variation 6285	sterility, genetic transformation 13506	height
seed orchards 4088	wood properties 1038	artificial selection 1029, 11200
seeds, heritability 12466	heritability 1039	heritability 7470
terpenoids 2176	Pinus resinosa	interspecific hybridization 1035
Pinus kesiya, isoenzymes, genetic variation	chloroplast genetics 11197	plant composition 1040
7473	microsatellites 11197	somatic embryogenesis 1026
Pinus koraiensis, DNA 12464	population genetics 11197	tissue culture 6286
Pinus leucodermis	Pinus rzedowskii, ribosomal DNA, restric-	wood properties 1040
genetic resources 3235	tion fragment length polymorphism	xylem
population genetics 3235	7467	gene expression 13503
random amplified polymorphic DNA	Pinus strobus	nucleotide sequences 13503
3235	isoenzymes	Pinus thunbergii, isoenzymes, genetic varia-
Pinus massoniana, yields, clonal variation	genetic variation 5072	tion 2173
12465	heterozygosity 5072	Pinus torreyana, gene banks 13501
Pinus maximinoi, nomenclature 13507	polymorphism 12467	Pinus uncinata
Pinus monticola	population genetics 12467	chemotaxonomy 3239
Cronartium ribicola 3241	Pinus sylvestris	flavonoids 3239
pathogenesis-related proteins 3241	air pollution 3240, 9972-9973	Pinus virginiana, isoenzymes, genetic varia-
Pinus mugo	genetics 13508	
chemotaxonomy 3239	anatomy, induced mutations 9935	tion 5073
flavonoids 3239	buds 12471	Pinus washoensis, isoenzymes, inbreeding
interspecific hybridization 4086	cell division 9970	depression 4084
Pinus nigra	chemotaxonomy 3239	Piper arieianum
air pollution 9972	Chionaspis pinifoliae 6289	light 4185
chromosome aberrations 9965, 9972	chromosome aberrations 9935, 9970,	photosynthesis 4185
cryopreservation 4085	9972-9973	Piper betle, Fusarium solani 2244
gene expression 9964	chromosome morphology 9969	Piper longum
genetic transformation 9964-9965	chromosome pairing 9970	random amplified polymorphic DNA
isoenzymes, genetic variation 1037	cinnamyl-alcohol dehydrogenase, gene	7592, 8845
polymorphism, isoenzymes 12468	expression 12472	somaclonal variation 7592, 8845
seeds 4085	cold resistance 5074, 12471	tissue culture 8845
somatic embryogenesis 4082	cryopreservation 4085	Piper methysticum
storage, seeds 4085	cvtochrome-c oxidase	biotechnology 12703
storage, seeds 4085  Pinus oocarpa	cytochrome-c oxidase mitochondrial genetics 7475	genetic resources 9507
Pinus oocarpa	mitochondrial genetics 7475	genetic resources 9507  Piper nigrum
Pinus oocarpa development	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymor-	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593
Pinus oocarpa development genetics 12460	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymor- phism 7475	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145-
Pinus oocarpa development genetics 12460 heritability 12460	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymor- phism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289	genetic resources 9507  **Piper nigrum* genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146
Pinus oocarpa development genetics 12460 heritability 12460 Pinus patula	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145-
Pinus oocarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution	genetic resources 9507  **Piper nigrum* genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146
Pinus oocarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146 Phytophthora capsici
Pinus oocarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymor-	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146 Phytophthora capsici in vitro selection 8852
Pinus oocarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146 Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460 Pinus pinaster chemotaxonomy 9971	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146 Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus,
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146 Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326 Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185 Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expres-	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chlorophyll, gene expression 4081 chlorophyla genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185 Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chlorophyll, gene expression 4081 chlorophast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175 Pinus pinea	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175 Pinus pinea gene expression 9964	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175  Pinus pinea gene expression 9964 genetic transformation 9964	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201 random amplified polymorphic DNA 7466	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493 variety trials 13345
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175 Pinus pinea gene expression 9964 genetic transformation 9964 isoenzymes, genetic variation 4087	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201 random amplified polymorphic DNA 7466 repetitive DNA 7466	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493 variety trials 13345 Pisum sativum
development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chlorophyll, gene expression 4081 chlorophyll gene expression 4081 chlorophyll gene expression 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175  Pinus pinea gene expression 9964 genetic transformation 9964 isoenzymes, genetic variation 4087 Pinus ponderosa	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201 random amplified polymorphic DNA 7466 repetitive DNA 7466 Schizolachnus pineti 13510	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493 variety trials 13345 Pisum sativum ACC oxidase, gene expression 10685
Pinus oocarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175 Pinus pinea gene expression 9964 genetic transformation 9964 isoenzymes, genetic variation 4087 Pinus ponderosa air pollution, mathematics 1044	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201 random amplified polymorphic DNA 7466 repetitive DNA 7466 Schizolachnus pineti 13510 seedlings 5074	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493 variety trials 13345  Pisum sativum ACC oxidase, gene expression 10685 ACC synthase
Pinus occarpa development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175 Pinus pinea gene expression 9964 genetic transformation 9964 isoenzymes, genetic variation 4087 Pinus ponderosa air pollution, mathematics 1044 drought resistance 1043	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201 random amplified polymorphic DNA 7466 repetitive DNA 7466 Schizolachnus pineti 13510 seedlings 5074 seeds 4085	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493 variety trials 13345  Pisum sativum ACC oxidase, gene expression 10685 ACC synthase gene expression 10681
development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175 Pinus pinea gene expression 9964 genetic transformation 9964 isoenzymes, genetic variation 4087 Pinus ponderosa air pollution, mathematics 1044 drought resistance 1043 ozone, mathematics 1044	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201 random amplified polymorphic DNA 7466 repetitive DNA 7466 Schizolachnus pineti 13510 seedlings 5074 seeds 4085 self compatibility, linkage 6283	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493 variety trials 13345  Pisum sativum  ACC oxidase, gene expression 10685 ACC synthase gene expression 10681 nucleotide sequences 10681
development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175 Pinus pinea gene expression 9964 genetic transformation 9964 isoenzymes, genetic variation 4087 Pinus ponderosa air pollution, mathematics 1044 drought resistance 1043 ozone, mathematics 1044 photosynthesis 1043	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201 random amplified polymorphic DNA 7466 repetitive DNA 7466 Schizolachnus pineti 13510 seedlings 5074 seeds 4085 self compatibility, linkage 6283 storage, seeds 4085	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493 variety trials 13345  Pisum sativum ACC oxidase, gene expression 10685 ACC synthase gene expression 10681 nucleotide sequences 10681 actin, gene expression 5761
development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175  Pinus pinea gene expression 9964 genetic transformation 9964 isoenzymes, genetic variation 4087  Pinus ponderosa air pollution, mathematics 1044 drought resistance 1043 ozone, mathematics 1044 photosynthesis 1043 provenance trials 6281	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201 random amplified polymorphic DNA 7466 repetitive DNA 7466 Schizolachnus pineti 13510 seedlings 5074 seeds 4085 self compatibility, linkage 6283 storage, seeds 4085 Pinus taeda	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493 variety trials 13345  Pisum sativum ACC oxidase, gene expression 10685 ACC synthase gene expression 10681 actin, gene expression 5761 albumins, gene expression 13120
development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175 Pinus pinea gene expression 9964 genetic transformation 9964 isoenzymes, genetic variation 4087 Pinus ponderosa air pollution, mathematics 1044 drought resistance 1043 ozone, mathematics 1044 photosynthesis 1043 provenance trials 6281 temperature 6281	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201 random amplified polymorphic DNA 7466 repetitive DNA 7466 Schizolachnus pineti 13510 seedlings 5074 seeds 4085 self compatibility, linkage 6283 storage, seeds 4085 Pinus taeda abscisic acid	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493 variety trials 13345  Pisum sativum  ACC oxidase, gene expression 10681 nucleotide sequences 10681 actin, gene expression 5761 albumins, gene expression 13120 alcohol dehydrogenase
development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175  Pinus pinea gene expression 9964 genetic transformation 9964 isoenzymes, genetic variation 4087  Pinus ponderosa air pollution, mathematics 1044 drought resistance 1043 ozone, mathematics 1044 photosynthesis 1043 provenance trials 6281	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201 random amplified polymorphic DNA 7466 repetitive DNA 7466 Schizolachnus pineti 13510 seedlings 5074 seeds 4085 self compatibility, linkage 6283 storage, seeds 4085 Pinus taeda abscisic acid gene expression 4091	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493 variety trials 13345  Pisum sativum ACC oxidase, gene expression 10685 ACC synthase gene expression 10681 nucleotide sequences 10681 actin, gene expression 5761 albumins, gene expression 13120 alcohol dehydrogenase gene expression 10158
development genetics 12460 heritability 12460  Pinus patula development genetics 12460 heritability 12460  Pinus pinaster chemotaxonomy 9971 chlorophyll, gene expression 4081 chloroplast genetics 13505 drought resistance, gene expression 13509 fatty acids, multivariate analysis 9971 gene mapping 2170 genetic markers 2170 glutamate-ammonia ligase, gene expression 4081 glutamate synthase, gene expression 4081 habit, heritability 2175 isoenzymes, genetic variation 3236 Melampsora populnea 5075 microsatellites 13505 proteins 7472 provenance trials 3234 random amplified polymorphic DNA 2170 tropisms, heritability 2175  Pinus pinea gene expression 9964 genetic transformation 9964 isoenzymes, genetic variation 4087  Pinus ponderosa air pollution, mathematics 1044 drought resistance 1043 ozone, mathematics 1044 photosynthesis 1043 provenance trials 6281 temperature 6281  Pinus radiata	mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 Dioryctria zimmermanni 4093, 6289 Eulachnus agilis 13510 evolution mitochondrial genetics 7475 restriction fragment length polymorphism 7475 flavonoids 3239 genetic distance 1031 height 11201 induced mutations 9973 interspecific hybridization 4086 isoenzymes genetic markers 1034 genetic variation 1034 linkage 6283 mutations 3240 stress 3240 Leptographium wingfieldii 2178 Lygus rugulipennis 13510 Melampsora populnea 6288 monoterpenes 4093 Neodiprion sertifer 6289 ozone, gene expression 12472 phenolic compounds 2178 pinosylvin synthase, gene expression 12472 provenance trials 6278, 11201 random amplified polymorphic DNA 7466 repetitive DNA 7466 Schizolachnus pineti 13510 seedlings 5074 seeds 4085 self compatibility, linkage 6283 storage, seeds 4085 Pinus taeda abscisic acid	genetic resources 9507  Piper nigrum genetic transformation 13593 morphology, multivariate analysis 5145- 5146  Phytophthora capsici in vitro selection 8852 somaclonal variation 8852 variety trials 3326  Piper sancti-felicis light 4185 photosynthesis 4185  Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 13493  Pissodes strobi Picea glauca 13516 Picea sitchensis 13517  Pistacia, isoenzymes, variety classification 6072  Pistacia lentiscus parthenocarpy 10995 pollen competition 7261 reproduction 10995 sex 7261 water balance 10995  Pistacia vera genetic resources 6071 random amplified polymorphic DNA 8493 tissue culture 3961 variety classification 8493 variety trials 13345  Pisum sativum  ACC oxidase, gene expression 10681 nucleotide sequences 10681 actin, gene expression 5761 albumins, gene expression 13120 alcohol dehydrogenase

Pisum sativum cont.	Pisum sativum cont.	Pisum sativum cont.
anthocyanins	flowers cont.	methyltransferases
gene expression 4655	induced mutations 10687	gene expression 1721
genetic transformation 10367	linkage 10687	nucleotide sequences 1721
mutations 4655	forage 11988	metribuzin 4663
ascorbate peroxidase, nucleotide sequences 43	artificial selection 11987 β-fructofuranosidase	mitochondrial genetics 6940, 8274
aspartate aminotransferase 10691	gene expression 1711	mutagens 629, 2842, 10683, 10687 mycorrhizas
aspartate-ammonia ligase, gene expres-	nucleotide sequences 1711	gene expression 625, 13126
sion 2832	fruits	nucleotide sequences 625, 13126
binding proteins, mitochondrial genetics	genetics 6945, 8278	Mycosphaerella pinodes 4661
9485	induced mutations 10687	naringenin-chalcone synthase 4658
breeding 616, 2829	linkage 10687	gene expression 631
carbohydrates 568	mutations 8278	nucleotide sequences 631
carboxy-lyases	fungi	neutron radiation 10683
gene expression 1715 nucleotide sequences 1715	gene expression 13126	nicotinamide 4658
cell cycle	nucleotide sequences 13126 Fusarium oxysporum 13125	nitrogenase, genetics 2843 nodulation 5763, 9491
gene expression 6944	Fusarium solani 630	gene expression 4659
nucleotide sequences 6944	gamma radiation 10683	genetics 2843, 3759
cell division	gene expression	germplasm releases 10690
gene expression 3750	chlorophyll a/b binding protein 626	induced mutations 629, 2842
nucleotide sequences 3750	light 626	mutations 3759, 6948
cells, molecular genetics 1717	gene mapping 2831, 4654	nodulins 5722
cereals, crop mixtures 2829	genetic markers 1713, 4654	gene expression 13124
chlorophyll, mutations 11981 chlorophyll <i>a/b</i> binding protein	genetics leaves 2841	nuclei, techniques 8276
gene expression 480	nitrogen 2841	nutritive value 3758 peptides, chromatin 11979
genetic engineering 480	nutrients 2841	phenolic compounds 9353
choline-phosphate cytidylyltransferase	germplasm releases 2830	phenylalanine ammonia-lyase
gene expression 9488	gibberellin dioxygenase, nucleotide	gene expression 621, 5759
nucleotide sequences 9488	sequences 620	genetic engineering 621
Chromatomyia horticola 10693, 13127	gibberellins	phenylpropanoids, gene expression 375
chromosome pairing 2831	genetics 8278	Phoma medicaginis 630
chromosome translocation 2834, 11980	mutations 2836, 3754, 8278, 13123	phosphoenolpyruvate carboxylase
cold resistance	Gigaspora margarita, gene expression 13124	gene expression 10686
gene expression 4660 nucleotide sequences 4660	Glomus mosseae	mutations 10686 phosphoglucomutase, mutations 6943
colour	gene expression 625	photosynthesis
gene location 624	nucleotide sequences 625	gene expression 2839, 4657
techniques 628	glucans	mutations 11981
cryopreservation, techniques 8281	gene expression 9489	phytochrome, induced mutations 623
cultivars 5299, 8234	nucleotide sequences 9489	plant composition 568
Crown 9481	glutathione 4658	plastocyanins
DSIR128-5 9484	glutathione peroxidase, nucleotide	gene expression 622, 10237
DSIR173-1 9483	sequences 5760 glutathione reductase	genetic engineering 622
Granger 5758 King 9483	gene expression 1716	nucleotide sequences 10237 pleiotropy, leaves 2841
Magnet 9484	nucleotide sequences 1716	pollen germination 2835
Perla 11987	glycine decarboxylase	poly(A) polymerase
Sachulwandu 9482	gene expression 9486	gene expression 11978
Seko 2384	nucleotide sequences 9486	nucleotide sequences 11978
Trounce 6939	growth regulators 9491	proteins
cycloartenol synthase	mutations 2836, 8277, 13123	gene expression 3749, 9489
gene expression 1712	habit, mutations 8277	molecular genetics 1717
nucleotide sequences 1712	height 11982 herbicides 4663	nucleotide sequences 3749, 9489 polymorphism 2837
dehydrins genetics 10692	heterosis 6942	protochlorophyllide reductase, genetic
nucleotide sequences 10692	Hordeum vulgare, crop mixtures 2829	engineering 1720
development	β-hydroxylase	quality 5763, 6947, 10689
gene expression 10685	genetics 2836	random amplified polymorphic DNA
genetics 2390, 8278	nucleotide sequences 2836	6946, 11983
mutations 2390, 2838, 3754, 8278	IAA	red clover vein mosaic carlavirus 5766
diethyl sulfate 10687	genetics 8278	repetitive DNA 1713 Rhizobium
DNA binding proteins	mutations 8278 ideotypes 11988	gene expression 4659, 13124
gene expression 10682 nucleotide sequences 3753, 10682	in vitro culture 6942	germplasm releases 10690
DNA methyltransferase	induced mutations 10683	ribosomal DNA
gene expression 6941	isoenzymes 10691, 11983	fluorescence in situ hybridization 6
nucleotide sequences 6941	leaves	restriction fragment length polymor
dominance, quality 627	genetics 2390	phism 3748
dormancy	induced mutations 10687	ribulose-bisphosphate carboxylase, gen
gene expression 11985	linkage 10687	expression 2833
nucleotide sequences 11985	mutations 2390, 2838	RNA binding proteins, nucleotide sequences 13121
drought resistance 3706-3707	lectins, genetic engineering 472	RNA polymerase, molecular genetics
enzymes 3752 Erysiphe pisi 3760, 4662, 8283	leghaemoglobin 3751 legumin	13122
genetics 2844	gene expression 10688	roots
Erysiphe polygoni 5765	genetic engineering 4554	gene expression 3750
ethyl methanesulfonate 629	mutations 10688	nucleotide sequences 3750
farnesyl-diphosphate farnesyltransferase	light	salinity, mitochondrial genetics 8282
gene expression 1714	induced mutations 623	seeds 2830
genetic engineering 1714	mutations 1718	gene expression 1715, 4656
ferredoxin	nucleotide sequences 13118	genetics 10688 mutations 3754, 6943
gene expression 3757, 8275	malate dehydrogenase gene expression 4653	nucleotide sequences 1715
genetic engineering 3757	genetic engineering 4653	storage 2772
flowering genetics 3756	metallothionein, gene expression 5764	senescence
mutations 3756	methionine adenosyltransferase, gene	gene expression 6944
flowers	expression 11984	nucleotide sequences 6944
gene expression 3753	N-methyl-N-nitrosourea 10687	somaclonal variation 6946

Pisum sativum cont.	Plant composition cont.	Plant introduction cont.
source sink relations 3752	Zea mâys cont.	fodder plants, books 2283
stability 11988	genetics 10476	Fragaria ananassa 3027
starch 3752	heterosis 10476	Glycine max 1675
mutations 6943	Zingiber officinale 11335	herbage crops 482
starch synthase	Plant disorders	history 12593, 12694-12696
gene expression 3755	Ananas comosus 3947	Ipomoea batatas 3802
mutations 3755, 8279	Cucumis melo, cytoplasmic inheritance	ornamental woody plants 9992
nucleotide sequences 8279	1861	Passiflora edulis 4930
stress 10691	Daucus carota 5828	Passiflora quadrangularis 4930
sulfur, gene expression 13120	Glycine max, genetics 3717	Pennisetum glaucum 12917
tannins 9353	Lycopersicon esculentum 3844	Quercus petraea, genetic markers 5056 Quercus robur, genetic markers 5056
taxonomy 2830	heritability 7088	Sorghum bicolor 12917
thioredoxins	Oryza sativa 2662, 4558	Trifolium repens 5696
gene expression 1719	Poncirus trifoliata 1990	Triticum aestivum 8998
nucleotide sequences 1719	Prunus persica 8418, 8435	Triticum dicoccum 9001
topoisomerase	Prunus (plums) 8418 Solanum tuberosum 5809	Triticum spelta 9001
gene expression 10684	Triticum durum 12748	Plant pigments
nucleotide sequences 10684	Zea mays, nucleotide sequences 11739	Lycopersicon esculentum, mutations
transposable elements, nucleotide sequences 9487	Plant embryos 1360	13212
trypsin inhibitors	Arabidopsis thaliana	Pelargonium 13525
gene expression 4656, 13119	gene expression 2346, 7715-7716,	Plantago lanceolata, cultivars, Grasslands
genetic transformation 13119	7718, 10171, 10193, 11434,	Lancelot 2694
ultraviolet radiation 4658	11444	Plantago lessingi
gene expression 2839	genetic transformation 7718, 10171	chromosome morphology 6378
variety classification 11983	induced mutations 12635	polyploidy 6378
polymorphism 2837	lethals 6492	Plantago major, taxonomy, molecular gene
variety trials 617-618, 1710, 5757, 10680	mutations 2346, 3395, 6492, 6501,	ics 6384
vicilin	7716, 12632	Plantago ovata
gene expression 10688	nucleotide sequences 7715-7716,	aneuploidy 12556
mutations 10688	12635	cultivars, Niharika 13608
yield components	Avena fatua	Planting date
combining ability 11986	gene expression 1475	Abelmoschus esculentus 3866
genetic variance 5762	nucleotide sequences 1475	Colocasia esculenta 708
heritability 8280	Brassica campestris 8509	Plants
heterosis 9490	Brassica juncea 8509	gene expression 1282
multivariate analysis 2840	Brassica napus (rape) 8509, 12280	transcription 1282
yield correlations 11982	Citrus aurantium 12254	Plasmodiophora brassicae
Pithecellobium elegans, phylogeny, repeti-	Coffea arabica, cryopreservation 9858	Arabidopsis thaliana, genetic transform
tive DNA 8712	Crambe abyssinica 8509	tion 5262
Pithecellobium scalare, tissue culture 2169	Daucus carota	Brassica campestris 3801
Plagiodera versicolora, Populus, genetic	DNA methylation 12043	Brassica (Chinese cabbages), genetics 1809
transformation 1010  Plant collections (see Gene banks)	gene expression 10757, 10759  Hordeum vulgare	Brassica napus (rape) 2027
Plant composition	gene expression 1449, 3517, 3524	Brassica napus (swedes), artificial sele
Actinidia deliciosa 4901	nucleotide sequences 3517	tion 3801
Allium sativum 4729	Ilex paraguariensis 9912	Brassica oleracea (kale) 3801
Brassica juncea 8523-8524	Lupinus 6893	Brassica pekinensis, random amplified
Capsicum pubescens 12125	molecular genetics, books 7640	polymorphic DNA 3817
Coffea arabica 12372	mutations, reviews 2374	Plasmopara halstedii
Coffea canephora 12372	Nicotiana tabacum 9885	Helianthus annuus 8537-8538, 11036
Corchorus olitorius 3209	mutations 2110	gene mapping 4974, 7317
Daucus carota 5822-5823, 5827	Oryza sativa, gene expression 6791	genetics 895
Festuca arundinacea 500	Phaseolus polyanthus 9473	linkage 895, 7317
Festuca pratensis, somaclonal variation	Phaseolus vulgaris 9473	restriction fragment length polymor
10594	reviews 4284	phism 895, 4974
genetic transformation 1274	Zea mays 1509, 9160	techniques 11036
Glycine max 2798	gene expression 3567, 7935, 9155,	Plasmopara viticola
history 2797	10374, 10417	Vitis, genetics 4883
Hordeum vulgare, genetics 2511	mutations 1501, 10427, 10429, 10450	Vitis amurensis, genetics 12239
Hypericum maculatum 1176	Plant glands	Vitis vinifera 1948, 1951
Hypericum perforatum 1176	Datura wrightii 8839	Plastids
Lycopersicon hirsutum 13227	Gossypium 6206	Hordeum vulgare, gene expression 444
Lycopersicon pimpinellifolium 13227 Macrotyloma uniflorum, induced muta-	Gossypium hirsutum 6206, 8685, 13478 Plant hairs	Oryza sativa
tions 4680	Arabidopsis thaliana	cell culture 12986
Olea europaea 9808	gene expression 10188, 11455	gene mapping 12986  Zea mays
Oryza sativa 12976	gene mapping 10188	molecular genetics 10385
genetic transformation 6814	mutations 10188	nucleotide sequences 10385
Papaver somniferum 10061	natural selection 2362	Plastocyanins
Phoenix dactylifera 10975	cereals 1371	Nicotiana tabacum, genetic transforma
Pinus taeda 1040	Gossypium 6235	tion 622, 10237
Pisum sativum 568	Lycopersicon hirsutum 13230	Pisum sativum
Prunus armeniaca 3006	Malus sylvestris 13275	gene expression 622, 10237
Prunus domestica 3887	Pennisetum glaucum	genetic engineering 622
Prunus dulcis 4935	genetics 11767	nucleotide sequences 10237
Psidium guajava 3951	pleiotropy 11767	Solanum tuberosum, genetic transforms
Saccharum officinarum 920, 4994, 9830	Prunus persica, mutations 10923	tion 10237
Solanum tuberosum 10740, 13169	Triticum aestivum, artificial selection	Platanus acerifolia, phylogeny, random
Sorghum bicolor, Atherigona soccata	10310	amplified polymorphic DNA 8713
2616	Vigna unguiculata 3777, 10719	Platanus densicoma, phylogeny, random
techniques 2294	Plant introduction 8880	amplified polymorphic DNA 8713
Triticum 11657	catalogues 11356-11357	Platanus occidentalis, ornamental value,
Triticum aestivum 11657	Cocos nucifera 8541	artificial selection 2164
Triticum spelta 12732	Crambe abyssinica 7337	Platycerium bifurcatum, cell culture 4164
Vaccinium ashei 12207	crops 4291, 12692	Platysace lanceolata, cultivars, Valentine
Vicia faba 568 Vitis vinifara, clonal variation 4878	conferences 13620	Lace 13523
Vitis vinifera, clonal variation 4878	Dichondra micrantha 8765	Plectrachne, taxonomy 510
Vochysia guatemalensis 1018 Zea mays 7977, 7983	Diospyros kaki 12258	Pleiochaeta setosa, Lupinus angustifolius,
Zea mays 1711, 1705	Eleusine coracana 12917	heritability 556

.i.atmanu.		
siotropy Brassica campestris	Poa alpina cont.	Pollen cont.
glucosinolates 8526	flowering 5652 proteins 488	Brassica napus (rape) cont. genetic engineering 4026
thioglucosidase 8526	variety classification 488	storage 6089, 13361
Glycine max, determinate and indetermi-	Poa annua	Brassica oleracea
nate habit 13081	flowering 1623	gene expression 2932
Hordeum vulgare, inflorescences 1452	isoenzymes, genetic variation 1621	nucleotide sequences 2932
Lycopersicon esculentum, tobacco mosaic tobamovirus 5930	photoperiodism 1623	Brassica oleracea (cabbages), nucleotid
mathematics 12673	vernalization 1622 <b>Poa hartzii</b> , evolution, chloroplast genetics	sequences 13196
Mimulus guttatus	6857	Brassica pekinensis 724 storage 13193
cadmium 2217	Poa infirma	Camellia 9855
copper 2217	interspecific hybridization 1621	Campanumoea 3289
toxic substances 2217	isoenzymes, genetic variation 1621	Capsicum annuum 10836
Musa	Poa paramoensis, taxonomy 10583	Cleome 8793
Mycosphaerella fijiensis 843 parthenocarpy 843	Poa pratensis	Codonopsis 3289
Oryza sativa 429	apomixis, random amplified polymorphic DNA 487	Coffea 11100
anthocyanins 8066	cultivars 9297	cryopreservation 1248 Cynodon dactylon, nucleotide sequence
aroma 1596	cutlivars, Eagleton 2705	5668
female fertility 1577	Drechslera poae 8136-8137	Cypripedium fasciculatum 1121
germination 5605	drought resistance, artificial selection	Daucus carota 2885
height 5605	6114	Dendranthema, storage 10005
male sterility 1577	flowering, genetics 5651	Dendranthema morifolium 11254
seedlings 5605 Pennisetum glaucum	heat resistance 13032	Diospyros kaki 8483
Moeziomyces penicillariae 11767	lawns and turf 3263, 4131 leaves 5650, 5654	Diospyros lotus 8483 Diospyros rhombifolia 8483
plant hairs 11767	nitrogen 1624	Diospyros virginiana 8483
Pisum sativum, leaves 2841	nutrients 1624	Dorotheanthus bellidiformis 4160
Raphanus raphanistrum, flowers 5846	parthenogenesis	Fabaceae 4613
Triticum aestivum	amplified fragment length polymor-	Fagus sylvatica, random amplified
height 2422, 3463, 7806, 12729	phism 11874	polymorphic DNA 11182
photoperiodism 4377	gene mapping 11874	Festuca pratensis, induced mutations
spring and winter habit 1407 yield components 1407, 12729	genetic markers 8180 random amplified polymorphic DNA	5661 gene expression 1345
yields 7806	11874	genetic transformation 1283
Vigna unguiculata	reproduction 4578	Ginkgo biloba, storage 8722
colour 6965	transpiration 5650, 5654	Glycine gracilis 2788
heat resistance 9498	artificial selection 6114	Glycine max 2788
eospora herbarum, Lens culinaris 4665	genotype environment interaction	Glycine soja 2788
Eurotus	5653	Helianthus annuus, gene expression 980
fructification, genetics 10084 interspecific hybridization 10084	variety trials 2700  Poa supina	Hemerocallis 11259 Holcus lanatus
regenerative ability 12579	interspecific hybridization 1621	gene expression 6875
reproduction 4201	isoenzymes, genetic variation 1621	nucleotide sequences 6875
taxonomy	Poaceae	Hordeum vulgare 5433
mitochondrial genetics 12576	chloroplast genetics 8991	Jasminum nudiflorum 10072
restriction fragment length polymor-	DIMBOA 11679	Jasminum officinale 10072
phism 12576	Diuraphis noxia 11679	Leptocodon 3289 Lilium 10037
eurotus abieticola, taxonomy 1226 eurotus florida, cultivars, Sachulneutaribe-	evolution 5301 forage 11873	Lilium davidii 6359
osut-2 8860	gene mapping 5301	Lilium longiflorum, genetic transforma-
eurotus ostreatus	genomes 2369	tion 11296
breeding 10080	mitochondrial genetics 8991	Lycopersicon esculentum, genetic engi-
fructification 10087	phylogeny	neering 10810
genetics 10084	chloroplast genetics 485	Malus pumila 3872
genetic transformation 12575	nucleotide sequences 485 pollen, techniques 4577	multivariate analysis 3873 polyploidy 12156
genetics, techniques 3342	Schizaphis graminum 11679	Mangifera indica 9717
mitochondrial genetics 1220, 3341	taxonomy 1644	Medicago sativa
restriction fragment length polymorphism	transposable elements 2369	gene expression 11897
3341	polymerase chain reaction 11520	genetic transformation 4596, 11897
odia interpunctella, Diospyros kaki,	Podocarpaceae, genetic resources 7456	nucleotide sequences 11897
genetic transformation 3073	Podosphaera leucotricha	Microloma sagittatum 11492 Musa 8463
um pox potyvirus	Malus 5997, 10871 Malus pumila 10874	Nicotiana rustica, genetic transformation
Nicotiana benthamiana, genetic transformation 2125, 5024, 5199, 8651	Pogostemon patchouli, Ralstonia	1283
Prunus armeniaca 3008	solanacearum 2263	Nicotiana sylvestris
Prunus domestica 1918, 7155	Pollen 1344, 1355, 5275, 6540	gene expression 4028
Prunus persica 10932, 12196	Abies kawakamii 12478	nucleotide sequences 4028
Prunus (plums), genetic transformation	Acacia senegal 9955	Nicotiana tabacum 2109, 4025, 12391
9657	Agapanthus africanus 12518 Alismataceae, evolution 8342	DNA methylation 3174 gene expression 47, 948, 4026,
umbago zeylanica ovules, techniques 4177	Aloe 12428	12381-12382
pollen 1087	angiosperms 12682	genetic engineering 4026
utella xylostella	techniques 1359	genetic transformation 63, 4026,
Brassica 8530	Antirrhinum tortuosum 10025	10810, 12381-12382
Brassica juncea 887, 8530	Arabidopsis thaliana 11439	nucleotide sequences 47
Brassica napus (rape)	gene expression 47, 63, 11419, 11435	Nymphaea colorata 2230 Oenothera biennis 1085
genetic transformation 888, 13365	genetic engineering 63 mutations 61, 63, 10201, 11436,	Papaver rhoeas 12557
natural selection 888  Brassica oleracea (cabbages) 1810	11438	Pennisetum glaucum 4529
Brassica oleracea (cauliflowers) 13199	nucleotide sequences 47, 11419	storage 4363, 11763
Sinapis alba 887	techniques 11419	Plumbago zeylanica 1087
а	Asparagus officinalis, techniques 4748	Poaceae, techniques 4577
drought resistance 10004	Banksia menziesii, storage 2194	Priving muma 6003
heat resistance 10004	biotechnology 1358 books 2282	Prunus mume 6003 Prunus persica 10921
taxonomy 8135, 13031	Boehmeria nivea 12425	Psilanthus 11100
a akmanii, taxonomy 8134 a alpina	Brassica napus (rape) 875	reviews 8978
chromosome number 488	gene expression 4026, 4950	Rosa beggeriana 6320

Pollen cont.	Pollination 1344, 1346, 1356-1357, 2371,	Sorghastrum nutans 11888
Rosa huntica 6320 Solanum 6536	2373, 3420 Acacia 4076	techniques 1353, 11489
Solanum appendiculatum 1763	Acacia senegal 9955	Tectona grandis 2165
Sorghum bicolor 1546	Actinidia deliciosa 1957	Theobroma cacao 2097
storage 1248	artificial selection 4894	Trifolium repens 10607
techniques 10225	Allium cepa 135, 10778	Trochetia blackburniana 10015
Thymus 6391	Alstroemeria aurea 10029	Tulipa 11306
Tradescantia paludosa	Androposon gerardii 11888	Tulipa agenensis 11306 Tulipa gesneriana 11306
gene expression 12382 genetic transformation 12382	Andropogon gerardii 11888 angiosperms 118, 12682	Vaccinium 7178
Triticum aestivum 156, 3452	evolution 119	Vaccinium corymbosum 3906, 4811
Vitis 7199	Antirrhinum majus 11267, 13571	Vaccinium myrtillus 3907
Zea mays 2575, 7937, 10428	Argania spinosa 12341	Vaccinium uliginosum 3907
gene expression 11701, 12873	Begonia 12534	Vaccinium vitis-idaea 3907
mutations 10418	Beta vulgaris (sugarbeet) 7360	Vicia faba 9466
techniques 7936	genetic markers 3152	Vitis coignetiae 12232
Pollen competition 3421 Cucurbita texana 787	Brassica campestris 873 Brassica campestris (turnip rape) 135	Yucca 4076
genetics 1354	Brassica napus (rape) 873, 2017	Zea mays 7933, 9171, 10393 Zostera marina 1217-1218
Helianthus annuus 12300	Brassica oleracea (kale) 8347	Poly(A) polymerase
Helianthus petiolaris 12300	Campanula microdonta, natural selection	Pisum sativum
Iris brevicaulis 3299	4136	gene expression 11978
Iris fulva 3299	Campanula punctata, natural selection	nucleotide sequences 11978
Lesquerella fendleri 3130	4136 Campanula rotundifolia 3275	Polyamine oxidase, Zea mays, nucleotide
Pistacia lentiscus 7261 Pollen culture 126, 1360, 10230	Capsicum annuum 3850	sequences 10380
(see also Anther culture)	Capsicum baccatum 3850	Polyamines Actinidia deliciosa 4889
Brassica juncea 3967	Capsicum frutescens 3850	gene expression, reviews 10129
Brassica napus (rape) 2021, 3095, 9781-	Chamelaucium megalopetalum 8739	genetic engineering 10126
9782	Chamelaucium uncinatum 8739	Lycopersicon esculentum 8376, 10818
Brassica oleracea (broccoli) 1805, 7043	Citrullus lanatus 1865, 7104	mutations 12104
Brassica pekinensis, regenerative ability 4741	Clarkia tembloriensis 5102 Cleome 8793	Lycopersicon pennellii 8376
Cajanus cajan 12012	Clianthus puniceus 12503	molecular genetics, reviews 6454, 10129
Fagopyrum esculentum 10579	Coix lacryma-jobi 5641	Nicotiana tabacum 13441
Festuca arundinacea 5647	Coriandrum sativum 1143	Oryza sativa 420 Picea abies, embryo culture 7479
Hordeum vulgare 4455	Cucurbita texana 787	Picea glauca 9980
Linum usitatissimum (linseed) 4964	Cyanococcus 7178	Saccharum officinarum 12911
Lolium multiflorum 5647	Cyclamen persicum 1111	Sorghum bicolor 12911
Malus pumila 10870 Nicotiana tabacum 955	Daucus carota 135 Diospyros kaki 3952-3953	Zea mays, in vitro selection 3580
Pseudotsuga menziesii 1052	Diospyros lotus 7244	Polyembryony
Rosa 11245	Diospyros oleifera 7244	Arabidopsis thaliana, induced mutations
Sinapis alba 7303	Eleutherococcus senticosus 8834	8950 Citrus 9702
Triticum aestivum 10284	Ficus exasperata 12246	crops 7753
Tulipa gesneriana 11309	Ficus hispida 12246	Mangifera indica, random amplified
Pollen germination Ananas comosus 1995	forest trees, multivariate analysis 7424 Fragaria ananassa 1930, 12216	polymorphic DNA 6059
angiosperms 8976	fruit crops 3869	Oryza sativa 8053
Antirrhinum tortuosum 10025	Ginkgo biloba, techniques 13518	Sorghum bicolor 332
Arabidopsis thaliana 6489, 6491	Helianthus 3112, 12299	Polygalacturonase  Cucumis melo
induced mutations 5244	Helianthus annuus 2033, 3108-3110	gene expression 12134
mutations 74, 6490	Ipomopsis aggregata 6331	nucleotide sequences 12134
Arachis hypogaea 8562 Betula platyphylla 9941	natural selection 4137 Ipomopsis tenuituba 6331	Lycopersicon esculentum
Brassica, techniques 8350	Lesquerella fendleri 7338	gene expression 4758, 7057, 8371,
Brassica napus (rape) 4952	Limonium 6328	10816, 12105, 13215
Cicer arietinum 639	Limonium caspium 6328	genetic engineering 13215
Cucurbita texana 13250	Limonium latifolium 6328	genetic transformation 3743, 4758, 7057, 9598, 10820, 10828,
Digitaria sanguinalis 10582	Lycopersicon esculentum 10811	11512, 12105
Diospyros lotus 7244 Diospyros oleifera 7244	Magnolia delavayi 10000 Malus pumila 802, 1904, 3872	nucleotide sequences 10816
Fagopyrum esculentum 10579	Mangifera indica 7231, 9716	Malus pumila
genetics 1354	mathematics 117, 11490	gene expression 13277
Gossypium hirsutum 6205, 8684	Medicago sativa 8179, 10607	nucleotide sequences 13277
Helianthus annuus 2045	Microloma sagittatum 11504	Medicago sativa
Lilium longiflorum 6358	Mimulus cardinalis 3277	gene expression 13047
Limonium perezii 6332	Mimulus lewisii 3277	nucleotide sequences 13047  Nicotiana benthamiana, genetic transfor
Litchi chinensis 7236 Lolium perenne 10582	models 11493 Musa 3060	mation 3743, 11512
Lycopersicon 2953	natural selection 3422	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
Lycopersicon esculentum	Nesocodon mauritianus 10015	tion 11512
gene expression 2951	Nuphar lutea 4172	Phaseolus vulgaris
genetic transformation 2951	Nuphar pumila 4172	gene expression 11512
Nicotiana alata 4029, 7384	Oryza sativa 404	genetic engineering 3743, 11512
Nicotiana tabacum 7384 gene expression 2951	Pachycereus pringlei 10046	Polygonatum simizui development 6333
genetic transformation 2951	Papaver rhoeas 4176 Penstemon 11255	pollen 6333
Paspalum dilatatum 10582	Penstemon centranthifolius, natural selec-	Polygonum multiflorum, genetic transforma
Pennisetum glaucum 11763	tion 10021	tion 12553
Pisum sativum 2835	Phoenix dactylifera 8479	Polyhaploidy (see Haploidy)
Populus tomentosa 7445	Phyllanthus emblica 10978	Polymerase chain reaction 7690
Prunus persica 1922, 6491	Primula sieboldii 3273	Abies, microsatellites 6297
Pseudotsuga menziesii 12482 Quercus ilex 5057	Prunus avium 821 Prunus dulcis 12264	Ajuga reptans, roots 13556
Sesamum indicum 4986	Prunus dulcis 12264 Pyrus communis 3881, 4797	Allium cepa, cytoplasmic male sterility
Tectona grandis 2165	Rhododendron ferrugineum 4107	5868, 7031 Arabidopsis thaliana 8929
Vigna radiata 668	Santalum album 12571	diseases 6518
Vigna umbellata 668	Santalum spicatum 12571	microsatellites 57
Zea mays 10498, 10582	Solanum melongena 3846	Atractylodes 8829

Polymerose chain reaction and	D	
Polymerase chain reaction cont.  Avena sativa, chromosome addition	Polymerase chain reaction cont.	Polymorphism cont.
12868	Zea mays 2562, 5487 alternative oxidase 10378	Siphonochilus aethiopicus, isoenzymes 1159
Bambuseae, ribosomal DNA 1215	Bacillus thuringiensis 6727	Trifolium, isoenzymes 11909
Beta vulgaris (sugarbeet), cytoplasmic	chromosome addition 12868	Trigonella ruthenica, proteins 4614
male sterility 12363	endotoxins 6700	Triticum aestivum
books 5184  Brachycome dichromosomatica, acces-	telomerase 11521	gliadin 12745
sory chromosomes 3268	zein 6700	starch synthase 12743
Brassica campestris	Polymers, Manihot esculenta, genetic transformation 4710	Triticum spelta, starch synthase 12743 Vicia, isoenzymes 13050
acetolactate synthase 3966	Polymnia sonchifolia	Vicia faba, isoenzymes 11962
isoenzymes 3966	chromosome number 8341	Vigna lobatifolia, isoenzymes 13150
Brassica napus (rape)	Erwinia chrysanthemi, clonal variation	Vigna vexillata
acetolactate synthase 3966	4720	globulins 6975
cytoplasmic male sterility 876 isoenzymes 3966	in vitro culture 8341 Polymorphism	isoenzymes 13150
Brassica oleracea	Abies equitrojani, isoenzymes 12479	Vitis vinifera, isoenzymes 7201, 12233 Yucca filamentosa, isoenzymes 9930
acetolactate synthase 3966	Abies sachalinensis, isoenzymes 1049	Zea mays
isoenzymes 3966	Actinidia, isoenzymes 9681	DNA binding proteins 291
Brassicaceae	Actinidia chinensis, isoenzymes 9681	proteins 1337
glycoproteins 10770	Actinidia deliciosa, isoenzymes 9681	zein 2558
self incompatibility 10770	Agrostis stolonifera, isoenzymes 11891	Polymyxa betae, Beta vulgaris, genetics
Cucumis longipes 9622 Cucumis melo 9622	Allium sativum, isoenzymes 5869	2087
Fusarium oxysporum 10845	Alnus acuminata, isoenzymes 1019 Ananas comosus, isoenzymes 7234	Polypeptides Arabidopsis thaliana
variety classification 13241	Annona cherimola, isoenzymes 7249	gene expression 8939
Daucus carota, microsatellites 5816	Annona squamosa, isoenzymes 7249	nucleotide sequences 8939
Diospyros kaki, β-galactosidase 12259	Arabidopsis thaliana	Polyphagotarsonemus latus
Elymus, microsatellites 5665	development 12652	Capsicum 1851
genetic variation 39	flowers 12652	Corchorus olitorius 3209
Glycine max 8239	microsatellites 57	Polyploidy
cytochrome P-450 10637	Astragalus bibullatus, isoenzymes 10627	Achillea 1153
pathogens 11956 variety classification 6909	Brassica napus (rape), proteins 7281	Actinidia eriantha 6036
Glycine soja, variety classification 6909	Bromus, isoenzymes 11893 Carica papaya, isoenzymes 13325	Agaricus bisporus 11340 Allium ampeloprasum 2925
Hordeum vulgare	Castanea mollissima, isoenzymes 9751	Allium cepa 1795
barley yellow dwarf luteovirus 6672,	chromosome translocation 94	Ananas comosus 6061
10332	Cicer arietinum, isoenzymes 8235	Anemone coronaria 11284
pathogens 12713	Citrus sinensis, esterases 7223	Arabidopsis thaliana 3396
telomerase 11521	Cucumis melo 12135	Arrhenatherum elatius 3684
transposable elements 3513	Cunninghamia konishii, isoenzymes	Artemisia herba-alba 9296
Lablab purpureus 8223 Lactuca, microsatellites 5895	12485	Asplenium 11325
Lactuca sativa, microsatellites 5895	Cunninghamia lanceolata, isoenzymes 12485	Astragalus adsurgens 11920 Atractylodes lancea 12555
Lupinus luteus, proteins 11915	Cupressus sempervirens, isoenzymes	Beta vulgaris
Malus pumila	2190	seeds 8617
haploidy 5989	Cymbidium, isoenzymes 6365	yields 8617
self incompatibility 5988-5989	Dactylis glomerata	Beta vulgaris (fodder beet) 9846
Venturia inaequalis 12160	isoenzymes 11875	Beta vulgaris (sugarbeet) 6149, 7358,
Musa 6040	prolamins 6859	8608, 9843, 9846
variety classification 6041 mutations 10131	Deschampsia flexuosa, isoenzymes 5675 Deschampsia stricta, isoenzymes 5675	Boehmeria nivea 2151, 3211 Brassica 6082
Nicotiana, ribulose-bisphosphate carboxy-	Fedia, fruits 8835	Brassica campestris, 11021
lase 3167	forest trees, isoenzymes 12443	Brassica campestris (turnips) 7017
Nicotiana tabacum, cytoplasmic male	Glycine soja	Brassica chinensis 4721
sterility 946	proteins 10644	Brassica oleracea 4738
Oryza 6819	trypsin inhibitors 9393	Brassica oleracea (broccoli) 10787
Oryza sativa 11776	Helianthus annuus, isoenzymes 12300	Buchloe dactyloides 9320
cytoplasmic male sterility 11779	Helianthus petiolaris, isoenzymes 12300 Hordeum vulgare	Capsicum annuum 5945-5946 Capsicum chinense 5945
pathogens 12713 phylogeny 385	hordein 9098, 10323	Cenchrus ciliaris 9319
variety classification 9225	variety classification 9098	Chamaecyparis obtusa 7485
Xanthomonas oryzae 6832	Larix sukaczewii, isoenzymes 2184	Citrullus lanatus 1865
Petunia, taxonomy 5113	Lathyrus sativus, isoenzymes 8235	Citrus 9710
Petunia hybrida, taxonomy 5113	Lilium longiflorum, proteins 7560	Coffea arabica 3158, 4008
Poaceae, transposable elements 11520	Lolium rigidum, glucose-6-phosphate	Coffea canephora 3158, 4008
quantitative traits 6464	isomerase 5658	Cryptomeria japonica 7485, 8721, 11211 Cucumis melo 1852
Raphanus sativus	Malus pumila, peroxidases 9640 Opuntia, isoenzymes 860	Cucumis metaliferus, somacional varia-
glycoproteins 10770 self incompatibility 10770, 12062	Opuntia ficus-indica, isoenzymes 861	tion 4791
reviews 8910	Oryza rufipogon	Cucumis sativus 13260
Saccharum officinarum, ribulose-	isoenzymes 425	Cyclamen persicum 8814
bisphosphate carboxylase 3137	ribosomal DNA 11829	Dahlia 10028
seaweeds 6402	Oryza sativa, ribosomal DNA 11829	Dioscorea alata 4712
Secale cereale, thionins 4299	Panax pseudoginseng, proteins 3319	Diospyros glandulosa 4922
Solanum tuberosum, starch synthase 6983	Phaseolus lunatus, isoenzymes 11965	Diospyros kaki 4922, 4925 evolution, reviews 10223
Spinacia oleracea, repetitive DNA 12078	Phaseolus vulgaris, phaseolin 9478 Pinus nigra, isoenzymes 12468	Festuca 9305
Stylosanthes guianensis, ribosomal DNA 10625	Pinus strobus, isoenzymes 12467	Foeniculum vulgare 10068
Stylosanthes scabra 8223	Pisum sativum	forest trees 9937
Stylosanthes seabrana 8223	proteins 2837	Fragaria 8443
techniques 5211	variety classification 2837	Glycine, phylogeny 9437
Triticeae 6557	Prunus dulcis, ribonucleases 2005	Glycine max 9385
germin 4308	Psathyrostachys juncea, isoenzymes 2720	Gossypium 12414
Triticum aestivum 3446	Pseudotsuga menziesii, isoenzymes 3244	Hypericum perforatum somaclonal varia-
chromosome translocation 9016	Pterocarpus macrocarpus, isoenzymes 9956	Hypericum perforatum, somaclonal variation 10057
gliadin 6627 glutenins 6627, 11607	Quercus suber, isoenzymes 1002	Ipomoea batatas, mathematics 703
pathogens 12713	Rubus spectabilis, fruits 9668	Lactuca sativa 4721
secalins 2528	selection 3414	Lathyrus 5712
thionins 4299	Silene dioica, isoenzymes 11249	Lentinula edodes 12578

Polyploidy cont. Lilium 11297	Population genetics 95, 99-100, 2363, 3413, 3415, 5265-5266, 5268, 5271, 5284,	photoperiodism, gene expression 4073
Lolium perenne 495, 2710, 2713	7741-7742, 12660	photosynthesis 12454, 13495
cold resistance 13034	Abies procera 2181	Plagiodera versicolora, genetic transfor-
competitive ability 13034	Aegilops tauschii 6650 Amelanchier bartramiana 3882	mation 1010 proteinase inhibitors, genetic transforma-
Lotus	Amelanchier laevis 3882	tion 1010
isoenzymes 10622 morphology 10622	Arabidopsis thaliana 8933	random amplified polymorphic DNA
Lotus alpinus 10623	Beta maritima 6147	1005
Malus pumila, pollen 12156	clines 97	temperature 9951
Manihot esculenta 2891	computer programming 10218	unreduced gametes 9951 variety trials 5061
mathematics 8971	computer simulation 11481 Cunninghamia konishii 12485	Populus alba
Medicago sativa 6884	Cunninghamia lanceolata 12485	anthocyanins 7451
molecular genetics, reviews 2370 Musa 843, 1972, 3064, 6044	cytoplasmic male sterility 11475	cell culture 1008
fruits 3061	Dasypyrum villosum 8160	cellulase, gene expression 1008
yields 12249	Eucalyptus globulus 12446	interspecific hybridization 7448, 7451
Nymphaea 7576, 10052	evolution 12662, 12664, 12666-12667, 12670, 12691	lignin genetic engineering 3222
ornamental plants 5274	Festuca ovina 6866	genetic transformation 7447
Ornithogalum virens 11282	forest trees 4061, 6252, 6259	protoplast culture 5063
Oryza glaberrima 6801 Oryza sativa 6799, 6801	mathematics 13490	tissue culture 7451
Paspalum simplex, restriction fragment	genetic markers, reviews 7703  Gleditsia triacanthos 12457	Populus balsamifera
length polymorphism 5671	Hicksbeachia pinnatifolia 4939	chromosome aberrations 9950 interspecific hybridization 9950
Phlox drummondii 4139	Ilex paraguariensis 9904	Populus canadensis, quality 2160
Plantago lessingi 6378	Larix decidua 2182	Populus canescens
Potentilla peduncularis 2214 Prunus avium 3015	Larix occidentalis 9984	glutamate-cysteine ligase, genetic trans-
Prunus cerasus 3015	Larix sibirica 2182	formation 5062
Rosa 2203	Lolium multiflorum 13035 Lolium perenne, isoenzymes 11878	mixoploidy 9952
Rubus 7162	Lolium rigidum, isoenzymes 11878	photosynthesis gene expression 12453
Salix 9953	Lonicera periclymenum 6309	genetic transformation 12453
Sesamum 13384	Macadamia 4939	superoxide dismutase
Setaria pallide-fusca 2618 Solanum commersonii 5798	Macrozamia 9987 Macrozamia pauli-guilielmi 9987	gene expression 12453
Solanum tuberosum 5798, 8316	mathematics 108, 1335, 6535, 8967-	genetic transformation 12453
Solanum viarum 1185	8968, 12668	Populus deltoides amplified fragment length polymorphism
Solanum villosum 5135	nucleotide sequences 109	7453
Sorghum bicolor 332, 8010, 8012	phylogeny 8980	chromosome aberrations 9950
Tradescantia pallida 12547	Pinus leucodermis 3235 Pinus resinosa 11197	cytochromes
Trifolium, germplasm releases 2748, 5699	Pinus strobus 12467	gene expression 6267
Tripsacum 328, 4516	Pterocarpus macrocarpus 9956	nucleotide sequences 6267 development, heterosis 1007
Tripsacum dactyloides 11745	quantitative traits 6530	genotype environment interaction 8890
triticale 2534, 4476, 7919	Quercus gambelii	interspecific hybridization 1007, 8707-
Triticum 2424	DNA fingerprinting 12449 microsatellites 12449	8708, 8890, 9949-9950
Triticum aestivum 2424, 9033 nucleotide sequences 4361	Quercus glauca 8711	Melampsora larici-populina 8708
Triticum durum 9033	Quercus petraea, isoenzymes 11180	gene mapping 7453 genetic markers 9949
Triticum turgidum 6566	Quercus robur, isoenzymes 11180	Melampsora medusae, genetics 8707
Vaccinium, isoenzymes 12206	Quercus rubra 8704	photosynthesis, gene expression 11189
Vitis vinifera 6030	self compatibility 105 self incompatibility 106-107, 113, 10228	quantitative traits
Zingiber officinale 8847, 12564	mathematics 112, 4282	gene mapping 7446
Polyporus, reproduction 4201 Polysaccharides, Triticum aestivum 4388	sexual reproduction 8974	random amplified polymorphic DNA
Polyscytalum pustulans, Solanum tuberosum	Silene dioica 11249	7446 restriction fragment length polymor-
6999	Solanum 10728	phism 7446
Polysomaty (see Mixoploidy)	Solanum tuberosum 10728 statistics 104, 2366, 12663, 12665,	senescence, gene expression 11189
Polysomics (see Aneuploidy)	12669, 12672, 12674	translocation, heterosis 1007
Polystachya johnstonii, taxonomy 5127 Polyubiquitin, Arabidopsis thaliana, nucleo-	Thymus vulgaris 8854	Xanthomonas populi, gene mapping 7453
tide sequences 45	Populus	Populus glandulosa anthocyanins 7451
Poncirus, graft hybridization 10968	air pollution 12454, 13495	interspecific hybridization 7451
Poncirus trifoliata	amplified fragment length polymorphism 4072	tissue culture 7451
Citrus, intergeneric hybridization 3069	biotechnology, books 8874	Populus interamericana
Citrus limonia, intergeneric hybridization 3068	chromosome aberrations 9951	development, heterosis 1007
Citrus sinensis, intergeneric hybridization	cinnamyl-alcohol dehydrogenase	drought resistance 3221
6050	gene expression 7448	Marssonina brunnea 2161 nutrients 3221
citrus tristeza closterovirus	genetic transformation 7448 drought resistance, gene expression 7452	translocation, heterosis 1007
gene mapping 852, 3069	energy resources 6262	Populus nigra
genetic engineering 13316	gene expression, phytochrome 4073	amplified fragment length polymorphism
random amplified polymorphic DNA 852	genetic transformation 1006, 4070	4071-4072, 7453
restriction fragment length polymor-	phytochrome 4073	calcium, tissue culture 7449
phism 4917	gibberellins, gene expression 4073 glutamate-cysteine ligase	genetic resources 12452 interspecific hybridization 7449, 9949
genetic transformation 6047	gene expression 11185	isoenzymes 6268
plant disorders 1990	genetic transformation 11185	genetic variation 3220
random amplified polymorphic DNA 9704	glutathione synthase	Melampsora larici-populina
ribosomal DNA, DNA hybridization	gene expression 11185	gene mapping 7453
6050	genetic transformation 11185 glyphosate, genetic transformation 1011	genetic markers 9949 proteinase inhibitors
rootstocks 1990, 3068	herbicides, genetic transformation 1011	gene expression 7442
Popillia japonica, Malus 5999	IAA, gene expression 4073	genetic transformation 7442
Poplar mosaic carlavirus, Nicotiana	induced mutations 9951	random amplified polymorphic DNA
benthamiana, genetic transformation 2124	lignin, genetic engineering 9949	1004, 3220
Poppy mottle virus, Papaver somniferum	Melampsora allii-populina 4075 mutagens 9951	sexual reproduction 3220 vegetative propagation 3220
3324	ozone 12454, 13495	Xanthomonas populi, gene mapping 7453
		F-Poor, Bone mapping 1455

Populus tomentosa	Potato A potyvirus	Precocity
pollen germination 7445	Solanum tuberosum	Eucalyptus globulus
unreduced gametes 7445  Populus tremula	gene mapping 10752	genetics 4065
drought resistance, molecular genetics	restriction fragment length polymor- phism 10752	heritability 4065 Luffa aegyptiaca 10856
7427	Potato leaf roll luteovirus	Malus pumila 2992
genetic transformation 7443-7444	Solanum tuberosum 9536	Oryza sativa 3606
techniques 3219	genetic transformation 1780, 3796-	Preprotein translocase, Solanum tuberosu
interspecific hybridization 6269, 7448 lignin	3797, 8329, 9535	nucleotide sequences 12023
genetic engineering 3222	Potato leafroll luteovirus, Solanum tuber- osum, heritability 4702	Primula, breeding 6306 Primula sieboldii
genetic transformation 7447	Potato M carlavirus, Capsicum annuum,	heterostyly
tissue culture 7450	gene mapping 3854	genetics 3273
yield components heritability 6269	Potato mop-top furovirus, Nicotiana	natural selection 3273
heterosis 6269	benthamiana, genetic transformation 9901	pollination 3273  Primula veris, heterostyly 2211
Populus tremuloides	Potato S carlavirus	Pritchardia perlmanii, taxonomy 11192
air pollution 1009, 13496	Solanum tuberosum 4700	Probenazole, Oryza sativa, gene expression
caffeate O-methyltransferase gene expression 11186	genetics 7005	1610
genetic transformation 11186	random amplified polymorphic DNA 7005	<b>Procontarinia matteiana,</b> Mangifera indica 8476
development, heritability 11187	Potato spindle tuber viroid	Profilin
Hypoxylon mammatum 4074	Solanum tuberosum 7003	Lycopersicon esculentum
interspecific hybridization 6269	genetic engineering 7006	gene expression 5911
microsatellites 11184 ozone 1009	genetic transformation 7006  Potato V potyvirus, Solanum tuberosum,	nucleotide sequences 5911  Papaver rhoeas 12557
photosynthesis, heritability 11188	genetics 4699	Zea mays, gene expression 11701
yield components	Potato X potexvirus	Prolamins
heritability 6269	Nicotiana benthamiana, gene expression	Dactylis glomerata, polymorphism 6859
heterosis 6269 Populus trichocarpa	12406 Nicotiana tabacum	Festuca pratensis 2716 Oryza sativa 1592, 5600
amplified fragment length polymorphism	gene expression 4042	Phyllostachys aurea, nucleotide
7453	genetic transformation 964, 2127,	sequences 12574
calcium, tissue culture 7449	4042, 6184	triticale 4476
chromosome aberrations 9950 development, heterosis 1007	Solanum acaule 2876 Solanum phureja	<b>Prolificacy</b> , Zea mays, artificial selection 7939, 11707
genotype environment interaction 8890	gene mapping 9537	Proline
interspecific hybridization 1007, 7449,	genetics 9537	Arabidopsis thaliana 3367
8707-8708, 8890, 9950	restriction fragment length polymor-	gene expression 84, 90
Melampsora larici-populina 8708 gene mapping 7453	phism 9537  Solanum tuberosum 2876, 7008, 10750	mutations 84  Cajanus cajan 2850
Melampsora medusae, genetics 8707	gene expression 10750	Capsicum frutescens 9618
quantitative traits	gene mapping 9537	Daucus carota 1789
gene mapping 7446	genetic transformation 695, 7004, 7007, 10750, 12040	Medicago varia, in vitro selection 3692
random amplified polymorphic DNA 7446	genetics 9537	Nicotiana tabacum, genetic transformation 3367, 4039
restriction fragment length polymor-	restriction fragment length polymor-	Saccharum officinarum 8602
phism 7446	phism 9537	Triticum aestivum
translocation, heterosis 1007  Xanthomonas populi, gene mapping 7453	Potato Y potyvirus Capsicum 12128	anther culture 12739 in vitro selection 5391
Populus trichocorpa, variety trials 5061	Capsicum annuum 12128, 12130	Zea mays, gene expression 7935
Porphyra yezoensis	gene mapping 3854	Promoters 1285
Monostroma nitidum, protoplast fusion	Nicotiana tabacum 6187	Arabidopsis thaliana
random amplified polymorphic DNA	gene expression 2099 genetic transformation 2099, 4044,	gene expression 11448 genetic transformation 11448
12581	5023, 10751, 11136	Gentiana triflora, naringenin-chalcone
Porteresia coarctata	Solanum tuberosum 8328	synthase 6325
genetic resources 10525	gene expression 13173 gene mapping 10752	Glycine max, genetic engineering 3173 Lycopersicon esculentum
Oryza sativa, intergeneric hybridization 1571	genetic transformation 2873, 5808,	ethylene 12092
Portulaca grandiflora	7007, 8329, 10751, 13173	ribulose-bisphosphate carboxylase
betalain, genetic transformation 4161	restriction fragment length polymor-	8367
DOPA dioxygenase, genetic transforma-	phism 10752 techniques 4698	ripening 12092
tion 4161 Potassium	Potentilla	Medicago sativa gene expression 11897
Actinidia deliciosa 4901	chimaeras 6310	genetic transformation 11897
Allium cepa, chromosome aberrations	phylogeny	nodulins 11905
2928	nucleotide sequences 12506 ribosomal DNA 12506	nucleotide sequences 11897 Nicotiana tabacum
Arabidopsis thaliana genetic engineering 7385	Potentilla microphylla, interspecific hybridi-	alcohol dehydrogenase 12375
genetics 11465	zation 2214	genetic transformation 9861
mutations 11465	Potentilla peduncularis	RNA polymerase 13419
Festuca arundinacea, artificial selection	chromosome number 2214 interspecific hybridization 2214	nucleotide sequences, databases 5215  Oryza sativa
500  Hordeum vulgare, nucleotide sequences	polyploidy 2214	cell culture 12986
3525	Pratylenchus	gene expression 11807
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Coffea arabica 3160	gene mapping 12986
tion 7385	Musa 1975 Oryza sativa, genetic transformation	glutelins 375 Petunia hybrida
Oryza 5603 Oryza sativa 3639, 5603	6844	naringenin-chalcone synthase 13573
gene expression 11774	Prunus 13282	tobacco yellow dwarf
heritability 2665	Pratylenchus brachyurus, Ananas comosus 9730	monogeminivirus 13573
nucleotide sequences 11774	Pratylenchus goodeyi, Musa 13313-13314	Phaseolus vulgaris glycine-rich proteins 11967
Solanum tuberosum gene expression 8315	Pratylenchus neglectus, Triticum aestivum	vascular system 11967
nucleotide sequences 8315	9080	Zea mays
Triticum aestivum, heritability 2665	Pratylenchus thornei Aegilops tauschii 1445	molecular genetics 10385 nucleotide sequences 10385
Potassium transporters Arabidopsis thaliana	Cicer arietinum 13140	ubiquitin 11782
gene expression 4268	Triticum aestivum 7773, 7777, 9080	Prosopis
nucleotide sequences 4267-4268	Precipitation, Lactuca sativa 13201	chromosome number 7455

Prosonis cont	Proteinase inhibitors cont.	Proteins cont.
Prosopis cont. evolution 7455	Arabidopsis thaliana	Glycine soja 1688
Prosopis africana, genetic resources 1013	genetic engineering 6520	polymorphism 10644
Prosopis chilensis	genetic transformation 6520	Hordeum vulgare 5310
fatty acids 2167	Brassica campestris (turnip rape), genetic	gene expression 1455, 9093
seeds 2167	transformation 11023	nucleotide sequences 1455, 9093
Prosopis cineraria, genetic resources 7458	Brassica oleracea (cauliflowers), genetic	Lilium davidii 8817 Lilium longiflorum, polymorphism 7560
Prostephanus truncatus 7978	transformation 5199	Lolium perenne 8148
Prosystemin	Cucurbita maxima, nucleotide sequences 12136	Lupinus luteus
Lycopersicon esculentum	gene expression, reviews 2309	gene expression 11915, 13052
gene expression 8365 genetic transformation 8365	Glycine max, genetic engineering 7442	polymerase chain reaction 11915
Protea Protea	Gossypium, genetic transformation 13462	Medicago sativa, artificial selection 568
breeding, conferences 7635	Lycopersicon esculentum, gene expres-	Medicago varia, somaclonal variation
cultivars	sion 743	1652
Pink Cupid 9996	Nicotiana tabacum	molecular genetics 1269
Pink Pride 11226	gene expression 968	conferences 11346
White Mist 11227	genetic transformation 968	Nicotiana excelsior
White Night 11228	Oryza sativa, genetic transformation	gene expression 4038 nucleotide sequences 4038
hybrid varieties 9996  Proteasomes	5636, 6844 Phaseolus vulgaris 11972	Nicotiana tabacum
Arabidopsis thaliana, nucleotide	Populus, genetic transformation 1010	evolution 12374
sequences 10163	Populus nigra	gene expression 4746, 12378
Daucus carota 361	gene expression 7442	genetic transformation 4746, 6919,
Oryza sativa	genetic transformation 7442	9577, 9861
gene expression 361	Solanum melongena, genetic transforma-	nucleotide sequences 12374, 12378
nucleotide sequences 361	tion 12118	Oryza sativa 441
Protected cultivation	Solanum tuberosum, genetic transforma-	combining ability 6817
Capsicum annuum 5899	tion 7011	genetic transformation 4555
Hedera 4117	Proteinases	genetics 422, 8078
Lactuca sativa 10797	Arabidopsis thaliana, gene expression 1323	genotype environment interaction 1594
Lycopersicon esculentum 5899 Mangifera indica 7233	Brassica campestris, nucleotide	maternal effects 1594
Protein disulfide-isomerase	sequences 9770	Panax pseudoginseng, polymorphism
Aegilops	crops, genetic transformation 1265	3319
gene mapping 11552	Lycopersicon esculentum, gene expres-	Pharbitis nil
restriction fragment length polymor-	sion 5926	gene expression 8791, 10008
phism 11552	Oryza sativa 9239	nucleotide sequences 8791, 10008
Triticum	Vicia sativa	Phaseolus vulgaris
gene mapping 11552	gene expression 4610	gene expression 9477
restriction fragment length polymor-	nucleotide sequences 4610	nucleotide sequences 9477
phism 11552	Zea mays	Phytolacca americana, nucleotide
Triticum aestivum	gene expression 9138 nucleotide sequences 9138	sequences 10064 Pinus pinaster 7472
gene mapping 11552 restriction fragment length polymor-	Proteins Proteins	Pisum sativum
phism 11552	Aegilops 5310	gene expression 3749, 9489
Protein kinase	Amaranthus 481	molecular genetics 1717
Arabidopsis thaliana	Arabidopsis thaliana	nucleotide sequences 3749, 9489
gene expression 64, 3392, 4235,	evolution 1293	polymorphism 2837
4243, 4272, 5225, 7735	gene expression 3390, 4236, 5248,	Poa alpina 488
nucleotide sequences 64, 3392, 4235,	6480, 6482-6483, 6508, 10171,	Pyrus pyrifolia, nucleotide sequences
4243, 4272, 5225, 11418	11428, 11445, 12620, 12626	12172
Beta vulgaris (sugarbeet), nucleotide	gene mapping 12629 genetic transformation 10171	Ricinus communis
sequences 3147  Catharanthus roseus, genetic transforma-	mutations 12629	gene expression 4983 nucleotide sequences 4983
tion 12559	nucleotide sequences 1293, 3390,	Saccharum 8596
gene expression, reviews 10143	4236, 4251, 5248, 6480, 6482-	Spinacia oleracea
Lycopersicon esculentum 13220	6483, 6508, 7721, 10153,	gene expression 4746, 9577
gene expression 8368	11428, 11445, 12620, 12626	genetic engineering 4746
nucleotide sequences 8368	Avena 5462	nucleotide sequences 9577
molecular genetics 28, 8922	Avena sativa 5462	Trifolium subterraneum 5700
reviews 10143	Betula pendula 5049	Trigonella ruthenica, polymorphism 461
Nicotiana tabacum 12402	Brassica napus (rape), polymorphism	Triticum 5310
gene expression 8649, 12410, 13417	7281  Brassica oleracea (cauliflowers)	gene mapping 1416
Petroselinum crispum, gene expression 4193	gene expression 8345	Triticum aestivum 9053, 11587
Picea, nucleotide sequences 6291	nucleotide sequences 8345	gene expression 10242
Sorghum bicolor	Cajanus cajan 654, 6956	gene mapping 9026 genetics 4372
gene expression 4518, 9187, 12905	germplasm releases 1735	natural selection 1418
nucleotide sequences 4518, 9187,	Cocos nucifera 11040	nucleotide sequences 5364
12905	Coffea arabica	somaclonal variation 10289
Zea mays	gene expression 9861	techniques 9051
gene expression 10386	genetic engineering 9861	Triticum dicoccoides, gene mapping 14
gene location 288	nucleotide sequences 9861	Triticum durum 6628
in situ hybridization 288	Cucurbita maxima, nucleotide sequences	Vicia faba
nucleotide sequences 10386	12137 Elymus 6869	gene expression 6919
Protein phosphatase Arabidopsis thaliana	gene expression, conferences 11346	nucleotide sequences 6919
gene expression 8932	genetic engineering, books 6415	Vicia narbonensis
mutations 7729	Glycine max 2782, 9390, 9425, 13094	gene expression 10665 genetic transformation 10665
nucleotide sequences 8932	artificial selection 11943	Vigna unguiculata 663
Nicotiana tabacum	combining ability 9426, 11949	induced mutations 13144
gene expression 5017	gene expression 8242, 8244, 9370	Zea mays 7956
nucleotide sequences 5017	genetic transformation 13075	gene expression 6698, 9140, 9155
Protein-tyrosine-phosphatase	heritability 9426	genetic distance 1337
Arabidopsis thaliana	heterosis 11949	maternal effects 9171
gene expression 10175	history 2797	polymorphism 1337
nucleotide sequences 10175  Proteinase inhibitors	induced mutations 9427	reciprocal effects 9171
Alocasia macrorrhiza, genetic engineer-	nucleotide sequences 8242, 8244, 9370	Protochlorophyllide reductase
ing 968	stability 2796	Arabidopsis thaliana
	Studiney 2770	gene expression 85

rotochlorophyllide reductase cont.	Protoplast fusion cont.	Prunus cont.
Arabidopsis thaliana cont.	Hyoscyamus albus 13588	cryopreservation 7144-7145
genetic transformation 85	Hyoscyamus muticus 13588	cultivars 13522
Pisum sativum, genetic engineering 1720	Ipomoea batatas 12055	evolution, random amplified polymorph
rotomycopsis phaseoli, Vigna radiata 1753	Ipomoea triloba 12055	DNA 10888
rotoplast culture 9740	Lolium multiflorum, Triticum aestivum	genetic resources 10886
Actinidia arguta 4897	4356	genetic transformation 7121
Actinidia deliciosa 2983, 4897, 10954	Lotus 4576	Leucostoma persoonii 13281
Actinidia eriantha 12243	Lotus corniculatus, Medicago sativa	Meloidogyne 4800, 13282
Actinidia kolomikta 4897	8217	phenolic compounds 13281
Actinidia polygama 4897	Lycopersicon, Solanum lycopersicoides	Pratylenchus 13282
Allium 5861	47.56	quality 12179
Allium cepa 4732	Lycopersicon chilense 8369	rooting capacity 7121
Asparagus densiflorus 4163	Lycopersicon esculentum 8369, 12097	rootstocks 7144-7145
Asparagus officinalis 4749	Solanum acaule 12094	somatic embryogenesis 8427
Astragalus adsurgens 5716	Solanum lycopersicoides 9587	tissue culture 7144-7145
Beta vulgaris (sugarbeet) 4996, 8620		
Brassica, reviews 6086	Solanum tuberosum 2878, 5799	Prunus africana
Brassica campestris 12284	Lycopersicon peruvianum 8369, 12097	domestication 1145
	Medicago 4576	genetic resources 1145
Brassica napus (rape) 12283	Medicago falcata 2734	medicinal properties 1145
Brassica oleracea (cabbages) 5888	Medicago sativa 2734	Prunus amygdalus
Capsicum annuum 3848	mitochondrial genetics 2733	genetic resources 6064
Coffea arabica 931, 9868	Mentha piperita 10070	rootstocks 6064
Colocasia esculenta 9551	Mentha spicata 10070	Prunus (apricots)
Cucumis melo 13238	Monostroma nitidum, Porphyra yezoensis	breeding 8419
Cucumis sativus 13238	12582	genetic resources 8419, 9647
Daucus carota 5826	Nicotiana, reviews 11113	Prunus armeniaca
Diospyros glandulosa 4922	Nicotiana plumbaginifolia 3179	breeding 3001-3002, 13283
Diospyros kaki 4922	Nicotiana sylvestris 3179	cold resistance 3007
Festuca rubra 6856	Oryza officinalis 6772	artificial selection 7147
Hordeum vulgare 241	Oryza sativa 2660, 6772	colour 818
Ipomoea batatas 10767, 12054	cytoplasmic male sterility 414, 12954	cultivars 3003-3004, 5984, 10887, 1089
Lilium formolongi 11303	Passiflora amethystina 4933	Clutha-13/43 8420
Lilium longiflorum 11301	Passiflora edulis 4933	Cluthagold 8420
Lolium perenne 6856	Solanum acaule 2876, 12024	Huixing 9651
Macrolepiota procera 7621	Solanum americanum 677	Marokand 7147
Moricandia nitens 7291	Solanum brevidens 685, 4701	Mixing 9651
Nicotiana glauca 8647	Solanum bulbocastanum 691, 9534	Navbakhor 7147
Oenothera hookeri 10060	Solanum chenopodioides 677	
	Solanum commersonii 679, 4686, 10736	Ruby 816
Onobrychis viciifolia 8231		Yinxiangbai 9650
Oryza sativa 3632	Solanum nigrum 677, 10737, 12026	Youxing 9651
Passiflora giberti 1103	Solanum pinnatisectum 691	Yuzaoguan 1916
Petunia hybrida 1103, 5117	Solanum tuberosum 677, 679, 685, 691,	development 9655
Populus alba 5063	2876, 4686, 4701, 6987, 9534,	flowering 3007
Prunus dulcis 2983	10736-10737, 12024, 12026, 12039	artificial selection 7147
Pyrus communis 2983	Solanum villosum 677	fruits 3006
Rosa hybrida 5097	Trifolium 4576	clonal variation 1917
Rubus fruticosus 3903	Zea mays 1496	multivariate analysis 10892
Rubus idaeus 3903	Protoplasts	genetic resources 4801-4802, 10885
Spinacia oleracea 12080	Actinidia deliciosa 10954	Gnomonia erythrostoma 8421
Trifolium fragiferum 8209	Asparagus densiflorus 4163	growth period 3005
Triticum aestivum 4383	Asparagus officinalis 4750	incompatibility, genetics 817
rotoplast fusion	Brassica oleracea (cabbages) 7042	ovules 9655
Actinidia kolomikta 4897	Cucumis melo 13238	phenolic compounds 3006
Actinidia polygama 4897	Cucumis sativus 13238	plant composition 3006
Allium ampeloprasum 5863, 9563	Ganoderma lucidum 10090	plum pox potyvirus 3008
Allium cepa 5863, 9563	Ipomoea batatas 10767	quality, multivariate analysis 10892
Amaranthus tricolor	Oryza sativa 11820	random amplified polymorphic DNA
Celosia argentea 12526, 13562	techniques 9267	4802
Celosia cristata 3825	Rubus fruticosus 3903	restriction fragment length polymor-
Arabidopsis thaliana, Brassica napus	Rubus idaeus 3903	phism, variety classification 9654
(rape) 4948, 11017	Protoporphyrinogen oxidase	ribonucleases, genetics 12175
Armoracia rusticana, Brassica oleracea	Nicotiana tabacum	rootstocks 7146
4734	gene expression 3175	seeds, clonal variation 1917
Atropa belladonna, Nicotiana	genetic transformation 11139	self incompatibility 3885, 10891
plumbaginifolia 3179	nucleotide sequences 3175	genetics 12175
Beta 6148	Provenance trials	variety trials 3003, 10889
Brassica, reviews 6086	Abies grandis 4095	vield components, multivariate analysis
	Calliandra calothyrsus 3224	10892
Brassica juncea	Cupressus lusitanica 4099	Prunus avium
Diplotaxis catholica 12273	Eucalyptus camaldulensis 5050	allergens
Moricandia arvensis 13354	Eucalyptus regnans 7430	genetic engineering 1920
Brassica napus (rape), Orychophragmus	forest trees 6254	nucleotide sequences 1920
violaceus 7274	Ilex paraguariensis 9909	apple chlorotic leaf spot trichovirus
Citrus 4911, 12251	Picea abies 2179, 6278, 6295, 7476	12174
Citrus clementina 6048		breeding 820
Citrus jambhiri 848	Picea sitchensis 4094	
Citrus reticulata 848	Pinus cembra 4083	history 3888 climate 3889
Citrus sinensis 6048	Pinus pinaster 3234	cryopreservation 3890
Citrus unshiu 6048	Pinus ponderosa 6281	cultivars 3011, 5984, 8425
Colocasia esculenta 12059	Pinus radiata 12461	
Cucumis longipes 9622	Pinus sylvestris 6278, 11201	Daneliya 6009
Cucumis melo 774, 9621-9622	Prune dwarf ilarvirus, Prunus (cherries)	Enrica 6010
Cucumis metuliferus 774	822, 8428	Giulietta 6010
Cucumis myriocarpus 9621	Prunella grandiflora, carbon dioxide 3668	Iskra 10903
Daucus carota 5826	Prunella vulgaris, carbon dioxide 3668	Jiahong 13286
Hordeum vulgare 7754	Pruning	Melitopol'skaya Krasnaya 10903
Diospyros glandulosa 4922	Abelmoschus esculentus 3866	Orion 10903
Fragaria ananassa 4841	Rubus idaeus 8440	Romantika 10903
Fragaria vesca 4841	Vitis vinifera 4880	Cytospora persoonii 12182
Ganoderma lucidum 10090	Prunus	development, induced mutations 10905
Hordeum vulgare, Oryza sativa 6558	cold resistance 12179	DNA 11191

Prunus avium cont.	Prunus domestica cont.	Prunus persica cont.
dormancy 11191	plant composition 3887	breeding cont.
flowers 3889	plum pox potyvirus 1918, 7155	history 3891 cellulase
gamma radiation 10905	rootstocks 8424, 12145	gene expression 824
genetic resources 10885	Prunus dulcis	nucleotide sequences 824
germination 11191	agronomy 10986 artificial selection 9743	chilling requirement 3022, 9659, 10925
interspecific hybridization 3015, 8428	breeding 8489	cold resistance 10931, 12192-12193
leaves, induced mutations 10905 pollination 821	cultivars 3075, 10982-10983, 10986	cultivars 3018, 3020, 3894-3895, 10887
polyploidy 3015	A2 13339	10913
Pseudomonas syringae 12182	Ali-Bala 13339	AM10 10915
quality 6002	drought resistance 9747	AM7 10915
rootstocks 8396	embryo culture 815	books 11354
seeds, storage 11191	fatty acids, multivariate analysis 9745	Chunxiu 9662
taxonomy 1921	flowers, gene expression 10985	Dora 10914
unreduced gametes 3015	genetic distance, random amplified	Earlirich 8433
variety classification, random amplified	polymorphic DNA 10984	Early Silver 9665
polymorphic DNA 8426	genetic transformation 7121	Guardian 8435
variety trials 10900	growth period 13339	Jingtangwanmi 9660
Prunus besseyi	ideotypes 8490	King Alvise 13289
cytomixis 9656	interspecific hybridization 814-815, 4807,	Kub Nyuj 9659
interspecific hybridization 9656	8436, 10916, 12145	Leonense 8430
Prunus brigantina	Leucostoma cinctum 4807	Leyuan 12185
genetic resources 4802	Leucostoma persoonii 4807	Lob Laig 9659 Lolita 3019
random amplified polymorphic DNA	lipid transfer proteins	Maria Elisa 3016
4802	gene expression 2004	Monnaze-Topaze 6012
Prunus canescens	nucleotide sequences 2004 methyltransferases	Nectazee 8432
cultivars Camil 3014	gene expression 10985	NF9260 4806
GM79 3014	nucleotide sequences 10985	Pixzee 8434
interspecific hybridization 8428, 12181	plant composition 4935	Red Elegant 9663
rootstocks 3014	pollination 12264	Red Star 9664
Prunus cerasifera	protoplast culture 2983	Ruby Diamond 3892
breeding 10895	quality, genetics, reviews 9746	Ruiguang-2 13288
cultivars 5984	ribonucleases 9744	Ruiguang-3 13288
flowers 7153	genetics 7254	Sensation 823
Meloidogyne, genetics 4804, 10936,	polymorphism 2005	Silver Giant 9665
13285	rooting capacity 7121	Silver Moon 9665
quality 6002	rootstocks 8436, 10916	Silver of Rome 9665
Prunus cerasus	self compatibility 9744	Silver Ray 9665
cultivars 1919, 5984	self incompatibility	Silver Splendid 9665
interspecific hybridization 3015, 8428,	gene mapping 7254	Silver Star 9665
12181	genetics 2005	Sirio 10916
polyploidy 3015	suberin 4807	Sunred 9658
unreduced gametes 3015	Synanthedon pictipes 4807	Tribute 8431
variety trials 10901  Prunus (cherries)	variety trials 7253	Xiangjinpan 9661 Zee Glo 3017
breeding 6008, 12180	variety trials 7253 water balance 9747	Zia 9659
cold resistance 8428	yield correlations 7255	cytoplasmic male sterility, genetics 825
cultivars 10899, 10902	Prunus emarginata, variety trials 10900	dehydrins, gene expression 3897
Blaze Star 6011	Prunus fruticosa, interspecific hybridization	development 10921
Early Star 6011	8428	gene expression 10922
GM9 3012	Prunus insititia, rootstocks 7143	nucleotide sequences 10922
Inmil 3012	Prunus lannesiana	diseases 10933
L2 10904	cryopreservation 3890	embryo culture 815, 12189
LaLa Star 6011	genetic transformation 4805	fertility 1922
LTs52 10904	Prunus mandshurica, genetic resources	flowers 12188
VSL2 10904	4801	linkage 3896
VTs13 10904	Prunus mume	fruits
habit, genetic transformation 12148	breeding 9648	genetics 1923
prune dwarf ilarvirus 822, 8428	flowering 9652-9653	linkage 3896
Prunus necrotic ringspot ilarvirus 822, 8428	fruits 9652-9653	gamma radiation 1922
rootstocks 822, 3012, 7157, 8428, 10904,	genetic resources 3000, 3884 interspecific hybridization 9652	gene mapping 10917, 10919, 10934
12147, 12181	ornamental value 10893	genetic markers 10919
Prunus davidiana	pollen 6003	genetic resources 8429, 9659, 10885, 10910-10912, 13287
gene mapping 10934	taxonomy 6003, 10894	germination 3022
interspecific hybridization 10921, 10934	variety classification 10894	growth period 9666-9667, 10926
Taphrina deformans	variety trials 9649	growth regulators, nucleotide sequences
random amplified polymorphic DNA	Prunus necrotic ringspot ilarvirus, Prunus	10924
10934	(cherries) 822, 8428	habit 12187
restriction fragment length polymor-	Prunus padus	mutations 10923
phism 10934	leaves 7158	interspecific hybridization 814-815, 480
Prunus dawyckensis	morphology 7158	8418, 8436, 10916, 10921, 10934
cultivars	seeds 7158	12145
Damil 3013	Prunus (peaches)	leaves, mutations 10923
GM61/1 3013	cultivars 10929	Leucostoma cinctum 3899, 4807
rootstocks 3013 Prunus divaricata	cytokinins, genetic transformation 7159	Leucostoma persoonii 3899, 4807
ecology 12178	habit, genetic transformation 7159	lignin 3899
genetic resources 12176, 12178	ornamental value 10929-10930	linkage 10917
Prunus domestica	restriction fragment length polymorphism 7160	Meloidogyne 8418
breeding 7156	Prunus persica	Meloidogyne incognita 8435
cultivars	apple chlorotic leaf spot trichovirus	amplified fragment length polymor-
Ferbleue 3010	12174	phism 12197
Firenze-90 819	Armillaria 8418	gene mapping 12197 linkage 12197
Penta 8424	auxins, nucleotide sequences 10924	Meloidogyne javanica
Tetra 8424	binding proteins, nucleotide sequences	amplified fragment length polymor-
gene banks 9630	10924	phism 12197
interspecific hybridization 6005	breeding 3883, 10907-10909, 10936	gene mapping 12197
phytoplasmas 7154	conferences 12589	linkage 12197

Monilinia fructicola 10935	Prunus sibirica	Pseudomonas syringae cont.
Monilinia laxa 12195	fruits 4803	Lycopersicon esculentum cont.
morphology, multivariate analysis 10927	genetic resources 4801-4802	genetics 9604
Myzus persicae 10932	leaves 4803	Medicago sativa, gene expression 1654
genetics 10937	random amplified polymorphic DNA	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
Nematoda 12146	4802 seeds 4803	tion 252, 13439
outcrossing 8437, 12186	Prunus simonii	Oryza sativa 13012 Prunus avium 12182
peach tree short life 8418, 8435	breeding 7148	Tagetes 8798
pests 10933	genetic resources 6004, 7148	Pseudomonas tolaasii, Agaricus bisporus
phenolic compounds 10935	Prunus spinosa, interspecific hybridization	13611
phosphoenolpyruvate carboxylase	6005	Pseudomonas viridiflava
gene expression 10922	Prunus tomentosa, cultivars 5984	Allium 9567
nucleotide sequences 10922	Prunus triloba	Allium cepa 9567
plant disorders 8418, 8435	cytomixis 9656	Allium fistulosum 9567
plant hairs, mutations 10923	interspecific hybridization 9656	Allium sativum 9567
plum pox potyvirus 10932, 12196	Prunus ussuriensis	Pseudopanax, phylogeny, molecular genetics
pollen 10921	breeding 7148	5142
pollen germination 1922, 6491	cytomixis 9656	Pseudoperonospora cubensis
quality 1924, 6002, 10925, 12190	genetic resources 6004, 7148	Cucumis melo 1855, 5963
gene mapping 10928	interspecific hybridization 9656	gene mapping 1858
genetic markers 10928	Prunus virginiana, phytoplasmas 10906	random amplified polymorphic DNA
linkage 3896	Psathyrostachys, taxonomy 4403	1858
multivariate analysis 10927	Psathyrostachys huashanica, chromosome	Cucumis sativus 793, 5978, 7115
random amplified polymorphic DNA	banding 9316	Cucurbita moschata 1869
10910	Psathyrostachys juncea	Luffa acutangula 3864
rootstocks 3021, 3893, 7143, 8418, 8424,	chromosome addition 5344	Pseudoperonospora humuli, Humulus lupu-
8435-8437, 10916, 12145-12147,	chromosome banding 2720, 9316	lus 8858
12183, 12191, 12197	chromosome translocation 5344	Pseudorchis albida
salinity 12191	isoenzymes, polymorphism 2720	morphology, multivariate analysis 10040
seeds, genetics 825	random amplified polymorphic DNA	taxonomy 10040
self pollination 12186	2720	Pseudorchis straminea
shoots 12188	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	morphology, multivariate analysis 10040
Sphaerotheca pannosa 10932	tion 5344	taxonomy 10040
gene mapping 10918	Pseudoananas, gene banks 9719	Pseudotsuga menziesii
heritability 12194	Pseudocalyx	breeding 1051
linkage 10918	development 11262	cysteine proteinase
suberin 4807	flowers 11262	gene expression 2185
Synanthedon pictipes 4807	taxonomy 11262	nucleotide sequences 2185
Taphrina deformans 3898, 6013	Pseudocercospora juniperi	dormancy
random amplified polymorphic DNA	Juniperus scopulorum 1056	gene expression 1053, 4098
10934	Juniperus virginiana 1056	nucleotide sequences 1053
restriction fragment length polymor-	Pseudocercosporella herpotrichoides	fertilization 1052, 11207 gene flow 3244
phism 10934	Aegilops tauschii 4427 Dasypyrum villosum	gene mapping 9985
temperature 3022	gene mapping 11645	girth, artificial selection 11208
tissue culture 12196	genetic markers 11645	height
ultraviolet radiation 1922	triticale 12853	artificial selection 11208
variety classification	Triticum 4427	genotype environment interaction
amplified fragment length polymor-	Triticum aestivum, chromosome substitu-	7484
phism 10920	tion 11645	inbreeding depression 7483
random amplified polymorphic DNA	Triticum monococcum, genetics 2464	isoenzymes 12481
10920	Pseudomonas andropogonis, Sorghum	polymorphism 3244
restriction fragment length polymor-	bicolor 4524	mitochondrial genetics, random amplified
phism 10920	Pseudomonas caryophylli	polymorphic DNA 12480
variety trials 12183-12184	Dianthus capitatus 10024	morphology, heritability 2186
Prunus (plums)	Dianthus caryophyllus 10024	outcrossing 3244
apple chlorotic leaf spot trichovirus	Pseudomonas fuscovaginae	pollen culture 1052
12174	Oryza sativa 2672, 3650, 3656, 5621	pollen germination 12482
Armillaria 8418	in vitro selection 3655	random amplified polymorphic DNA
breeding 3883	Pseudomonas marginalis	9985, 12481
cold resistance 6007	Allium 9567	somatic embryogenesis 1026
cultivars 3009, 5984, 7152, 10897 Autumn Giant 7151	Allium cepa 9567	Psidium friedrichsthalianum
Edda 7149	Allium fistulosum 9567	isoenzymes, multivariate analysis 13332
Edda 7149 Edra Tr"nkosliva 6005	Allium sativum 9567	Meloidogyne incognita 2001
Longyuan Qiouli 10898	Pseudomonas savastanoi, Phaseolus vul-	Psidium guajava
Mudantianli 13284	garis, genetics 612	development 7242-7243 fruits 7242
cuttings 6006	Pseudomonas solanacearum (see Ralstonia	isoenzymes, multivariate analysis 13332
genetic resources 9647, 12177	solanacearum)	Meloidogyne incognita 2001
interspecific hybridization 8418	Pseudomonas syringae Arabidopsis thaliana	plant composition 3951
Meloidogyne 8418	gene expression 8961, 10214, 11467-	ripening 3951
peach tree short life 8418	11469	variety trials 7241, 9735
plant disorders 8418	genetic transformation 252, 5260	Psidium guineense, genetic resources 7240
plum pox potyvirus, genetic transforma-	genetics 8959	Psila rosae, Daucus carota 7014
tion 9657	mutations 1327, 2360, 8959, 10214,	Psilanthus
quality 6002	11469	morphology 11100
ripening 3886	nucleotide sequences 5260	phylogeny, chloroplast genetics 8629
rootstocks 8418	Coriandrum sativum 1188	pollen 11100
storage 3886	Glycine gracilis, genetics 1693	Psilanthus ebracteolatus, Coffea arabica,
variety trials 8422, 10896	Glycine max	intergeneric hybridization 12369
Prunus salicina	gene expression 593, 11468	Psophocarpus tetragonolobus
breeding 7148, 10895	gene mapping 10653	chitinase
cultivars	genetics 1693	gene expression 8305
Earliqueen 8423	restriction fragment length polymor-	nucleotide sequences 8305
Gulfbeauty 7150	phism 10653	gamma radiation 4681
Gulfblaze 7150	Glycine soja, genetics 1693	tannins, induced mutations 4681
genetic resources 6004, 7148	Hordeum vulgare	Psoralens, Hordeum vulgare 6660
interspecific hybridization 9652	gene expression 252	Pterocarpus macrocarpus
phytoplasmas 7154	genetic engineering 252	isoenzymes, polymorphism 9956
Prunus serrulata, cryopreservation 3890	Lycopersicon esculentum 13220	outcrossing 9956

Pterocarpus macrocarpus cont.	Puccinia recondita cont.	Pyrola japonica, isoenzymes, genetic varia
population genetics 9956  Puccinellia, taxonomy 13031	Triticum aestivum cont. combining ability 221, 11641	Pyrophosphatases
Puccinia	economics 12763	Vigna radiata
Pennisetum glaucum 1554	gene location 2473, 3506, 9076	gene expression 9502
triticale 10339-10340	gene mapping 12768	nucleotide sequences 9502  Pyrrhalta luteola
Triticum aestivum 3501, 7864, 11537 genetics 7773-7775, 7777	genetic variance 221 genetics 219, 222, 1429, 1435-1437,	Ulmus davidiana 6274
Puccinia arachidis, Arachis hypogaea,	2472-2473, 3504-3505, 4430,	Ulmus pumila 6274
germplasm releases 11052	4435, 6642, 6647, 7772, 7863,	Ulmus wilsoniana 6274
Puccinia coronata	7866, 9074, 10306-10307,	Pyrroline-5-carboxylate dehydrogenase Agaricus bisporus
Avena sativa 5453, 5464, 6681, 12815 chromosome translocation 3536	11646, 11653-11654, 12765 germplasm releases 222, 1440-1441	gene expression 1224
gene mapping 6682	induced mutations 7868	nucleotide sequences 1224
genetics 1477-1478, 3536-3537	nucleotide sequences 11545	Pyrroline-5-carboxylate reductase,
restriction fragment length polymor-	restriction fragment length polymor-	Arabidopsis thaliana, gene expression 1304
phism 6682  Festuca pratensis, somaclonal variation	phism 12768 somaclonal variation 2471	Pyrroline-5-carboxylate synthetase
10594	Triticum durum 9073	Arabidopsis thaliana
Puccinia graminis	genetics 6642, 7863, 11649	gene expression 84, 1322, 2357
Avena sativa	Triticum monococcum 3502	genetic engineering 1322 genetic transformation 1322
gene expression 10338 genetics 4315, 12815	genetics 11648	mutations 84
Dactylis glomerata, germplasm releases	Triticum turgidum 4433 gene mapping 3507	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
10585	genetic markers 3507	tion 1322
Deschampsia cespitosa 8164	Puccinia sorghi	Pyrrosia longifolia, DNA, techniques 5131 Pyrrosia piloselloides, DNA, techniques
Festuca arundinacea, germplasm releases 2719	Zea mays	5131
Hordeum vulgare	artificial selection 5543 genetics 3584, 5540	Pyrus
gene mapping 259	germplasm releases 5541	breeding 810
genetics 9111	Zea mays (sweetcorn) 12893	Chengtuoli 3879
Oryza sativa, gene mapping 259 Triticum aestivum 216, 5410, 9073,	Puccinia striiformis	Chengtuoli 3879 Xinli-6 10877
10305	Aegilops 11651 Hordeum vulgare 5318, 9112, 12791	Yuxiangli 3879
artificial selection 10300	amplified fragment length polymor-	Zongbaoli 3880
gene mapping 11650	phism 4467	Erwinia amylovora 9632
genetics 4315, 6647, 7772, 7865, 7869, 12765	gene mapping 4467	genetic resources 3878 genetic transformation 10878
linkage 11650	Triticum 11651 Triticum acetinum 218 1430 2474 4432	molecular genetics 2333
Triticum durum 9073	Triticum aestivum 218, 1439, 2474, 4432, 4434, 5318, 5405, 5416, 9073,	rootstocks 2999
genetics 217	9077, 10308, 11652	tissue culture 10878
Triticum monococcum, genetics 11648  Puccinia helianthi	artificial selection 11647	vigour 2999  Pyrus communis
Helianthus annuus	backcrossing 5417	breeding, history 7138
gene mapping 12312	gene mapping 220 genetics 7772, 7867, 12764, 12766	Cacopsylla pyricola 1915
random amplified polymorphic DNA 12312	random amplified polymorphic DNA	cold resistance 10880-10881
Puccinia hordei	220	cultivars 797, 2998, 5984, 10875-10876 Delsayor 12168
Hordeum	restriction fragment length polymor-	Krasavitsa Chernenko 2997
gene mapping 6670	phism 220 Triticum durum 9073, 12767	Red Princess 13280
linkage 6670	gene mapping 220	Verdi 12164
Hordeum vulgare 5446, 7904 amplified fragment length polymor-	genetics 1438	Yanshan Hongxiangsuli 12166 drought resistance 2986
phism 10331	random amplified polymorphic DNA	Erwinia amylovora 796-797, 1895, 713
gene mapping 10331	220 restriction fragment length polymor	combining ability 813
genetics 7903	restriction fragment length polymor- phism 220	gene banks 9630
linkage 7903  Puccinia horiana, Chrysanthemum	Puccinia substriata	genetic engineering 1894 genetic resources 811, 7139
morifolium 6346	Pennisetum glaucum	genetic transformation 7140
Puccinia melanocephala, Saccharum	gene mapping 6743	habit
officinarum 12353	random amplified polymorphic DNA 6743	genetic transformation 12148
Puccinia menthae, Mentha 7599 Puccinia polysora	restriction fragment length polymor-	induced mutations 812
Zea mays 7960	phism 6743	height, induced mutations 812 interspecific hybridization 12163
gene mapping 5542	Pullulanase, Spinacia oleracea, nucleotide	pollination 3881, 4797
genetics 3585	sequences 10795 <b>Pulping,</b> Hibiscus cannabinus 5046	protoplast culture 2983
heritability 5542 restriction fragment length polymor-	Pulses (see Grain legumes)	quality 10879
phism 5542	Punica granatum	radiation 812 roots 2986
Puccinia psidii, Eucalyptus 8701	fruits 7252	rootstocks 7138, 8396, 12171
Puccinia recondita	genetic resources 13334 quality 7252	Venturia pirina 12173
Aegilops 11651 Aegilops speltoides, chromosome translo-	Pure lines (see Inbreeding)	Pyrus pyraster
cation 214	Putrescine methyltransferase	genetic resources 12163, 13278 genetic transformation 7121
Aegilops tauschii 3502	Nicotiana sylvestris	interspecific hybridization 12163
cereals 1371, 6560	gene expression 9878	rooting capacity 7121
Elymus elongatus gene mapping 12768	nucleotide sequences 9878  Pyrenopeziza brassicae, Brassica napus	Pyrus pyrifolia
restriction fragment length polymor-	(rape), genetic markers 13364	Alternaria alternata 6000 cultivars 2998, 10875
phism 12768	Pyrenophora graminea	97-1-33 12167
Secale cereale, gene mapping 12804	cereals 5314	Cuixiangli 13279
triticale 12856 Triticum 11651	Hordeum vulgare gene mapping 2469	Huali-1 9644
Triticum aestivum 194, 216, 3502-3503,	genetic markers 2469	Kotobuki Shinsui 6000
5405, 5410, 6646, 9073, 9075,	Pyrenophora teres	Osa Gold 12165 Zaomeisu 4796
10305, 11652, 11655, 12762	Hordeum spontaneum 12798	genetic resources 7139
aneuploidy 9076	Hordeum vulgare 2518, 5445-5446,	gynoecium, nucleotide sequences 12172
artificial selection 222, 4431, 10300, 11647	12796, 12798-12799	proteins, nucleotide sequences 12172
chromosome addition 3506	genotype environment interaction 7901	ribonucleases 4798
chromosome translocation 214	Pyricularia (see also Magnaporthe)	nucleotide sequences 12169

Th. 10 10		
Pyrus pyrifolia cont.	Quality cont.	Quality cont.
self compatibility 7141	Cannabis sativa 3213	Hevea, genetics 7422
self incompatibility 4798	Capsicum annuum 3849	Hordeum 6667
genetics 12170	haploidy 5953	Hordeum vulgare 243, 2512, 3528-3529.
nucleotide sequences 12169	Ceratopetalum gummiferum 1065	5310, 5442, 6668, 7895, 9102,
Venturia pirina 12173 Pyrus sinkiangensis, cultivars, Pitaiguo 9643	cereals, genetic engineering 4307	10327, 11674, 12790
Pyruvate decarboxylase	Cicer arietinum 3705, 10709	artificial selection 5440
Nicotiana tabacum	induced mutations 10710	biotechnology 12789
gene expression 948, 9887	Cinnamomum zeylanicum 13595	gene mapping 1454
genetic transformation 9887	Citrus reticulata 9711	genetic markers 5440
Pyruvate kinase, Nicotiana tabacum,	Citrus sinensis 7221, 9712	genetics 242, 9101
genetic transformation 12395	Citrus unshiu 9711	genotype environment interaction 7896
Pyruvate, orthophosphate dikinase	Coffea, reviews 9872 Coffea arabica	germplasm releases 10326
Arabidopsis thaliana	artificial selection 9870	restriction fragment length polymor-
gene expression 1499	genotype environment interaction	phism 5441
genetic transformation 1499	9869	techniques 12788
Oryza sativa	somaclonal variation 9870	Ipomoea batatas 706, 2907
evolution 138	Colocasia esculenta 7023	Lens culinaris 633
gene expression 138	Crambe abyssinica 13390	Leucaena, heritability 5717
nucleotide sequences 138	crops, genetic engineering 5300	Lilium, genetics 11304
Zea mays	Cucumis melo 2973	Linum usitatissimum (flax) 7417
evolution 138	genetics 1853	genetic variance 4056
gene expression 138, 1499	Cucumis sativus 1885, 7115	Linum usitatissimum (linseed) 4964, 980
genetic engineering 1499	combining ability 7112	Litchi chinensis 7237
nucleotide sequences 138	germplasm releases 1876	Lolium multiflorum 6867
Pyruvate, phosphate dikinase	heterosis 7112	Lolium perenne 2712, 8129
Flaveria bidentis	Dactylis glomerata 8138	artificial selection 11881
gene expression 13559	Daucus carota 5828	heritability 11881
genetic transformation 13559	Dimocarpus longan 9741	Lycopersicon esculentum 746, 1826,
Flaveria trinervia	Diospyros kaki 4923	1828, 9595-9596, 10821
gene expression 13559	Fagopyrum esculentum 2681	artificial selection 10826
genetic engineering 13559  Mesembryanthemum crystallinum	Fagopyrum tataricum 2681	gene expression 12105
gene expression 13578	fatty oil plants genetic engineering 3079, 6088, 9755	gene mapping 2955, 12107 genetic transformation 12105
genetic engineering 13578	genetic transformation 10997	genetics 2955, 9597
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Festuca arundinacea 2718, 6867, 8129,	germplasm releases 4767
tion 13578	10591	heterosis 5917
Oryza sativa	Festuca gigantea 2718	restriction fragment length polymor-
gene expression 11835	Festuca pratensis 8129	phism 12107
nucleotide sequences 11835	Ficus carica 13304	Malus, multivariate analysis 10869
Pythium aphanidermatum	fodder plants, conferences 10098	Malus pumila 1909, 2994, 3874, 5993,
Phaseolus vulgaris 8272	Fragaria ananassa 1932, 3032-3034,	8412, 12158
Solanum tuberosum 7000	4853-4854, 4857, 12220	heritability 10868
Pythium debaryanum	artificial selection 4816	multivariate analysis 7131
Beta vulgaris (beetroots) 12366	genetic variance 4849	somaclonal variation 10870
Beta vulgaris (fodder beet) 12366	germplasm releases 4855	Mangifera indica 1993, 8473
Beta vulgaris (sugarbeet) 12366	heritability 4849	Manihot esculenta 2895
Pythium mastophorum, Arabidopsis thaliana	Glycine max 1685, 2782, 9428, 10648-	Marrubium vulgare 1181
11470	10649, 10655, 13084	Medicago falcata 526 Medicago sativa 526, 529, 8183, 8187,
Pythium sulcatum, Daucus carota 5835	artificial selection 1686, 8252, 10647	10611
Pythium ultimum Gossypium barbadense 5035	genetic transformation 10646 genetic variance 8253	artificial selection 5687, 8188
Gossypium barbatense 3035 Gossypium hirsutum 5035	genetics 4632	Melissa officinalis 1212
Pythium violae, Daucus carota 5834-5835	genotype environment interaction 583	Musa 1973, 3057, 3063
Quality 2286	heritability 9433	Nicotiana tabacum
Actinidia deliciosa 4898-4899	random amplified polymorphic DNA	combining ability 13433
Aegilops 5310	4626	genetic variance 13433
Allium cepa 721, 5875, 5878	Gossypium 2142, 6214, 6217	Oenothera erythrosepala 10059
Allium sativum 4730	artificial selection 6211, 6222	Olea europaea 12322
artificial selection 5876-5877	genetics 11149	Opuntia 8485
Amelanchier alnifolia 7142	information processing 6213	Oryza sativa 444, 446, 1591, 1593,
Anacardium occidentale 7262	restriction fragment length polymor-	2662-2663, 3434, 3635-3636, 4558
Ananas comosus 3946	phism 12414	5612-5614, 6809, 6816, 8076, 8080-8083, 8086, 9270, 10558,
artificial selection 9727	Gossypium arboreum, multivariate analy- sis 7408	11821-11822, 11824-11827, 12924
Arachis hypogaea 13380	Gossypium barbadense 6212, 7407,	12949, 12991, 12999
genetic engineering 8570	13469, 13471	combining ability 443, 6811, 6817,
Artocarpus heterophyllus 7245 Avena sativa 6680, 11682	chromosome substitution 7409	6840
random amplified polymorphic DNA	epistasis 13466	genetic variance 3634, 4557
5461	gene mapping 6215	genetics 1597, 6815, 10557
Beta vulgaris (sugarbeet) 11085, 12365	genetic variance 13466, 13472	genotype environment interaction
artificial selection 11090	heritability 13466, 13472	3637, 9272, 11823
combining ability 8619	heterosis 13466	heritability 6840
genetics 8619	induced mutations 13472	heterosis 9271-9272
in vitro selection 11089	Gossypium hirsutum 4050, 7407, 13469,	heterozygosity 12990
Brassica, molecular genetics 2023	13471	maternal effects 6815, 10557
Brassica campestris (turnip rape) 9789	gene mapping 6215	multivariate analysis 8079 nucleocytoplasmic interaction 12992
Brassica carinata, genetic transformation	genetic engineering 13473	techniques 445, 4556, 9274-9275
4944	genetics 6216	Papaver somniferum, induced mutations
Brassica chinensis	genetics 6216 genotype environment interaction	7587, 12554
genetic variance 5889	8680	Picea abies
heritability 5889	germplasm releases 3189, 6218,	genetics 7480
Brassica juncea, techniques 8521 Brassica napus (rape) 9775, 9789	11150	genotype environment interaction
genetic engineering 6088	heritability 8678, 12422	7480
genetic transformation 10997	induced mutations 13470	Picea sitchensis
heterosis 9779	stability 9924	genetics 7480
techniques 9787	Gossypium mustelinum 3197	genotype environment interaction
Caianus caian, germplasm releases 1735	Helianthus annuus, combining ability	7480
Camellia sinensis 2095	11032	Pisum sativum 5763, 6947, 10689

Quercus acutissima, embryo culture 5059

Quality cont.	Quality cont.	Lycopersicon pennellii
Pisum sativum cont.	Triticum durum cont. genotype environment interaction	gene mapping 7062
dominance 627  Populus canadensis 2160	10291	random amplified polymorphic Di
Prunus 12179	stability 4404	7062
Prunus armeniaca, multivariate analysis	Triticum monococcum 2441	restriction fragment length polymo
10892	Triticum polonicum, genetics 5382	phism 7062
Prunus avium 6002	Triticum spelta 2441	Lycopersicon peruvianum, gene mapp
Prunus cerasifera 6002	Tulipa 11311	1820
Prunus dulcis, genetics, reviews 9746	genetics 11304	Malus pumila, gene mapping 12154
Prunus persica 1924, 6002, 10925,	Vigna mungo 3705	mathematics 1337, 5204, 5219, 5267,
12190	Vigna unguiculata	5269, 7747
gene mapping 10928	combining ability 8296	Medicago sativa 9327
genetic markers 10928	genetic variance 8296	Mimulus guttatus
linkage 3896	Vitis	gene mapping 1088
multivariate analysis 10927	conferences 5174	random amplified polymorphic DN
Prunus (plums) 6002	genetics 8452 Vitis vinifera 3919, 3921, 4879-4880,	1088
Punica granatum 7252	6032, 7190, 7204, 7206-7207,	Mimulus platycalyx
Pyrus communis 10879	13299	gene mapping 1088 random amplified polymorphic DN
Saccharum, artificial selection 6116,	clonal variation 3050-3051	1088
6127	genetics 9676	Nicotiana tabacum
Saccharum officinarum 920, 8599,	genotype environment interaction	dominance 938
11057, 11066 artificial selection 4991, 6126, 6128,	840, 3050	epistasis 938
8598, 11067	stability 8453	Oryza sativa
combining ability 8592	Zea mays 1518, 2587, 3434, 3577, 6715,	gene mapping 369, 1578, 10543
genetic variance 8592, 8594	11720, 12887	genetic markers 369
genotype environment interaction	artificial selection 3574	restriction fragment length polymo
6129, 7349	combining ability 7944	phism 1578, 10543
heritability 7349, 8594, 8598, 12347	genetic engineering 11721	Persea americana
Secale cereale 2530, 5468, 12823-12824,	genetics 10476 heterosis 10476	gene mapping 1997
12826	sugars 7946	random amplified polymorphic DN
artificial selection 2529	Quantitative genetics 6525-6526, 7167,	1997
Sinapis alba 9789	7744	repetitive DNA 1997
Solanum macrocarpon, induced muta-	mathematics 4279	Picea sitchensis
tions 9614	models 11484	artificial selection 12476
Solanum melongena 12116	Quantitative traits	heritability 2180
Solanum tuberosum 4689, 8318, 9530,	Aleurites fordii, multivariate analysis	Pinus contorta
10746 in vitro selection 13166	12342	genotype environment interaction 2177
Sorghum 12912	Amaranthus, multivariate analysis 4573	heritability 2177
Sorghum bicolor 335, 3594, 6732, 11752	Arabidopsis thaliana	polymerase chain reaction 6464
multivariate analysis 9196	epistasis 67	population genetics 6530
techniques 2294	gene mapping 67	Populus deltoides
temperate fruits 2984	random amplified polymorphic DNA	gene mapping 7446
triticale 194, 2535-2538, 12846-12847,	67	random amplified polymorphic DN
12857	artificial selection 1, 3361 Cryptomeria japonica	7446
multivariate analysis 12843	gene mapping 12483	restriction fragment length polymo
Triticum 5310	random amplified polymorphic DNA	phism 7446
genetics 5382	12483	Populus trichocarpa
Triticum aestivum 184-186, 188, 190,	restriction fragment length polymor-	gene mapping 7446
192-194, 2440, 2446, 2448-2449,	phism 12483	random amplified polymorphic DN
2451, 3472-3479, 3482-3485, 3510,	Eucalyptus grandis	7446
4388, 4392-4393, 4396, 5379-5381,	gene mapping 995	restriction fragment length polymo
5384, 6625, 6629, 7821, 7824-7829,	random amplified polymorphic DNA	phism 7446
7832, 9052, 10294, 11587, 11610- 11611, 11613-11614, 11618, 12742	995	Ribes, genetics 7167
amplified fragment length polymor-	Eucalyptus urophylla	selection 11474 Sesamum indicum, heritability 2065
phism 11617	gene mapping 995	Sorghum bicolor
artificial selection 10292, 12744	random amplified polymorphic DNA	gene mapping 1539
chromosome substitution 3471	995 gene mapping 1260, 1333, 4227, 5267,	random amplified polymorphic Di
chromosome translocation 2447, 9050	6522, 6524, 7700, 7745, 7747	1539
combining ability 189, 4397	computer programming 7931	restriction fragment length polymo
gene expression 6626	statistics 92, 10216, 11473, 12661	phism 1539
gene location 11616	genetic markers 4227, 5204, 5219	Triticum aestivum, multivariate analys
gene mapping 9054, 11617	genetics 1, 11474	1410
genetic engineering 4302, 4391	Gerbera hybrida	Triticum durum, multivariate analysis
genetic markers 9054	genetic variance 12524	1410
genetic transformation 4391, 6626	heritability 12524	Vitis vinifera 3044
genetics 2442, 2450, 4389, 5359,	Glycine max	Zea mays
6630, 11616	gene mapping 9377	computer programming 7931
genotype environment interaction	mathematics 9377	gene mapping 1489-1490, 5483,
187, 191, 2453, 4394	Gossypium, restriction fragment length	11699
germplasm releases 2450 glutenins 5383	polymorphism 12414	genetics 7931
heritability 189, 4397, 11606	Gossypium hirsutum	multivariate analysis 3547
heterosis 11606	combining ability 3196	restriction fragment length polymo
molecular genetics 182	genetic variance 3196	phism 6716
multivariate analysis 2439	Hordeum vulgare	Quercus DNA 12450
mutations 3480	amplified fragment length polymor- phism 10331	DNA 12450
nucleotide sequences 1414, 10288	gene dosage 10316	geography, chloroplast genetics 2159
reciprocal effects 4397	gene mapping 1454, 10331	isoenzymes 6268 microsatellites 8702
restriction fragment length polymor-	mutations 10316	phylogeny 11181
phism 9054, 11617	linkage, statistics 6528	chloroplast genetics 2159
techniques 9051, 11612, 12740	Lycopersicon esculentum	seed dispersal, genetics 3218
Triticum durum 1415, 4392, 4395, 4401,	gene mapping 1820, 12107	taxonomy 11181
6628, 9047-9048, 11615	restriction fragment length polymor-	variety classification 6268
chromosome substitution 3481	phism 12107, 13207	Quercus acerifolia, taxonomy, multivaria
combining ability 4409	Lycopersicon hirsutum, restriction frag-	analysis 9947
genetics 9045	ment length polymorphism 13207	Quercus acutissima, embryo culture 505

Quercus chrysolepis	Raffinose	Random amplified polymorphic DNA cont.
isoenzymes	Zea mays	Brassica napus (rape) cont.
clonal variation 4068	gene expression 3556	variety classification 6084
genetic variation 4068	mutations 1509, 3556	Brassica oleracea (cabbages), male ste-
Quercus faginea	Ralstonia solanacearum	rility 12074
somatic embryogenesis 7439 tissue culture 7439	Arabidopsis thaliana 7736, 10213	Brassica oleracea (kale) 7037
Quercus gambelii	Capsicum annuum 1845, 5955 artificial selection 10840	Brassica pekinensis 4736
interspecific hybridization, random ampli-	Lycopersicon esculentum 1832-1834,	Plasmodiophora brassicae 3817 Brassicaceae, techniques 3379
fied polymorphic DNA 2158	7075, 10827, 12109	Caesalpinia echinata, inbreeding 10076
population genetics	artificial selection 10826	Camellia sinensis, variety classification
DNA fingerprinting 12449	combining ability 4771	7364
microsatellites 12449	epistasis 751	Campanula punctata 12515
Quercus glauca	genetics 751-752, 9897	Campanula takesimana 12515
isoenzymes, genetic variation 8711	Lycopersicon pimpinellifolium	Capsella bursa-pastoris 4754
population genetics 8711	epistasis 751	Capsicum annuum 7096
Quercus grisea, interspecific hybridization,	genetics 751	techniques 4777
random amplified polymorphic DNA	Nicotiana tabacum 6180	Carica, taxonomy 853
2158 Quercus ilex	genetics 9897 Pogostemon patchouli 2263	Carica papaya, taxonomy 853 Castanea, phylogeny 10991
pollen germination 5057	senescence 1854	Castanea dentata 12268
self incompatibility 5057	Solanum melongena 1838, 5935-5937	Castanea sativa 8492
Quercus macrocarpa, gene flow 6266	techniques 13232	taxonomy 12451
Quercus myrsinaeifolia, microsatellites 3217	Solanum tuberosum 1772-1773	Cedrela odorata, genetic variation 8709
Quercus petraea	combining ability 689	Chrysanthemum morifolium
chloroplast genetics 7437	genetic engineering 6998	colour 10010
gene flow	Random amplified polymorphic DNA	flowers 10010
chloroplast genetics 9945	Abies kawakamii 12478	Chrysopogon, clonal variation 12570
genetic markers 1000	Acer nigrum, taxonomy 8710	Cicer arietinum, Fusarium oxysporum
genetic distance, genetic markers 1000	Acer saccharum, taxonomy 8710	1730, 11999, 12005 Cichorium intybus 4753, 7052
geography, chloroplast genetics 9945	Actinidia arguta, interspecific hybridiza- tion 4887	Citrus 9704, 10969, 12251
habit, heritability 7438	Actinidia chinensis, sex 4890	phylogeny 9707
isoenzymes	Actinidia deliciosa	Coffea arabica 4999
genetic variation 5266, 8705	interspecific hybridization 4887	Colletotrichum kahawae 932
population genetics 11180 leaves 1001	variety classification 4886	Colocasia esculenta 7022
microsatellites 8703	Aegilops 12773	Colocasia gigantea 7022
gene flow 11180	Aegilops speltoides, Erysiphe graminis	Coptis, taxonomy 3323
plant introduction, genetic markers 5056	4429	Corylus avellana, self incompatibility
restriction fragment length polymorphism	Agropyron, phylogeny 8153	13342
8703	Allium 4725	Croton alabamensis 1058
somatic embryogenesis 13494	phylogeny 5880	Cryptomeria japonica, quantitative traits 12483
taxonomy, random amplified	taxonomy 4733 techniques 3379	Cucumis melo 10843, 13239
polymorphic DNA 12451	Allium cepa 2923	Fusarium 1858
wood properties 1001	gametoclonal variation 12071	Pseudoperonospora cubensis 1858
Quercus robur	Allium grayi, phylogeny 12069	Sphaerotheca fuliginea 1858
anatomy, induced mutations 9935	Allium sativum, male sterility 4728	Cucurbita pepo 13247
cell division 9946	Amaranthus 1619, 4570	Cyclamen persicum, variety classification
chloroplast genetics 7437 chromosome aberrations 9935, 9946	Amblyopyrum mutica, Erysiphe graminis	2193
gene flow	4429	Cymbidium, variety classification 6362
chloroplast genetics 9945	Amelanchier alnifolia, variety classifica-	Daucus, phylogeny 12046
genetic markers 1000	tion 6001	Daucus carota
genetic distance, genetic markers 1000	Amelanchier sanguinea, variety classifi-	phylogeny 12046 variety classification 5817
geography, chloroplast genetics 9945	cation 6001  Anoectochilus formosanus 5132	Dianthus caryophyllus, flowers 5105
habit, heritability 7438	Anoectochilus koshunensis 5132	Digitaria, phylogeny 1643
isoenzymes, population genetics 11180	Arabidopsis thaliana	Digitaria exilis, phylogeny 1643
leaves 1001	growth period 67	Elaeis guineensis 7319
microsatellites 8703	quantitative traits 67	Elymus, genomes 11886
gene flow 11180	Arachis hypogaea 8559	Elymus elongatus 7784
peroxidases 9946	Arecaceae, taxonomy 13498	Elymus farctus 1395
plant introduction, genetic markers 5056	Asparagus officinalis 9579	Elymus hispidus 7784
restriction fragment length polymorphism	variety classification 12085	Eucalyptus globulus, genetic distance 996
8703 wood properties 1001	Atractylodes 1151	Eucalyptus grandis 8698 quantitative traits 995
Quercus rubra, population genetics 8704	Atractylodes lancea 3331 Avena sativa	Eucalyptus urophylla 8698
Ouercus suber	quality 5461	outcrossing 2155
isoenzymes, polymorphism 1002	seeds 5461	quantitative traits 995
random amplified polymorphic DNA	variety classification 11519	Fagopyrum esculentum
5058	Avicennia alba 3225	heterostyly 8110
restriction fragment length polymorphism	Avicennia marina 3225	self incompatibility 8110
12448	Avicennia officinalis 3225	Fagopyrum homotropicum
somaclonal variation 5058	Bertholletia excelsa 3960	heterostyly 8110
tissue culture 7440	Beta, phylogeny 9852	self incompatibility 8110
Radiation (see also Gamma radiation;	Beta maritima, cytoplasmic male sterility	Fagus sylvatica
Lasers; Neutron radiation; Ultraviolet	11081	pollen 11182
radiation) Cicer arietinum 10710	Beta vulgaris (sugarbeet) 3145 Brassica 11006	taxonomy 12451 Festuca 3676
Dendranthema grandiflora 7535, 7539	statistics 12296	Festuca arundinacea, genomes 6863
Gerbera jamesonii 7535	Brassica chinensis 4736	Festuca pratensis 8152
Nicotiana tabacum 4025	Brassica juncea, variety classification	Flammulina velutipes, variety classifica-
Pyrus communis 812	11001	tion 7620
Radioactive nuclides (see Radionuclides)	Brassica napus 11004	Fragaria ananassa 4840, 12215
Radionuclides 5273	male sterility 4954	Phytophthora fragariae 4863
Allium cepa 13188	Brassica napus (rape) 7268	Glycine max 574, 2784, 2786, 4618,
Radopholus citrophilus, Anthurium, in vitro	cytoplasmic male sterility 6080, 9769,	9372 Correspondence soliting 9448
selection 11265	12278	Cercospora sojina 9448 Haterodera alvoines 9459
Radopholus similis	herbicides 4946	Heterodera glycines 9459 insects 2811
Anthurium 13568	Leptosphaeria maculans 3100 linoleic acid 11018	nutritive value 9434
Musa 1975, 1983, 3930, 13314	mioroto dold 11010	

Random amplified polymorphic DNA cont.

Random amplified polymorphic DNA cont. Random amplified polymorphic DNA cont. Rosa laevigata, variety classification Oryza glumaepatula 3629 Oryza sativa 1570, 9226-9227, 11778, 11816 Glycine max cont. 4128 quality 4626 Rosa multiflora, repetitive DNA 10002 salinity 9444 seeds 4626 Rubus idaeus 1925 cytoplasm 2639 cytoplasmic male sterility 11794, 12953, 12957 variety classification 8439 soybean mosaic potyvirus 9453 Rubus occidentalis, variety classification variety classification 1679 2,4-D 11775 8439 Glycine soja 11934 salinity 5738 male sterility 6775 Saccharum, variety classification 4990 Gossypium, taxonomy 6219, 7411 Gossypium hirsutum, cytoplasmic male sterility 12415 Helianthus 13368 Meloidogyne graminicola 13022 tillering 11799 Salix viminalis, sex 6271 Scaevola, taxonomy 3287 Paeonia suffruticosa 1059 Secale cereale variety classification 4105 aluminium 6691 cytoplasmic male sterility 11685 statistics 12296 Paspalum notatum, apomixis 1641 Helianthus annuus 7305 drought resistance 2041 toxic substances 6691 Passiflora 10977 Pelargonium hortorum 4112 Sesamum alatum 7336 oleic acid 4972 Pennisetum glaucum 11759-11760 Sesamum indicum 7336 Setaria 10511 Puccinia helianthi 12312 Magnaporthe grisea 6743 Heliconia, variety classification 7532 Puccinia substriata 6743 Solanum astleyi, taxonomy 1770 Heliconia psittacorum, variety classifica-tion 7532 Persea americana Solanum boliviense, taxonomy 1770 quantitative traits 1997 Solanum bulbocastanum 9534 Hemerocallis, phylogeny 11261 Hordeum 4444 taxonomy 9734 Solanum chacoense 10744 Petunia hybrida Solanum phureja 2874, 10744 phylogeny 4445 fertility 11269 Solanum tuberosum 9534 Hordeum spontaneum 3530, 6654 Hordeum vulgare 2492-2493, 5439 variety classification 2193 potato S carlavirus 7005 Phaseolus, Xanthomonas axonopodis variety classification 3785 Erysiphe graminis 2519 2828 Sorghum bicolor Phaseolus coccineus 10673 Phaseolus vulgaris 9470, 9478, 10673, 11964 inflorescences 228 cytoplasmic male sterility 9191 somaclonal variation 4457 variety classification 229, 11519 water balance 1451 Ipomoea batatas 2900, 3802, 9547, quantitative traits 1539 Sternbergia 2222 Colletotrichum lindemuthianum 4650, Stylosanthes 6936 phylogeny 3701, 11919 10764 diseases 6931 Meloidogyne incognita 2908
Ixora, variety classification 3254
Juglans regia, variety classification 9749
Juniperus, taxonomy 5083
Lens culinaris 632, 11989-11991 taxonomy 11919 Phoenix dactylifera, variety classification Stylosanthes scabra, genetic resources 4612 Phyllostachys, phylogeny 6397 Tanacetum vulgare 11333 Picea abies 1045 Theobroma cacao 4013 phylogeny 8631 Picea mariana, interspecific hybridization Leucaena 13060 1046 Trifolium incarnatum 5698 Lilium parryi, genetic distance 1116 Picea rubens, interspecific hybridization Trifolium pratense 5697 Lolium 3676 1046 Lolium multiflorum 8141 phylogeny 9302 Trifolium stoloniferum 10616 Pinus flexilis, gene flow 1033 Tripsacum, sexual reproduction 328 Pinus leucodermis 3235 Pinus pinaster 2170 Pinus sylvestris 7466 Piper longum 7592, 8845 Pistacia vera 8493 triticale, variety classification 11519 Lolium perenne 8141, 8147 genomes 6863 Triticum aestivum 6602, 7784 cytoplasmic male sterility 3451, variety classification 5659 Lonicera periclymenum 6309
Lycopersicon, salinity 5918
Lycopersicon chilense, regenerative ability 10819
Lycopersicon esculentum 9585
regenerative ability 10819
tomato mosaic tobamovirus 9607 11568 Pisum sativum 6946, 11983 Platanus acerifolia, phylogeny 8713 Diuraphis noxia 5420, 10311 Erysiphe graminis 4429, 7858 Platanus densicoma, phylogeny 8713 hybrid seed production 4355 Poa pratensis Puccinia striiformis 220 apomixis 487 Triticum boeoticum 4342 parthenogenesis 11874 Triticum durum 1395, 12719 tomato yellow leaf curl bigeminivirus 755 Poncirus trifoliata 9704 Puccinia striiformis 220 citrus tristeza closterovirus 852 Triticum monococcum 4342 Verticillium dahliae 12112 Populus 1005 Triticum spelta 6602 Lycopersicon pennellii, quantitative traits Populus deltoides, quantitative traits Tuber melanosporum 12577 7062 7446 Vaccinium 7174 Macadamia 13346 Populus nigra 1004, 3220 Vaccinium corymbosum, unreduced gametes 831 Malus 12153 Populus trichocarpa, quantitative traits apomixis 2991 7446 Vaccinium darrowii, unreduced gametes Malus floribunda 10866 Porphyra yezoensis 12581 831 Malus pumila 10866 Prunus, evolution 10888 Vetiveria zizanioides 6390 development 10867 Prunus armeniaca 4802 clonal variation 7600, 12570 Venturia inaequalis 12162 Prunus avium, variety classification 8426 Vicia dumetorum 4609 Mangifera indica, polyembryony 6059 Manihot esculenta 10761 Prunus brigantina 4802 Vigna, phylogeny 6976 Maninor escutenta 10/61
variety classification 2889, 10762
Medicago falcata 526, 6882
Medicago polymorpha 13045
Medicago sativa 526, 5684, 6882, 81738175, 8190, 9327, 10605
apomixis 2736
self comparibility 0476 Prunus davidiana, Taphrina deformans 10934 Vigna radiata Riptortus clavatus 10727 Prunus dulcis, genetic distance 10984 Prunus persica 10910 vignatic acids 10727 Vigna unguiculata 4672 Taphrina deformans 10934 Vigna vexillata 13148 variety classification 10920 Viola, taxonomy 12513 Prunus sibirica 4802 Psathyrostachys juncea 2720 Pseudotsuga menziesii 9985, 12481 mitochondrial genetics 12480 self compatibility 8178 Vitex lucens 4078 somaclonal variation 4599 Vitidaceae 837 unreduced gametes 2736 variety classification 3688 Melaleuca 13604 Vitis 837, 1940, 6029, 12228 rootstocks 10947 Quercus gambelii, interspecific hybridization 2158 taxonomy 12238 Mentha arvensis 13600 Quercus grisea, interspecific hybridization 2158 techniques 3379 Microcitrus, phylogeny 9707
Mimulus guttatus, quantitative traits 1088
Mimulus platycalyx, quantitative traits transposable elements 7198 Quercus petraea, taxonomy 12451 Quercus suber 5058 Vitis labrusca, variety classification 8446 Vitis vinifera, variety classification 3915-3916, 8446 Raphanus raphanistrum, phylogeny 12065 1088 Xanthosoma 7022 Zea mays 2558, 2562, 9135, 10369, 10381 Morus, taxonomy 3055 Raphanus sativus 4736, 13183 phylogeny 12065 Musa 3058 Nicotiana, phylogeny 2121 Nicotiana tabacum Rehmannia glutinosa, wide hybridization salinity 7952 atrazine 6192 5133 techniques 3379 herbicides 6192 Rhododendron, somaclonal variation variety classification 11702 Olea europaea, variety classification 6313 Zingiber officinale 5148 6100 Rosa canina, repetitive DNA 10002 Zoysia, taxonomy 4590

Rapamycin	Raukaua, nomenclature 12563	Rehmannia glutinosa
Arabidopsis thaliana	Rauvolfia serpentina, Agrobacterium	tissue culture 5133
gene expression 13101 nucleotide sequences 13101	rhizogenes, genetic transformation 6377	wide hybridization, random amplified
Vicia faba	Receptor kinase Petunia inflata	polymorphic DNA 5133  Reinhardtia gracilis, sexual reproduction
gene expression 13101	gene expression 4144	10047
nucleotide sequences 13101	genetic transformation 4144	Repetitive DNA 7740
Raphanus	Receptor-like kinase, Triticum aestivum,	Aegilops
ovule culture 1802	nucleotide sequences 11545	nucleotide sequences 3445
phylogeny, nucleotide sequences 12066	Recessiveness (see Dominance)	restriction fragment length polymor
Raphanus raphanistrum	Reciprocal effects	phism 3445'
Brassica napus (rape), intergeneric	Beta vulgaris (beetroots), folic acid 712 Phaseolus vulgaris, cold resistance 2826	Aegilops speltoides, phylogeny 4346 Allium cepa, genomes 4724
hybridization 872, 3102, 12272	Stenotaphrum secundatum, cold resis-	Allium fistulosum, genomes 4724
carbon dioxide 7024	tance 9322	Allium roylei, genomes 4724
cytoplasmic male sterility 12063	Triticum aestivum	Alstroemeria, fluorescence in situ hybri
flowers	quality 4397	ization 3295
natural selection 5846	spring and winter habit 144	Arabidopsis thaliana, chromosome mor
pleiotropy 5846 glufosinate, gene flow 872	Zea mays oils 9171	phology 5242
herbicides, gene flow 872, 3102	proteins 9171	Brassica 6077 cereals 7759
male sterility, mitochondrial genetics 711	seeds 9171	Cicer arietinum, Fusarium oxysporum
phylogeny, random amplified	Sesamia nonagrioides 11743	6955
polymorphic DNA 12065	starch 9171	Diplotaxis siifolia, phylogeny 3096
stomata 7024	Recombinant proteins, Zea mays, genetic	Elymus trachycaulus, nucleotide
Raphanus sativus	transformation 12870	sequences 11885
Alternaria brassicicola, gene expression 12067	Recombination 110	Erucastrum abyssinicum, phylogeny 3006
auxin binding proteins	(see also Mitotic recombination)  Aegilops, restriction fragment length pol-	Erucastrum gallicum, phylogeny 3096 evolution 8917
gene expression 8336	ymorphism 5421	Glycine max 10638
genetic engineering 8336	Arabidopsis thaliana 5229	mitochondrial genetics 9373
Brassica campestris, intergeneric hybridi-	genetic engineering 49	variety classification 1680
zation 1802, 2013-2014	induced mutations 2337	Glycine soja, mitochondrial genetics
Brassica chinensis, intergeneric hybridi-	Glycine max	9373
zation 4735-4737	colour 9389	Gossypium, evolution 11151
Brassica fruticulosa, intergeneric hybridization 2917	fertility 9389 flowers 9389	Hordeum vulgare DNA hybridization 4446
Brassica juncea, intergeneric hybridiza-	Hordeum bulbosum, restriction fragment	nucleotide sequences 3445, 4446
tion 1802, 2013-2014, 4735, 4737	length polymorphism 4449	restriction fragment length polymor-
Brassica maurorum, intergeneric hybridi-	Hordeum vulgare	phism 3445
zation 2917	hordein 2509	variety classification 229
Brassica napus (rape), intergeneric	restriction fragment length polymor-	Malus floribunda, variety classification
hybridization 4947	phism 4449	10866
Brassica oleracea, intergeneric hybridization 1802	Lycopersicon esculentum, Fulvia fulva 8381	Malus pumila, variety classification 10866
Brassica oxyrrhina, intergeneric hybridi-	natural selection 7739	Medicago 1649
zation 2015, 2917	Nicotiana tabacum 6171	Musa 1970
Brassica pekinensis, intergeneric hybridi-	Triticum aestivum 3448	variety classification 12248
zation 4735-4737	nucleolus organizer 10269	Oryza sativa 3618
chloroplasts	Triticum monococcum, nucleolus orga-	fluorescence in situ hybridization
gene expression 8337	nizer 10269  Zea mays 2557, 2565, 4488, 10388-	3612 heterosis 11788
nucleotide sequences 8337 cucumber mosaic cucumovirus 4718	10389	Penstemon, evolution 11260
cultivars 2386, 11506, 12061	genetics 295	Persea americana, quantitative traits
Dubinushka 2387	restriction fragment length polymor-	1997
cytoplasmic male sterility 12063	phism 295	Pinus sylvestris 7466
embryo culture 2917	transposable elements 9147	Pisum sativum 1713
gene flow 2916	Red clover vein mosaic carlavirus, Pisum	Pithecellobium elegans, phylogeny 8712 Rosa canina, random amplified
genetic resources 13183 genomes, DNA hybridization 4947	sativum 5766 Regenerative ability	polymorphic DNA 10002
glutamate-ammonia ligase, gene expres-	Ananas comosus 13320	Rosa multiflora, random amplified
sion 4716	Brassica napus (rape) 9783	polymorphic DNA 10002
glycoproteins	Brassica pekinensis 12076	Secale cereale
polymerase chain reaction 10770	pollen culture 4741	nucleotide sequences 3445
restriction fragment length polymor-	Capsicum annuum 5952	restriction fragment length polymor- phism 3445
phism 10770	Cucumis melo, somaclonal variation 3856 forest trees, genetics 9938	Solanum brevidens 10738
green manures 7025  Heterodera schachtii 7025	Helianthus annuus 9803	Solanum tuberosum 10738
isoenzymes 4736	Lactuca sativa 8360	Globodera pallida 12041
light	Lycopersicon chilense, random amplified	Sorghum bicolor 9188-9189
gene expression 8337	polymorphic DNA 10819	Spinacia oleracea, polymerase chain
nucleotide sequences 8337	Lycopersicon esculentum, random ampli-	reaction 12078
nucleolus 5845	fied polymorphic DNA 10819	Triticum nucleotide sequences 3445
phylogeny, random amplified polymorphic DNA 12065	Malus pumila 10865 Medicago sativa 10610	phylogeny 4346
random amplified polymorphic DNA	artificial selection 8186	restriction fragment length polymor-
4736, 13183	Oryza sativa 1589	phism 3445
ribosomal DNA, gene expression 4715	genetics 8075	Triticum aestivum 9013
roots, multivariate analysis 12064	induced mutations 10555	Triticum boeoticum 4342
self incompatibility 710	restriction fragment length polymor-	Triticum monococcum 4342
gene expression 709	phism 1588	nucleotide sequences 9011 <i>Vitis vinifera</i> , variety classification 967:
genetics 12062	Phaseolus coccineus 11974 Phaseolus vulgaris 11974	Zea mays 2568, 12862
nucleotide sequences 709 polymerase chain reaction 10770,	Picea abies 11205	Zea mexicana 2568
12062	Picea sitchensis 11205	Reporter genes, gene expression 6695
restriction fragment length polymor-	Pleurotus 12579	Reports
phism 10770, 12062	tissue culture 10229	Asian Vegetable Research and Develop
stomata 4737	Triticum aestivum 7819, 10283	ment Center 7623
vernalization 3803, 9553	combining ability 2434	Barbados, West Indies Central Sugar Cane Breeding Station 10093
Ratooning, Oryza sativa, gene mapping	heterosis 2434  Zea mays 6713	cereals, breeding 1230
2646	Zea mays 0/13	terest, treesing two

Puccinia substriata 6743

Reports cont.	Restriction fragment length polymorphism	Restriction fragment length polymorphis
Denmark, National Committee for Plant	cont. Atractylodes 8829	Helianthus annuus cont.
Production 3345 Finland, Foundation for Forest Tree	phylogeny 12562	Sclerotinia sclerotiorum 12310
Breeding 13614	Avena sativa	Hordeum bulbosum, recombination 444
International Center for Agricultural	genetic distance 4303	Hordeum vulgare 2492, 5430-5431
Research in the Dry Areas 1230,	height 1474	barley mild mosaic bymovirus 4468
5172, 12584	Puccinia coronata 6682	barley yellow mosaic bymovirus 911 development 4301
International Center for Agricultural Research in the Dry Areas, Genetic	Avicennia alba 3225 Avicennia marina 3225	elongation factors 2495
Resources Unit 13613	Avicennia officinalis 3225	Erysiphe graminis 4314
International Crops Research Institute for	bamboos, phylogeny 7614-7615	height 4301
the Semi-Arid Tropics 1227	Beta maritima 3146, 6147	Heterodera avenae 9115
International Institute of Tropical Agri-	cytoplasmic male sterility 11081	quality 5441 recombination 4449
culture 10092	Beta vulgaris 3146	repetitive DNA 3445
International Maize and Wheat Improve- ment Center 13616	Beta vulgaris (sugarbeet) 3145 aneuploidy 924	somaclonal variation 4457
International Network for the Improve-	cytochrome-c oxidase 3148	variety classification 229
ment of Banana and Plantain 2270	cytoplasmic male sterility 3148	water balance 1451
International Plant Genetic Resources	seed production 927	Humulus lupulus 5161
Institute 1228, 13612 International Potato Center 12583	Brassica campestris 3088	Isotoma petraea, ribosomal DNA 3305 Lablab purpureus 567
Japan	Brassica campestris (sarson), self incompatibility 3964	Lens culinaris 11991
National Institute of Agrobiological	Brassica campestris (turnip rape)	variety classification 5769
Resources 1229, 10094	flowering 880	Lens orientalis, variety classification
National Institute of Genetics 11343	vernalization 880	5769
Netherlands, Centre for Plant Breeding	Brassica juncea, Leptosphaeria maculans	Lentinula, phylogeny 1225
and Reproduction Research 11341- 11342	11022	Leucaena 13060 Leymus racemosus 2406
UK, John Innes Centre and Sainsbury	Brassica napus (rape) cytoplasmic male sterility 12274,	Lolium, taxonomy 11879
Laboratory 13615	12278	Lolium perenne, variety classification
USA	flowering 880	11877
Cooperative Forest Genetics Research	Leptosphaeria maculans 11022	Lotus alpinus 10623
Program 8861	vernalization 880	Lycopersicon esculentum 2878, 5799,
Cooperative Forest Tree Improvement Program 8862	Brassica nigra 7271 Brassica oleracea (cauliflowers) 12072	9587, 11269 Phytophthora infestans 7081
Reproduction	Brassicaceae (Caulinowers) 12072	quality 12107
Amelanchier bartramiana 3882	glycoproteins 10770	quantitative traits 12107, 13207
Amelanchier laevis 3882	self incompatibility 10770	Lycopersicon hirsutum, quantitative trait
books 10115	Capsicum 4778	13207
Lentinula edodes 3343 Lentinus 4201	Chaboissaea, phylogeny 2730	Lycopersicon pennellii Phytophthora infestans 7081
Lycopersicon esculentum 9603	Cicer arietinum 4667 Cichorium intybus, cytoplasmic male ste-	quantitative traits 7062
Mangifera indica 3070	rility 2942	Lycopersicon pimpinellifolium,
Oryza sativa, heterosis 6770	Citrullus colocynthis 2976	Phytophthora infestans 7081
Pistacia lentiscus 10995	Citrullus lanatus 2976	Macrozamia riedlei, ribosomal DNA
Pleurotus 4201 Poa pratensis 4578	Citrus, phylogeny 9707	3305
Polyporus 4201	Cocos nucifera 9807 Coffea arabica 4999	Medicago sativa 521, 5684, 8175 apomixis 2736
Vicia 13050	Cryptomeria japonica, quantitative traits	unreduced gametes 2736
Resins, Picea abies, heritability 1047	12483	Microcitrus, phylogeny 9707
Respiration	Cucumis 9621, 12131	Musa 3926
Cicer arietinum, induced mutations 2846	Daucus carota, phylogeny 5830	mutations 10131
molecular genetics 22 Oryza sativa 11806	Dianthus caryophyllus, flowers 5105 Diospyros, phylogeny 12260	Nelumbo nucifera, phylogeny 7028 Nelumbo pentapetala, phylogeny 7028
Triticum aestivum 218	Elymus, genomes 11886	Oenothera, chloroplasts 1079
Restriction fragment length polymorphism	Elymus elongatus, Puccinia recondita	Orchis, phylogeny 6368
3375	12768	Oryza, phylogeny 449
Abies kawakamii 12478	Elymus hispidus, barley yellow dwarf	Oryza rufipogon 425
Acacia mangium 13497 Actinidia, taxonomy 4900	luteovirus 2476	Oryza sativa 362-363, 380, 386, 394,
Aegilops	Eragrostis tef, ribosomal DNA 5670 Eucalyptus nitens 13492	2638, 4298, 5581, 6763, 8048, 923 abscisic acid 457
evolution 195, 6631	cold resistance 2157	cytoplasmic male sterility 11789
protein disulfide-isomerase 11552	Fagus crenata 7441	2,4-D 11775
recombination 5421	adenosinetriphosphatase 11183	development 11797
repetitive DNA 3445 Aegilops comosa 12774	cytochrome-c oxidase 11183	dormancy 10550
chromosome translocation 9021	Fagus japonica 7441 Festuca arundinacea 11882	drought resistance 1601 fertility 405, 1575, 6771
Aegilops tauschii 5333	Festuca gratensis 11882	globulins 8084
Tilletia indica 5415	Fortunella crassifolia, citrus tristeza clos-	growth period 10550, 11798
Aegilops umbellulata 4364	terovirus 4917	growth regulators 457
Agaricus bisporus 3340, 4198-4199	Glycine max 575, 1675, 1678, 9374,	Magnaporthe grisea 1612, 5633
Allium phylogeny 5879	10630 glyginin 0306	mitochondrial genetics 11789
taxonomy 9565	glycinin 9396 <i>Helicoverpa zea</i> 9463	Nephotettix cincticeps 1616
Allium schoenoprasum	Heterodera glycines 3735, 5744,	Orseolia oryzae 1617 phylogeny 385
cytoplasmic male sterility 719	10661-10662	quantitative traits 1578, 10543
male sterility 719	leaves 6910	regenerative ability 1588
Ananas 9721	Meloidogyne arenaria 598	rice stripe tenuivirus 10575
Annona, phylogeny 4934 Arabidopsis thaliana 8933, 10213, 11415	Meloidogyne incognita 3734	rice yellow mottle sobemovirus 366
cytochromes 8926	Phytophthora sojae 5741 Pseudomonas syringae 10653	seedlings 11797
diseases 6518	seeds 9396	tillering 11799 wide hybridization 2644
ferrochelatase 12617	Glycine soja 5728, 11938	Paspalum notatum, apomixis 1641
flowering 880	Gossypium	Paspalum simplex
vernalization 880	quality 12414	apomixis 5671
Arachis hypogaea 7327 Artocarpus, phylogeny 3955	quantitative traits 12414	polyploidy 5671
Asparagus, phylogeny 4751	grasses, phylogeny 9299  Helianthus annuus 4968-4969	Pennisetum glaucum
Atalantia ceylanica, citrus tristeza clos-	drought resistance 2041	cytoplasmic male sterility 1553  Magnaporthe grisea 6743
terovirus 4917	Plasmopara halstedii 895, 4974	Puccinia substriata 6743

Restriction fragment length polymorphism cont.	Restriction fragment length polymorphism cont.	Reviews cont.  Bacillus thuringiensis, genetic engineer-
Persea americana, variety classification	Triticum aestivum cont.	ing 4222, 7683
12257	chromosome translocation 4362,	bacteria, in vitro selection 11497
Pharbitis purpurea, anthocyanins 3271	9021, 11549	Brassica
Phaseolus, phylogeny 11975 Pinus, ribosomal RNA 5069	colour 11617	glucosinolates 9784
Pinus rzedowskii, ribosomal DNA 7467	cytoplasmic male sterility 11568 development 4301	protoplast culture 6086
Pinus sylvestris	Diuraphis noxia 11659	protoplast fusion 6086 self incompatibility, molecular genet-
cytochrome-c oxidase 7475	Erysiphe graminis 4314, 7860	ics 4739
evolution 7475	genetic distance 4303	Brassica napus (rape)
Pisum sativum, ribosomal DNA 3748	height 4301, 9029, 10274-10275	fatty acids, genetic engineering 11020
Pleurotus, taxonomy 12576	hybrid seed production 4355	wide hybridization 7272
Pleurotus ostreatus 3341	protein disulfide-isomerase 11552	breeding 6458
Poncirus trifoliata, citrus tristeza closter- ovirus 4917	Puccinia recondita 12768 Puccinia striiformis 220	carotenoids gene expression 11384
Populus deltoides, quantitative traits 7446	quality 9054, 11617	nucleotide sequences 11384  Carthamus tinctorius, heterosis 4975
Populus trichocarpa, quantitative traits	salinity 1424 spring and winter habit 9034, 11591	cereals
7446  Prunus armeniaca, variety classification	thaumatin 1396 vernalization 9034, 11591	anther culture 5309 genetic transformation 1367
9654 Prunus davidiana, Taphrina deformans	Triticum durum 2408	chromosome aberrations 12680-12681 chromosome pairing 11485
10934	Puccinia striiformis 220 Triticum spelta	Coffea
Prunus (peaches) 7160	spring and winter habit 9034	Colletotrichum kahawae 9872
Prunus persica	vernalization 9034	Hemileia vastatrix 9872
Taphrina deformans 10934	Triticum turgidum, Tilletia indica 5415	quality 9872 cold resistance 2304
variety classification 10920	Tuber himalayense 3339	conifers, molecular genetics 12459
Quercus petraea 8703 Quercus robur 8703	Tuber indicum 3339	conservation, molecular genetics 7704
Quercus robur 8703 Quercus suber 12448	Tuber melanosporum 3339	crops
Raphanus sativus	Tuber sinense 3339 Vigna 567	biotechnology 12702
glycoproteins 10770	Vigna 307 Vigna radiata	genetic transformation 8911
self incompatibility 10770, 12062	Riptortus clavatus 10727	molecular genetics 26
Rhododendron kaempferi 9999	vignatic acids 10727	salinity 2307
Rhododendron kiusianum 9999	Vigna unguiculata 4672	tissue culture 6543
Rosa, taxonomy 1073	Vitis 6029, 12228	cryopreservation 6419
Rubus allegheniensis 4809	Zea mays 302, 5482, 6701, 6706, 7929,	Cucumis melo, heterosis 4786
Secale cereale	10371, 10381-10382, 10412	cytology 1340 cytoplasmic male sterility 1347
chromosome translocation 4362	alachlor 5548	death 7680
cytoplasmic male sterility 11685	aluminium 5529	development
development 4301 height 4301	cytoplasmic male sterility 296	genetics 11488
repetitive DNA 3445	Diatraea grandiosella 3589, 7987 Diatraea saccharalis 3589, 7987	molecular genetics 8915
self compatibility 11686	digestibility 3573	tissue culture 8915
Setaria italica 4298, 4526, 11757	endosperm 9146	diseases
ribosomal DNA 1551	flavones 10373	genetic engineering 8895-8896
Setaria viridis 4526	forage 3573	genetics 7679
Severinia buxifolia, citrus tristeza closter-	heat resistance 321	molecular genetics 8896
ovirus 4917	Helicoverpa zea 9185	dormancy genetics 2389
Solanum, taxonomy 12117	herbicides 5548	molecular genetics 2389
Solanum acaule 12024	maize streak monogeminivirus 6726	drought resistance, molecular genetics
genomes 2876	maysin 9185, 10373	8894
Solanum bulbocastanum 9534	Ostrinia nubilalis 7988	ecology, genetic markers 7702
Solanum kurtzianum 13161	Puccinia polysora 5542	embryology 115
Solanum lycopersicoides 9587 Solanum melongena taxonomy 12117	quantitative traits 6716 recombination 295	epistasis 8970
Solanum melongena, taxonomy 12117 Solanum microdontum 13161	sugarcane mosaic potyvirus 10493	ethylene, molecular genetics 7688
meiosis 12029	toxic substances 5529	evolution 5291
Solanum phureja, potato X potexvirus	variety classification 11702	gene expression 11501
9537	Zoysia 2728	genetic markers 7702 polyploidy 10223
Solanum rechei 13161	Zoysia japonica, salinity 11894	fluorescence in situ hybridization 7695
Solanum tuberosum 2878, 5799, 6984,	Zoysia matrella, salinity 11894	Fragaria, breeding 4808
9534, 12024	Reverse transcriptase	fungi
chlorophyll 13165	Vigna luteola 2853	biotechnology 10127
colour 13165	Vigna unguiculata 2853	in vitro selection 11497
genomes 2876	Vigna vexillata 2853	gene banks 8881
meiosis 12029	Reviews	gene expression 5210, 8909, 11397,
potato A potyvirus 10752	abscisic acid, gene expression 8907 abscission 6448	12607
potato X potexvirus 9537 potato Y potyvirus 10752	Agrobacterium tumefaciens, genetic	gene flow 5263
Sorghum bicolor 9188	transformation 1277	gene mapping 8910 genetic engineering 40, 2324
cytoplasmic male sterility 9191	alkaloids, molecular genetics 11413	genetic engineering 40, 2324 genetic markers 33, 5263, 8919, 12611
ligules 11746	Allium	genetic resources 1247, 8881
photosynthesis 9192	evolution 13187	biotechnology 7
quantitative traits 1539	genetic markers 13187	genetic transformation 2316, 5206,
Ŝtenodiplosis sorghicola 10509	angiosperms	11409, 11495
Thinopyrum distichum 2408	hydroxyproline-rich glycoproteins	genotype environment interaction 5197
Tripsacum dactyloides, apomixis 5549-	1342	Glycine max, heat shock proteins, gene
5550	self incompatibility 116	expression 590
Triticum	Arabidopsis thaliana	growth regulators, gene expression 8907
evolution 195, 6631	auxins, genetics 5252 development	heat resistance 2304 herbicides, genetic engineering 8898
gliadin 5378	genetics 1316	heterosis 6531
glutenins 5378	mutations 1316, 2344	heterozygosity 8969
phylogeny 196 protein disulfide-isomerase 11552	gene mapping 5238	immunoglobulins, genetic transformation
repetitive DNA 3445	light, mutations 5254	12605
Triticum aestivum 2406, 5333, 6607,	roots	in vitro selection 11496
6609, 9010, 12774	genetics 1316	induced mutations 11496
barley yellow dwarf luteovirus 2476	mutations 1316, 2344	insects, genetic engineering 4222, 7683

Reviews cont.	Rhipsalis, cultivars, Matilda 11320	Rhododendron degronianum, microsatellites
Lens culinaris, genetic resources 10694	Rhizobium (see also Bradyrhizobium; Nitro-	12502
light, gene expression 36	gen fixation)	Rhododendron ferrugineum, pollination 4107
lignin gene expression 6455	Cicer arietinum 4668, 6953 Medicago 535	Rhododendron fortunei, interspecific hybrid-
genetic engineering 6455	Medicago aculeata 531	ization 12509
meiosis 11485	Medicago murex 532	Rhododendron kaempferi
microsatellites 6463	Medicago polymorpha 532	interspecific hybridization 9999 restriction fragment length polymorphism
mitochondrial genetics 2325 molecular genetics 7698, 8923	Medicago sativa, gene expression 3690, 8195	9999
polyploidy 2370	Medicago truncatula 532-533	Rhododendron kiusianum
molybdenum cofactor, genetics 7685	mutations 1653	interspecific hybridization 9999
morphology, genetics 3362	Phaseolus vulgaris 3742, 9476	restriction fragment length polymorphism 9999
mutations, artificial selection 10131 Nicotiana, protoplast fusion 11113	Pisum sativum gene expression 4659, 13124	Rhododendron sataense
nodulation, molecular genetics 4232	germplasm releases 10690	colour 1062
nuclei 12606	Trifolium repens 3696	flowers 1062
nucleotide sequences, artificial selection	Vigna unguiculata, gene expression 3772	genetic resources 1062
10131 ornamental bulbs	Rhizoctonia (see also Corticium; Macrophomina; Thanatephorus)	Rhododendron simsii cultivars
biotechnology 11278	Rhizoctonia carotae, Daucus carota 7014	Aquarell 7495
interspecific hybridization 11279	Rhizoctonia solani	Beenak 7496
ornamental plants	Beta 11097	Dyana 7497
genetic transformation 3249 tissue culture 13521	Beta vulgaris (sugarbeet) 2089, 8624	Potpurri 7498 variety classification, amplified fragment
Oryza sativa	germplasm releases 3155  Brassica oleracea 4742	length polymorphism 7491
drought resistance 2669	Cucumis sativus 1886-1887, 7114	Rhopalosiphum maidis, Hordeum vulgare
genetic transformation 371	Gossypium barbadense 5035	10333-10334
Orseolia oryzae, genetics 9290 tissue culture 6803	Gossypium hirsutum 5035	Rhopalosiphum padi, Triticum aestivum 5418, 7871
ovules, genetics 11488	Nicotiana tabacum, genetic transformation 2123, 4041	Rhynchosia bracteata, Cajanus cajan, inter-
oxidoreductases, molecular genetics	Oryza sativa 6834-6835, 8099, 10570,	generic hybridization 8290
11413	13007	Rhynchosporium orthosporum, Lolium per-
pests, gene expression 2309 phylogeny 2380, 5290	gene expression 8098	enne 9303 Rhynchosporium secalis
phytochrome, gene expression 36	in vitro selection 2675 nucleotide sequences 8098	Hordeum vulgare 1459, 5446, 9092
plant embryos 4284	Solanum tuberosum 2883	gene mapping 5448
mutations 2374	Rhizomes	genetic transformation 1460
pollen 8978 polyamines	Festuca rubra	genetic variance 4461
gene expression 10129	clonal variation 4582	genetics 6669, 7902 techniques 12797
molecular genetics 6454, 10129	genotype environment interaction 4582	triticale 2540, 10347
polymerase chain reaction 8910	Lotus corniculatus 9342	Ribes
population genetics, genetic markers 7703	genetics 13056	chromosome pairing 9670
protein kinase	Rhizophora samoensis	interspecific hybridization 9670
gene expression 10143	compatibility 7459 fertility 7459	leaves 7168 microsatellites 10940
molecular genetics 10143	interspecific hybridization 7459	morphology 7168
proteinase inhibitors, gene expression 2309	Rhizophora stylosa	quantitative traits, genetics 7167
Prunus dulcis, quality, genetics 9746	compatibility 7459	Ribes (black currants)
roots, auxins 11508	fertility 7459 interspecific hybridization 7459	fungi 7169 variety trials 7169
Rubus idaeus, breeding 4808	Rhizosphere	Ribes grossularia (see Ribes uva-crispa)
Saccharum officinarum breeding 912	Beta vulgaris (sugarbeet) 11093	Ribes nigrum
source sink relations 916	Triticum aestivum 7840	Cecidophyopsis ribis 3905
seeds	Rhododendroideae, phylogeny, nucleotide	cultivars
genetics 2389	sequences 1066 Rhododendron	Hanfeng 1928 Labil'naya 7165
molecular genetics 2389	breeding 5086	Nesravnennaya 7165
sterols, gene expression 4225 stress 13	cold resistance 1070, 13526	drought resistance 2986
artificial selection 14	genetics 12509	roots 2986
temperate fruits, cold resistance 2985	cultīvars 5087, 7502, 8730, 12492 Bernhard Lauterbach 11224	Ribes rubrum cultivars 7166
tissue culture 11495 toxic substances, artificial selection 14	Cunningham's Album Compactum	drought resistance 2986
transcription factors 10141	5088	microsatellites 10940
transposable elements, molecular genetics	Madame Jeanne Frets 11224	roots 2986
3383	Mademoiselle Marie van Houtte 11224	variety trials 12205
Triticum aestivum genotype environment interaction	Violette Funken 5091	Ribes uva-crispa drought resistance 2986
6635	Watereri 5088	roots 2986
height 6618	evolution 7509	Ribgrass mosaic tobamovirus, Arabidopsis
vaccines, genetic transformation 5209	genetic transformation 6304	thaliana 1329
Vaccinium	hybrid varieties 5088, 11225 isoenzymes 6268	Riboflavin, Allium fistulosum 2924 Ribonucleases
genetic engineering 7173 tissue culture 7173	phylogeny, nucleotide sequences 8743	angiosperms, evolution 122
viruses	somaclonal variation 2196	Arabidopsis thaliana, genetic transforma-
genetic transformation 6439	random amplified polymorphic DNA	tion 11507
molecular genetics 6439  Zea mays	6313 taxonomy, books 8873	Citrus, genetic transformation 11507
Chilo partellus 7976	variety classification 6268	Lycopersicon esculentum, gene expression 4764
drought resistance 5526	wide hybridization 9998	Lycopersicon peruvianum 8370, 9588
Helicoverpa zea 7972	Rhododendron arboreum, interspecific	Nicotiana
insects 7968	hybridization 5088	gene expression 9884
low input agriculture 5524, 5526	Rhododendron bakeri, nomenclature 4115	genetic transformation 9884
Spodoptera frugiperda 7972 stress 5524	Rhododendron catawbiense, interspecific hybridization 12509	Nicotiana alata, nucleotide sequences
Rhamnus cathartica, interspecific hybridiza-	Rhododendron caucasicum, interspecific	Nicotiana glauca 12392
tion 2264	hybridization 5088	Nicotiana plumbaginifolia
Rhamnus utilis, interspecific hybridization 2264	Rhododendron cumberlandense, nomencla-	gene expression 5011
2204	ture 4115	genetic transformation 5011

Ribonucleases cont.	Ribosomal RNA cont.	Rice reaged stunt aryzavirus Oraza satina
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	gymnosperms, phylogeny 3233	Rice ragged stunt oryzavirus, Oryza sativa, genetic transformation 13020
tion 11507, 12389	Nicotiana tabacum	Rice stripe tenuivirus
Prunus armeniaca, genetics 12175	molecular genetics 13418	Oryza sativa
Prunus dulcis 9744	nucleotide sequences 2103	gene mapping 10575
genetics 7254	nucleotide sequences 11403	genetic transformation 3659
polymorphism 2005	Panax, nucleotide sequences 2233	restriction fragment length polymor-
Pyrus pyrifolia 4798	Pinus, restriction fragment length poly-	phism 10575
nucleotide sequences 12169	morphism 5069	Rice tungro bacilliform badnavirus
Solanum chacoense, genetic transforma-	Saccharum, gene mapping 12346	Oryza sativa 5635, 13018-13019
tion 2879	Secale cereale, nucleotide sequences	conferences 5177
Solanum tuberosum	11516	genetic transformation 2637
genetic engineering 7006	Triticum aestivum, nucleotide sequences	Rice tungro spherical waikavirus
genetic transformation 7006	11516	Oryza sativa 5635, 13018-13019
Ribosomal DNA	Tulipa whittalii	gene mapping 11848
Adoxa, phylogeny 6316	DNA binding proteins 5123	genetics 11852
Aegilops speltoides, nucleotide sequences	gene expression 5123	Rice tungro virus, Oryza sativa 13017
6605	Zea mays, gene expression 286, 12867	Rice yellow mottle sobemovirus
Allium 7029	Ribosome-inactivating proteins	Oryza sativa 5634
Allium giganteum 7029	Agrostemma githago 12700	gene expression 6843
Astragalus, taxonomy 2767	Bryonia cretica, nucleotide sequences	gene mapping 1605, 3660
Astragalus molybdenus, taxonomy 2767	2235	genetic transformation 6843
Bambuseae, polymerase chain reaction	Hordeum vulgare 12700	genetics 1605
1215	gene expression 226	restriction fragment length polymor-
Beta, phylogeny 9852	Mesembryanthemum crystallinum	phism 3660
Brassica napus (rape), gene location	gene expression 4170	Ricinoleic acid, Ricinus communis, genetic
3087	nucleotide sequences 4170	engineering 10998
Brassica oleracea (cabbages), gene loca-	Nicotiana tabacum, genetic transforma-	Ricinus communis
tion 3087	tion 226, 4041	Botrytis ricini 12333
Brassica pekinensis, gene location 3087	Phytolacca americana 12700	development 3989
Bromus, phylogeny 2729	Sambucus nigra	fatty acids 10999
Citrus sinensis, DNA hybridization 6050	gene expression 4905	germination
Cobaea, phylogeny 10022	nucleotide sequences 3925, 4905	gene expression 13382
Dalechampia, phylogeny 11491	Sechium edule, nucleotide sequences	nucleotide sequences 13382
Eragrostis tef, restriction fragment length	13270	habit, artificial selection 13383
polymorphism 5670	Zea mays, genetic engineering 4041	height 3989
Fraxinus, phylogeny 2162	Ribosomes	genetics 9817
Glycine max, nucleotide sequences 11932	Arabidopsis thaliana	inflorescences
Glycine soja, nucleotide sequences 11932	gene expression 3391	chimaeras 4985
Gossypieae, phylogeny 3198	nucleotide sequences 3391	induced mutations 4985
Gossypium, phylogeny 3198	Brassica napus (rape)	Macrophomina phaseolina 6107
Gossypium hirsutum, nucleotide	gene expression 10535	phospholipase D
sequences 2137	mitochondrial genetics 10535	gene expression 4984
Isotoma petraea, restriction fragment	Hordeum vulgare, mutations 4447	genetic transformation 4984
length polymorphism 3305	Lupinus luteus, gene expression 13052	proteins
Lolium, taxonomy 11879	Oryza sativa	gene expression 4983
Lupinus luteus, nucleotide sequences 554	gene expression 10534-10535	nucleotide sequences 4983
Macrozamia riedlei, restriction fragment	mitochondrial genetics 10535	ricinoleic acid, genetic engineering 10998
length polymorphism 3305	nucleotide sequences 384, 10534	spines, genetics 7332
Musa, DNA hybridization 12247	Zea mays, mitochondrial genetics 4482	sterol methyl-transferases
nucleotide sequences 11503	Ribulose-bisphosphate carboxylase	gene expression 11458
Oryza rufipogon, polymorphism 11829	Aegilops 5350	nucleotide sequences 11458
Oryza sativa nucleotide sequences 11784	Aegilops tauschii	sucrose
polymorphism 11829	gene expression 7808	gene expression 13382
Oxalis, nucleotide sequences 12068	nucleotide sequences 7808	nucleotide sequences 13382
Oxalis tuberosa, nucleotide sequences	Brassica napus (rape)	X radiation 4985
12068	chloroplast genetics 12290	yield correlations 3990
Phalaris coerulescens	gene expression 12290	Rimsulfuron, Zea mays 9186
gene mapping 503	Flaveria bidentis, genetic transformation	Ripening
nucleotide sequences 503	3282	Actinidia deliciosa
Phaseolus coccineus, nucleotide	Lycopersicon esculentum	gene expression 7211
sequences 13107	gene expression 8367, 13212	nucleotide sequences 7211
Phaseolus vulgaris, nucleotide sequences	genetic transformation 8367	Carica papaya
607	promoters 8367	gene expression 13326
Pinus rzedowskii, restriction fragment	Nicotiana, polymerase chain reaction	genetic transformation 13326
length polymorphism 7467	3167	Carum carvi 1193
Pisum sativum	Nicotiana benthamiana, genetic transfor-	Citrus sinensis
fluorescence in situ hybridization 619	mation 2833	gene expression 1988
restriction fragment length polymor-	Nicotiana tabacum	nucleotide sequences 1988
phism 3748	gene expression 8645, 9891, 11121,	crops, gene expression 10125
Poncirus trifoliata, DNA hybridization	12383	Cucumis melo 13242
6050	genetic transformation 3183, 8645,	gene expression 778, 12134
Potentilla, phylogeny 12506	12383	genetic transformation 3855
Raphanus sativus, gene expression 4715	mutations 4030	nucleotide sequences 778, 12134
Saintpaulia, nucleotide sequences 1094	nucleotide sequences 11503	Cucurbita pepo 13253
Sambucus, phylogeny 6316	Oryza sativa, gene location 12934	Foeniculum vulgare 1193
Setaria italica, restriction fragment	Phaseolus vulgaris	Fragaria ananassa
length polymorphism 1551	gene expression 3737	gene expression 4844, 4847, 9671,
Streptocarpus, nucleotide sequences 1094	nucleotide sequences 3737	12217-12219
Stylosanthes guianensis	Pisum sativum, gene expression 2833	nucleotide sequences 9671, 12217-
nucleotide sequences 10625	Saccharum officinarum, polymerase chain	12219
polymerase chain reaction 10625	reaction 3137	Lycopersicon esculentum 3834, 7089
Triticum boeoticum, nucleotide sequences	Spinacia oleracea, gene expression	gene expression 4758, 4760, 5915-
6605	12079 Trisiown 5350	5916, 8371, 12092, 12103,
Triticum monococcum, nucleotide	Triticum 5350	13213
sequences 6605	Triticum aestivum 5350	genetic transformation 4758, 9606,
Triticum urartu, nucleotide sequences	combining ability 2460	13213
6605	Zea mays	mutations 12104
Ribosomal RNA	gene expression 4486	nucleotide sequences 12103
gene expression 10132	nucleotide sequences 4486	promoters 12092

		Destate also sout
Ripening cont.	Roots cont.	Rootstocks cont.
Malus pumila	Arabidopsis thaliana cont.	Prunus insititia 7143
gene expression 13277	induced mutations 3404, 5244	Prunus persica 3021, 3893, 7143, 8418,
nucleotide sequences 13277	molecular genetics 6504, 8940	8424, 8435-8437, 10916, 12145-
Musa 9698	mutations 1311, 4257, 11421	12147, 12183, 12191, 12197
gene expression 3927, 4906-4907	reviews 1316, 2344	Prunus (plums) 8418
nucleotide sequences 4907	nucleotide sequences 4275, 11421	Pyrus 2999
Prunus (plums) 3886	Arachis hypogaea 8567	Pyrus communis 7138, 8396, 12171
	genetic transformation 7329	Pyrus pyrifolia, artificial selection 1914
Psidium guajava 3951		Sicyos angulatus 9627
Riptortus clavatus	auxins, reviews 11508	stone fruits 12146
Vigna radiata	Avena sativa, artificial selection 262	
gene mapping 10727	Beta vulgaris (sugarbeet) 8616, 8618,	Vitis 13296
linkage 10727	11087	random amplified polymorphic DNA
random amplified polymorphic DNA	Capsicum annuum 2969	10947
10727	Daucus carota 5825	Vitis vinifera 3043, 3916
restriction fragment length polymor-	gene expression 4708	Rosa
phism 10727	genetics 5821	Agrobacterium tumefaciens 11246
RNA	nucleotide sequences 4708	Aonidiella aurantii 13541
		breeders' rights 2199
Agrostemma githago 12700	Festuca arundinacea 13037	breeding 3259
Eucalyptus camaldulensis, techniques	Fragaria ananassa 2986	
6264	Glycine max 8990, 11510	cultivars
Hordeum vulgare 12700	artificial selection 9443	Anita 8757
Oryza sativa, nucleotide sequences 8044	genetics 9455	Apricot Sunblaze 11239
Phytolacca americana 12700	heritability 9443	Ausgold 4120
techniques 2295	induced mutations 9416, 9455	Auslevel 4121
RNA binding proteins	linkage 9416, 9456	Ausmak 4122
Arabidopsis thaliana, gene expression	Hordeum vulgare 3523	Ausmol 13528
2338	Ipomoea trifida, artificial selection 5840	Auspale 4123
		Aussal 13529
Oryza sativa, gene expression 1572	Malus pumila 2986	Aussaucer 4124
Pisum sativum, nucleotide sequences	Medicago sativa 537, 9328, 11903	
13121	Musa 3928	Autumn Sunblaze 11238
Triticum aestivum, nucleotide sequences	Oryza sativa 3623, 3625	Belle of Berlin 8759
4348	gene expression 11835	Bridal Sunblaze 11235
Zea mays, molecular genetics 12876	nucleotide sequences 11835	Brilliant Pink Iceberg 13540
RNA editing	Pennisetum glaucum	Charming Parade 13536
Arabidopsis thaliana 1294	genetics 11765	Chin Chin 8756
gene expression 12622	heritability 11765	Domstadt Fulda 13534
mitochondrial genetics 12622	Picea abies 5077	Dream 8747
RNA polymerase	Picea sitchensis 12477	Dream Sunblaze 11241
Agaricus, mitochondrial genetics 1219	Pisum sativum	Eglantyne 4122
Arabidopsis thaliana	gene expression 3750	Ekstase 8760
gene expression 6485	nucleotide sequences 3750	Evelyn 4124
nucleotide sequences 56, 1298, 6485,	Pyrus communis 2986	Fragrance Sunblaze 11240
10154	Raphanus sativus, multivariate analysis	Fred Hollows Vision 4127
Brassica oleracea (broccoli), gene	12064	Glamis Castle 4121
expression 5883	Ribes nigrum 2986	Golden Celebration 4120
evolution 6547	Ribes rubrum 2986	
		Golden Conquest 11236
Hordeum vulgare, chloroplast genetics	Ribes uva-crispa 2986	Goldfinck 2200
230	Rubus idaeus 2986	Hansa Park 13532
Nicotiana tabacum	Trifolium repens	JACtou 8746
chloroplast genetics 13419	genetic transformation 3694	Kleopatra 13535
gene expression 13419	genetics 8208	Koranderer 13530
promoters 13419	mutations 8208	Korazerka 8760
Oryza sativa	Triticum aestivum 3489	Korbasren 13531
cell culture 12986	heterosis 7801	Korfischer 13532
gene mapping 12986	Vigna unguiculata 4675	
		Kormarec 13533
Pisum sativum, molecular genetics 13122	Zea mays 1503, 5497, 6721, 8990, 11510	Kormiller 8747
Sinapis alba	artificial selection 300, 11708	Korplasina 8748
chloroplast genetics 4962	gene expression 289, 9163, 11730	Kortanken 13534
gene expression 4962	mutations 10445-10447	Korverpea 13535
Zea mays	nucleotide sequences 289, 11730	Lambert Closse 8752
molecular genetics 10385	Rootstocks (see also Grafting)	Light Touch 4126
nucleotide sequences 10385	Actinidia deliciosa 12146	Lynn Anderson 8751
Robinia pseudoacacia, tissue culture 3230	Camellia sinensis 13409	MACoranlem 8749
Root crops	Citrus 3943	
breeding, books 10111		Marie-Louise Velghe 2202
gamma radiation 2869	Citrus limonia 3068	Marylin 8753
	Cucumis sativus 9627	Meicitrem 11237
genetic resources 13154	Cucurbita 9627	Meiferjac 11238
books 10111	Cydonia oblonga 8396, 12145	Meifruije 11239
induced mutations 2869	fruit crops 12143	Meiglaspo 11240
Meloidogyne incognita 2871	conferences 7627	Meiguitan 8753
Rooting capacity	Glycosmis pentaphylla 3943	Meiguni 8754
Eucalyptus globulus	Malus 13274	Meikanrou 8755
combining ability 7434	Malus baccata 1905	
heritability 7434	Malus pumila 1903, 1910, 2990, 5986,	Meilarspo 11241
Malus pumila 7121		Meilmera 11235
	7127, 7133-7135, 8396, 8405, 8413,	Meinewkan 8756
Myrtus communis 969	9640	Meineyta 8757
Nicotiana 961	artificial selection 8406	Meirevolt 11236
Prunus 7121	clonal variation 7128	Meiroudek 8758
Prunus dulcis 7121	Murraya koenigii 3943	Meitebros 11242
Pyrus pyraster 7121	Poncirus trifoliata 1990, 3068	Meitosier 11243
Taxus brevifolia 3246	Prunus 7144-7145	
Roots	Prunus amygdalus 6064	Midas Touch 8746
Ajuga reptans, polymerase chain reaction		Molineux 13528
13556	Prunus armeniaca 7146	Mullem 2202
	Prunus avium 8396	Oranges and Lemons 8749
Allium cepa 2927	Prunus canescens 3014	Our Copper Queen 13530
Arabidopsis thaliana	Prunus (cherries) 822, 3012, 7157, 8428,	Our Sacha 8750
gene expression 4275, 6511	10904, 12147, 12181	Our Vanilla 8748
genetic transformation 1300, 8943	Prunus dawyckensis 3013	Paradise Heritage 4125
genetics 3397	Prunus domestica 8424, 12145	Pink Bassino 13531
reviews 1316	Prunus dulcis 8436, 10916	
		Poulhappy 13536

Rosa cont.	n i	
	Rubus cont.	Saccharum
cultivars cont.	phylogeny cont.	asulam 2083
Probil 13540	nucleotide sequences 6015	buds
Radio Times 13529	polyploidy 7162	genetics 13394
Redoute 4123	taxonomy 3904, 6016, 7163-7164, 10939	mutations 13394
Rosalina 8758	viruses 9669	cell culture 3139
Rosalita 2201		
	Rubus allegheniensis	Chilo auricilius 12354
Rubina 8755	DNA fingerprinting 4809	chlorophyll 6123
Sommerabend 13533	restriction fragment length polymorphism	chromosome pairing 2078
Spekes 8750	4809	chromosome transmission 2078
Tanafira 13537	Rubus arcticus, Agrobacterium tumefaciens,	Clavibacter xyli 8604
Taniffest 13538	genetic transformation 12201	
Tanireb 8759		conferences 6406
	Rubus (blackberries)	cultivars
Tankalcig 13539	cultivars	CP88-1508 3133
The Children's 11242	Black Butte 10938	CP88-1762 3134
Twilight Glow 11243	Chester Thornless 12198	ROC23 7346
WEKjoe 8751	Marion 826	TCP87-3388 2075
Diplocarpon rosae 7515, 8752	Triple Crown 12200	
essential oils 8762		DNA hybridization 3138
	nomenclature 12204	Eldana saccharina 8607
induced mutations 3259	taxonomy 12203	genetic markers 8603
interspecific hybridization 1073, 2203	tissue culture 829	techniques 8606
isoenzymes 5096	Rubus coreanus, interspecific hybridization	genetic markers 6121
pollen culture 11245	12202	genetic resources 913-914, 2072
polyploidy 2203	Rubus cuneifolius, interspecific hybridiza-	
Sphaerotheca pannosa 8752		Glomerella tucumanensis, genetics 613
	tion 12202	herbicides 2083
taxonomy, restriction fragment length	Rubus fruticosus	history, breeding 6115
polymorphism 1073	breeding 8438	hybrid varieties 3133-3134
tissue culture 7514	Cercosporella rubi, heritability 1927	interspecific hybridization 12348
variety classification 5096, 8762	protoplast culture 3903	isoenzymes 12348
amplified fragment length polymor-	protoplasts 3903	
		morphology
phism 7491	Rubus glossoides, taxonomy 12203	heritability 917
variety trials 7512	Rubus idaeus	statistics 917
Rosa beggeriana	breeding, reviews 4808	phosphorus 8591
fertility 6320	cultivars	photosynthesis 9826
pollen 6320	Jatsi 3902	proteins 8596
Rosa canina	Jenkka 3902	
		quality, artificial selection 6116, 6127
repetitive DNA, random amplified	drought resistance 2986	ribosomal RNA, gene mapping 12346
polymorphic DNA 10002	genetic resources 1925	soil types, stability 6130
tissue culture 3260	genetic transformation 7161	sugarcane mosaic potyvirus, genetic
Rosa chinensis, height, artificial selection	history, breeding 3900	markers 8603
11244	interspecific hybridization 3900	terbacil 2083
Rosa huntica	protoplast culture 3903	tissue culture 6124, 8596
fertility 6320	protoplasts 3903	unreduced gametes 2078
pollen 6320	pruning 8440	Ustilago scitaminea, genetic markers
Rosa hybrida	random amplified polymorphic DNA	8603
chitinase, genetic transformation 12510	1925	variety classification 913-914
colour, induced mutations 8761	roots 2986	random amplified polymorphic DN
Diplocarpon rosae	tissue culture 828-829, 7161	4990
	variety classification, random amplified	wide hybridization 3138
genetic transformation 12510		
genetics 6321	polymorphic DNA 8439	Xanthomonas albilineans 4001
flowers	yields 8440	yield components
genetic markers 7490	Rubus inermis, tissue culture 828	artificial selection 6116
induced mutations 8761	Rubus laciniatus	genetic variance 11065
gamma radiation 8761	height, somaclonal variation 827	heritability 4000, 11065
	spines, somaclonal variation 827	multivariate analysis 13397
genetic transformation 7513	Probability and a service to your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction of the your construction o	
height, induced mutations 8761	Rubus melanodermis, taxonomy 830	yields, stability 6130
light 12707	Rubus moluccanus	Saccharum arundinaceum, tissue culture
protoplast culture 5097	apomixis 6014	8595
somatic embryogenesis 12707	DNA fingerprinting 6014	Saccharum barberi
tissue culture 3260, 5098	Rubus nikaii, chromosome pairing 1926	interspecific hybridization 3999, 11065
	Rubus occidentalis	13397
Rosa laevigata		
isoenzymes 4128	interspecific hybridization 3900	yield correlations 3999
phosphoglucomutase 4128	tissue culture 829	Saccharum officinarum
variety classification, random amplified	variety classification, random amplified	Acetobacter 3435, 4993
polymorphic DNA 4128	polymorphic DNA 8439	Antitrogus consanguineus 6135
Rosa multiflora, repetitive DNA, random	Rubus parvifolius	artificial selection 3132
amplified polymorphic DNA 10002	chromosome pairing 1926	computer programming 3131
Page wich waigns Diplocarpon roses	interspecific hybridization 1926	Azospirillum 4993
Rosa wichuraiana, Diplocarpon rosae		
12511	Rubus phoenicolasius	biotechnology 2077
Rosmarinus officinalis, cultivars, Scentuous	chromosome pairing 1926	Bipolaris sacchari 6133
Blue 8856	interspecific hybridization 1926	breeding 2073, 4988-4989, 6118, 1105
Rotations	Rubus (raspberries), cultivars, Earlysweet	books 7646
Arachis hypogaea 8571	12199	conferences 1234
triticale 12852	Rubus spectabilis, fruits, polymorphism	history 11055
	9668	reviews 912
Triticum aestivum 8571		
Rotylenchulus reniformis	Rubus stohrii, taxonomy 12203	calmodulin, nucleotide sequences 9825
Gossypium hirsutum 3201-3202, 5036	Rubus strigosus, interspecific hybridization	Chilo auricilius 12354
germplasm releases 2131, 2146,	3900	Clavibacter xyli 2080
6225, 6231	Rutaceae, nomenclature 10972	cultivars
Rubia tinctorum	Rutoside, Fagopyrum esculentum 476-477	СоН99 11061
	Ryegrass mosaic rymovirus	CoS95255 2081
alizarin 1214		CoS96260 2081, 11060
genetic resources 1214	Lolium, genetic transformation 8140	
Rubus	Lolium perenne 9303	M1551/80 11062
breeding 3023	Sabal mexicana, interspecific hybridization	Mintang 86-330 3135
chromosome number 7162, 10939, 12202	1015	R575 11062
genetic resources 3901	Sabal minor, interspecific hybridization	DNA hybridization 3138
	1015	drought resistance 4994, 6131, 7350,
haploidy 4810		8602
interspecific hybridization 4810	Saccharopine dehydrogenase	
nomenclature 3904	Arabidopsis thaliana	Eldana saccharina 8605
phylogeny	gene expression 48, 3389	Eumargarodes laingi 6136
chloroplast genetics 6015	nucleotide sequences 48, 3389	forage 8599

interspecific hybridization 9953

Saccharum officinarum cont.	Saccharum spontaneum	Lycopersicon esculentum 1830, 8376-
β-fructofuranosidase 3998 gene mapping 12709	cell culture 3139 interspecific hybridization 2078, 3999-	8377
genetic transformation 915, 3136, 11063	4000, 11065, 12347	gene expression 747, 7069, 13219
genetics, books 7646	yield correlations 3999	genetic transformation 7074, 13219
Glomerella tucumanensis 2081, 6132,	Saikosaponin, Bupleurum falcatum 8836	genotype environment interaction 75
9828, 11069, 12352	Saintpaulia	heritability 749
genetics 3140	phylogeny, nucleotide sequences 1094	in vitro selection 10822
growth period 8590, 8598, 11057	ribosomal DNA, nucleotide sequences	Lycopersicon pennellii 1830, 8376
Herbaspirillum 3435, 4993	1094	in vitro selection 10822
hybridization 6122	Saintpaulia ionantha, somaclonal variation	Lycopersicon pimpinellifolium 1830
ideotypes 13395	6554	genotype environment interaction 75
insects 7351	Salicylate 1-monooxygenase	Medicago sativa 525, 537
interspecific hybridization 2078, 3999-	Nicotiana tabacum	gene expression 5691
4000, 11065, 12347, 13397	gene expression 13222	germplasm releases 10614 in vitro selection 5691
Lepidiota picticollis 6135	genetic transformation 13222	Medicago varia, in vitro selection 3692
lignin 9830	Solanum tuberosum	Mesembryanthemum crystallinum
Maconellicoccus hirsutus 6137	gene expression 13222 genetic transformation 13222	gene expression 4170, 11326
Miscanthidium violaceum, intergeneric hybridization 2078	Salicylic acid	nucleotide sequences 4170
Miscanthus, intergeneric hybridization	Arabidopsis thaliana	Miscanthus 5678
12347	gene expression 2360	molecular genetics 5198, 5691
Miscanthus japonicus, intergeneric	genetic transformation 3408	Nicotiana tabacum
hybridization 2078	mutations 1326, 2360	gene expression 958, 13434
Miscanthus sinensis, intergeneric hybridi-	Nicotiana tabacum 12408	genetic transformation 958, 4039,
zation 2078	gene expression 12407	7390, 7677, 13434
moisture content	genetic transformation 3187	Olea europaea 8545
artificial selection 4992	nucleotide sequences 12407	Oryza sativa 452, 460, 1603, 9283, 928
heritability 4992	Petroselinum crispum, gene expression	11840, 13005
mycoplasma-like organisms 11070	7597	artificial selection 13006
nutrients 921, 12350	Solanum tuberosum	combining ability 11846
phosphates, in vitro selection 8600	gene expression 4696	gene expression 3641, 11839
phosphorus 12350	genetic transformation 4696	genetic markers 10562
plant composition 920, 4994, 9830	Salinity	genetic transformation 7677
polyamines 12911	Acacia saligna, in vitro selection 12456	genetics 11846
proline 8602	Aegilops, cytoplasmic inheritance 11639	heterosis 6828
Puccinia melanocephala 12353	Agrostis stolonifera 9314	<i>in vitro</i> selection 2666, 4561, 4563, 5620, 8095, 9280
quality 920, 8599, 11057, 11066	Arabidopsis thaliana 10207	induced mutations 9282
artificial selection 4991, 6126, 6128, 8598, 11067	gene expression 84, 1323, 2357, 10211	molecular genetics 454
combining ability 8592	genetics 11465	mutations 8091
genetic variance 8592, 8594	mutations 84, 11465	somaclonal variation 6825, 9280
genotype environment interaction	nucleotide sequences 10210-10211	stability 6823
6129, 7349	books 13628	Panax pseudoginseng 10063
heritability 7349, 8594, 8598, 12347	Brassica, in vitro selection 3097	Pisum sativum, mitochondrial genetics
ribulose-bisphosphate carboxylase,	Brassica juncea 8523-8524	8282
polymerase chain reaction 3137	in vitro selection 4960	Prunus persica 12191
salinity 11068	Capsicum annuum 1844	Saccharum officinarum 11068
Scirpophaga excerptalis 2082, 4995,	Casuarina equisetifolia, in vitro selection	Secale cereale 9122
9830	3232	Sesamum indicum, combining ability
somatic embryogenesis, techniques 7348	Chenopodium quinoa 8114	9818
source sink relations, reviews 916	Cicer arietinum 2847, 3764	Sesbania rostrata, mutations 9351
stability 2079	crops 2308	Simmondsia chinensis
yields 9827	reviews 2307	gene expression 7344
sucrose 3998 artificial selection 4992, 8597-8598	Cucumis melo 781	nucleotide sequences 7344
heritability 4992, 8598	Cymbopogon martinii, in vitro selection 1213	Solanum chacoense 8319
sucrose-phosphate synthase	Daucus carota 7754	Solanum microdontum 8319
gene expression 2076	fodder legumes 3670	Solanum muricatum, heterosis 863 Solanum tuberosum 8319
nucleotide sequences 2076	forest trees, <i>in vitro</i> selection 12444	Sorghum bicolor 10507
sugarcane mosaic potyvirus, genetic	Glycine 592	in vitro selection 1545
transformation 13398	Glycine max 592, 5734	somaclonal variation 1545
tissue culture 6125, 12911	random amplified polymorphic DNA	Stylosanthes humilis 5711
Ustilago scitaminea 4002, 9829	9444	Thinopyrum distichum 9122
variety trials 2074, 6119-6120, 8590,	Glycine soja, random amplified	Trigonella foenum-graecum, in vitro
9824, 11058-11059, 11066, 12344-	polymorphic DNA 5738	selection 8849
12345, 13391-13393	Gossypium hirsutum 8684	Triticum aestivum 202, 1422, 3494, 539
vegetative propagation 11064	Helianthus annuus	6639
waterlogging 8601, 12351	combining ability 12308	chromosome substitution 1424
wide hybridization 3138	genetic variance 12308	cytoplasmic inheritance 11639
yield components 6131 artificial selection 4991, 6117, 13396	heritability 2040	gene mapping 1424
combining ability 8592	Hordeum agriocrithon 12794	in vitro selection 212, 7849, 11638,
genetic variance 8592, 8594	Hordeum spontaneum 1458, 12794	12754
heritability 8593-8594, 12347, 13396	amplified fragment length polymor- phism 1456	restriction fragment length polymor-
multivariate analysis 7347	Hordeum vulgare 1458, 7754, 7899	phism 1424
yield correlations 918-919, 3999, 7349,	amplified fragment length polymor-	Triticum durum 5396 Zea mays 9181
8593, 12349, 13396	phism 1457	genetic markers 7952
yields, genotype environment interaction	artificial selection 248	in vitro selection 3580
6129	gene mapping 1457	random amplified polymorphic DNA
Saccharum robustum	genetic variance 2516	7952
interspecific hybridization 2078, 3999,	genetics 4459	Zoysia 11895
11065	heritability 2516, 4459	Zoysia japonica, restriction fragment
yield components, multivariate analysis	in vitro selection 250	length polymorphism 11894
7347	Ipomoea batatas, in vitro selection 8335	Zoysia matrella, restriction fragment
yield correlations 3999	Lycopersicon	length polymorphism 11894
Saccharum sinense	genetic markers 5918	Salix
Erianthus elephantinus, intergeneric	random amplified polymorphic DNA	chromosome number 9953
hybridization 2078	5918	energy resources 6262
interspecific hybridization 3999-4000 yield correlations 3999	Lycopersicon cheesmanii, genotype envi-	genotype mixtures 6272
J. Lid Continuons Jiji	ronment interaction 750	interspecific hybridization 9953

Salix cont.	Schizaphis graminum cont.	Secale cereale cont.
Melampsora epitea 6272	Poaceae 11679	aluminium
polyploidy 9953 taxonomy 12455	Secale cereale 12831 Sorghum bicolor 8024	gene mapping 6691
Salix alba, interspecific hybridization, ampli-	genetic transformation 3439	random amplified polymorphic DNA 6691
fied fragment length polymorphism	Triticum aestivum 3444	α-amylase, genetics 2527
5064	genetic transformation 3439	β-amylase, nucleotide sequences 3538
Salix exidua, cultivars 5089	Schizolachnus pineti, Pinus sylvestris 13510	anther culture 269
Salix fluviatilis, nomenclature 9954 Salix fragilis, interspecific hybridization,	Schlumbergera buckleyi	apomixis 9122
amplified fragment length polymor-	isoenzymes genetics 10048	artificial selection, computer program-
phism 5064	linkage 10048	ming 2293 breeding 2523
Salix melanopsis, nomenclature 9954	self incompatibility	catalase, gene expression 270
Salix rubens, interspecific hybridization,	genetics 10048	cell division 3429
amplified fragment length polymor- phism 5064	linkage 10048	chloroplasts, mutations 12820
Salix sericea	Schlumbergera truncata cultivars	chromosome aberrations 6690, 10342, 11684
Phyllocnistis, heritability 3223	Holiday Splendor 10041	chromosome addition 268
Phyllonorycter salicifoliella, heritability	Pasadena 10042	chromosome elimination 9122
3223	Sleigh Bells 10043	chromosome morphology, fluorescence i
Salix viminalis breeding 6270	isoenzymes	situ hybridization 2526
sex	genetics 10048 linkage 10048	chromosome number 5307
genetic markers 6271	self incompatibility	chromosome pairing 3450, 5307, 8993, 10266, 11561
random amplified polymorphic DNA	genetics 10048	DNA hybridization 272, 10266
6271	linkage 10048	mutations 10266
Salt tolerance (see Salinity) Salvia	Scilla, taxonomy, chloroplast genetics 11290	chromosome substitution 268
embryo culture 1192	Scilla autumnalis, cytotaxonomy 1114	chromosome translocation 2525, 3450 DNA hybridization 272
variety trials 4133	Scilla talosii, taxonomy 11289 Scirpophaga excerptalis, Saccharum	restriction fragment length polymor-
Salvia aethiopis, interspecific hybridization	officinarum 2082, 4995, 9830	phism 4362
1192	Scirpophaga incertulas	chromosomes, techniques 7909
Salvia fruticosa	Oryza sativa	Claviceps purpurea 4312, 12830
clines 4192, 11337 essential oils 11337	gene expression 11857	cold resistance 141, 5473 cultivars 2523
Salvia grandiflora, interspecific hybridiza-	genetic engineering 471 genetic transformation 3663, 11854-	Suceveana 9120
tion 1192	11855, 11857	cytoplasmic male sterility 269
Salvia officinalis	Sclerophthora rayssiae 7998	gene mapping 11685
essential oils 1196, 13603	Zea mays 7998	genetics 12818
tissue culture 3314  Salvia scabiosifolia, interspecific hybridiza-	Sclerospora (see also Peronosclerospora)	random amplified polymorphic DNA 11685
tion 1192	Sclerospora graminicola Pennisetum glaucum 1554, 3597, 5563,	restriction fragment length polymor-
Salvia sclarea	9204, 10518	phism 11685
heavy metals 1204	genetics 10519	Dasypyrum villosum, Triticum durum,
interspecific hybridization 1192	germplasm releases 10520-10522	intergeneric hybridization 11561
Sambucus, phylogeny, ribosomal DNA 6316 Sambucus nigra	Setaria italica 4532	development gene mapping 4301
abscission	Sclerotinia Helianthus annuus 2043	restriction fragment length polymor-
gene expression 8461	gene mapping 4974	phism 4301
nucleotide sequences 8461	Sclerotinia homoeocarpa, Agrostis	DNA hybridization 10266
lectins, nucleotide sequences 3925	stolonifera 1645	farm inputs 12828
pathogenesis-related proteins gene expression 8461	Sclerotinia minor, Arachis hypogaea 3122	gene mapping 5465, 9121 germination 12827
nucleotide sequences 8461	Sclerotinia sclerotiorum  Brassica napus (rape) 2028, 8528	habit, mutations 12819
ribosome-inactivating proteins	techniques 9795	height
gene expression 4905	Daucus carota 7014	gene mapping 4301
nucleotide sequences 3925, 4905	Glycine max 10655-10656	restriction fragment length polymor-
Santalum album genetic transformation 5155	Helianthus 7315 Helianthus annuus 11037, 12311	phism 4301  Hordeum marinum, intergeneric hybridi-
interspecific hybridization 12571	artificial selection 13369	zation 8993
pollination 12571	gene mapping 7317	hybrid chlorosis, genetics 4475
tissue culture 13606	genetic markers 12310	hybrid varieties 6686
Santalum spicatum	linkage 7317	inbreeding 6684 induced mutations 6688
interspecific hybridization 12571 pollination 12571	restriction fragment length polymor- phism 12310	light, gene expression 270
tissue culture 13606	techniques 11035	linkage 9121
Santolina, nomenclature 7606	Ipomoea batatas 4711	Monographella nivalis 12829
Sapogenins, Chenopodium quinoa 6855	Sclerotinia trifoliorum	morphology, mutations 12819
Saponins, mutations 11381	Medicago sativa 5693 artificial selection 538, 4600, 5694	mutagens 6688 mutations 10266
Sarcostemma antsiranense, taxonomy 1136 Sarocladium oryzae, Oryza sativa 3651	heritability 538	mycotoxins 3429
Sarracenia purpurea	Sclerotinia vaccinii-corymbosi	nucleotide sequences 6687
anthocyanins, mutations 12545	Vaccinium 7181-7182	nutrients 4373, 7910
taxonomy 3310	Vaccinium corymbosum 1929	chromosome addition 3542
Sarracenia rubra, isoenzymes, genetic varia-	Sclerotium (see also Macrophomina;	gene location 3542 nutritive value 12825
tion 12548 Sasa, flowering 7610	Magnaporthe) Sclerotium cepivorum, Allium cepa 8343	Puccinia recondita, gene mapping 12804
Satureja, taxonomy, chloroplast genetics	Scopolamine, Datura 7586	quality 2530, 5468, 12823-12824, 12826
10071	Seasonal growth	artificial selection 2529
Satureja hortensis	Lolium perenne, genotype environment	repetitive DNA
breeding 1191	interaction 4579  Solanum tuberosum, artificial selection	nucleotide sequences 3445 restriction fragment length polymor-
cultivars 6549 Saturn 1191	5804	phism 3445
Saxifraga felineri, taxonomy 11258	Seaweeds, polymerase chain reaction 6402	ribosomal RNA, nucleotide sequences
Scaevola, taxonomy, random amplified	Secale, Gibberella zeae 5315	11516
polymorphic DNA 3287	Secale cereale	salinity 9122
Scaevola aemula, cultivars, Blue Fandango	accessory chromosomes 1339 chromosome transmission 6689	Schizaphis graminum 12831 secalins
3266 Scelochilus crucicornibus, taxonomy 12542	DNA hybridization 5466	gene location 2528
Schizaphis graminum	fluorescence <i>in situ</i> hybridization 267	gene mapping 12817
Hordeum 11679	Aegilops, intergeneric hybridization 4352	self compatibility 5467, 6684

	Dunanian anumantain 2010	Seeds cont.
Secale cereale cont.	Brassica campestris 2019	Arabidopsis thaliana cont.
self compatibility <i>cont</i> .	Brassica napus (rape) 2019	genetic engineering 12647
gene mapping 11686	Cicer 635	
mutations 11686	crops	genetics 82, 4254
restriction fragment length polymor-	books 3358	induced mutations 82
phism 11686	economics 2383	mutations 76, 4254
sodium azide 6688	Cucurbita pepo 13252-13253	nucleotide sequences 6503, 10199,
sowing 12827	Cyclamen persicum 1111	11420
sprouting, genetics 2527	Dactylis glomerata, artificial selection	Arachis hypogaea 11047
	490-492	genotype environment interaction
storage, seeds 9123		13378
stress, gene expression 270	Fragaria ananassa 4821	germplasm releases 2054, 11048
synaptonemal complex 6690, 11684	Glycine max 13078	mutations 2058
Thinopyrum distichum, intergeneric	grasses 2699	
hybridization 9122	Helianthus annuus 8533	Avena 263-264
thionins	Ipomoea batatas 10763	Avena sativa
nucleotide sequences 4299	legislation 8888	random amplified polymorphic DNA
polymerase chain reaction 4299	Limnanthes alba 3993	5461
tissue culture 7910	Medicago sativa 8190	storage 7906
toxic substances	artificial selection 8192	Banksia spinulosa 3256
	books 8872	Beta vulgaris, polyploidy 8617
gene mapping 6691		Beta vulgaris (sugarbeet) 923
random amplified polymorphic DNA	genotype environment interaction	Borago officinalis, storage 1161
6691	8193-8194	
transposable elements, DNA hybridiza-	stability 8192	Brassica 12281
tion 2524	Oryza sativa 9238, 12941-12942	Brassica campestris 874
triticale, intergeneric hybridization 268,	Papaver somniferum 1160	Brassica campestris (sarson), xenia
5307	Phaseolus vulgaris 2820, 8269	11016
Triticum, intergeneric hybridization	Picea abies 6294	Brassica carinata 9773
10342	Solanum tuberosum 680	genetics 6085
Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-		xenia 11016
	Trifolium pratense 548	
tion 272, 2414, 2534, 4351, 4360,	induced mutations 2750, 6889	Brassica juncea 9773
4475, 5340, 5357, 10266, 10342,	triticale 7916	mutations 7286
11555-11556, 11563	Triticum aestivum 2448, 5321, 9023	Brassica napus, genetic transformation
Triticum monococcum, intergeneric	Zea mays 9166	13389
hybridization 10344	Seed testing 5187	Brassica napus (rape) 874, 3093
Triticum turgidum, intergeneric hybridi-	Aegilops 5352	gene expression 6083, 11007
zation 4353	Capsicum annuum 763	genetics 7282
variety trials 6685	Festuca rubra 5648	Brassica nigra, natural selection 4955
X radiation 2525	Glycine max 8247	Cajanus cajan 6956
yield components 12823		Carum carvi 1194
	Gossypium hirsutum 8676	
genetics 12821	Lolium perenne 5648	storage 1161
multivariate analysis 12822	Oryza sativa 6792	Cimicifuga 3285
yield correlations 6684	Triticum 5352	Citrus reticulata, storage 3939
zinc 4373	Triticum aestivum 7836, 9044	Cnicus benedictus, storage 1161
chromosome addition 3542	Zea mays 4502	Coffea arabica
gene location 3542	Seed treatment, Leucaena leucocephala	cryopreservation 9858, 12368
Secale creticum, nomenclature 9124	2764	gene expression 9861
Secalins	Seedlessness	genetic engineering 9861
Secale cereale	Arabidopsis thaliana, genetic transforma-	genetics 9865
gene location 2528		
	tion 11507	nucleotide sequences 9861
gene mapping 12817	Citrus, genetic transformation 11507	Coffea costatifructa, cryopreservation
Triticum aestivum	Glycine max, genetic engineering 11507	12368
chromosome substitution 2528	Litchi chinensis 8477	Coffea racemosa, cryopreservation 1236
polymerase chain reaction 2528	Lycopersicon esculentum, genetic trans-	Coffea sessiliflora, cryopreservation
Sechium edule	formation 7061	12368
ribosome-inactivating proteins, nucleotide	Nicotiana tabacum	Crambe abyssinica 13390
sequences 13270	genetic transformation 11507, 12389	crops, storage 3430
sechiumin, nucleotide sequences 13270	paternal effects 12389	Cucumis sativus 1883
tissue culture 1891		
	Vitis, artificial selection 8447	Cuphea hookeriana
Sechiumin, Sechium edule, nucleotide	Vitis vinifera	gene expression 13389
sequences 13270	artificial selection 3044	genetic engineering 13389
Secondary metabolites, medicinal plants,	genetics 3042	Cuphea pulcherrima
artificial selection 1141	Seedlings	gene expression 13389
Sedoheptulose-1,7-bisphosphatase, Nico-	Beta vulgaris (sugarbeet) 6153	genetic engineering 13389
tiana tabacum, genetic transformation	Cucumis sativus	Cuphea viscosissima, mutations 7343
12394	genetics 5977	Datura stramonium, storage 1161
Seed aging	mutations 5977	Eruca vesicaria, storage 13388
Cajanus cajan 654-655		
Glycine max 577	Faidherbia albida 3227	Eucalyptus globulus 12446
Triticum aestivum 5341	Glycine max	Euterpe edulis, storage 2944
	genetics 9400	Eutrema wasabi, storage 7053
Triticum durum 5341	mutations 9400	Fagopyrum esculentum, multivariate
Zea mays 297	Oryza sativa	analysis 9292
Seed banks, Trifolium subterraneum 543	heritability 2650	Fagus sylvatica
Seed dispersal 10217	pleiotropy 5605	gene expression 5060
Hosta capitata 3274	restriction fragment length polymor-	nucleotide sequences 5060
Quercus, genetics 3218	phism 11797	Faidherbia albida 3227
Seed germination, genetic engineering 8887	Phlox drummondii, heritability 5106	Festuca gigantea, storage 497
Seed moisture, Oryza sativa 1580		
Seed orchards	Pinus brutia, multivariate analysis 12470	Foeniculum vulgare, storage 1161
	Pinus sylvestris 5074	Fragaria ananassa, gene expression
Ilex paraguariensis 9907	Triticum aestivum 2415	4844
Pinus halepensis 4088	Zea mays, germplasm releases 2581	genetics, reviews 2389
Seed production 4, 5195, 7643	Seeds	Glycine max 582, 589, 9392, 9409, 942
(see also Hybrid seed production)	Abelmoschus esculentus 795	9428, 9431, 9435, 10643, 11941,
Achillea 1152	Acer platanoides, storage 11191	13076, 13083-13084, 13094
Allium cepa 10778	Acer pseudoplatanus, storage 11191	artificial selection 3718, 9401
Allium sativum 5866	Allium 1797	
Beta vulgaris (sugarbeet) 3150, 6138,	Allium cepa, storage 4722	combining ability 11949
7360		gene expression 4625, 13077
	Amaranthus 481	gene mapping 9396
restriction fragment length polymor-	Ananas comosus 9725	genetics 3717, 5730, 9415, 13080
phism 927	Arabidopsis thaliana	heritability 3718, 13080
Borago officinalis, induced mutations	gene expression 6503, 10199, 11420,	heterosis 11949
10058	12647	induced mutations 0409

eeds cont.	Seeds cont.	Self incompatibility 1349
Glycine max cont.	Pisum sativum cont.	Achillea 1152, 12558
linkage 9396	genetics 10688	Albizia julibrissin 7460
mutations 9406, 9415	mutations 3754, 6943	angiosperms
nucleotide sequences 4625, 13077	nucleotide sequences 1715	evolution 122
random amplified polymorphic DNA	storage 2772	mathematics 4287
4626	Prosopis chilensis 2167	reviews 116
restriction fragment length polymor-	Prunus armeniaca, clonal variation 1917	Arabidopsis thaliana, gene mapping
phism 9396	Prunus avium, storage 11191	11012
storage 9405	Prunus padus 7158	Brassica
techniques 9397	Prunus persica, genetics 825	molecular genetics 9571, 12276
Glycine soja 582, 9392	Prunus sibirica 4803	reviews 4739
Gossypium hirsutum 8682	Secale cereale, storage 9123	Brassica campestris
cryopreservation 6196	Sesamum indicum, artificial selection	dominance 7279
Hordeum vulgare 11675	2067	gene expression 2018
gene expression 12784	Setaria italica 4528	gene mapping 11012
genetic variance 1452, 2504	Shorea robusta, storage 1017	nucleotide sequences 2018, 9770,
techniques 7885	Solanum tuberosum 10742	12279
heritability 1452	statistics 130	Brassica campestris (sarson)
nucleotide sequences 11671	Theobroma cacao	gene expression 3964
Ilex paraguariensis 9912	combining ability 12373	restriction fragment length polymor-
Ipomoea 2901	heritability 12373	phism 3964
Iris ensata 7555	Trifolium subterraneum 5700	Brassica napus (rape) 4952
Iris oxypetala 7555	triticale 12841	artificial selection 9771
Iris setosa 7555	Triticum aestivum 186, 3460, 3474, 7811,	gene expression 7280
Lacandonia schismatica 8975	11581, 11635	Brassica oleracea
Lens culinaris 633, 3761	gene expression 11575, 12741	gene expression 2936
Leucospermum conocarpodendron 7506	gene location 5352	genetics 3815
Leucospermum patersonii 7506	Triticum durum, gene location 5352	nucleotide sequences 12279
Linum usitatissimum (flax), linkage 8689	Triticum spelta 7811	Brassica oleracea (cabbages) 12073
Linum usitatissimum (linseed)	Vicia faba 603, 3736, 8263	nucleotide sequences 13196
genetics 3972	storage 2772	Brassica oleracea (kale)
induced mutations 11026	Vicia kalakhensis 3736	gene expression 725
linkage 3104	Vicia narbonensis	molecular genetics 725
mutations 3104	gene expression 10665	Brassica pekinensis, fluorescence in situ
Lupinus, storage 2772	genetic transformation 10665	hybridization 9572
Medicago 528	Vigna unguiculata, induced mutations	Brassicaceae
Medicago sativa	13144	gene expression 134
artificial selection 524, 8185	Viola 10023	polymerase chain reaction 10770
genetics 522	Vitis vinifera 1944	restriction fragment length polymor-
heritability 524	Zea mays	phism 10770
Medicago varia, somaclonal variation	gene expression 2573, 3560, 4503,	Calluna vulgaris 11230
1652	7927, 9140, 10379	Corylus avellana, random amplified
molecular genetics 8899	genetic transformation 10379	polymorphic DNA 13342
books 7640	genetics 4254, 7985, 10476	evolution 5276
reviews 2389	heterosis 10476	Fagopyrum esculentum
Nemophila menziesii, maternal effects	maternal effects 9171	genetics 8110
3278	mutations 4254, 4503, 9159	random amplified polymorphic DNA
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	nucleotide sequences 9159	8110
tion 9861, 11007	reciprocal effects 9171	Fagopyrum homotropicum
Oenothera lamarckiana, artificial selec-	storage 6715	genetics 8110
tion 908	Seiridium cardinale	random amplified polymorphic DNA 8110
Origanum 2257	Cupressus sempervirens combining ability 5084	Helenium virginicum 7530
Oryza 5603 Oryza barthii 426, 11804	genetic variance 5084	Helianthus 12299
Oryza brachyantha 426, 11804	Selection 96, 98-99, 101	Lycopersicon peruvianum 8370, 9588
	(see also Artificial selection; Natural	gene expression 1822
Oryza glaberrima 11805	selection)	Malus pumila, polymerase chain reaction
Oryza longistaminata 426-427, 11804 Oryza punctata 426-427, 11804	chromosome translocation 94	5988-5989
Oryza sativa 420, 428, 1580, 1591, 2662,	mathematics 1334	mathematics 6535
3635, 4558-4559, 5603, 6830,	polymorphism 3414	Nicotiana
11803, 11805, 13005	quantitative traits 11474	gene expression 9884
gene expression 3628	statistics 1331	genetic transformation 9884
gene location 3626	Selective fertilization, Brassica napus (rape)	Nicotiana alata
gene mapping 8058	6089	gene expression 9884
genetic variance 2651	Selenium, Allium cepa 722	genetic engineering 9884
genetics 1597, 8078	Self compatibility	nucleotide sequences 11116
heritability 2651, 6794	angiosperms 12684	Nicotiana glauca 12392
nucleotide sequences 3628	Fragaria ananassa 12216	Nicotiana plumbaginifolia
storage 12972	Helianthus annuus 8534	gene expression 5011
Paeonia lactiflora 2212	Lycopersicon esculentum 13210	genetic transformation 5011
Panax pseudoginseng 3319	linkage 4757	Nicotiana tabacum
Papaver somniferum 10061	Lycopersicon hirsutum, linkage 4757	gene expression 4688
Pennisetum glaucum 11764	Medicago sativa, random amplified	genetic transformation 4688
genetics 12919	polymorphic DNA 8178	Olea europaea 8543
Pharbitis nil 2901	Medicago varia 6885	Oxalis tuberosa 9555
Pharbitis purpurea, natural selection	models 11494	Papaver rhoeas 4176
13561	Nigella degenii 3267	Paspalum chaseanum 6874
Phaseolus vulgaris 3738, 4647, 10672,	Pinus sylvestris, linkage 6283	Paspalum plicatulum 6874
11973	population genetics 105	Paspalum simplex 6874
gene mapping 13111	Prunus dulcis 9744	Phyllanthus emblica 10978
genetics 2822, 3739, 10675	Pyrus pyrifolia 7141	population genetics 106-107, 113, 10228
statistics 9471	Secale cereale 5467, 6684	mathematics 112, 4282
Phoenix dactylifera 10975	gene mapping 11686	Prunus armeniaca 3885, 10891
Pinus halepensis, heritability 12466	mutations 11686	genetics 12175
Pinus nigra 4085	restriction fragment length polymor-	Prunus dulcis
storage 4085	phism 11686	gene mapping 7254
Pinus sylvestris 4085	Solanum chacoense, genetics 6990	genetics 2005
storage 4085	Solanum phureja, genetics 6990	Pyrus pyrifolia 4798
Pisum sativum 2830	Trifolium pratense, induced mutations	genetics 12170
gene expression 1715, 4656	6889	nucleotide sequences 12169
0		

Zea mays 2572

Self incompatibility cont.	Serine/threonine specific protein	Setaria
Quercus ilex 5057	phosphatase	random amplified polymorphic DNA 10511
Raphanus sativus 710	gene expression 11392	taxonomy 10511
gene expression 709	Nicotiana tabacum	Setaria italica
genetics 12062	gene expression 13434 genetic transformation 13434	amylose, genetics 11758
nucleotide sequences 709 polymerase chain reaction 10770,	Sesamia calamistis, Zea mays, artificial	endosperm, genetics 11758
12062	selection 8007	gene flow 4527
restriction fragment length polymor-	Sesamia cretica, Zea mays 8002	gene mapping 4298, 4526
phism 10770, 12062	Sesamia nonagrioides	genetic resources 4528
Schlumbergera buckleyi	Zea mays 12901	interspecific hybridization 4526
genetics 10048	combining ability 11743	outcrossing 4527
linkage 10048	genetic transformation 10495	restriction fragment length polymorphis 4298, 4526, 11757
Schlumbergera truncata	reciprocal effects 11743	ribosomal DNA, restriction fragment
genetics 10048	Sesamum, polyploidy 13384	length polymorphism 1551
linkage 10048	Sesamum alatum interspecific hybridization 7336	Sclerospora graminicola 4532
Solanaceae, mathematics 4287 Solanum chacoense, genetic transforma-	isoenzymes 7336	seeds 4528
tion 2879	random amplified polymorphic DNA	somatic embryogenesis 10512
Solanum tuberosum 678	7336	tissue culture 10512
gene expression 4688	Sesamum indicum	yield components, artificial selection
Tectona grandis 2165	Alocypha bimaculata, genetic variance	6736
Theobroma cacao 6160	6111	Setaria pallide-fusca, polyploidy 2618
Self pollination	Alternaria alternata 13387	Setaria sphacelata, artificial selection 1175 Setaria viridis
Aquilegia canadensis 12520	Antigastra catalaunalis 3992, 6112, 8586	gene mapping 4526
evolution 5278	breeding, techniques 2063	interspecific hybridization 4526
Limnanthes alba 3993	cultivars	restriction fragment length polymorphis
Minulus guttatus, genetic markers 12519	Hwangbaeckkae 7333	4526
Mimulus nasutus, genetic markers 12519	Namsankkae 8583	Sethoxydim, Avena fatua 4473
Prunus persica 12186 Senecio	Río Mayo-93 2064 Yuzhi-10 6108	Setosphaeria turcica
aneuploidy 6329	development, heterosis 2066	Źea mays 1525, 4512, 11737
cytotaxonomy 6329	ethyl methanesulfonate 3991	genetic variance 7959
Senecio jacobaea, amplified fragment length	fatty acids, genetic variance 12337	genetics 4511
polymorphism, techniques 2321	Fusarium oxysporum, in vitro selection	heritability 7959
Senescence	8584	Zea mays (sweetcorn) 12893
Arabidopsis thaliana	gamma radiation 3126, 3991, 11054,	Severinia buxifolia
gene expression 1310, 3401, 8946-	12334	Citrus sunki, intergeneric hybridization 10970
8947	induced mutations 3126, 3991	citrus tristeza closterovirus, restriction
genetic engineering 3401	interspecific hybridization 7336, 13384	fragment length polymorphism 49
molecular genetics 1313	isoenzymes 7336	somatic embryogenesis 850
mutations 69, 1313	Macrophomina phaseolina 3123	tissue culture 850
nucleotide sequences 8946-8947	in vitro selection 8584	Xanthomonas axonopodis 3942
Arachis hypogaea, induced mutations 12327	male sterility, genetic transformation 904 mutagens 3991	Sex
Cucumis melo 1854	Mycosphaerella sesamicola 12339	Actinidia chinensis
Festuca pratensis	oleosins, nucleotide sequences 3124	genetic markers 13303
gene expression 1630	phyllody 8585	molecular genetics 4892
gene mapping 1630	pollen germination 4986	random amplified polymorphic DN
mutations 498, 2717	quantitative traits, heritability 2065	4890 Actinidia deliciosa 4889
Hemerocallis, gene expression 5108	random amplified polymorphic DNA	genetics 4893
Hordeum vulgare	7336	mutations 9680
gene expression 3519	salinity, combining ability 9818	techniques 4891
nucleotide sequences 3519	seeds, artificial selection 2067	Andropogon gerardii 11888
Iris hollandica, gene expression 11286	somaclonal variation 8584	Arabidopsis thaliana, gene expression (
Lolium multiflorum	sowing date 13387	Asparagus officinalis
gene expression 1630	variety trials 3123	amplified fragment length polymor-
gene mapping 1630  Lolium perenne	yield components combining ability 6109, 7335, 9818,	phism 7050
gene expression 1630	12336, 13386	gene mapping 7050
gene mapping 1630	genetic variance 6111, 12335	Aster 7529
Lycopersicon esculentum, gene expres-	genotype environment interaction	Boehmeria 5044
sion 4764	2070, 12338	Cannabis sativa 3213
molecular genetics 1270	heritability 3128	Carica papaya, genetic markers 13324 Citrullus lanatus 13244
Nicotiana tabacum 1854	heterosis 7334-7335, 13386	Coprinus cinereus, genetics 10085
genetic transformation 1310	induced mutations 11054, 12334	Cucumis sativus 1882
Pisum sativum	multivariate analysis 2068, 13385	artificial selection 2978
gene expression 6944	yield correlations 2069, 3127, 6110,	gene expression 13261
nucleotide sequences 6944	12334	gene mapping 2979
Populus deltoides, gene expression 11189	yields, heterosis 3125	linkage 2979
Ralstonia solanacearum 1854	Sesamum mulayanum, interspecific hybridization 13384	nucleotide sequences 13261
Zea mays	Sesbania	Dioscorea alata 4712
gene expression 284 mutations 5499	chromosome morphology 9345	evolution 124, 1334
nucleotide sequences 284	chromosome number 9345	forest trees 11173
Senna didymobotrya	Sesbania rostrata	Garcinia scortechinii 858
evolution 5292	Azorhizobium 9350	Mangifera indica 7230, 8471
flowers 5292	cell division	natural selection 123, 4283
Septoria (see also Leptosphaeria;	gene expression 2769, 5720	Phacelia linearis 1089 Pistacia lentiscus 7261
Mycosphaerella)	nucleotide sequences 5720	Salix viminalis
Septoria apiicola, Apium graveolens 13200	cultivars, CO1 8228	genetic markers 6271
Septoria chrysanthemella, Chrysanthemum	nodulation 9350	random amplified polymorphic DN
morifolium 6344	gene expression 2769, 5719-5720	6271
Septoria petroselini, Petroselinum crispum	nucleotide sequences 5720	Silene latifolia, gene expression 2210
1205, 2261	nodulins	Silene noctiflora 5103
Sequoiadendron giganteum, nucleolus orga-	gene expression 9350, 11921	Solanum 6536
nizer, fluorescence in situ hybridization	nucleotide sequences 9350	Sorghastrum nutans 11888
9988 Serine proteinases, Lilium longiflorum, gene	salinity, mutations 9351	Thymus vulgaris 5153
expression 4150	soil pH, mutations 9351 Sesquiterpenes, Solanum tuberosum 9527	Vitis amurensis, genetics 6031
	Sesquites penes, Solumum luderosum 9321	Zea mays 2572

ex chromosomes	Silicon, Oryza sativa 1589	Soil pH cont.
Actinidia chinensis 4890 evolution 4281	Silybum marianum, cultivars, Silma 12552	Festuca arundinacea 10593
Silene latifolia, nucleotide sequences	Simmondsia chinensis salinity	Hordeum vulgare 2396 Lupinus angustifolius 11916
11253	gene expression 7344	Panicum virgatum 3595
Silene pratensis, chromosome transmis-	nucleotide sequences 7344	Sesbania rostrata, mutations 9351
sion 10014	Sinapis, Brassica, intergeneric hybridization	triticale 142, 2396
exual reproduction  Alstroemeria aurea 12535	13195 Sinapis alba	Triticum aestivum 142, 2396, 11632,
angiosperms 118	Brassica napus (rape), intergeneric	11636 Triticum durum 142
Beta maritima, chloroplast genetics	hybridization 3102	Zea mays 319, 1521
13401	cultivars 8986	Soil toxicity
Calamagrostis porteri 10597 evolution 12683	IdaGold 9799	Hordeum vulgare
Ilex paraguariensis 9911	development gene expression 66	gene mapping 2517 genetics 2517
Juniperus phoenicea 5082	mutations 66	Panicum virgatum 3595
mathematics 121, 4286, 8974	nucleotide sequences 66	Trifolium repens, artificial selection 1658
Medicago 527	flowering	Triticum aestivum, germplasm releases
Medicago lupulina 1651 natural selection 8973	gene expression 66 mutations 66	1427 Zea mays 1521
Pachycereus pringlei 10046	nucleotide sequences 66	epistasis 9177
Pennisetum glaucum 4530	geranylgeranyl pyrophosphate synthase,	genetic variance 9177
population genetics 8974	gene expression 889	Soil types
Populus nigra 3220 Reinhardtia gracilis 10047	glucosinolates, artificial selection 887 green manures 7025	Alanagurus pratansis 6876
Solanum tuberosum 2880	haploidy 7303	Alopecurus pratensis 6876 Oryza sativa 8081
statistics 2372	herbicides, gene flow 3102	Saccharum, stability 6130
Tectona grandis 1016	Heterodera schachtii 7025	Zea mays 9176
Tripsacum, random amplified	Mamestra configurata 887	Soil water, Beta vulgaris (sugarbeet) 11084
polymorphic DNA 328  Tripsacum dactyloides 11745	Phyllotreta cruciferae 887 phytoene desaturase, gene expression 889	Soja (see Glycine) Solanaceae
Triticum aestivum 11566	phytoene synthase, gene expression 889	genetic resources 7751
hade	Plutella xylostella 887	self incompatibility, mathematics 4287
Arrhenatherum elatius 3684	pollen culture 7303	Solanum
Capsicum annuum, artificial selection 770	quality 9789 RNA polymerase	chimaeras 6988 Epilachna vigintioctopunctata 10833
Hibiscus syriacus 4109	chloroplast genetics 4962	genetic resources 5191, 9526, 9611,
Iris pumila 13576	gene expression 4962	10728
hedding	Sinapis nigra (see Brassica nigra)	books 1242
Brassica napus (rape) 9794 Fagopyrum esculentum 11862	Sinorhizobium Glycine max 8254	glycoalkaloids 13176 inflorescences 10747
Fagopyrum tataricum 11862	Medicago sativa 9331	interspecific hybridization 4687, 4692,
Glycine max 9407	Sinorhizobium meliloti, Medicago sativa	10739, 12025
hikimate dehydrogenase	11903	Leptinotarsa decemlineata 7009, 13176
Trifolium repens genetics 10617	Siphonochilus, taxonomy 10033 Siphonochilus aethiopicus, polymorphism,	Meloidogyne 1784, 1786 nitrogen 9526
linkage 10617	isoenzymes 1159	nomenclature 5802, 12034
hikonin	Sister chromatid exchange	nutrients 9526
Arnebia euchroma, in vitro selection	Hordeum vulgare 5272	phylogeny
1165	Vicia faba 5272 Sitabian ayanga Triticum aastiyum 223	amplified fragment length polymor- phism 6995
Lithospermum erythrorhizon, in vitro selection 1165	<b>Sitobion avenae</b> , Triticum aestivum 223, 2478, 7870-7871, 9081	chloroplast genetics 1766-1767, 2964
hoots, Prunus persica 12188	Sitodiplosis mosellana	Phytophthora infestans 3794
horea robusta	Triticum 11657	pollen 6536
germination 1017 seeds, storage 1017	Triticum aestivum 11657 Sitophilus oryzae, Zea mays 12896	population genetics 10728 sex 6536
icyos angulatus, rootstocks 9627	Sitophilus zeamais 7978	taxonomy 10747
ideritis	Zea mays 5546	books 1242
essential oils 3188	genetic variance 12898	chloroplast genetics 12117
interspecific hybridization 3188	genetics 7985 genotype environment interaction	restriction fragment length polymor- phism 12117
ilage Festuca arundinacea 8129	12898	tissue culture 6988
Festuca pratensis 8129	heritability 12898	unreduced gametes 10739
Lolium perenne 8129	Sitotroga cerealella	viruses 4701
Sorghum bicolor 336	Oryza sativa 8105 Sorghum bicolor 8025	Solanum acaule chromosome elimination 12024
Zea mays 1516, 6714, 6717, 7925, 10469 ilene dioica	Small nuclear RNA, Oryza sativa, nucleo-	cytoplasmic male sterility
isoenzymes	tide sequences 1568	mitochondrial genetics 12094
genetic variation 11249	Smicronyx fulvus, Helianthus annuus 11038	nucleotide sequences 12094
polymorphism 11249	Socioeconomics, genetic resources 3363 Sodium	genomes, restriction fragment length pol- ymorphism 2876
Microbotryum violaceum 3292 population genetics 11249	Oryza sativa, heritability 2665	inflorescences 10747
ilene latifolia	Triticum aestivum, heritability 2665	interspecific hybridization 2876
anthers	Triticum durum 5396	Lycopersicon esculentum, protoplast
gene expression 4138	Sodium azide Amaranthus edulis 2684	fusion 12094 potato X potexvirus 2876
nucleotide sequences 4138 flowers	Arachis hypogaea 12327	protoplast fusion 2876, 12024
gene expression 2210, 4138	Glycine max 9381	restriction fragment length polymorphism
nucleotide sequences 4138	Hordeum vulgare 4450, 10318, 10320	12024 toxonomy 10747
sex, gene expression 2210	Onobrychis viciifolia 8231 Oryza satiya 10537	taxonomy 10747 Solanum aethiopicum
sex chromosomes, nucleotide sequences	Oryza sativa 10537 Secale cereale 6688	genetic resources 9558
ilene noctiflora, sex 5103	Vigna radiata 3781	taxonomy 9558
ilene pratensis	Sogatella furcifera, Oryza sativa 3662,	Solanum americanum, protoplast fusion 677
hermaphroditism, induced mutations	13025-13026 Soil bacteria, Triticum aestivum 12750	Solanum appendiculatum, pollen 1763 Solanum astleyi, taxonomy, random ampli-
sex chromosomes, chromosome transmis-	Soil pH	fied polymorphic DNA 1770
sion 10014	Actinidia deliciosa	Solanum aviculare
ilene vulgaris	in vitro selection 1962	Agrobacterium rhizogenes, genetic trans-
gene flow 7527	somaclonal variation 1962 crops, conferences 1235	formation 11329 cell culture 7581
maternal effects 7527	crops, conferences 1255	VVII VUILUI I I I I

Solanum berthaultii	Solanum melongena	Solanum phureja cont.
interspecific hybridization 697, 7010,	atrazine	incompatibility 9523 interspecific hybridization 676, 1762,
12042	in vitro selection 762 induced mutations 762	6990, 9523, 9537
Phthorimaea operculella 7010 Verticillium albo-atrum 1774	auxins, somaclonal variation 13231	microsatellites 676
Solanum boliviense, taxonomy, random	Bacillus thuringiensis, genetic transfor-	Phytophthora infestans 1777
amplified polymorphic DNA 1770	mation 7093-7094	potato X potexvirus
Solanum brevicaule, taxonomy 6996	breeding 12089	gene mapping 9537 uphys
Solanum brevidens	colour, genetics 4775 cucumber mosaic cucumovirus 3847	genetics 9537 restriction fragment length polymor-
fluorescence in situ hybridization 10738	cultivars 6549	phism 9537
glycoalkaloids 685 interspecific hybridization 685, 4701,	Daitaro 7090	random amplified polymorphic DNA
10738	Eqie-1 7091	2874, 10744
protoplast fusion 685, 4701	development, genetics 4776	self compatibility, genetics 6990 yield components 12037
repetitive DNA 10738	diseases, genetics 8384 embryo culture 9612	Solanum pinnatisectum
Solanum bulbocastanum	Epilachna vigintioctopunctata 2967,	Phthorimaea operculella 7010
interspecific hybridization 9534	10833	Phytophthora infestans 691
Phytophthora infestans 691, 9534 protoplast fusion 691, 9534	ethyl methanesulfonate 762	protoplast fusion 691
random amplified polymorphic DNA	flowers, genetics 4775	Solanum rechei interspecific hybridization 13161
9534	fruits 12116 genetics 4775-4776	restriction fragment length polymorphism
restriction fragment length polymorphism	heterosis 10831	13161
9534	Fusarium oxysporum 7092	Solanum sisymbriifolium
taxonomy, chloroplast genetics 1769  Solanum cardiophyllum, taxonomy, chloro-	genetic resources 9611, 10800	embryo culture 9612
plast genetics 1769	genetic transformation 759	interspecific hybridization 9612  Solanum sogarandinum, cold resistance,
Solanum chacoense	heat resistance 3846 herbicides	gene expression 9532, 10748
anther culture 10744	in vitro selection 762	Solanum sparsipilum
glycoalkaloids, genetics 12031	induced mutations 762	Globodera pallida 696
haploidy 10744 incompatibility 9523	hybrid varieties 6549	interspecific hybridization 696
interspecific hybridization 6990, 9523,	insects, genetics 8384	Phthorimaea operculella 7010 unreduced gametes 696
13176	interspecific hybridization 9612  Leptinotarsa decemlineata, genetic trans-	Solanum tarijense, Verticillium albo-atrum
leptine, genetics 12031	formation 7094, 8385	1774
random amplified polymorphic DNA	Leucinodes orbonalis, genetic transforma-	Solanum torreanum, taxonomy 2965
10744 ribonucleases, genetic transformation	tion 7093	Solanum torvum
2879	mutagens 762 parthenocarpy 2961	embryo culture 9612 interspecific hybridization 9612
salinity 8319	phylogeny, chloroplast genetics 2964	Solanum tuberosum
self compatibility, genetics 6990	pollination 3846	abscisic acid, genetic transformation
self incompatibility, genetic transforma-	proteinase inhibitors, genetic transforma-	9583
tion 2879 tissue culture 8319	tion 12118	ACC synthase
Verticillium albo-atrum 1774	quality 12116 Ralstonia solanacearum 1838, 5935-5937	gene expression 3787 nucleotide sequences 3787
genetics 1774	techniques 13232	Agrobacterium tumefaciens
Solanum chenopodioides, protoplast fusion	taxonomy	gene expression 9520
677	chloroplast genetics 12117	genetic transformation 9520
Solanum commersonii cold resistance 2877	restriction fragment length polymor- phism 12117	aldolase gene expression 9524
interspecific hybridization 2877, 4686,	tissue culture 759, 9613	genetic engineering 9524
5798, 10736	Verticillium dahliae 10832	nucleotide sequences 9524
male sterility 679	yield components	amylose
polyploidy 5798	combining ability 2962	gene expression 3790
protoplast fusion 679, 4686, 10736  Solanum fendleri, interspecific hybridization	heterosis 2963, 10831, 12115 multivariate analysis 760	genetic transformation 3790 antibodies
7009	stability 761	gene expression 13158
Solanum gourlayi	yield correlations 12116	genetic transformation 8638, 13158
calcium 13164	Solanum microdontum	antifreeze proteins
tubers 13164	calcium 13164	gene expression 688
Solanum hirtum, flowers 5256	interspecific hybridization 12029, 13161 meiosis, restriction fragment length poly-	genetic transformation 688 antisense RNA
Solanum jabrense, taxonomy 2966 Solanum kurtzianum	morphism 12029	gene expression 13159, 13162
calcium 13164	restriction fragment length polymorphism	genetic transformation 13159, 13162
interspecific hybridization 13161	13161	artificial selection 4683, 8307
restriction fragment length polymorphism	salinity 8319 tissue culture 8319	asulam, genetic transformation 4705  Bacillus thuringiensis, genetic transfor-
13161 tubers 13164	tubers 13164	mation 698, 9539
Solanum litoraneum, taxonomy 2965	Solanum muricatum	benzodiazepines 5801
Solanum lycopersicoides	cultivars	biotechnology 12703
DNA hybridization 9587	Sweet Long 4931	black spot 5809, 8318
Lycopersicon	Sweet Round 4931 genetic transformation 3074	breeding 9530, 12019 conferences 11351
fertility 4756	salinity, heterosis 863	carbohydrates, genetic transformation
protoplast fusion 4756  Lycopersicon esculentum	tissue culture 3074	4690
intergeneric hybridization 12096	Solanum nigrum	catalogues, genetic markers 6981
protoplast fusion 9587	genetic resources, books 1242	chitinase
restriction fragment length polymorphism	herbicides 13592 interspecific hybridization 10737, 12026	gene expression 3795 nucleotide sequences 3795
9587	isoenzymes 12026	chlorophyll
Solanum macrocarpon Amrasca biguttula 13233	protoplast fusion 677, 10737, 12026	genetics 13165
Epilachna vigintioctopunctata 13233	systemin	restriction fragment length polymor-
gamma radiation 9614	gene expression 4293	phism 13165
Leucinodes orbonalis, induced mutations	nucleotide sequences 4293 taxonomy, books 1242	cholera toxin, genetic transformation
9614	triazine 13592	cholera toxin, genetic transformation 3786
Myllocerus subfasciatus 13233	Solanum phureja	chromosome addition 2878, 5799
quality, induced mutations 9614  Solanum maternum	anther culture 10744	chromosome elimination 12024
interspecific hybridization 6062	Erwinia carotovora 12037 genetic distance 2874	Clavibacter michiganensis 2883
taxonomy 6062	haploidy 676, 10744	cold 10746 cold resistance 2877

olanum tuberosum cont.	Solanum tuberosum cont.	Solanum tuberosum cont.
cold resistance cont.	Globodera pallida cont.	Phytophthora infestans cont.
gene expression 688, 9532	amplified fragment length polymor-	8322-8323, 8325-8326, 9534,
genetic transformation 688	phism 1781, 12041	12038-12039, 13169-13171
Colletotrichum coccodes 13168	gene mapping 1781, 9538, 12041	amplified fragment length polymor-
colour	genetic markers 9538	phism 10749, 13172
genetics 13165	repetitive DNA 12041	artificial selection 4697
restriction fragment length polymor-	Globodera rostochiensis 1785, 2883,	gene expression 692, 3795, 4696
phism 13165	4703, 13174	gene mapping 10749, 13172
combining ability 6989 copper 13163	gene mapping 9538	genetic engineering 5805
cryopreservation 3784, 6993	genetic markers 9538	genetic transformation 4696
* . <del>*</del>	linkage 1771	genetics 693-694, 8324
cultivars 1760, 2872, 8986, 10734 Andover 12020	molecular genetics 1771	germplasm releases 7002
Anti 2384	glucokinase	in vitro selection 9533 linkage 1771
Hanashibetsu 13156	gene expression 12030	molecular genetics 1771
HAV84-3 8310	genetic transformation 12030	nucleotide sequences 692, 3795
Heather 9512	glucose-1-phosphate adenylyltransferase	plant composition 10740, 13169
Juku 2384	genetic engineering 3789	plant disorders 5809
Kestrel 9513	genetic transformation 3789, 4690	plastocyanins, genetic transformation
Korneta 4685	α-glucosidase	10237
Latona 8311	gene expression 5796	polyploidy 5798, 8316
Mainestay 4684	genetic engineering 5796	Polyscytalum pustulans 6999
Mirta 10732	nucleotide sequences 5796 glycoalkaloids 684-686	population genetics 10728
NorValley 9511	growth period 3788	potassium
OAC Royal Gold 13155	growth regulators, genetic transformation	gene expression 8315
Pacific 1759	9583	nucleotide sequences 8315
Pike 12021	haploidy 676, 1762	potato A potyvirus
RZ85-618 8312	heat resistance 4692	gene mapping 10752
Saxon 9514	artificial selection 12035	restriction fragment length polymor-
St. Johns 9515	herbicides, genetic transformation 4705,	phism 10752
Symfonia 8313	10755	potato leaf roll luteovirus 9536
Valor 9516	hybrid varieties 4689, 9510, 12027	genetic transformation 1780, 3796-
VDW82-101 8314	hydrogen peroxide 4695	3797, 8329, 9535
VDZ83-60 8311	in vitro culture 12032-12033	potato leafroll luteovirus, heritability
Venta 10733	inbreeding, mathematics 4682	4702
WAL82-161 8313	incompatibility 9523	potato S carlavirus 4700
Winston 9517	insects 1787	genetics 7005
Yushu-1 6980	genetic engineering 8320	random amplified polymorphic DNA
cytochrome P-450, genetic transformation	interspecific hybridization 676, 685, 696-	7005
10755	697, 1762, 2876-2877, 4686, 4692,	potato spindle tuber viroid 7003 genetic engineering 7006
databases 12019	4701, 5798, 7009-7010, 9523, 9534,	genetic transformation 7006
desaturases, gene expression 687	9537, 10736-10739, 12025-12026,	potato V potyvirus, genetics 4699
development 3788	12029, 12042, 13176	potato X potexvirus 2876, 7008, 10750
diploidy 6989	iron 13163	gene expression 10750
diseases 6997, 8321	isocitrate dehydrogenase	gene mapping 9537
genetic engineering 8320	gene expression 9521	genetic transformation 695, 7004,
genetic transformation 3792	genetic engineering 9521	7007, 10750, 12040
DNA hybridization 2878, 5799	isoenzymes 12026	genetics 9537
double cropping 5803	leaves, techniques 8317	restriction fragment length polymor-
drought resistance, gene expression 687	Leptinotarsa decemlineata 2883	phism 9537
Empoasca fabae, artificial selection 697	artificial selection 697	potato Y potyvirus 8328
endochitinase	biosafety 10754	gene expression 13173
gene expression 675	genetic transformation 698, 7011, 10754	gene mapping 10752
genetic transformation 675	lettuce mosaic potyvirus	genetic transformation 2873, 5808,
Epilachna ocellata 5810	gene expression 13173	7007, 8329, 10751, 13173
Erwinia, genetic engineering 6998	genetic transformation 13173	restriction fragment length polymor-
Erwinia carotovora 2883, 37.93, 4694,	linkage 8316	phism 10752
13167	Lycopersicon esculentum, protoplast	techniques 4698
Erwinia chrysanthemi 4694	fusion 2878, 5799	preprotein translocase, nucleotide
Erysiphe pisi, genetics 8327	male sterility 679, 1762	sequences 12023
evolution 9531 experimental design 1758	manganese 13163	proteinase inhibitors, genetic transforma tion 7011
fluorescence 13170	maturase, mitochondrial genetics 13157	protoplast fusion 677, 679, 685, 691,
fluorescence in situ hybridization 10738	meiosis 4687	2876, 4686, 4701, 6987, 9534,
β-fructofuranosidase	restriction fragment length polymor-	10736-10737, 12024, 12026, 1203
gene expression 12030	phism 12029	Pythium aphanidermatum 7000
genetic transformation 4691, 12030	Meloidogyne 13175	quality 4689, 8318, 9530, 10746
gene expression 4838	Meloidogyne incognita 1772	in vitro selection 13166
fructokinase, gene expression 682	microsatellites 676	Ralstonia solanacearum 1772-1773
fructose-bisphosphatase	mitochondrial genetics 5793-5794, 6940	combining ability 689
gene expression 1765, 13162	mycoplasma-like organisms 2883	genetic engineering 6998
genetic transformation 13162	NADH dehydrogenase (ubiquinone)	random amplified polymorphic DNA
Fulvia fulva	gene expression 10735	9534
gene expression 13222	nucleotide sequences 10735	repetitive DNA 10738
genetic transformation 13222	Nematoda, artificial selection 10753	restriction fragment length polymorphis
gene banks 1757	neomycin phosphotransferase, genetic	2878, 5799, 6984, 9534, 12024
gene expression 12022	transformation 2873	Rhizoctonia solani 2883
gene mapping 8316, 13160	opsin, genetic transformation 3792	ribonucleases
genetic markers 13160	Ostrinia nubilalis 697	genetic engineering 7006
genetic resources 1757, 8308, 10728	pathogenesis-related proteins, genetic	genetic transformation 7006
genetic transformation 674, 6985-6986,	engineering 5805	salicylate 1-monooxygenase
9522, 12022	phenolic compounds 3793	gene expression 13222
genomes, restriction fragment length pol-	phosphorylase, gene expression 729	genetic transformation 13222
ymorphism 2876	photosynthesis 1765	salicylic acid
genotype mixtures 8325	Phthorimaea operculella 7010, 8330, 12042	gene expression 4696 genetic transformation 4696
Globodera 1782	genetic transformation 9539	salinity 8319
genetic transformation 1783	Phytophthora infestans 691, 1775-1776,	seasonal growth, artificial selection 580
Globodera pallida 696, 4703-4704,	1778, 2883-2884, 5806-5807, 7001,	seed production 680
13174	1770, 2000 2007, 2000 3007, 7001,	F

olanum tuberosum cont.	Solanum (tuberous species)	Somaclonal variation cont.
seeds 10742	evolution 9531	Lilium longiflorum 11302 Lolium perenne 9301
self incompatibility 678	genetic resources 8309, 9508 Globodera pallida 12036	fertility 6856
gene expression 4688 sesquiterpenes 9527	Phthorimaea operculella 12042	morphology 6856
sexual reproduction 2880	phylogeny, chloroplast genetics 1768	Malus pumila 1908
solavetivone, gene mapping 1785	Phytophthora infestans 12036	quality 10870
starch 2882, 10745	taxonomy 9508, 9531	Medicago sativa, random amplified
gene expression 9529	viruses 1779, 12036	polymorphic DNA 4599
nucleotide sequences 9529	chloroplast genetics 5795	Medicago varia
starch branching enzyme	gene mapping 5795	morphology 1652
gene expression 9519	Solanum vernei	proteins 1652 seeds 1652
nucleotide sequences 9519	Globodera pallida 696	Mentha arvensis 13600
starch synthase	interspecific hybridization 696 unreduced gametes 696	Musa 3058, 7218-7219
gene expression 6982, 13159 genetic transformation 6982-6983,	Solanum viarum	Fusarium oxysporum 9700
13159	Amrasca biguttula 13233	height 13308
polymerase chain reaction 6983	crop density 1185	Nelumbo nucifera
sterols, in vitro selection 9533	Epilachna vigintioctopunctata 13233	lysine 8340
stomata 1764	Myllocerus subfasciatus 13233	threonine 8340
storage 684, 10746	polyploidy 1185	Nicotiana gossei
Streptomyces scabies 2883	solasodine, genetics 13586	flowers 11124
genotype environment interaction 690	spines	leaves 11124
heritability 690	genetic variance 7583	Nicotiana tabacum
stress	genetics 7583	atrazine 6192 flowers 11124
artificial selection 5804	yield components 1185	herbicides 6192
gene expression 4693	Solanum villosum chromosome aberrations 5135	leaves 11124
nucleotide sequences 4693 sucrose synthase	polyploidy 5135	Oryza meyeriana, Xanthomonas oryzae
gene expression 9525	protoplast fusion 677	437
genetic transformation 9525	Solar radiation, Triticum aestivum 160	Oryza sativa 11816, 12988
sugar transport proteins	Solasodine, Solanum viarum, genetics 13586	aluminium 2670
gene expression 13162	Solavetivone, Solanum tuberosum, gene	chlorophyll 6804
genetic transformation 13162	mapping 1785	chromosome number 6804
Synchytrium endobioticum 2883	Somaclonal variation 8979	cold resistance 3648, 13001
systemin	Actinidia 1961	2,4-D 11775
gene expression 4293	Actinidia deliciosa 1961	fatty acids 13001
nucleotide sequences 4293	habit 1960	lipids 13001
taxonomy 9531 thioredoxins	soil pH 1962	Magnaporthe grisea 2678 photosynthesis 459
gene expression 4693	Actinidia eriantha 6036, 12243 Ananas comosus	salinity 6825, 9280
nucleotide sequences 4693	isoenzymes 7234, 9724	stress 459
tissue culture 674, 3784, 3791, 6992-	morphology 9724	transposable elements 373
6994, 8319	Asparagus officinalis 12086	Pelargonium hortorum 4111-4112
tobacco etch potyvirus, genetic transfor-	Begonia elatior 6554	Piper longum 7592, 8845
mation 5808	Beta vulgaris (sugarbeet)	Piper nigrum, Phytophthora capsici 885
triose phosphate translocator, genetic	acetolactate synthase 13405	Pisum sativum 6946
transformation 4690	herbicides 13405-13406	Quercus suber 5058
true seeds 680-681, 2881, 4689	Brassica napus 6554	Rhododendron 2196
tubers	Brassica napus (rape) 8517	random amplified polymorphic DNA
combining ability 5800	Cajanus cajan 10714	6313
gene expression 12030 genetic transformation 12030	Cereus peruvianus, isoenzymes 1134	Rubus laciniatus
uncoupling proteins	Coffea arabica, quality 9870 Colocasia esculenta 9550-9551	height 827 spines 827
gene expression 1761	crops, books 10114	Saintpaulia ionantha 6554
nucleotide sequences 1761	Cucumis melo, regenerative ability 3856	Sesamum indicum 8584
unreduced gametes 683, 696, 4687,	Cucumis metaliferus, polyploidy 4791	Solanum melongena, auxins 13231
10739	Cucumis sativus 13264	Sorghum bicolor 4522
vaccines 9522	Elaeis guineensis 7319	salinity 1545
genetic transformation 3786, 5201	chromosome number 897	Stylosanthes scabra 5710
variety classification	DNA 897	Triticum aestivum 5346, 7820, 11604
amplified fragment length polymor-	flowering 13370	colour 2471
phism 9518	fruits 13371	gliadin 2445, 10289
random amplified polymorphic DNA	leaves 2049	glutenins 2445, 3469, 10289
3785 variety trials 4689, 5792, 9509, 10729-	necroses 2049	inflorescences 2427
10731	Elettaria cardamomum	proteins 10289
Verticillium dahliae, genetic transforma-	yield components 8846	Puccinia recondita 2471
tion 4695	yields 8844 Festuca pratensis	Triticum timopheevii
viruses 2883	plant composition 10594	chromosome morphology 7794 chromosome number 7794
chloroplast genetics 5795	Puccinia coronata 10594	Vanilla planifolia 8848
combining ability 689	Festuca rubra	Vitis vinifera 9677
gene mapping 5795	fertility 6856	Zea mays 5520, 11718
genetic transformation 695	morphology 6856	Zingiber officinale 5148
water balance 1764	Forsythia viridissima, colour 7507	Somatic embryogenesis
wide hybridization 683	Fragaria ananassa 4851, 7188	Abies alba 4082
xylose isomerase, genetic transformation	Fragaria vesca 3910	Abies fraseri 5079
8908	Glycine max 5732	Acanthopanax koreanum 4180
yield components combining ability 5797, 5800, 6991,	Gossypium hirsutum, male sterility 11143	Aegle marmelos 850
12028	Hordeum vulgare 4456, 7894, 9100	Allium cepa 10779
genetics 10741	chromosome number 241	Angelica sinensis 11339
heritability 10741	random amplified polymorphic DNA 4457	Anigozanthos 7538
in vitro selection 13166	restriction fragment length polymor-	Anthurium scherzerianum 7536 Arabidopsis thaliana, mutations 10200
multivariate analysis 10743	phism 4457	Arachis hypogaea 8568
stability 683	yield components 6665, 7893	Asparagus officinalis 12086
yields	Hypericum perforatum	Atalantia ceylanica 850
genetic distance 2875	chromosome number 10056	Azadirachta indica 5144, 8841
genotype environment interaction	hypericin 10056	Blandfordia grandiflora 7538
9528	polyploidy 10057	Brassica napus (rape) 7290, 9781-9782
heterosis 2875	Iris ensata, nucleolus organizer 3298	gene expression 13357

Somatic embryogenesis cont.	Sorghum cont.	Sorghum bicolor cont.
Brassica oleracea 8351	tissue culture 5556	hybrid varieties 330, 5305, 10501
Camellia ptilophylla 11099	transpiration 2612	inbreeding depression 334
Camellia sinensis 12367	Sorghum bicolor	inflorescences 9201, 12909
Capsicum annuum 12707	accessory chromosomes 5308	internodes, heterosis 3592
Carica papaya 13375	adenosinetriphosphatase 4519	interspecific hybridization 2605, 3591,
Cicer arietinum 646	gene expression 4521	5305, 10505
Citropsis gabunensis 850	mitochondrial genetics 4521	irrigation 335
Citrus sinensis 7224	nucleotide sequences 4521	leaves 12909
Clausena excavata 850	alachlor 12916	ligules
Cocos nucifera 13375-13376	aluminium 9199	gene mapping 11746
Coffea arabica 9867	aneuploidy, fluorescence in situ hybridi-	linkage 11746
conifers 13502	zation 6729	restriction fragment length polymor-
Corylus avellana 3958-3959	anther culture 8020	
Cucumis melo 12707		phism 11746
Cucumis sativus 3863	apomixis, genetics 2606	lysine 3593
Cucurbita pepo 12707	Atherigona soccata	malate dehydrogenase
	combining ability 339	gene expression 5553
Cyclamen persicum 7556	plant composition 2616	mutations 5553
Daucus carota 361, 3799-3800	bilanafos, genetic transformation 10510	male sterility 330, 4520
gene expression 10757, 10759	biosafety, genetic transformation 3439	genetics 2608
mutations 3798	breeding 5551, 10499	germplasm releases 2608
techniques 12687	conferences 13621	mitochondrial genetics 12907
tissue culture 12045	carbon monoxide 2613	meiosis 5308
Elaeis guineensis 13373	Chilo partellus 1550, 11752	Melanaphis sacchari 11752
globulins 13372	chlorophyll, mutations 333	metolachlor 12916
Eucalyptus nitens 7435	chromosome aberrations 8010	mitochondrial genetics 11747
Gardenia jasminoides 12707	chromosome morphology 5308, 8011	molecular genetics 3433
Glycine max 579, 10645, 11948	chromosome number 8011	morphology, multivariate analysis 2614
Glycosmis pentaphylla 850	Claviceps 10508	NADH dehydrogenase
Gossypium hirsutum, genetics 9922	Claviceps africana 1546, 4525	gene expression 1538
Helianthus annuus 7310, 13366	cold resistance 9198	nucleotide sequences 1538
Heliconia 6324	Colletotrichum graminicola	nitrogen, genotype environment interac-
Hevea brasiliensis 8696, 11170	genotype environment interaction	tion 9197
Hordeum vulgare 11673	8897	nomenclature 2614
Liquidambar styraciflua 9957	mathematics 8897	nucleocytoplasmic interaction 8019
Mangifera indica 10973	crop density 337	Oryza sativa, intergeneric hybridization
Manihot esculenta 2893, 7018, 12050	cultivars 5305	5576
	Dekorativnoe 2603	outcrossing 12906
Medicago sativa 10609		
artificial selection 8186	Mahube 6728	pendimethalin 12916
Microcitrus australasica 850	Mmabaitse 6728	photoperiodism 8014
Murraya paniculata 850	Phofu 6728	photosynthesis 12908
Musa 3062	Pishchevoe-35 10500	gene expression 9192
Mussaenda 5092	Pishchevoe-614 10500	restriction fragment length polymor-
Oryza 6806	Pusa Chari Hybrid 106 2602	phism 9192
Pelargonium hortorum 4111, 11233	Shandaweel-1 10501	phytochrome, mutations 8015
Picea abies 1026, 7478, 12475	Shandaweel-2 10501	plant introduction 12917
Picea glauca	Xiangliangyounuoliang-1 330	pollen 1546
gene expression 8717	cytochrome-c oxidase 2613	polyamines 12911
genetic transformation 11202	cytochromes, nucleotide sequences 4517	polyembryony 332
Pimpinella anisum 10065	cytoplasmic male sterility 3591, 4519,	polyploidy 332, 8010, 8012
Pinus nigra 4082	5555, 8013	protein kinase
Pinus taeda 1026	gene expression 4521	gene expression 4518, 9187, 12905
Prunus 8427	germplasm releases 2607, 2609	nucleotide sequences 4518, 9187,
Pseudotsuga menziesii 1026	mitochondrial genetics 331, 4521,	12905
Quercus faginea 7439	9191	Pseudomonas andropogonis 4524
Quercus petraea 13494	nucleotide sequences 331	quality 335, 3594, 6732, 11752
Rosa hybrida 12707	random amplified polymorphic DNA	multivariate analysis 9196
Saccharum officinarum, techniques 7348	9191	quantitative traits
Setaria italica 10512	restriction fragment length polymor-	gene mapping 1539
Severinia buxifolia 850	phism 9191	random amplified polymorphic DNA
Stevia rebaudiana 8626	Diatraea saccharalis 1548	1539
Tagetes erecta 12527	digestibility 1544	restriction fragment length polymor-
	drought resistance 8023, 11750	phism 1539
techniques 12687	genetic markers 5558, 11751	repetitive DNA 9188-9189
Thysanotus juncifolius 7538	germplasm releases 2615	restriction fragment length polymorphism
Triticum aestivum 179	dry matter 336	9188
Tulipa 11310	embryology 8012	salinity 10507
Vitis 4876		in vitro selection 1545
Vitis vinifera 7205	ethylene, mutations 8015	somaclonal variation 1545
Zea mays 3570	evolution, molecular genetics 5311	Schizaphis graminum 8024
genetics 2585	fluorescence in situ hybridization 9189	genetic transformation 3439
mutations 9173	forage 3591, 12915	silage 336
Somatic hybridization (see Protoplast	fungi 5559	
fusion)	combining ability 1547, 6734	Sitotroga cerealella 8025
Somatic recombination (see Mitotic	Fusarium sporotrichioides 338	somaclonal variation 4522
recombination)	gene flow 2605	sowing date
Somatotropin, Liriodendron tulipifera,	gene mapping 2604, 9188	combining ability 5557
genetic transformation 6276	genetic resources 6730, 12902	heterosis 5557
Sorbitol-6-phosphate 2-dehydrogenase	genetic transformation 5552	Spodoptera frugiperda 1549
Malus pumila	genotype environment interaction 4523	starch 3593
gene expression 13430	germination 9198	Stenodiplosis sorghicola 1548, 5560-
genetic engineering 13430	Gibberella fujikuroi 338	5561, 9200-9201
Nicotiana tabacum	β-glucosidase	heterozygosity 10509
gene expression 13430	gene expression 9190	restriction fragment length polymor-
genetic transformation 13430	nucleotide sequences 9190	phism 10509
Sorghastrum nutans	growth regulators, mutations 8015	tannins 1544
pollination 11888	haploidy 332	temperature 12909
sex 11888	heat resistance 3437	tissue culture 8020, 12911
Sorghum	height, germplasm releases 2610-2611,	toxic substances 9199
cytotaxonomy 8022	10504	transpiration 2612, 12908
nutritive value 10505	herbicides 12916	transposable elements, DNA hybridiza-
quality 12912	genetic transformation 10510	tion 5493

Spinacia oleracea cont.

Sorghum bicolor cont.

trifluralin 12916	rechaun 11321	pnospnorylase com.
variety classification 2614	Spathoglottis plicata, tissue culture 1124,	nucleotide sequences 729
variety trials 329, 6733, 12903-12904	4156, 7567	proteins gene expression 4746, 9577
water balance 12908	Speciation (see Evolution)	
genotype environment interaction	Spermidine synthase	genetic engineering 4746
9197	Arabidopsis thaliana	nucleotide sequences 9577
yield components	gene expression 6550	protoplast culture 12080
combining ability 1540, 1543, 1547,	nucleotide sequences 6550	pullulanase, nucleotide sequences 10795
5555, 6731, 9195, 11748	Hyoscyamus niger	repetitive DNA, polymerase chain reac-
genetic variance 1540, 6731, 11748	gene expression 6550	tion 12078
genetics 8018	nucleotide sequences 6550	ribulose-bisphosphate carboxylase, gene
genotype environment interaction	Nicotiana sylvestris	expression 12079
6733, 12913, 12915	gene expression 6550	tissue culture 3820
heritability 5554, 6730	nucleotide sequences 6550	transcription 8357
heterosis 334, 1542, 8016-8017,	Spermine, Arabidopsis thaliana, induced	variety trials 2939
12910	mutations 2351, 6512	Spines
multivariate analysis 4520	Sphaceloma (see also Elsinoe)	Ricinus communis, genetics 7332
stability 12914-12915	Vigna unguiculata, combining ability	Rubus laciniatus, somaclonal variation
yield correlations 1541, 5554, 6730,	3776	827
8019, 9193-9194, 11749	Sphaceloma manihoticola, Manihot	Solanum viarum
	esculenta 2896	genetic variance 7583
yields, genotype environment interaction	the state of the s	genetics 7583
10506	Sphacelotheca reiliana	
Sorghum hewisonii, tissue culture 8021	Zea mays 2595	Spiranthes diluvialis, isoenzymes 7566
Sorghum plumosum, tissue culture 8021	techniques 5537	Spodoptera exigua, Gossypium hirsutum
Sorghum propinquum, genotype environ-	Sphaerodothis acrocomiae, Cocos nucifera	8685
ment interaction 4523	11041	Spodoptera frugiperda
Sorghum sudanense	Sphaeropsis (see also Botryosphaeria)	Gossypium hirsutum, genetic transforma
Claviceps 10508	Sphaerotheca fuliginea	tion 4052, 9927
cultivars 5305	Cucumis melo 9623	Sorghum bicolor 1549
cytoplasmic male sterility 3591	gene mapping 1858	Zea mays 1531-1532, 7966, 7970-7971,
germplasm releases 10502-10503	genetics 1859	7974, 7982, 8006
forage 3591	random amplified polymorphic DNA	artificial selection 7986, 7995-7996
hybrid varieties 5305	1858	genetic transformation 10497
interspecific hybridization 3591, 5305,	Sphaerotheca pannosa	genetics 7986, 7996
10505	Prunus persica 10932	reviews 7972
nutritive value 10505	gene mapping 10918	Spodoptera littoralis
outcrossing 12906	heritability 12194	Glycine max 2810
Sorosporium (see also Sphacelotheca;	linkage 10918	Lycopersicon esculentum 5934
Tolyposporium)	Rosa 8752	Lycopersicon pennellii 5934
Source sink relations	Sphaerulina (see also Cercospora)	Spodoptera litura
Cicer arietinum, artificial selection 6553	Sphenostylis stenocarpa, amino acids 3782	Glycine max 9462
Medicago sativa, mutations 11902	Spice plants	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
Nicotiana benthamiana 954	genetic resources 4183	tion 2128
Nicotiana tabacum 3185	in vitro culture, conferences 10096	Spondias tuberosa
Oryza sativa, heterosis 9249	Spikelets	centres of diversity 2002
Pisum sativum 3752	Aegilops, heterosis 11577	tissue culture 7250
Saccharum officinarum, reviews 916	Triticum aestivum	yield components, multivariate analysis
Triticum aestivum 172, 4410	gene location 11593	2002
artificial selection 6553	gene mapping 12733	yield correlations 9739
Zea mays 3559, 7939	genetics 11593, 12733	Spongospora subterranea, Nasturtium
Sowing, Secale cereale 12827	heterosis 11577	officinale, in vitro selection 9582
Sowing date	mutations 11593	Spores
Avena sativa 7908	Triticum durum, heterosis 11577	Agaricus 4200
Beta vulgaris (sugarbeet) 7362, 9836	Zea mays	Flammulina velutipes 10086
Brassica campestris 9780	gene expression 9164	ornamental ferns, in vitro culture 13579
Brassica carinata 9780	mutations 305	Sporobolus, taxonomy 13044
Brassica juncea 3965, 9780	Spinacia oleracea	Sporobolus pyramidalis, desiccation, gene
Brassica napus 9780		
Glycine max 584-586, 9409, 9417, 11953	Agrobacterium tumefaciens, genetic	expression 8162
	transformation 3820	Sporobolus stapfianus
Helianthus annuus 2039, 8536	aquaporin, gene expression 8359	desiccation, gene expression 8162
Hordeum vulgare 2514, 10312	ascorbate peroxidase	drought resistance
Macrotyloma uniflorum 2868	gene expression 4745	gene expression 8163
Oryza sativa 11830	nucleotide sequences 4745, 7045	nucleotide sequences 8163
genotype environment interaction	betaine 1811	Spring and winter habit
6790	binding proteins, nucleotide sequences	Aegilops, genetics 4370
Papaver somniferum 1160	9575	triticale 2537-2538
Sesamum indicum 13387	cell culture 730	Triticum, genetics 4370
Sorghum bicolor	chloroplast genetics 2940, 8357	Triticum aestivum 3490
combining ability 5557	choline monooxygenase	chromosome substitution 1407, 9034
heterosis 5557	gene expression 1811	gene location 9034
triticale 12848-12849	nucleotide sequences 1811	gene mapping 11591
Triticum aestivum 208, 1419, 3454, 5349,	cold	pleiotropy 1407
5370, 9038, 11621, 11625, 11628	gene expression 9577	reciprocal effects 144
Triticum durum 2456, 5370, 12748	nucleotide sequences 9577	
Zea mays 315, 5544, 12890	cucumber mosaic cucumovirus, genetic	restriction fragment length polymor-
Soybean mosaic potyvirus		phism 9034, 11591
Glycine max 596, 3730, 3732, 4567,	transformation 10796	Triticum spelta
10658, 13094-13095	DNA binding proteins, gene expression	chromosome substitution 9034
	3818	gene location 9034
gene expression 9454	gene expression 728, 4744	restriction fragment length polymor-
genetic markers 9453	genetic engineering 728	phism 9034
genetics 3731, 3733, 4638, 13096	glutathione peroxidase, nucleotide	Sprouting
germplasm releases 3733	sequences 3819	Glycine max 9404
nucleotide sequences 9454	heat shock proteins	Secale cereale, genetics 2527
random amplified polymorphic DNA	gene expression 9576	triticale 3540, 10346, 12842
9453	molecular genetics 9576	genetics 10344
Space flight	immunophilins, nucleotide sequences	genotype environment interaction
Brassica napus (rape) 879	8358	7915
Triticum aestivum 7792	Peronospora farinosa 7046	mathematics 7915
Spacing (see Crop density)	phosphorylase	Triticum aestivum 167, 7805, 11579,
Spathiphyllum, tissue culture 7574	gene expression 729	12731
	1	120131

Spathiphyllum floribundum, cultivars, Lep-

Sprouting cont.	Stability cont.	Statistics cont.
Triticum aestivum cont.	Vigna aconitifolia, yield components	Cucumis sativus, yield components
artificial selection 10252	6978	13263
genetics 168 Triticum monococcum, genetics 10344	Vigna radiata 2866	dormancy 130
Spur types	yield components 5789 Vitis vinifera	evolution 2379 forest trees, heritability 12442
Malus pumila 9639	cold resistance 8454	gene flow 102, 1332
induced mutations 5991	quality 8453	gene mapping, quantitative traits 92
Squalene synthase, Arabidopsis thaliana	yields 8453	genetic distance 1332, 7746
4252	Zea mays 4508	genetic markers 5216
Squash mosaic comovirus, Cucumis melo,	oils 1517	artificial selection 7686
genetics 13243 Stability	yield components 12888-12889 yields 7948, 10481-10482, 12890	genetic variance 11480
Amaranthus cruentus, yield components	Stachylidium (see also Verticillium)	genetic variation 39 genetics 7662
13029	Stapelia (see asso versionium)	conferences 8871
Amaranthus hypochondriacus, yield com-	chromosome morphology 7572	genotype environment interaction 767
ponents 11867, 13029	chromosome number 7572	Helianthus, random amplified
Arachis hypogaea	DNA 7572	polymorphic DNA 12296
yield components 12332	Starch	linkage 2366
yields 11050  Beta vulgaris (beetroots), yields 11092	Arabidopsis thaliana, mutations 12643 genetic engineering 8914	quantitative traits 6528
Beta vulgaris (fodder beet), yields 11092	Hordeum 6667	mitochondrial genetics 1030 mutations 12663, 12665, 12672, 1267
Beta vulgaris (sugarbeet) 8622	Hordeum vulgare 243, 6668	natural selection 2378
yields 11092	mutations 2510	Oryza sativa, yield components 12995
Brassica napus (rape), mathematics 885	Ipomoea batatas 10768	outcrossing 11479
Chenopodium quinoa, growth period	artificial selection 2902	Pennisetum purpureum, morphology
4572 Ciarra minimum	Manihot esculenta 701, 13179 Medicago sativa, mutations 11902	10516
Cicer arietinum	Nicotiana sylvestris, mutations 9888	Phaseolus vulgaris
yield components 9493, 11996 yields 6952, 10711	Nicotiana tabacum	Colletotrichum lindemuthianum 94
crops, mathematics 6555	gene expression 3181	Phaeoisariopsis griseola 9471 seeds 9471
Daucus carota 2885	nucleocytoplasmic interaction 3181	Pinus banksiana
glyphosate 9542	Oryza sativa 3434, 5614	chloroplast genetics 1030
herbicides 9542	Pisum sativum 3752	mitochondrial genetics 1030
Fagopyrum esculentum, yield compo-	mutations 6943	Pinus contorta
nents 478, 13028	Solanum tuberosum 2882, 10745 gene expression 9529	chloroplast genetics 1030
Fagopyrum tataricum, yield components	nucleotide sequences 9529	mitochondrial genetics 1030
11865 Glycine max 3722	Sorghum bicolor 3593	population genetics 104, 2366, 12663,
fatty acids 2796, 6912	Triticum aestivum 192-193, 1417, 3479,	12665, 12669, 12672, 12674 quantitative traits, gene mapping 1021
oils 2796, 6912	7825	11473, 12661
proteins 2796	Zea mays 3434, 3576-3577, 10473	Saccharum, morphology 917
yields 9439-9440, 11951	maternal effects 9171	seeds 130
Gossypium 6220	mutations 313, 2586 reciprocal effects 9171	selection 1331
Gossypium hirsutum, quality 9924	Starch branching enzyme	sexual reproduction 2372
Helianthus annuus	Solanum tuberosum	stability 11376
fatty acids 12305 oleic acid 12305	gene expression 9519	Triticum aestivum, variety trials 1375
yields 6095	nucleotide sequences 9519	vegetative propagation 2372  Zea mays, variety trials 1483
Hibiscus cannabinus 8692	Triticum aestivum, gene mapping 3453	Stearic acid
Hordeum vulgare 10328	Starch synthase	Brassica napus (rape)
artificial selection 12785	Oryza sativa	gene expression 7251
haploidy 7881	gene expression 12932 gene mapping 3633	genetic transformation 7251
Ipomoea batatas, yields 10769	mutations 11801	Garcinia mangostana
Lycopersicon esculentum, yield compo-	nucleotide sequences 12932	gene expression 7251
nents 13218	Pisum sativum	nucleotide sequences 7251
Manihot esculenta 8332	gene expression 3755	Glycine max genetics 1684, 9430
Medicago sativa, seed production 8192 Oryza sativa 4559, 6821, 12994, 12998	mutations 3755, 8279	induced mutations 1684
combining ability 11810	nucleotide sequences 8279	Stearoyl-CoA desaturase
salinity 6823	Solanum tuberosum	Arabidopsis thaliana
yield components 1599, 8088, 11830,	gene expression 6982, 13159 genetic transformation 6982-6983,	gene expression 2341
11832	13159	genetic engineering 2341
yields 9279, 12997	polymerase chain reaction 6983	gene expression 16
Papaver somniferum, yield components	Triticum aestivum 3464	Nicotiana tabacum, genetic transformation 2341
10062 Pisum sativum 11988	genetic transformation 7831	Stemphylium (see also Alternaria;
Saccharum 11988	genetics 12730	Pleospora)
soil types 6130	mutations 3480	Stemphylium solani, Gossypium 6228
yields 6130	polymorphism 12743  Triticum spelta, polymorphism 12743	Stems (see also Internodes)
Saccharum officinarum 2079	Zea mays	Arabidopsis thaliana
yields 9827	gene expression 7928, 10437, 11692	gene mapping 3400
Solanum melongena, yield components	mutations 7928	induced mutations 3400
761	nucleotide sequences 7928, 10437,	Cicer arietinum, mutations 641
Solanum tuberosum, yield components	11692	Glycine max, mutations 11944
683  Sarahum bicalar yield components	Statistics	Hibiscus cannabinus, genetics 4060 Hordeum vulgare
Sorghum bicolor, yield components 12914-12915	apomixis 11479	genetics 5437
statistics 11376	artificial selection 7653  Brassica, random amplified polymorphic	mutations 5437
Theobroma cacao, yield components	DNA 12296	Trifolium repens 8214
11102	Brassica napus (rape)	artificial selection 3695, 10618
Triticum aestivum 7844	genotype environment interaction	heritability 3695
drought resistance 9058	12289	Triticum aestivum 6612
yield components 6621, 12747	variety trials 8496	gene location 11594
yields 9055, 11600	breeding 7662	genetic variance 11578, 11597
Triticum durum 4401	chloroplast genetics 1030	genetics 11594 Triticum durum 6612
quality 4404	clonal variation 2372	Triticum aurum 6612 Triticum spelta 6612
yield components 4404	crops genetic transformation 11407	Triticum zhukovskyi 6612
Triticum turgidum, yield components	voriety trials 2302	Stenia christensanii taxonomy 12543

Stenocarpella maydis	Stomata cont.	Stress cont.
Zea mays 1522	Brassica chinensis 4737	Arabidopsis thaliana cont. gene expression 86, 2355, 10152,
combining ability 9179	Brassica juncea 4737	10167, 10175, 12658
genetics 9179	Brassica pekinensis 4737	genetic engineering 12658
Stenodiplosis sorghicola	Coffea arabica 3158	genetic transformation 2355
Sorghum bicolor 1548, 5560-5561, 9200-	Coffea canephora 3158	nucleotide sequences 10167, 10175
9201	Helianthus annuus, gene expression 3113	artificial selection, reviews 14
heterozygosity 10509	Hordeum vulgare 3521	Avena barbata 6677
restriction fragment length polymor-	Lycopersicon esculentum, gene expres-	
phism 10509	sion 8374	Betula pendula 13491
Stenotaphrum secundatum	molecular genetics 7687	biotechnology 2317
cold resistance	Musa 7217	books 7642
combining ability 9322	Raphanus raphanistrum 7024	Brassica napus
heritability 9322	Raphanus sativus 4737	gene expression 3968, 12291
reciprocal effects 9322	Solanum tuberosum 1764	genetic engineering 12291
cultivars, Sir Walter 2727	Theobroma cacao 9874	Cajanus cajan 2850
Sterility	Triticum aestivum	cereals, genetics 4309
Bambusa vulgaris 1216	artificial selection 5354	Cereus peruvianus 1131
Cucurbita pepo, genetics 1868	genetics 169	Cicer arietinum, artificial selection 6553
genetic transformation 11373	heterosis 169	Coleus blumei 2229
Glycine max	Triticum durum	Craterostigma plantagineum, gene
genetics 576, 9388	genetics 5365	expression 13581
mutations 576	heritability 5365	crops 2306, 6435, 7677
Hemerocallis citrina, chromosome aber-	Stone fruits, rootstocks 12146	Cucurbita moschata 10847
rations 10027	Storage	Festuca arundinacea 13037
Hordeum vulgare, induced mutations	Acer platanoides, seeds 11191	fodder plants, conferences 10098
6660	Acer pseudoplatanus, seeds 11191	gene expression 4220
Oryza sativa, genetics 2644	Actinidia deliciosa 4898-4899	conferences 1236
Pinus radiata, genetic transformation	Allium cepa 721, 5875, 9566	genetic engineering 2317, 6434, 11378
13506	seeds 4722	Gossypium hirsutum 8683
Syzygium cumini 7590	Arachis hypogaea 8564	Hevea brasiliensis 11166
Tripsacum dactyloides	Avena sativa, seeds 7906	artificial selection 11172
gene mapping 3590	Banksia menziesii, pollen 2194	Hordeum vulgare
genetic markers 3590	Borago officinalis, seeds 1161	artificial selection 12785
Triticum aestivum 7846	_ 0, 00	gene expression 9104
Sternbergia, random amplified polymorphic	Brassica napus (rape) pollen 6089, 13361	mutations 9104
DNA 2222	^	Lavandula angustifolia 7605
Sternbergia candida, chromosome banding	temperature 13361	Linum usitatissimum (flax) 11157
6354	Brassica pekinensis, pollen 13193	Lycopersicon esculentum 7070
Sternbergia clusiana, chromosome morphol-	Carum carvi, seeds 1161	gene expression 4693, 4769, 7073
ogy 1110	Citrus reticulata	nucleotide sequences 4693, 7073
Sternbergia colchiciflora, chromosome mor-	fruits 3939	Mesembryanthemum crystallinum, gene
phology 1110	seeds 3939	expression 13582
Sternbergia fischeriana, chromosome band-	Cnicus benedictus, seeds 1161	molecular genetics, conferences 6411
ing 6354	crops, seeds 3430	Nicotiana plumbaginifolia 11130
Sterol glucosyltransferase	Datura stramonium, seeds 1161	Nicotiana tabacum 11122, 12404
Arabidopsis thaliana	Daucus carota 8331	gene expression 6177-6178, 11128,
gene expression 1291	Dendranthema, pollen 10005	12291
nucleotide sequences 1291	Eruca vesicaria, seeds 13388	genetic transformation 2122, 6177,
Avena sativa	Euterpe edulis, seeds 2944	12291
gene expression 1291	Eutrema wasabi, seeds 7053	Oryza sativa
nucleotide sequences 1291	Festuca gigantea, seeds 497	gene expression 11835
Sterol methyl-transferases	Foeniculum vulgare, seeds 1161	nucleotide sequences 11835
Arabidopsis thaliana	Ginkgo biloba, pollen 8722	somaclonal variation 459
gene expression 11458	Glycine max	Phaseolus vulgaris
nucleotide sequences 11458	induced mutations 9408	gene expression 9477
Nicotiana tabacum	seeds 9405	nucleotide sequences 9477
gene expression 11458	Lilium, bulbs 1115	Pinus sylvestris, isoenzymes 3240
nucleotide sequences 11458	Lilium henryi, bulbs 1115	Pisum sativum 10691
Ricinus communis	Lilium longiflorum, bulbs 1115	reviews 13
gene expression 11458	Lupinus, seeds 2772	Secale cereale, gene expression 270
nucleotide sequences 11458	Lycopersicon esculentum 1828	Solanum tuberosum
Sterols	Malus pumila 803	
gene expression, reviews 4225	Oryza sativa, seeds 12972	artificial selection 5804 gene expression 4693
Nicotiana tabacum, molecular genetics	Pennisetum glaucum, pollen 4363, 11763	
13432	Pinus nigra, seeds 4085	nucleotide sequences 4693
Oryza sativa, molecular genetics 13432	Pinus sylvestris, seeds 4085	Triticum aestivum 4410, 4414
Solanum tuberosum, in vitro selection	Pisum sativum, seeds 2772	artificial selection 6553
9533	pollen 1248	gene expression 12753
Stevia rebaudiana, somatic embryogenesis	Prunus avium, seeds 11191	Vicia faba 8265
8626		Vicia sativa 10691
	Prunus (plums) 3886	Zea mays
Stewartia pseudocamellia, cultivars 5089	Secale cereale, seeds 9123	gene expression 11730
Stewartia sinensis, cultivars 5089	Shorea robusta, seeds 1017	genetic engineering 11732
Stilbene synthase	Solanum tuberosum 684, 10746	nucleotide sequences 11730
Lycopersicon esculentum, genetic trans-	Tulipa 11307	reviews 5524
formation 5925	Vicia faba, seeds 2772	Strictosidine synthase
Pinus densiflora, nucleotide sequences	Zea mays, seeds 6715	Catharanthus roseus
6284	Streptocarpus	gene expression 5136
Vitis vinifera, genetic engineering 5925	phylogeny, nucleotide sequences 1094	genetic engineering 4173, 5136
Stilbenes	ribosomal DNA, nucleotide sequences	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
Picea abies 9979	1094	tion 5136
Vitis vinifera 1943	Streptomyces scabies	Tabernaemontana pandacaqui, genetic
Stirlingia	Solanum tuberosum 2883	transformation 4173
development 6336	genotype environment interaction 690	Striga hermonthica, Zea mays, artificial
flowers 6336	heritability 690	selection 11744
Stomata	Streptomycin	Stultitia
Arabidopsis thaliana 1308	Hyoscyamus muticus, in vitro selection	chromosome morphology 7572
gene expression 1314	6379	chromosome number 7572
genetic transformation 2349	Oryza sativa 11836	DNA 7572
genetics 6513, 11459	Stress 1252	Stylosanthes
mutations 1314, 2349, 11459	Arabidopsis thaliana 8956	breeding 8220-8221
	,	0.00001116 0220-0221

tylosanthes cont.	Sucress synthese cout	Swainson abulance 10001
breeding cont.	Sucrose synthase cont.  Vigna radiata	Swainsona, phylogeny 10001 Sweet potato chlorotic stunt crinivirus,
conferences 10097	gene expression 4676	Ipomoea batatas 13181
Colletotrichum 8220	genetic engineering 4676	Sweet potato feathery mottle potyvirus,
diseases, conferences 10097	Zea mays	Ipomoea batatas 13181
Glomerella cingulata 8224-8225	gene expression 12879	Swertia
phylogeny	genetic transformation 12871	nomenclature 12529
chloroplast genetics 11919	genetics 12879	taxonomy 5143
genetic markers 3701	nucleotide sequences 12879	Swietenia humilis, microsatellites 3226
random amplified polymorphic DNA	Sucrose transporter	Swietenia macrophylla, genetic resources
3701, 11919	Oryza sativa	7457
taxonomy	gene expression 5596	Symbiosis, phylogeny, molecular genetics
chloroplast genetics 11919	nucleotide sequences 5596	3423
random amplified polymorphic DNA 11919	Sugar transport proteins	Synanthedon pictipes
tylosanthes guianensis	Solanum tuberosum	Prunus dulcis 4807
Glomerella cingulata 6894	gene expression 13162	Prunus persica 4807
ribosomal DNA	genetic transformation 13162	Synanthedon scitula, Cornus 7500 Synaphea
nucleotide sequences 10625	Sugarcane bacilliform badnavirus  Arabidopsis thaliana, gene expression	development 6336
polymerase chain reaction 10625	12612	flowers 6336
tylosanthes hamata	Avena sativa, gene expression 12612	Synapsis (see Chromosome pairing)
cultivars, Amiga 5709, 8222	Sugarcane mosaic potyvirus	Synaptonemal complex, Secale cereale
geography 8219	Saccharum, genetic markers 8603	6690, 11684
tylosanthes humilis	Saccharum officinarum, genetic transfor-	Synchytrium endobioticum, Solanum tuber-
germination 5711	mation 13398	osum 2883
Glomerella cingulata, gene expression	Zea mays 1527-1528, 2598, 11738	Syndesis (see Chromosome pairing)
1665	gene mapping 10493	Synthetic varieties
methyl jasmonate, gene expression 1665	genetics 10493	Brassica napus (rape) 7268
peroxidases 5711	germplasm releases 5545	Helianthus annuus 3114
gene expression 1665, 13363	restriction fragment length polymor-	Lolium perenne 8143
genetic engineering 13363	phism 10493	Medicago sativa 5681, 8191
salinity 5711	Zea mays (sweetcorn) 2597	Zea mays 7930
tylosanthes scabra	Sugars	Syringa, cultivars 5090, 12489
genetic markers 8223	Arabidopsis thaliana	Syringa oblata, cultivars 12489
genetic resources, random amplified	gene expression 2350	Syringa vulgaris, cultivars 12489
polymorphic DNA 4612	mutations 2350	Systemin
geography 8219	Beta vulgaris (sugarbeet) 8616	Capsicum annuum
nitrogen fixation 5710	artificial selection 9832, 11090	gene expression 4293
polymerase chain reaction 8223 somaclonal variation 5710	combining ability 11077-11078	nucleotide sequences 4293
tylosanthes seabrana	heterosis 11078 Cichorium intybus 731	Solanum nigrum gene expression 4293
genetic markers 8223	Oryza sativa	nucleotide sequences 4293
geography 8219	gene expression 11802	Solanum tuberosum
polymerase chain reaction 8223	molecular genetics 11802	gene expression 4293
uberin	Triticum aestivum 4388	nucleotide sequences 4293
Prunus dulcis 4807	Zea mays, quality 7946	Syzygium (see also Eugenia)
Prunus persica 4807	Sulfate adenylyltransferase	Syzygium australe, cultivars, Bush Christma
ubtropical fruits	Nicotiana tabacum	7499
biotechnology, conferences 13622	gene expression 9886	Syzygium cumini
genetic markers 12704	genetic transformation 9886	in vitro culture 5283
ucrose	Sulfur	sterility 7590
Arabidopsis thaliana, gene expression	Glycine max, gene expression 6914	Syzygium micklethwaitii, nomenclature 4186
11431	Hordeum vulgare	Syzygium oleosum, cultivars, Amber Curls
Ricinus communis	gene expression 1455	12491
gene expression 13382	nucleotide sequences 1455	Syzygium sclerophyllum, nomenclature 4186
nucleotide sequences 13382	Nicotiana tabacum	Syzygium velutinum, taxonomy 5149
Saccharum officinarum 3998	gene expression 13120	Tabernaemontana pandacaqui
artificial selection 4992, 8597-8598	genetic transformation 13120	Agrobacterium tumefaciens, genetic transformation 4173
heritability 4992, 8598	Pisum sativum, gene expression 13120	strictosidine synthase, genetic transforma
ucrose 1F-fructosyltransferase  Helianthus tuberosus	Sulfur dioxide, Triticum aestivum 204 Superoxide dismutase	tion 4173
	Capsicum annuum	Tagetes, Pseudomonas syringae 8798
genetic engineering 13184 nucleotide sequences 13184	gene expression 7100	Tagetes erecta
Petunia hybrida	nucleotide sequences 7100	somatic embryogenesis 12527
gene expression 13184	Carica papaya, nucleotide sequences	tissue culture 12527
genetic transformation 13184	7238	Tamarindus indica, flowering 859
ucrose-phosphate synthase	Glycine max	Tanacetum vulgare
Actinidia deliciosa	gene expression 11935	morphology 11333
gene expression 7211	nucleotide sequences 11935	random amplified polymorphic DNA
nucleotide sequences 7211	Gossypium 7412	11333
Craterostigma plantagineum	Gossypium hirsutum 8683	Tannins
gene expression 2206	genetic transformation 974	Eleusine coracana 11769
nucleotide sequences 2206	Medicago sativa	Gossypium barbadense 3203
Lycopersicon esculentum, genetic trans-	gene expression 5692	Lathyrus sativus 9353
formation 3831	genetic transformation 5692	Lotus corniculatus
Musa, gene expression 3927	Nicotiana plumbaginifolia, genetic engi-	combining ability 5706
Saccharum officinarum	neering 12699	gene expression 8218
gene expression 2076	Nicotiana tabacum	genetic engineering 8218 genetic variance 2760, 5706
nucleotide sequences 2076	gene expression 12699	genotype environment interaction
Zea mays, gene expression 3831	genetic transformation 12699	2760
ucrose synthase	Populus canescens gene expression 12453	Lotus uliginosus
Ipomoea batatas	genetic transformation 12453	genetic variance 2760
gene expression 5839, 8334	Triticum aestivum 9022, 11553	genotype environment interaction
nucleotide sequences 5839, 8334	Zea mays	2760, 10624
Lotus japonicus gene expression 1663	gene expression 10456, 12699	heritability 10624
genetic transformation 1663	genetic transformation 12699	Medicago sativa, artificial selection 8188
Oryza sativa, genetics 6784	Suregada multiflora	Pisum sativum 9353
Solanum tuberosum	deoxyribonuclease 6442	Psophocarpus tetragonolobus, induced
gene expression 9525	gelonin 6442	mutations 4681
genetic transformation 9525	Sutherlandia, isoenzymes 13585	Sorghum bicolor 1544

Brassica campestris 7296

Taxonomy cont. Taxonomy cont. Tannins cont. Brassica juncea 7296 Vicia faba, artificial selection 13103 Brassicaceae, chloroplast genetics 132
Bromus 11893 Vigna unguiculata 13145 Taphrina deformans Bromus cabrerensis 8161 Bromus catharticus 10601 Prunus davidiana random amplified polymorphic DNA Bromus nervosus 8161 Buxus 12458 10934 restriction fragment length polymorphism 10934

Prunus persica 3898, 6013

random amplified polymorphic DNA
10934 Caesalpinia 6317 Calamagrostis 10583 Calamagrostis 10383
Calamagrostis carchiensis 10583
Calamagrostis ecuadoriensis 10583
Calamagrostis fulgida 10583
Calamagrostis llanganatensis 10583
Calamagrostis teretifolia 10583
Camellia 11234 restriction fragment length polymorphism 10934

Taxanes, Taxus 8727

Taxodiaceae, chromosome morphology 9989

Taxonomy 4290, 5285, 5297, 8981-8984, Camellia crassicolumna 7366 10231 Campanumoea 3289 history 5298 Cannabis sativa 3214 Abelmoschus 9558 Carica, random amplified polymorphic Acanthosyris annonagustata 11193 Acer macropterum 7463 Acer medogense 7463 Carica papaya, random amplified Acer nigrum, random amplified polymorphic DNA 8710
Acer pluridens 7463 polymorphic DNA 853 Castanea sativa, random amplified polymorphic DNA 12451 Acer saccharum, random amplified polymorphic DNA 8710 Acrachne sundararajii 4589 Actinidia 9681 Cephalostachyum 5163 Chaetobromus involucratus 13039 Chenopodium 5643 Chimonanthus 11234 Chrysanthemum 6340 Actinitia 9681
chloroplast genetics 7213
restriction fragment length polymorphism 4900
Aechmea 6341 Chusquea perotensis 3336 Citrus 4914 Citrus reticulata 10967 Cleome 8793 Aegilops 11619 Agaricus 3344, 4200 Clionpodium, chloroplast genetics 10071
Codonopsis 3289
Coffea montekupensis 5001
computer programming 131 Agaricus wrightii 3344 Agropyron 6870 Agrostis alpina 2731 Agrostis rupestris 2731 Coptis, random amplified polymorphic Allium 9564 **DNA 3323** chloroplast genetics 9565 Cornus 5067 random amplified polymorphic DNA Crotalaria ibityensis 984 4733 Crotalaria tanety 984 restriction fragment length polymor-phism 9565 Aloe 12428 Croton yecorensis 13563 Croton yecorensis 13563
Cucumis hystrix 775
Cucumis melo 775, 8388
Cucumis sativus 775
Cyanococcus 7178
Cymbidium 4158, 8820, 11317
Cymbopogon 8857
databases 131
Decaryochloa disdelpha 5164
Dendrobium 1122
Dianthus klokovii 6343
Dioscorea genetic markers 586 Lolium Alpinia 10033 Amaranthus 481 Amblyopyrum mutica 11619 Amorphophallus 3804 Lotus 5707 Amphicarpaea bracteata 1756 Angelica lignescens 10075 Angophora exul 5048 Angophora inopina 5048 Anthriscus 7596 Dioscorea, genetic markers 5843 Arecaceae Dioscorea cayenensis, genetic markers books 12591 5843 random amplified polymorphic DNA Dioscorea rotundata, genetic markers 13498 5843 Aristolochia bahiensis 10050 Diospyros hartmanniana 8484 Aristolochia dalyi 10050 Asarum 8795 Diospyros kupensis 10976 Diospyros whitei 8484 Asparagus Dissanthelium 13031 chromosome number 12550 embryology 12550 Aspidistra hekouensis 12549 Asplenium 6403 Astracantha marashica 11924 Astragalus 3703, 9348, 11922 chloroplast genetics 2767 ribosomal DNA 2767 Echeveria calderoniae 4165 Echeveria cante 4167 Echinocactus parryi 3311 Echinocactus polycephalus 3311 Eleusine, chloroplast genetics 5566 Elymus 2721, 4403, 6870-6871 Epimedium brachyrrhizum 3291 Epimedium chlorandrum 3291 ribosomal DNA 2767
Astragalus beypazaricus 11923
Astragalus conjunctus 3703
Astragalus dipodurus 11924
Astragalus molybdenus
chloroplast genetics 2767
ribosomal DNA 2767 Epimedium epsteinii 3291 Epimedium lishihchenii 3291 Eragrostis 13043 Eria arunachalensis 11318 Erica oakesiorum 1068 Erica dakestorum 1008
Eucalyptus aenea 5048
Eucalyptus dissita 5048
Eucalyptus diversifolia 5053
Eucalyptus fracta 5048
Eucalyptus striaticalyx 12447
Eulophia richardsiae 5127
Fabaceae 4613 Astragalus neocarpus 5718 Astragalus nigrifructus 11923 Astragalus serpentinicola 3704 Musa 3064 Aulonemia bogotensis 6400 bamboos 6393, 6410 Bambusa bambos 5165 Bauhinia brevipedicellata 12427 Berberis lycium 12508 chloroplast genetics 2768
Fagopyrum 11863 Fagus sylvatica, random amplified polymorphic DNA 12451 Festuca 5662, 10583 Festuca idahoensis 10592 Beta vulgaris 11091 bibliographies 2280 Boehmeria 12426 books 7645 Brassica 4717, 7266 Festuca roblensis 13036

Festuca valdesii 13036

Fragaria chiloensis 12221 Genista 6319 Gomphrena 7541 Gongora erecta 12543 Gossypium, random amplified polymorphic DNA 6219, 7411 grasses, conferences 7633 Grevillea obtusiflora 5095 Grevillea oxyantha 5094 Grevillea rhyolitica 5094 Hedychium 10033 Helianthus 13368 Helianthus schweinitzii 3115 Heliotropium 12528 Heterospathe phillipsii 3231 Hibiscus sabdariffa 9558 Hordeum murinum 2513 Impatiens laumonieri 1096 Impatiens sarawakensis 1096 Impatiens tujuhensis 1096 Ipomoea 9548 Ipomoea sofomarensis 12057 Ipomoea ugborea 12056 Iris, chloroplast genetics 5120 Jaltomata paneroi 10980 Jasminum 5159 Juniperus, random amplified polymorphic DNA 5083
Kengyilia 4403, 10602 Kengyilia eremopyroides 10602 Kengyilia rigidula 11887 Lactuca, microsatellites 12084 Lactuca sativa, microsatellites 12084 Lathyrus, chloroplast genetics 9349 Lentinula 12580 Leptochloa southwoodii 5677 Leptochloa srilankensis 13041 Léptocodon 3289 Leucaena, chloroplast genetics 2768 Leymus 2721, 6870-6871 Ligusticum pseudodaucoides 11332 Lobelia cardinalis 3284 restriction fragment length polymor-phism 11879 ribosomal DNA 11879 Lotus roudairei 5707 Lotus roudairei 5/0/ Lycianthes jalicensis 13336 Macradenia 4159 Magnolia 7511 Malaxis biloba 7568 Malaxis lyonnetii 5129 Malus 7132 Manglietia 7511 Manihot, amplified fragment length poly-morphism 1791
Maurocenia frangula 9960
Maxillaria 11316
Maxillaria christensonii 12543
Melocactus intortus 4168
Mendoncia 11262
Mentha mathematics 1202 Mentha, mathematics 1203 Merostachys 8859 Michelia 7511 Mimosa bispiculata 5068 Mimosa demissa 5068 Mimosa epitropica 5068 Mimosa pigra 1023 Mimosa tweedieana 1023 Miscanthus, molecular genetics 5676 molecular genetics, books 1245 Morchella, molecular genetics 4203 Morus, random amplified polymorphic DNA 3055 Mucuna pruriens 10628 Muhlenbergia montana 9321 Nassella 10583 Nasturtium 13206 Nelumbo lutea 11327 Nelumbo nucifera 11327 Neomicrocalamus 5163 Nervilia cumberlegei 7568 Nothofagus 1022 nucleotide sequences 8902 Obtegomeria 11338 Ocimum 12569

Ophrys apifera 7569

n		
Caxonomy cont.	Taxonomy cont.	Techniques cont.
Opuntia pinkavae 9742	Solanum cont.	Avena sativa, chromosome addition
Origanum 2258, 6387	restriction fragment length polymor-	12868
ornamental plants 11219	phism 12117	Brassica, pollen germination 8350
genetic markers 11215	Solanum acaule 10747	Brassica juncea, quality 8521
Ornithogalum gabrielianae 4149	Solanum aethiopicum 9558	Brassica napus (rape)
Oryza 9277	Solanum astleyi, random amplified	fatty acids 9787
Oryza glumaepatula 9276	polymorphic DNA 1770	ovules 12277
Pachypodium bicolor 4166	Solanum boliviense, random amplified	quality 9787
Pachypodium eburneum 4166	polymorphic DNA 1770	Sclerotinia sclerotiorum 9795
Paeonia decomposita 5093	Solanum brevicaule 6996	Brassicaceae, random amplified
Pariana 7616	Solanum bulbocastanum, chloroplast	polymorphic DNA 3379
Parthenium glomeratum 12432	genetics 1769	breeders' rights 7671
Parthenium hysterophorus 12432	Solanum cardiophyllum, chloroplast	Camellia sinensis, DNA 9854
Paspalum dilatatum, chloroplast genetics	genetics 1769	Capsicum annuum
511	Solanum jabrense 2966	DNA 1841
Paspalum notatum, chloroplast genetics	Solanum litoraneum 2965	Phytophthora capsici 3852
511	Solanum maternum 6062	random amplified polymorphic DNA
Passiflora telesiphe 13337	Solanum melongena	4777
Pelargonium aridicola 5110	chloroplast genetics 12117	Carya illinoinensis, cold resistance 1255
Pelargonium hirtipetalum 5110	restriction fragment length polymor-	Cereus peruvianus, isoenzymes 1132
Pelargonium pubipetalum 5110	phism 12117	chromosome morphology 10119
Pennisetum 344	Solanum nigrum, books 1242	cytology 11486
Penstemon hirsutus 12530	Solanum torreanum 2965	Dactylis glomerata, magnesium 3672
Penstemon tenuiflorus 12530	Solanum tuberosum 9531	Daucus carota
Persea americana, random amplified	Solanum (tuberous species) 9508, 9531	cell culture 699
polymorphic DNA 9734	Sporobolus 13044	DNA methylation 1788
Petunia, polymerase chain reaction 5113	Stenia christensonii 12543	somatic embryogenesis 12687
Petunia hybrida, polymerase chain reac-	Stylosanthes	DNA 5211, 11486, 12609
tion 5113	chloroplast genetics 11919	Echium vulgare, amplified fragment
Peucedanum 3322	random amplified polymorphic DNA	length polymorphism 2321
Philodendron 3312, 10051	11919	Eucalyptus camaldulensis, RNA 6264
Philodendron biribiriense 3313	Swertia 5143	gene expression 5208
Philodendron cipoense 3313	Syzygium velutinum 5149	gene mapping 37-38
Philodendron guaraense 1135	Theobroma cacao 4015	genetic transformation 2319, 7691, 8904
Philodendron rhizomatosum 3313	Theobroma sphaerocarpum 4015	8906, 10142
Phyllostachys 6399	Thunbergia 11262	Ginkgo biloba, pollination 13518
Phyllostachys aurea, nucleotide	Thymus 6391	Glycine max
sequences 12574	Thymus segurae 6388	chromosomes 9383
Pinguicula orchidioides 13565	Trichosanthes 2980	habit 2792
Pinus 3237, 6287	Trifolium jokerstii 10619	
		Phakopsora pachyrhizi 13092 seeds 9397
Plantage major molecular constins 6384	Trifolium subterraneum 6890 Triodia 510	
Plantago major, molecular genetics 6384	Triticum 11619	Gossypium, DNA 7403
Pleatrachne 510	Triticum aestivum 4403	Helianthus annuus
Pleurotus		Plasmopara halstedii 11036
mitochondrial genetics 12576	Triticum boeoticum 197	Sclerotinia sclerotiorum 11035
restriction fragment length polymor-	Triticum monococcum 197	Xanthomonas campestris 11034
phism 12576	Triticum urartu 197	Hippophae rhamnoides, amplified frag-
Pleurotus abieticola 1226	Tulipa 11312	ment length polymorphism 2321
Poa 8135, 13031	Tulipa heweri 6361	Hordeum vulgare
Poa akmanii 8134	Vaccinium 7178	quality 12788
Poa paramoensis 10583	Vernonia 3997	Rhynchosporium secalis 12797
Poaceae 1644	Vicia 1662	seeds, genetic variance 7885
Polystachya johnstonii 5127	Vicia amphicarpa 11913	Ipomoea batatas, Ceratocystis fimbriata
Pritchardia perlmanii 11192	Vicia benghalensis 11913	13180
Prunus avium 1921	Vicia sativa 11913	Lagerstroemia indica, cold resistance
Prunus mume 6003, 10894	Vigna unguiculata 4673	1255
Psathyrostachys 4403	Viola 10023	Lycopersicon esculentum, gene expres-
Pseudocalyx 11262	random amplified polymorphic DNA	sion 2949
Pseudorchis albida 10040	12513	molecular genetics, books 4215
Pseudorchis straminea 10040	Viola awagatakensis 4142	Musa
Puccinellia 13031	Vitis, random amplified polymorphic	DNA 6043
Quercus 11181	DNA 12238	Mycosphaerella fijiensis 1976
Quercus acerifolia, multivariate analysis	Yucca mixtecana 13487	mutations, artificial selection 10131
9947	Zamia gentryi 11214	Nicotiana tabacum
Quercus petraea, random amplified	Zeuxine assamica 5128	DNA 12387
polymorphic DNA 12451	Zingiber eborinum 5150	genetic transformation 3166
Raphanus 4717	Zingiber flammeum 5150	nuclei 12387
Rhododendron, books 8873	Zoysia, random amplified polymorphic	nucleotide sequences, artificial selection
Rosa, restriction fragment length poly-	DNA 4590	10131
morphism 1073	Taxus, taxanes 8727	Oenothera, meiosis 1086
Rubus 3904, 6016, 7163-7164, 10939	Taxus baccata	Oryza sativa
Rubus (blackberries) 12203	breeding 1054	aneuploidy 9236
Rubus glossoides 12203	ovules 2189	DNA hybridization 6760
Rubus melanodermis 830	Taxus brevifolia	genetic transformation 11783
Rubus stohrii 12203	cuttings 3246	lipids 4556
	rooting capacity 3246	Magnaporthe grisea 13015
Salix 12455 Sarcostemma antsiranense 1136	Taxus yunnanensis, tissue culture 7489	protoplasts 9267
	Techniques	quality 445, 4556, 9274-9275
Sarracenia purpurea 3310	Actinidia deliciosa, sex 4891	Petunia, nuclei 6532
Satureja, chloroplast genetics 10071	Allium, random amplified polymorphic	Petunia hybrida
Saxifraga felineri 11258	DNA 3379	amplified fragment length polymor-
Scaevola, random amplified polymorphic		phism 5115
DNA 3287	Allium cepa	
Scelochilus crucicornibus 12542	chromosome aberrations 10220	transposable elements 5115
Scilla, chloroplast genetics 11290	DNA 10220	Pinus taeda, gene mapping 12463
Scilla talosii 11289	angiosperms, pollen 1359	Pisum sativum
Setaria 10511	Arabidopsis thaliana	colour 628
Siphonochilus 10033	anthers 11419	cryopreservation 8281
Solanum 10747	gene expression 55, 10147	nuclei 8276
books 1242	pollen 11419	plant composition 2294
chloroplast genetics 12117	Asparagus officinalis, pollen 4748	Pleurotus ostreatus, genetics 3342

Sechniques cont.	Temperature cont.	Phytophthora palmivora 933, 2098,
Plumbago zeylanica, ovules 4177	Brassica chinensis 8349 Brassica napus 8510	4016, 8633
Poaceae, pollen 4577 pollen 10225	Brassica napus (rape), storage 13361	gene mapping 4017
pollination 1353, 11489	Capsicum chinense 12127	genetics 934, 4017
polymerase chain reaction 5211	Cucumis melo 1860	heritability 934
Populus tremula, genetic transformation	Daucus carota 3798	pollination 2097
3219	Festuca 499	random amplified polymorphic DNA
Pyrrosia longifolia, DNA 5131	Lycopersicon esculentum	4013
Pyrrosia piloselloides, DNA 5131	gene expression 10815	seeds
quality 2294	genetics 9592	combining ability 12373
RNA 2295	Lycopersicon hirsutum, genetics 9592	heritability 12373
Saccharum, Eldana saccharina 8606	Nicotiana tabacum, genetic transforma-	self incompatibility 6160
Saccharum officinarum, somatic embryo-	tion 3373	stomata 9874
genesis 7348	Oryza sativa 432, 3627, 6776, 8056,	taxonomy 4015
Secale cereale, chromosomes 7909	12956, 12962	tissue culture 4012
Senecio jacobaea, amplified fragment length polymorphism 2321	genetics 8051, 12963	water balance 9874 yield components, stability 11102
Sesamum indicum, breeding 2063	mitochondrial genetics 12940	Theobroma sphaerocarpum, taxonomy 4015
Solanum melongena, Ralstonia	Pennisetum glaucum	Theobromine, Camellia ptilophylla 7365
solanacearum 13232	genetics 11765 heritability 11765	Thiamin
Solanum tuberosum	Phaseolus acutifolius, genetic transforma-	Citrus sinensis
leaves 8317	tion 3373	gene expression 1988
potato Y potyvirus 4698	Phaseolus vulgaris 13109	nucleotide sequences 1988
somatic embryogenesis 12687	Pinus banksiana 1036	Thiamin-phosphate pyrophosphorylase,
Tradescantia	Pinus ponderosa 6281	Brassica napus (rape), nucleotide
chromosome aberrations 10221	Populus 9951	sequences 12271
mutagens 10221	Prunus persica 3022	Thielaviopsis (see also Ceratocystis)
Triticum aestivum	Sorghum bicolor 12909	Thinning, Picea abies 6295
embryo culture 8994	Triticum aestivum 5349, 5412, 7803,	Thinopyrum (see also Elymus)
Erysiphe graminis 12758	7805	Thinopyrum distichum
gliadin 1408 haploidy 3449	anther culture 12739	apomixis 9122
proteins 9051	Vitis 3046	chromosome addition 2408
quality 9051, 11612, 12740	Vitis vinifera 3049	chromosome banding 2408
ultrastructure 10225	Zea mays 7938 Tarka ell Sacal array 2082	chromosome elimination 9122
variety classification 7666	Terbacil, Saccharum 2083	fluorescence in situ hybridization 2408
Vigna radiata	Terpenoid aldehydes, Gossypium 7413 Terpenoids	restriction fragment length polymorphism 2408
gene expression 9500	Cedrus atlantica 2191	salinity 9122
nucleotide sequences 9500	Cedrus libani 2191	Secale cereale, intergeneric hybridization
Vigna unguiculata, Macrophomina	genetic engineering 11412	9122
phaseolina 3775	Gossypium barbadense 5035	Triticum durum, intergeneric hybridiza-
Vitis, random amplified polymorphic	Gossypium hirsutum 5035	tion 2408
DNA 3379	Pinus brutia 2176	Thioesterases
Vitis vinifera	Pinus halepensis 2176	Brassica napus (rape)
leaves 13295	Tetranychus pacificus	gene expression 7251, 9785
variety classification 13295 woody plants, DNA 1341	Vitis californica 9679	genetic engineering 9785
Zea mays	Vitis vinifera 9679	genetic transformation 7251
cell division 10403	Tetranychus urticae	Garcinia mangostana
chromosome addition 12868	Fragaria ananassa 4869	gene expression 7251
chromosome number 6708	Lycopersicon esculentum 757	nucleotide sequences 7251
cytology 10404	Lycopersicon hirsutum 757	Thioglucosidase
development 7936	Tetraploidy, Morus alba 12245	Brassica campestris
Diatraea grandiosella 7991	Thalictrum morisonii, nomenclature 13564	artificial selection 8526
embryo culture 8994	Thanatephorus cucumeris, Phaseolus vulgaris 13114	pleiotropy 8526
Fusarium 5537	Thaumatin	Brassica napus (rape) gene expression 4945
genetic variance 6705	Triticum aestivum	nucleotide sequences 4945
Gibberella zeae 1524	nucleotide sequences 1396	Thiol proteases
insects 7975	restriction fragment length polymor-	Hemerocallis
molecular genetics 282	phism 1396	gene expression 5108
pollen 7936 random amplified polymorphic DNA	Thea (see Camellia)	nucleotide sequences 5108
3379	Themeda triandra	Triticum aestivum, gene expression
Sphacelotheca reiliana 5537	cultivars	12726
Ustilago zeae 5537	Mingo 3681	Thionins
ectona grandis	Tantangara 3682	Arabidopsis thaliana
pollen germination 2165	Theobroma cacao	gene expression 8962
pollination 2165	biotechnology 4011	nucleotide sequences 8962
self incompatibility 2165	chlorophyll, lethals 8630	Secale cereale
sexual reproduction 1016	colour 2097	nucleotide sequences 4299
elomerase	Crinipellis perniciosa 4018, 8632	polymerase chain reaction 4299
Hordeum vulgare	drought resistance 9874	Triticum aestivum
chromosomes 11521	fatty acids, heterosis 13411	nucleotide sequences 4299
polymerase chain reaction 11521	genetic resources 4010, 7374, 11101	polymerase chain reaction 4299
Zea mays	databases 7368-7373	Thioredoxins
chromosomes 11521	genetic transformation 4012	Lycopersicon esculentum
polymerase chain reaction 11521	growth regulators 6160	gene expression 4693
demperate fruits breeding 2982, 4792, 5982	hybrid seed production 2097 isoenzymes, genetic variation 4014	nucleotide sequences 4693
conferences 11345	photosynthesis 8632	Pisum sativum
climate, conferences 11345	lethals 8630	gene expression 1719
cold resistance, reviews 2985	phylogeny, random amplified	nucleotide sequences 1719  Solanum tuberosum
computer programming 4792	polymorphic DNA 8631	gene expression 4693
cultivars 7120	Phytophthora 3161	nucleotide sequences 4693
history 9631	combining ability 12373	Triticum aestivum
genetic resources 5983, 10858	heritability 12373	gene expression 6606
quality 2984	Phytophthora capsici 8633	nucleotide sequences 6606
emperature	Phytophthora megakarya	Triticum durum
Arabidopsis thaliana, gene expression 72	gene mapping 4017	gene expression 6606
Arachis hypogaea 2059	genetics 4017	nucleotide sequences 6606

Threonine, Nelumbo nucifera, somacional	Tilletia tritici	Tissue culture cont.
variation 8340	cereals 5314	Cucumis sativus 774, 4788
Thrips, Brassica oleracea (cabbages) 8355 Thrips tabaci	Triticum aestivum 5414, 12760	Cucurbita pepo 788
Allium cepa 8344	genetics 6645, 12761 germplasm releases 10304	Curculigo orchioides 11331 Cyclamen persicum 7556
Brassica oleracea (cabbages) 8354, 8356	Tissue culture 6542, 8979, 9740	Cymbidium ensifolium 6366
Thuja orientalis, tissue culture 4101 Thunbergia	Acanthopanax koreanum 4180	Cynara scolymus 3314
development 11262	Acorus calamus 4179 Actinidia arguta 4896	Cypripedium macranthos 3303 Dactylis glomerata, genetics 1627
flowers 11262	Actinidia deliciosa 842, 4896	Datisca glomerata 1093
taxonomy 11262	Aegle marmelos 850	Datura 7586
Thymus chromosome number 6391	Aesculus hippocastanum 9958	Daucus carota 2886, 4707
pollen 6391	Agave sisalana 8690 Allium aflatunense 10781	somatic embryogenesis 12045  Dendranthema grandiflora 7535, 7539
taxonomy 6391	Allium ampeloprasum 10781	Dendranthema zawadskii 12512
Thymus albicans, essential oils 4191	Allium ascalonicum 5865	Dendrobium aggregatum 1123
Thymus arundanus, essential oils 4190 Thymus baeticus	Allium cepa 3812, 10779 Allium sativum 3812, 4731, 10780	Dendrocalamus strictus 7613, 10078 development, reviews 8915
essential oils 4190	Alstroemeria 2224, 10030	Dianthus caryophyllus 6337-6339, 1356
interspecific hybridization 4190	Amaranthus cruentus 5642	Digitaria sanguinalis 1170
Thymus bracteatus, interspecific hybridization 6388	Amaranthus hypochondriacus 480 Ananas 7235	Dioscorea 2870, 8306 Dioscorea alata 2911
Thymus jankae, essential oils 13602	Ananas comosus 6061, 9725, 13320	Dioscorea balcanica
Thymus mastichina	development 13319	diosgenin 12058
essential oils 4190-4191 interspecific hybridization 4190	Anigozanthos 7538	phytosterols 12058 Dioscorea esculenta 2911
Thymus pulegioides, interspecific hybridiza-	Anthurium andraeanum 1133 Antirrhinum majus 6347	Dioscorea rotundata 2911
tion 6388	Arabidopsis thaliana 8954	Diospyros kaki 3954, 4925, 8482, 13333
Thymus segurae, taxonomy 6388	Arachis hypogaea 2056-2057, 8569,	DNA methylation 10229
Thymus vulgaris chloroplast genetics 8854	9815-9816 Aralia cordata 5140	Elaeis guineensis 898 Eleusine coracana 1556
cytoplasmic male sterility 5153	Araujia sericofera 6314	Enkianthus perulatus 7508
cytoplasmic inheritance 13599	Aristolochia indica 6381	Ensete superbum 2921
genetic variation, isoenzymes 8854 population genetics 8854	Asparagus densiflorus 4163	Eragrostis tef 1642 Eucalyptus 994
sex 5153	Astragalus adsurgens 8233 Atalantia ceylanica 850	Eucalyptus camaldulensis, DNA hybridi
tissue culture 3314	Atriplex canescens 3667	zation 5055
Thysanoptera, Triticum aestivum 12770 Thysanotus inneifolius	Avena sativa 7907	Eucalyptus globulus 998, 5054
Thysanotus juncifolius somatic embryogenesis 7538	Azadirachta indica 7589, 8840 Bambusa arundinacea 7613	Eucalyptus nitens 7435 Eucalyptus tereticornis, DNA hybridiza-
tissue culture 7538	Bambusa edulis 10077	tion 5055
Tigridia vanhouttei	Bambusa oldhamii 13610	Fagopyrum homotropicum 8111
gamma radiation 11280 induced mutations 11280	Bambusa vulgaris 5162 Banksia 13527	Fagus grandifolia 8706 forest trees 6258, 9936
Tillage	Beta vulgaris (sugarbeet) 928, 4006	Forsythia viridissima 7507
Oryza sativa 6820	Betula pendula 5049	Fragaria ananassa 1931, 4851, 7187,
Zea mays 11725 Tillering	Blandfordia grandiflora 7538 Brassica 8519	9673 Fragaria moschata 4850
Aegilops, heterosis 11577	Brassica alboglabra 12077	Gentiana 1092
Festuca rubra	Brassica chinensis 4721	Gentiana scabra 12525
clonal variation 4582	Brassica napus (rape) 8517 Brassica oleracea (cauliflowers) 7041	Gerbera jamesonii 7535 Ginkgo biloba 11212-11213
genotype environment interaction 4582	Cajanus cajan 5780, 10715	Gladiolus 4147
Hordeum vulgare 2394	Calochortus nuttallii 1112	Glycine max 580, 4630-4631, 9424,
Oryza sativa 11808 artificial selection 5597	Camellia japonica 6315, 8742 Camellia ptilophylla 11099	10645 Glycosmis pentaphylla 850
gene mapping 11799	Camellia reticulata 8742	Gossypium 12421, 13468
genetics 5597	Camptotheca acuminata 2237	Gossypium hirsutum 8679, 9923, 11148
random amplified polymorphic DNA	Capsicum 6988	Guazuma crinita 1021 Guizotia abyssinica 3995
11799 restriction fragment length polymor-	Capsicum annuum 769, 5952, 7099, 12124	Gypsophila paniculata 1091, 2213
phism 11799	Carica papaya 4918	Helianthus 6096
triticale 2394	Carica pentagona 7239	Helianthus annuus 9803, 13366 Helianthus tuberosus 7026
Triticum aestivum 2394, 2418 heterosis 11577	Carica pubescens 7239 Carum carvi 5151	Heliconia 6324
Triticum dicoccum 2418	Castanea sativa 4938	Hemidesmus indicus 3321
Triticum durum 2418	Cedrela odorata 1021	Hevea brasiliensis 11170
heterosis 11577  Zea diploperennis 9157	Ceratonia siliqua 2003 Cereus peruvianus 1131	Hordeum vulgare 11673 Hyoscyamus muticus 6380
Zea mays 9157-9158	Chrysanthemum indicum 12512	Hypericum 1169
mutations 10447	Cicer arietinum 645-646, 3763-3764	Hypericum perforatum 3314
Zea mexicana 9158	Citropsis gabunensis 850 Citrullus colocynthis 784	Ilex kudingcha 12505 Ilex paraguariensis 9913
Tilletia barclayana, Oryza sativa 2676, 5628, 6830, 6834, 6837	Citrullus lanatus 774	Ipomoea batatas 705, 2870, 2905-2906,
Tilletia contraversa, Triticum aestivum 1394	Citrus 9709	12053
Tilletia indica	Citrus aurantiifolia 1989 Citrus halimii 4912	Iris germanica 3300 Isoplexis canariensis 1171
Aegilops tauschii genetic markers 5415	Citrus reticulata 1989	Jacaranda mimosifolia 1021
restriction fragment length polymor-	Citrus sinensis 4910, 8470	Jasminum officinale 5158
phism 5415	Clausena excavata 850	Juglans, gene expression 13340
Hordeum chilense 258	Cocos nucifera 7322 Colocasia esculenta 9550-9551	Juncus accuminatus 10079 Lactuca sativa 4721, 12083
Triticum aestivum 258, 1434 Triticum sphaerococcum 258	conifers 1025	Lagerstroemia parviflora 4110
Triticum turgidum	Corylus avellana 3959	Larix decidua 8720
genetic markers 5415	crops 5303 reviews 6543	Larix eurolepis 8720 Lilium 7562
restriction fragment length polymor- phism 5415	Crotalaria lavernifolia 7584	Lilium longiflorum 4151, 8818, 11300
Filletia laevis	Crotalaria pallida 7584	Lilium maculatum 8818
Triticum aestivum 5414	Crotalaria verrucosa 7584 Cryptanthus 4162	Limonium perezii 11252 Limonium sinuatum 11252
genetics 6645 germplasm releases 10304	Cryptantnus 4162 Cucumis melo 774, 779-780, 8393	Linum usitatissimum (flax) 5040, 11156
germpiasin releases 1000		

Tissue culture cont.	Tissue culture cont. Sechium edule 1891	cont.
Liquidambar styraciflua 9957 Lotus corniculatus 9341, 9343	Setaria italica 10512	Petunia hybrida cont.
Lycopersicon esculentum 1825, 7065,	Severinia buxifolia 850	promoters 13573
7067, 10818	Solanum 6988	Tocopherols
Magnolia soulangiana 1063	Solanum chacoense 8319	Brassica napus (rape) 10998
Malus pumila 805, 2993, 8409, 12157	Solanum melongena 759, 9613	Corylus avellana 867
Mangifera indica 1992, 8472	Solanum microdontum 8319	Glycine max 10998
Manihot esculenta 7018, 8306	Solanum muricatum 3074	Helianthus annuus 10998
Medicago sativa 10609	Solanum tuberosum 674, 3784, 3791,	Hordeum vulgare 238 Ipomoea batatas 5841
Medicago truncatula 2739	6992-6994, 8319	Lycopersicon esculentum 1827
Mentha piperita 10069 Mentha spicata 10069	Sorghum 5556 Sorghum bicolor 8020, 12911	Tocotrienols, Hordeum vulgare 238
Microcitrus australasica 850	Sorghum becotor 8020, 12511 Sorghum hewisonii 8021	Tolyposporium penicillariae
Minthostachys andina 1173	Sorghum plumosum 8021	Pennisetum glaucum 4533
Miscanthus ogiformis 508, 4587	Spathiphyllum 7574	germplasm releases 10520-10521
Moricandia arvensis 4956	Spathoglottis plicata 1124, 4156, 7567	Tomato black ring nepovirus, Nicotiana
Morus 4904	Spinacia oleracea 3820	clevelandii, molecular genetics 4047
Murraya paniculata 850	Spondias tuberosa 7250	Tomato golden mosaic bigeminivirus,
Musa 3059, 4908-4909, 9691, 9693,	Tagetes erecta 12527	Nicotiana benthamiana, gene expression 8636
9696-9697, 13310	Taxus yunnanensis 7489	Tomato mosaic tobamovirus
photosynthesis 7220 Mussaenda 5092	Theobroma cacao 4012 Thuja orientalis 4101	Capsicum 1847
Narcissus confusus 1172	Thymus vulgaris 3314	Lycopersicon esculentum 9609
Nicotiana bigelovii 5020, 6176	Thysanotus juncifolius 7538	gene mapping 9607
Nicotiana glauca 7387	Trifolium fragiferum 8209	genetics 5929
Nicotiana gossei 11124	Trifolium pratense, combining ability 544	nucleotide sequences 7087
Nicotiana suaveolens 3180	Trifolium subterraneum 547	random amplified polymorphic DN
Nicotiana tabacum 3180, 5020, 6176,	Tripsacum 10415	9607
9896, 11124	triticale 12844	Tomato mottle bigeminivirus, Nicotiana
Ocotea bullata 13589	Triticum aestivum 212, 1412, 2435,	tabacum, genetic transformation 4043
Oenothera 10009	3467-3468, 3494, 5376, 7819 genetic variance 10285	Tomato spotted wilt tospovirus  Arachis hypogaea 3988
Olea europaea 8544 Onobrychis viciifolia 9347	heritability 10285	gene expression 11053
Origanum vulgare 3314	Ulmus davidiana 7454	genetic transformation 11053
ornamental plants, reviews 13521	Ulmus pumila 7454, 9896	genetics 11053
Ornithogalum caudatum 6356	Vaccinium, reviews 7173	Capsicum 5959
Ornithogalum virens 11282	Vanda cristata 4157	Capsicum chinense, genetics 12127
Oryza 9265, 12987	Vigna mungo 4678	Dendranthema grandiflora, genetic tran
Oryza meyeriana 437	Vigna unguiculata 3770, 9496	formation 7542
Oryza sativa 438-439, 3625, 6808, 8074,	Vitis labruscana 1945	Lycopersicon esculentum 754, 5927
9268, 11817-11818 reviews 6803	Vitis vinifera 838-839, 1945, 3048-3049, 4877, 7205, 8450-8451, 9677,	genetics 4773, 12114 molecular genetics 756
Panax pseudoginseng 1175, 5139, 7585	12236, 13294	Lycopersicon peruvianum, genetics 477
Panax quinquefolius 7585	Warburgia salutaris 13589	12114
Paspalum vaginatum 509	Xanthosoma sagittifolium 8306	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
Pelargonium peltatum 2197	Zea mays 311, 1514, 4507, 5520, 6713,	tion 5025, 7396
Pennisetum glaucum 12921	10415, 12883	Tomato yellow leaf curl bigeminivirus
combining ability 4531	Zingiber officinale 2241	Lycopersicon chilense 10830
genetic variance 4531	Tobacco etch potyvirus	Lycopersicon esculentum 753, 3828,
Persea americana 13330 Petasites hybridus 7537	Arabidopsis thaliana gene mapping 8964	3843, 5927, 8377, 9608, 10830 DNA hybridization 7086
Phaseolus coccineus 11974	genetics 8964	gene mapping 755
Phaseolus vulgaris 6930, 11974	Capsicum 12128	genetic transformation 3842, 7085,
Phlox drummondii 4139	Capsicum annuum 12128	8382
Phoenix dactylifera 1999, 8480	genetics 3853	genetics 5929
Picea abies 7478, 9977	Nicotiana tabacum	linkage 755
Picea glauca 9980	gene expression 965	random amplified polymorphic DN
Picea sitchensis 5078	genetic transformation 965, 4044	755
Pinus taeda 6286	Solanum tuberosum, genetic transformation 5808	Lycopersicon hirsutum 13227
Piper longum 8845 Pistacia vera 3961	Tobacco mosaic tobamovirus	Lycopersicon peruvianum 10830
Pithecellobium scalare 2169	Arabidopsis thaliana, induced mutations	Lycopersicon pimpinellifolium 13227 Nicotiana tabacum, genetic transforma-
Populus alba 7451	7738	tion 8382
Populus glandulosa 7451	Capsicum 1847, 5958	Topoisomerase
Populus nigra, calcium 7449	Capsicum annuum 5958	Pisum sativum
Populus tremula 7450	artificial selection 10841	gene expression 10684
Populus trichocarpa, calcium 7449	genetics 10841	nucleotide sequences 10684
Prunus 7144-7145	Lycopersicon esculentum	Torenia fournieri
Prunus persica 12196	genetics 5930	genetic transformation 8790
Pyrus 10878 Quercus faginea 7439	linkage 1831 pleiotropy 5930	β-glucuronidase, gene expression 8790 <b>Toxic soils</b> (see Soil toxicity)
Quercus suber 7440	Nicotiana glutinosa	Toxic substances
regenerative ability 10229	gene expression 9902	Aegilops 7920
Rehmannia glutinosa 5133	nucleotide sequences 9902	Allium cepa, chromosome aberrations
reviews 11495	Nicotiana tabacum 5018, 12408, 13441	2928, 12070
Robinia pseudoacacia 3230	gene expression 5007, 12407, 12410,	annuals 2216
Rosa 7514	13442-13443	Arabidopsis thaliana
Rosa bybrida 3260	genetic transformation 3186-3187,	gene expression 6517, 11463, 1265
Rosa hybrida 3260, 5098 Rubus (blackberries) 829	3839, 4044, 5025, 6186, 7395, 8655, 13442	gene mapping 10206
Rubus idaeus 828-829, 7161	genetics 12407	genetic engineering 12658
Rubus inermis 828	nucleotide sequences 12407	mutations 87, 1321, 10206, 10208 artificial selection, reviews 14
Rubus occidentalis 829	Tobacco vein mottling potyvirus, Nicotiana	Brassica napus (rape) 7298
Saccharum 6124, 8596	tabacum, genetics 4045	Brassica oleracea (cauliflowers), gener
Saccharum arundinaceum 8595	Tobacco yellow dwarf monogeminivirus	transformation 3816
Saccharum officinarum 6125, 12911	Nicotiana tabacum, genetic engineering	Coleus blumei 2229
Salvia officinalis 3314	9880	Daucus carota
Santalum album 13606	Petunia hybrida	in vitro selection 700, 1789
Santalum spicatum 13606 Secale cereale 7910	gene expression 13573	molecular genetics 700
beaute tereate 1910	genetic transformation 13573	Glycine max 8990, 11955

Toxic substances cont.	Transcription factors cont.	Transposable elements cont.
Glycine max cont.	Hordeum vulgare	Glycine max, nucleotide sequences
artificial selection 9443	gene expression 6653	11937, 11939
heritability 9443	nucleotide sequences 6653	Hordeum, nucleotide sequences 3514
in vitro selection 960	Nicotiana tabacum	Hordeum vulgare
Hordeum vulgare 2396, 2500, 8995	gene expression 13435	nucleotide sequences 3512, 3514,
gene mapping 2517	genetic transformation 13435	6652
genetics 2517	reviews 10141	polymerase chain reaction 3513
Lactuca sativa 8361 Mimulus guttatus	Zea mays	Lycopersicon esculentum
genetics 1097, 11263	gene expression 10365, 10374, 10379	gene expression 4040
modifiers 1097, 2217	genetic engineering 10365	genetic transformation 4040
pleiotropy 2217	genetic transformation 10379	molecular genetics 9584
Nicotiana 961	Transfer RNA	nucleotide sequences 738 molecular genetics 3377, 3418, 3427,
Nicotiana bigelovii 5020	Arabidopsis thaliana	5203
Nicotiana tabacum 956, 5020	gene expression 51, 4237 genetic engineering 51, 4237	reviews 3383
in vitro selection 960, 6176	nucleotide sequences 4237	Nicotiana tabacum
Oryza glaberrima 8092	Daucus carota	gene expression 2108, 4040, 5005,
Oryza sativa 1604, 6827, 8092, 8096,	gene expression 51	10387
9284, 11845, 13004	genetic transformation 51	gene tagging 4490
gene mapping 3644	Eleusine coracana, molecular genetics	genetic transformation 287, 2105,
genetic markers 3644	5565	2330, 4490, 6169, 10387
Phaseolus vulgaris 5752	gene expression 1275	molecular genetics 4024
gene expression 6929	Nicotiana benthamiana, genetic transfor-	nucleotide sequences 2108
Secale cereale	mation 4237	nucleotide sequences 3384, 6465
gene mapping 6691	Phaseolus vulgaris	Oryza, evolution 11786
random amplified polymorphic DNA 6691	gene expression 4643-4644	Oryza australiensis, nucleotide sequences
Sorghum bicolor 9199	nucleotide sequences 4644	392 Orang againg 10565
triticale 2396, 7920	Translocation	Oryza sativa 10565 gene tagging 391
artificial selection 7921	Camellia japonica 4007	genetic markers 372
Triticum, genetics 210	Lens culinaris 3761	mutations 372
Triticum aestivum 203, 1421, 1428, 2396,	Populus deltoides, heterosis 1007	nucleotide sequences 393
3487, 3489, 4415-4416, 5398, 7847,	Populus interamericana, heterosis 1007	somaclonal variation 373
11632, 11636	Populus trichocarpa, heterosis 1007 Triticum aestivum 3460	Petunia hybrida
chromosome addition 6691	Tulipa, gene expression 11308	gene expression 7547
gene expression 11637	Vigna unguiculata 1740	mutations 5116
genetics 3491	Translocation, cytological (see Chromo-	nucleotide sequences 7547
nucleotide sequences 11637	some translocation)	techniques 5115
Triticum durum 1420, 4415, 9065	Transpiration	Pharbitis nil, mutations 1077
Zea mays 319-320, 7951, 8990, 12892	Musa 7217	Pisum sativum, nucleotide sequences
artificial selection 5529	Nicotiana tabacum 952	9487 Panaga 2360
gene mapping 5529 restriction fragment length polymor-	Oryza sativa 12975	Poaceae 2369 polymerase chain reaction 11520
phism 5529	Poa pratensis 5650, 5654	Secale cereale, DNA hybridization 2524
Tradescantia 5525	artificial selection 6114	Sorghum bicolor, DNA hybridization
chromosome aberrations, techniques	genotype environment interaction	5493
10221	5653	Triticum, evolution 6631
induced mutations 11483	Sorghum 2612	Triticum aestivum, molecular genetics
chromosome aberrations 3307	Sorghum bicolor 2612, 12908	6608
maleic hydrazide 3307	Triticum durum genetics 5365	Vigna luteola 2853
mutagens 3307, 11483	heritability 5365	Vigna unguiculata 2853
techniques 10221	Transport proteins	Vigna vexillata 2853
X radiation 3307, 11483	Arabidopsis thaliana	Vitis, random amplified polymorphic
Tradescantia hirsutiflora	gene expression 11462	DNA 7198
chromosome breakage 11324	nucleotide sequences 11462	Zea diploperennis, molecular genetics 3554
formaldehyde 11324	Transposable elements 93	Zea mays 4491, 4501, 5492, 6702, 6704,
interspecific hybridization 11324 mutagens 11324	Aegilops, evolution 6631	10390, 10397, 10470, 11704
X radiation 11324	Ananas comosus, nucleotide sequences	anthocyanins 280
Tradescantia pallida	13318	DNA hybridization 5493
chromosome morphology 12547	Antirrhinum majus, nucleotide sequences	gene dosage 4489
polyploidy 12547	5112	gene expression 287, 293, 4490,
Tradescantia paludosa	Arabidopsis, gene expression 7705	4492, 7705
pollen	Arabidopsis griffithiana 5234	gene mapping 281
gene expression 12382	Arabidopsis pumila 5234	gene tagging 4490, 11424
genetic transformation 12382	Arabidopsis thaliana 5234	genetic engineering 2336, 11424
Tradescantia subacaulis	development 5239 gene expression 3394, 4040, 10164	modifiers 3553
chromosome breakage 11324	gene mapping 7712	molecular genetics 294, 3552, 3554
formaldehyde 11324	gene tagging 4234	mutations 281 nucleotide sequences 285
interspecific hybridization 11324	genetic transformation 2330, 2336,	recombination 9147
mutagens 11324	4040, 7712, 10164, 11424	Trehalose
X radiation 11324	molecular genetics 3552	Arabidopsis thaliana
Fraining, Olea europaea 12323 Frans-cinnamate 4-monooxygenase	mutations 4261	genetics 8942
Arabidopsis thaliana	nucleotide sequences 3394, 10156	molecular genetics 8942
gene expression 44	Beta lomatogona, nucleotide sequences	Nicotiana tabacum, genetic transforma-
nucleotide sequences 44	7355	tion 7390, 11128
Franscription	Beta nana, nucleotide sequences 7355	Trehalose-phosphatase
plants 1282	Beta vulgaris, nucleotide sequences 7355	Arabidopsis thaliana
Spinacia oleracea 8357	Brassica napus (rape)	gene expression 6471
Franscription factors	gene expression 3962	nucleotide sequences 6471
Antirrhinum majus	molecular genetics 3962	Trehalose-6-phosphate synthase
gene expression 11268	Capsicum annuum, molecular genetics	Arabidopsis thaliana
nucleotide sequences 11268	1842 cereals 7759	gene expression 6470 nucleotide sequences 6470
Arabidopsis thaliana	Dendranthema pacificum 10012	Triazine, Solanum nigrum 13592
gene expression 6481, 8928, 10150 genetic transformation 10159	evolution 5287	Trichilia dregeana, cryopreservation 125
mutations 6481, 8952	conferences 4205	Trichoconis (see Alternaria)
nucleotide sequences 8928, 10150	gene expression 8916	Trichodiene synthase
gene expression 4231	genetic engineering 3374	gene expression, Nicotiana tabacum 5013
Pour expression in a		

Trichodiene synthase cont.	Trifolium pratense cont.	Trifolium subterraneum cont.
genetic transformation, Nicotiana	self compatibility, induced mutations	herbicides 4608
tabacum 5013	6889	gene flow 4608 genetic transformation 4608
Trichogramma, Zea mays 12895	tissue culture, combining ability 544 variety trials 2753, 5645, 9295	iron 547
Trichomes (see Plant hairs) Trichometasphaeria (see Setosphaeria)	vield components 9336	leaves 6890
Trichosanthes, taxonomy 2980	Trifolium repens	mechanical properties 8210
Trichosanthes kirilowii	anthocyanins, genetic transformation	nutrients 547
karasurin	10367	pathogenesis-related proteins
gene expression 794	auxins, gene expression 8211	gene expression 11911
nucleotide sequences 794	backcrossing 541 breeding 2693, 5696, 8200, 8202	nucleotide sequences 11911 persistence 543
2-Tridecanone	chitinase	Phytophthora clandestina 549, 5701,
Lycopersicon esculentum 745, 757 Lycopersicon hirsutum 745, 757	gene expression 3696	10620
Tridiscus sporoboli, Buchloe dactyloides	genetic transformation 3696	proteins 5700
8165	clonal variation 3697	seed banks 543
Trierucin	cold resistance 1657, 8214, 8216, 11910	seeds 5700
Brassica napus (rape), genetic transfor-	competitive ability 2752	taxonomy 6890 tissue culture 547
mation 7295	cultivars North White 10615	variety classification 5700
Limnanthes douglasii gene expression 7295	Tillman II 540	Trigonella corniculata, Aphis craccivora
genetic engineering 7295	Waverley 8205	10066
Trifluralin, Sorghum bicolor 12916	cyanogens 545	Trigonella foenum-graecum
Trifolium	defoliation 3698	Aphis craccivora 10066
breeding 2692	development	caffeine 6386
crop mixtures 8126	genetics 8208	chromosome aberrations 6386
embryo culture 4576	mutations 8208	chromosome morphology 11334 DNA 11334
interspecific hybridization 4576	flavonoids, gene expression 8211 genetic resources 539, 4574, 4602	fungi 2245
isoenzymes, polymorphism 11909	germination, allelopathy 8213	nodulation, induced mutations 2242
Meloidogyne 550, 4606 nitrogen fixation 4604	grazing 3698	salinity, in vitro selection 8849
nutrients 4604	Halotydeus destructor 3699	yield components
phosphorus 4604	Heterodera trifolii 4605	genetic variance 3327
polyploidy, germplasm releases 2748,	interspecific hybridization 541-542, 4605	heritability 3327
5699	leaves, artificial selection 9335	yield correlations 3328
protoplast fusion 4576	linamarase genetics 10617	Trigonella ruthenica, proteins, polymor- phism 4614
Trifolium alexandrinum	linkage 10617	Trihydroxystilbene synthase
genetic resources 5695	Megachile rotundata 10607	Hordeum vulgare, genetic transformation
inbreeding depression 8201 Trifolium ambiguum	Meloidogyne 4606	10946
backcrossing 541	Meloidogyne trifoliophila 4607	Nicotiana tabacum
interspecific hybridization 541	natural selection 546	gene expression 6033
Trifolium campestre, ozone 8215	nitrogen fixation 13048-13049	genetic transformation 6033
Trifolium fragiferum	nodulation 3696, 13048-13049	Triticum aestivum, genetic transformati 10946
genetic resources 4574	gene expression 8211 genetic transformation 3694	Vitis vinifera
protoplast culture 8209	nutritive value 545	gene expression 6033
tissue culture 8209	Osmia cornuta 10607	genetic engineering 10946
Trifolium glomeratum, morphology 2749 Trifolium hybridum, breeding 2690	persistence 3698	Triodia, taxonomy 510
Trifolium incarnatum	plant introduction 5696	Trionymus, Buchloe dactyloides 8165
Fusarium oxysporum	pollination 10607	Triose phosphate translocator, Solanum
artificial selection 1655	Rhizobium 3696 roots	tuberosum, genetic transformation 46 Tripsacum
inbreeding 1655	genetic transformation 3694	apomixis 328, 1537, 10415, 10425
genetic resources 5695, 5698	genetics 8208	chromosome number 4516
Meloidogyne incognita	mutations 8208	endosperm 1537
artificial selection 1655 inbreeding 1655	shikimate dehydrogenase	polyploidy 328, 4516
random amplified polymorphic DNA	genetics 10617	sexual reproduction, random amplified
5698	linkage 10617	polymorphic DNA 328
variety trials 11908	soil toxicity, artificial selection 1658	tissue culture 10415
Trifolium jokerstii, taxonomy 10619	stems 8214 artificial selection 3695, 10618	Zea mays, intergeneric hybridization 10415, 10425
Trifolium michelianum, cultivars, Bolta	heritability 3695	Tripsacum dactyloides
2747	unreduced gametes 542	anther culture 11717
Trifolium nigrescens	variety trials 8125	apomixis
Heterodera trifolii 4605 interspecific hybridization 542, 4605	yield components, multivariate analysis	gene mapping 5549
Trifolium pratense	539	genetics 5550
alfalfa mosaic alfamovirus, genetics 5702	Trifolium resupinatum	restriction fragment length polymor
artificial selection 4601	cultivars Nitro Plus 8206	phism 5549-5550
breeding 2686, 2690, 2693, 8200	Persian Prolific 8207	chromosome translocation 11717 polyploidy 11745
crop mixtures 8203	Trifolium squarrosum, genetic resources	sexual reproduction 11745
cultivars	5695	sterility
AC Endure 9334	Trifolium stoloniferum, random amplified	gene mapping 3590
Grasslands G27 2746	polymorphic DNA 10616	genetic markers 3590
dimethyl sulfate 6889 dimethylsulfonate 2750	Trifolium subterraneum	Zea mays, intergeneric hybridization
Fusarium oxysporum 548	bromoxynil	5550, 11717
genetic resources 4574	gene flow 4608 genetic transformation 4608	Triterpenoids, Calendula officinalis 1156 Triticale
grasses, crop mixtures 2753	cultivars	Aegilops, intergeneric hybridization
isoenzymes, genetic variation 6891	Antas 4603	12838
Meloidogyne 550	Campeda 4603	Aegilops crassa, intergeneric hybridiza
N-methyl-N-nitrosourea 2750, 6889	Limbara 4603	tion 7920
morphology, genetic markers 2751	Losa 4603	Aegilops juvenalis, intergeneric hybrid
mutagens 2750, 6889	Riverina 8204	zation 7920
nitrogen fixation, heritability 8212 nutritive value 9336	development 1656	Aegilops tauschii, intergeneric hybridia
random amplified polymorphic DNA	grazing 8210 growth period 1656	tion 1368
5697	Halotydeus destructor	aluminium 2396, 7920 artificial selection 7921
seed production 548	gene expression 11911	heritability 11689
induced mutations 2750, 6889	nucleotide sequences 11911	in vitro selection 4406

riticale cont.	Triticale cont.	Triticum cont.
α-amylase, genetics 7913	Triticum aestivum	phylogeny cont.
anther culture 3541, 10343, 11688,	chromosome translocation 6559	restriction fragment length polymor-
12845 breeding 2531, 12833-12834	intergeneric hybridization 273, 4352,	phism 196
canopy 2394	4406, 6559, 7791, 10342, 10345, 11656	plant composition 11657 polyploidy 2424
chromosome aberrations 10342	Triticum durum, intergeneric hybridiza-	protein disulfide-isomerase
chromosome number 274, 5307, 10343	tion 4352	gene mapping 11552
chromosome pairing 5307	Triticum monococcum, intergeneric	restriction fragment length polymor-
chromosome translocation 273	hybridization 10344	phism 11552
Claviceps purpurea 4312	Triticum turgidum, intergeneric hybridi-	proteins 5310
cold resistance 5473, 11656, 12850- 12851	zation 4352	gene mapping 1416
crop density 12848-12849	trypsin inhibitors 275 unreduced gametes 1368	Pseudocercosporella herpotrichoides 4427
cultivars	Urocystis agropyri 5316	Puccinia recondita 11651
Credit 10339	variety classification, random amplified	Puccinia striiformis 11651
G05411 12708	polymorphic DNA 11519	quality 5310
Niovi 12708	variety trials 2532, 4474, 6692, 7911,	genetics 5382
Pronghorn 2533	12835-12837	repetitive DNA
Treat 10340 cytoplasmic male sterility 7912, 12839	wide hybridization 7919	nucleotide sequences 3445
embryo culture 7791	yield components 12839, 12848, 12857	restriction fragment length polymor- phism 3445
endo-1,3(4)-β-glucanase 3540	combining ability 5472 heritability 7918	ribulose-bisphosphate carboxylase 5350
forage 12708	heterosis 12838, 12840	Secale cereale, intergeneric hybridization
fungi 12852	multivariate analysis 12843	10342
Fusarium 275, 12853	yield correlations 142, 7917	seed testing 5352
gamma radiation 5470-5471	yields 12852	Sitodiplosis mosellana 11657
gene expression 5469	Zea mays, intergeneric hybridization 271	spring and winter habit, genetics 4370
genetics 12832 genotype environment interaction, mathe-	zinc 4373, 10272	taxonomy 11619
matics 8892	chromosome addition 3542	toxic substances, genetics 210 vernalization, genetics 4370
germination 275	gene location 3542  Triticeae	yield correlations 2398
Gibberella zeae 5315	DNA fingerprinting 6557	Zea mays, intergeneric hybridization
gibberellic acid, genetics 7761	germin	6613
gluten 12846	nucleotide sequences 4308	Triticum aestivum
glutenins, chromosome substitution 7919	polymerase chain reaction 4308	abscisic acid 3468, 3493
grain shrivelling 274 growth period, induced mutations 5471	Gibberella zeae 2704, 4313	gene expression 11202 genetic engineering 11202
haploidy 10341, 10343, 11687	nutrients 4373	accessory chromosomes, DNA hybridiza
height	phylogeny, nucleotide sequences 1370	tion 5466
genetics 7761, 7914, 10345	polymerase chain reaction 6557 zinc 4373	Aceria tosichella
induced mutations 5470	Triticum (see also Aegilops)	chromosome translocation 11640
mutations 7914	Aegilops, intergeneric hybridization 5403	DNA hybridization 11640
herbicides 12857	Aegilops juvenalis, Dasypyrum villosum,	Aceria tulipae, chromosome translocatio 4441
hybrid necrosis 11656  Hymenula cerealis 2539	intergeneric hybridization 4386	acetyl-CoA carboxylase
ideotypes 2394	anther culture 4386, 11603	gene mapping 4341
iron 10272	nucleocytoplasmic interaction 5374	genetic engineering 4340
Leptosphaeria nodorum 275, 12855	cadmium, genetics 210 chromosome substitution 6613	nucleotide sequences 4341
lodging 2531	chromosome translocation 5339	adenosinetriphosphatase 202
mechanical harvesting 3436	Dasypyrum villosum, intergeneric hybrid-	mitochondrial genetics 4366
mitochondrial genetics 5469  Monographella nivalis 12854	ization 5413	nucleocytoplasmic interaction 4366  Aegilops, intergeneric hybridization 2412
multivariate analysis 3539	databases 5319	4373, 4397, 5350, 11577
nitrogen 12841, 12848-12849	DNA hybridization 11546	Aegilops caudata, intergeneric hybridiza
nucleocytoplasmic interaction 7791	drought resistance, heritability 4417 Elymus, Leymus, intergeneric hybridiza-	tion 159
nutrients 2396, 4373, 12841, 12848-	tion 5337	Aegilops comosa, intergeneric hybridiza
12849	evolution	tion 9021, 12774
chromosome addition 3542	mitochondrial genetics 195	Aegilops crassa, intergeneric hybridization 4368
gene location 3542 nutritive value 10272	restriction fragment length polymor-	Aegilops cylindrica, intergeneric hybridi
phenolic compounds 275	phism 195, 6631	zation 9020, 12722
photosynthesis, heterosis 12840	transposable elements 6631	Aegilops kotschyi, intergeneric hybridiza
phytic acid 10272	fungi 1430, 4425 genetic distance 9027	tion 159, 4369
polyploidy 2534, 4476, 7919	genetic distance 5027 genetic resources 2398, 5319-5320, 6561,	Aegilops markgrafii, intergeneric hybrid
prolamins 4476	11529-11530	zation 4365  Aegilops ovata, intergeneric hybridization
Pseudocercosporella herpotrichoides 12853	databases 6571	6611
Puccinia 10339-10340	genetics 2404	Aegilops speltoides, intergeneric hybridi
Puccinia recondita 12856	gliadin 11619	zation 214, 4429, 11562
quality 194, 2535-2538, 12846-12847,	gene mapping 5378	Aegilops tauschii, intergeneric hybridiza
12857	restriction fragment length polymor- phism 5378	tion 1424, 2459, 3473, 7808  Aegilops triuncialis, intergeneric hybridi
multivariate analysis 12843	glucose-6-phosphate isomerase, genetic	zation 10309
Rhynchosporium secalis 2540, 10347	variation 6620	Aegilops umbellulata, intergeneric
rotations 12852 Secale cereale, intergeneric hybridization	glutenins	hybridization 4364
268, 5307	gene mapping 5378	Aegilops uniaristata, intergeneric hybrid
seed production 7916	restriction fragment length polymor-	zation 1423
seeds 12841	phism 5378	Aegilops variabilis, intergeneric hybridi-
soil pH 142, 2396	haploidy 6613  Heterodera 12769	zation 5340  Aegilops ventricosa, intergeneric hybridi
sowing date 12848-12849	induced mutations 2404	zation 4369
spring and winter habit 2537-2538	interspecific hybridization 4417	Agrobacterium tumefaciens, genetic
sprouting 3540, 10346, 12842 genetics 10344	leaves 4305	transformation 8992
genotype environment interaction	lysine 5310	air pollution 204
7915	nickel, genetics 210	Alternaria triticina 11643
mathematics 7915	nomenclature 11620	genetics 3496
tillering 2394	nucleotide sequences 11546	aluminium 203, 1421, 1428, 2396, 3487 3489, 7847, 7853, 11632
tissue culture 12844	photosynthesis 5350 phylogeny	chromosome addition 6691
toxic substances 2396, 7920 artificial selection 7921	repetitive DNA 4346	chromosome substitution 1423
artificial solution //21	1	

Triticum aestivum cont.		Triticum aestivum cont.	Triticum aestivum cont.
aluminium cont.		chromosome substitution 268, 11563,	cultivars <i>cont.</i> Morey 1390
gene expression 11637		chromosome translocation 3450, 4360,	Novosadska Rana-5 9006
genetics 2461, 3491		5344	Nyabing 11539
germplasm releases 1427 in vitro selection 4406		DNA hybridization 272	NYBatavia 10251
nucleotide sequences 1163	37	genetic markers 9016, 10270	Patterson 10254
Amblyopyrum mutica, interger		polymerase chain reaction 9016	Perenjori 148
hybridization 4429		restriction fragment length polymor-	Pomerelle 1393
amino acids 7870		phism 4362, 9021, 11549	Prima 9005
amplified fragment length pol	ymorphism	chromosome transmission 5342, 7797	Primadur 10256
2401, 5334, 7787, 9012,	, 11550	climate 6599, 12731	Pronghorn 1386
amylase inhibitors, genetic en	gineering	Cochliobolus sativus 3497, 5406	QT4299.7772
5335		artificial selection 11647	QT5793 7775
α-amylase		genetics 3496, 5408	QT6063 7773 QT6258 7779
gene mapping 9078		colchicine, anther culture 12739 cold resistance 141, 2457, 2465, 3438,	QT6285 7777
genetics 167-168 amylose		3490, 3493, 4412, 5389, 5394,	OT6581 7780
genetics 7810		5473, 7846, 7850, 11656	OT7274 7774
mutations 3464		anther culture 5390	RAC680 7776
anatomy 164		artificial selection 5392-5393	Rampart 1383
aneuploidy 4358, 7797		chromosome substitution 6637, 11630	RRL31 11537
backcrossing 4354		combining ability 213	Sadovo-772 5324
anther culture 178, 180-181, 2	2436-2437,	gene expression 4408, 7851, 9061,	Saikai 179 2457
4306, 4357, 4383, 4385,		11634	Şamara 1376
5373, 5375, 5377, 10283	3, 11565,	gene location 9062	Šárka 6601
11605		gene mapping 2462, 4309, 5387,	Saskia 4339
combining ability 2438, 4	387	9066	Silverstar 3442
heritability 2438		genetic markers 9066	Sonak 7778
anthers 9019		genetic variance 213, 9063	Stiletto 7776
Aphididae 4438 artificial selection 5321, 6563	2006	genetics 206, 2462, 3488, 5386 in vitro selection 5391	Sturt 7777 SUN146F 9007
ascorbic acid 4421	, 6990	linkage 5386	SUN148L 7783
backcrossing 143		colour	SUN155C 7782
barley yellow dwarf luteoviru	s 2475	amplified fragment length polymor-	SUN224A 7781
chromosome addition 664		phism 11617	Sunbrook 7781
chromosome substitution 2		gene location 11569	Sunland 7782
fluorescence in situ hybrid		gene mapping 11617	Sunstate 7783
2476		genetics 11569	Sunvale 9007
gene expression 7873		restriction fragment length polymor-	TAM110 3444
gene mapping 9078		phism 11617	TAM301 10253
genetic transformation 787	73	somaclonal variation 2471	USU-Apogee 1378
germplasm releases 2477		computer programming 4329	Utah-100 1394
mathematics 7765	1	copper 200	VF302 3443
restriction fragment length	i polymor-	crop density 11580, 11621, 11624	VF508 3441
phism 2476 bilanafos, genetic transformati	ion 7766	cultivars 1381, 4296 AC Crystal 11542	VF664 3442
biomass 160	1011 //00	AC Elsa 5327	WAWHT1308 148 WAWHT1379 146
biosafety, genetic transformati	ion 3439	AC Foremost 5326	WAWHT1379 140 WAWHT1389 11539
biotechnology 4344	1011 5 157	AC Karma 1377	WAWHT1426 147
boron 4415-4416		AC Noboro 9009	WAWHT2024 10264
breeding 143, 165, 1373-1374	1, 2397,	AC Wilmot 5325	WAWHT2109 11540
2428, 3440, 4317, 4319,		Aglika 10259	Westonia 11540
4326-4327, 4329, 4331-4	4334, 4336,	Alana 9008	Whitebird 1391
5322, 6565, 6570, 7767,		Arlin 1380	Windstar 12718
8999-9000, 10243, 1152	4-11526,	Arnhem 7772	Yanac 3443
11533	0.67	Arrino 10262	Yumai-37 149
conferences 5179, 8866-88		BacUp 10250	Zhenghan-1 10249
history 160, 164, 1372, 23		Baxter 7779	cytochrome-c oxidase
4321, 4328, 4337, 70 caffeine 2410	101, 1043	Brookton 10263	gene expression 150
calmodulin, gene expression 9	2024	Calingiri 10264	mitochondrial genetics 150
canopy 2394	7024	Cayuga 10252 CDC Clair 5329	nucleocytoplasmic interaction 150
gene dosage 170		CDC Kestrel 6600	cytology 2409
carbohydrates 5389		CDC Osprey 5328	cytoplasmic male sterility 156, 4368- 4369, 7789
carbon dioxide 7803		Cunderdin 146	gene expression 157
carboxypeptidases, gene expre	ession	Diamant 10258	gene location 4367
12726		Dongfeng-1 7770	gene mapping 6616
carotenes, chromosome addition		Dora 10255	genetic markers 6616
cell division 3429, 4359, 6615	5	Elitsa 10257	mitochondrial genetics 157, 3451,
Cephus cinctus 1383		Enola 10260	11568
chlorophyll, mutations 2425,		Erhardt 1384	nucleocytoplasmic interaction 157
chlorophyll <i>a/b</i> binding protei	in, gene	Foster 1379	random amplified polymorphic DNA
expression 6496		Freedom 1388	3451, 11568
chlorsulfuron 12771	52/1	Gles 7780	restriction fragment length polymor-
chromosome aberrations 2411 6615, 10342	, 3341,	Glory 1389	phism 11568
chromosome addition 268, 24	06 4364-	Goldmark 3441	Dasypyrum villosum
4365, 5340, 5344, 6611,		Gordon 11537 GR915 1387	Erysiphe graminis, chromosome sub
9020, 9095, 12774	,,,,,,	Helle 2384	stitution 5413
chromosome banding 10267,	11562	Idaho 377s 2400	intergeneric hybridization 2412, 241
chromosome breakage 2411		Jagger 1392	9014, 11645 dehydrins
genetics 10271		Johanna 2384	gene expression 9061
chromosome pairing 155, 139	9, 3450,	Kalannie 147	gene mapping 11551
4349, 10266, 11562		Karl-92 1382	development 2418, 3452, 3456, 3490,
amplified fragment length	polymor-	Kennedy 7773	4374, 9033, 11582
phism 6610	70 1000	Kremna 7771	gene mapping 4301
DNA hybridization 154, 2	72, 10266	Lea 2384	molecular genetics 12727
gene mapping 4297		Mawson 7774	restriction fragment length polymor-
genetics 9017		McGuire 1385	phism 4301
mutations 10266		Monad 11538	DIMBOA 2478

riticum aestivum cont.	Triticum aestivum cont.	Triticum aestivum cont.
diseases 5317	flowering cont.	glutenins cont.
genetics 9067	artificial selection 6619	genetic transformation 4391, 6626,
Diuraphis noxia 3508-3509, 4440, 5419,	gene mapping 1402	7830, 10293
7872	flowers	genetic variation 10290
gene mapping 10311, 11650, 11659 genetic markers 10311	gene expression 11544	genetics 162, 2450, 2452, 4390,
genetics 2482, 9082, 11658	nucleotide sequences 11544	6624, 7823, 11583, 11616
germplasm releases 1442, 2479-2480	fluorescence <i>in situ</i> hybridization 2407 friabilins, nucleotide sequences 10288	germplasm releases 2450
linkage 11650	fungi 1430, 3484, 4425, 5411, 6642,	molecular genetics 7835 mutations 3469
random amplified polymorphic DNA	7776, 7856, 10254	nucleotide sequences 9043, 11607,
5420, 10311	Fusarium 3498, 4424, 5401	11609
restriction fragment length polymor-	chromosome translocation 214	polymerase chain reaction 6627,
phism 11659	Fusarium culmorum 4311, 5407, 5409	11607
DNA 2409, 2413, 4358	artificial selection 12757	quality 5383
DNA binding proteins 4343 gene expression 2402, 3447, 4347	gametocides 158 gamma radiation 152, 5362	somaclonal variation 2445, 3469,
nucleotide sequences 4347	gene banks 11523	10289
DNA fingerprinting 5331, 9013	gene expression 3432, 6451, 6603	growth period 165-166, 171, 1404, 2416 3456
DNA hybridization 10266	gene mapping 3448, 6607, 7785, 9010,	chromosome translocation 5357
chromosome addition 2414	11547	combining ability 11641
DNA polymerase, nucleotide sequences	genetic distance, restriction fragment	gene dosage 5360
12720	length polymorphism 4303	growth regulators 1428, 2417, 3468,
dormancy genetic variance 10278	genetic engineering 7785	3493, 5356, 5376
induced mutations 161	genetic resources 171, 1373, 3458, 4327, 4330, 6562, 6569, 8997, 12756	gene expression 11202
maternal effects 10278	genetic transformation 1397, 3372, 4300,	gene mapping 2421
drought resistance 207, 211, 1425, 4413,	4345, 5330, 6603-6604, 7819	genetic engineering 11202
4418, 5394, 5400, 7852, 7854,	genetics 6649	habit, genetics 2424 haploidy 1400, 2410, 2445, 4306, 4326,
10296, 10298, 12729, 12755-12756	catalogues 5336, 11554	4357, 4363, 4383, 4387, 4434,
artificial selection 209, 9064	genotype environment interaction 6634,	5343, 5345-5347, 6612, 6614,
gene mapping 2462	7764, 7842, 9057	7795-7796, 7844, 10284, 11557,
genetics 2462 multivariate analysis 2458	mathematics 11623 reviews 6635	11565, 11572
nucleocytoplasmic interaction 2459	genotype mixtures 2470	techniques 3449
stability 9058	germin, genetic engineering 7814	harvest index 9030, 10296
electrical properties 3487	germination 11560, 12731	artificial selection 6622 combining ability 176, 2426
Elymus, intergeneric hybridization 4352,	molecular genetics 12727	genetic variance 176, 2426
4373	Gibberella 3498	heat resistance 208, 5395, 5400, 6640,
Elymus elongatus, intergeneric hybridiza-	Gibberella acuminata 5404	7845, 7848, 11633, 12751-12752
tion 154, 5340, 5357, 6648, 11563, 11640, 12768	Gibberella avenacea 5407 Gibberella zeae 4420-4421, 4424, 5407,	combining ability 3492, 9060
Elymus farctus, intergeneric hybridization	9068-9069, 9071, 10250, 10299	gene expression 1426
1422, 5340	artificial selection 2466, 2468, 11642	genetic variance 3492, 5399
Elymus hispidus, intergeneric hybridiza-	chromosome substitution 1431	genotype environment interaction 4411
tion 154, 2476-2477, 4436, 7784,	gene location 1431	heritability 5399
9078, 10267, 11640, 12725	in vitro selection 4426, 9072	heterosis 9060
Elymus sibiricus, intergeneric hybridiza-	gibberellic acid 1428, 2417, 5356, 5361	linkage 1426
tion 2405 embryo culture 1400, 5347, 5376, 7791,	gene expression 9031 gene mapping 2421	heat shock, gene expression 10241
7795, 10283	genetics 7761	heat shock proteins 3495
techniques 8994	gliadin 2440, 4402, 11571	gene expression 1426, 6638
embryology 9033	aneuploidy 9046	linkage 1426
endosperm, artificial selection 10292	chromosome translocation 12723	heavy metals, gene expression 11575 height 2417, 3456, 3465, 5358
enzymes 11581	gametoclonal variation 2445	artificial selection 6619
Erysiphe graminis 1432, 2470, 5405,	gene expression 6638, 7822	backcrossing 7812
5410, 6643, 9073 chromosome substitution 4429	gene location 11616 genetic engineering 7822	epistasis 3459
chromosome translocation 214	genetic variation 5355, 10290	gene dosage 170
combining ability 11641	genetics 2442, 2452, 4390, 5385,	gene expression 9031
gene expression 3499	7834, 7836, 10286, 11616	gene mapping 2421, 4301, 10274-
gene location 1433, 10302	multivariate analysis 12745	10275 genetics 2423, 3463, 4379, 5351,
genetic markers 7860	nucleotide sequences 11609	6522, 7761, 7800, 7807, 10345
genetics 215, 1429, 3500, 4428,	polymerase chain reaction 6627	11570, 11584, 12729
5412, 7857, 7859, 7861, 12759 germplasm releases 10301	polymorphism 12745 somaclonal variation 2445, 10289	germplasm releases 7799
nucleocytoplasmic interaction 6644	techniques 1408	heterosis 7800
random amplified polymorphic DNA	glucan branching enzyme, genetic trans-	linkage 10275
4429, 7858	formation 7831	microsatellites 10274, 10276
restriction fragment length polymor-	β-glucanase 12762	mutations 3459 pleiotropy 2422, 3463, 7806, 12729
phism 4314, 7860	gene expression 1421	restriction fragment length polymor-
techniques 12758	nucleotide sequences 1421	phism 4301, 9029, 10274-1027
ethyl methanesulfonate 161 ethylene 10277	glufosinate, genetic transformation 7766 glumes	reviews 6618
Eurygaster 4439	gene location 11569	herbicides 6615, 12771
evolution 6569	genetics 11569	genetic transformation 7766
experimental design 4217	glutathione transferase, nucleotide	Heterodera avenae 4437, 10309
farm inputs 4379	sequences 11548	heterosis 12721
fatty acid desaturases, gene expression	glutelins 3470	histones gene expression 7786
10273	gluten, genetic engineering 183	nucleotide sequences 7786
female fertility 12722	glutenins 2440, 3477-3478, 5379, 5381,	Hordeum chilense, intergeneric hybridiz
fertility 2415	11571, 11573-11574 aneuploidy 9046	tion 258, 11522
backcrossing 4354 heterosis 4368	chromosome substitution 3471	Hordeum geniculatum, intergeneric
nucleocytoplasmic interaction 4368	chromosome translocation 9049,	hybridization 4354
fibre 7811	12723	Hordeum vulgare, intergeneric hybridiza
fimbrins	gametoclonal variation 2445	tion 4354
gene expression 1421	gene dosage 4400	hybrid chlorosis, genetics 4475
nucleotide sequences 1421	gene expression 6626, 6638, 12741	hybrid necrosis 6649, 11656 genetics 7790
flooding 7855	gene location 11616 genetic engineering 4391	hybrid seed production 7789
flowering 9023	Politorio sugmosting 1371	The second secon

713 hybrid-

02-3503,

10300.

5-1437,

m '4'	Tuiting antiques conf
Triticum aestivum cont.	Triticum aestivum cont.
hybrid seed production <i>cont</i> .	nutritive value 10272
random amplified polymorphic DNA	Nysius huttoni 3510
4355	Oulema 2481
restriction fragment length polymor-	Oulema melanopus 224
phism 4355	artificial selection 10310
hybrid varieties 4320, 4336, 4338	ovule culture 6623
ideotypes 174, 2394	oxalate oxidase
inflorescences 3458, 11576, 11580	gene expression 11585
	genetic engineering 7814
epistasis 3459	
gene location 2427	parthenogenesis 159, 11566
genetics 2424, 7813	pathogens 4419
mutations 3459	genetic markers 12713
somaclonal variation 2427	polymerase chain reaction 12713
intergeneric hybridization 11576	Pennisetum glaucum, intergeneric hybri
internodes 164, 10277	ization 4363
heterosis 11577	peroxidases 4369, 11643
interspecific hybridization 194, 220, 222,	phenolic compounds 11643
1429, 1432, 2412, 2463, 4349,	phenols, gene location 5352
5350, 5382, 6643, 7769, 7790,	phosphorus 199-200
7813, 7858, 9049, 9073, 9076,	artificial selection 9056
11576	nutrients 7841
iron 10272	
	photoperiodism 166, 2416, 3454, 4376,
irrigation, genotype environment interac-	5349, 9038, 11582
tion 7843	genetics 206, 3457, 4375
lasers 11559-11560	germplasm releases 12717
leaves 9038, 11582	pleiotropy 4377
artificial selection 5354	photosynthesis 5350, 11628
heritability 5363	artificial selection 5354
Leptosphaeria nodorum 2467, 5410	heterosis 1406, 7801
artificial selection 12757	physiology 4374
	1.0.00
nucleocytoplasmic interaction 5403	phytic acid 10272
Leymus chinensis, intergeneric hybridiza-	plant composition 11657
tion 4350	plant hairs, artificial selection 10310
Leymus racemosus, intergeneric hybridi-	plant introduction 8998
zation 2406, 7793	pollen 156, 3452
light 7809	pollen culture 10284
lipids 7826	polymerase chain reaction 3446
lipoxygenase, gene expression 1403,	polyploidy 2424, 9033
9025	
	polysaccharides 4388
lodging 164, 4414, 9037	potassium, heritability 2665
genetic variance 11578	Pratylenchus neglectus 9080
induced mutations 7868	Pratylenchus thornei 7773, 7777, 9080
Lolium multiflorum, protoplast fusion	
	proline
4356	anther culture 12739
Lolium rigidum 12772	in vitro selection 5391
male sterility 1401, 5349, 9022-9023	protein disulfide-isomerase
genetics 5348, 10271, 11567	
	gene mapping 11552
induced mutations 5348	restriction fragment length polymor-
manganese 3486, 5398, 6641, 12750	phism 11552
mathematics 4331	proteins 9053, 11587
maturase, mitochondrial genetics 13157	*
	gene expression 10242
Mayetiola destructor, germplasm releases	gene mapping 9026
1443	genetics 4372
mechanical damage 11635	natural selection 1418
mechanical harvesting 3436	
	nucleotide sequences 5364
meiosis 155, 1399, 9019	somaclonal variation 10289
microsatellites 4365, 9013, 11543, 11547	techniques 9051
Monographella nivalis 2465, 5389, 5407	protoplast culture 4383
morphology 5345	
	Psathyrostachys juncea, intergeneric
genetic markers 9036	hybridization 5344
genetics 6617, 9036	Pseudocercosporella herpotrichoides,
mutagens 161	chromosome substitution 11645
mutations 10266	Puccinia 3501, 7864, 11537
Mycosphaerella graminicola 4422, 5402,	genetics 7773-7775, 7777
11644	Puccinia graminis 216, 5410, 9073,
artificial selection 12757	10305
combining ability 4423, 9070	artificial selection 10300
genetic variance 9070	gene mapping 11650
mycotoxins 3429	genetics 4315, 6647, 7772, 7865,
NADH dehydrogenase (ubiquinone), gene	7869, 12765
expression 10265	linkage 11650
nitrogen 199-200, 3475, 6633, 7839,	
muogen 199-200, 3473, 0033, 7839.	Puccinia recondita 194, 216, 3502-350
9038, 11626	5405, 5410, 6646, 9073, 9075,
nitrogen fixation 7840	10305, 11652, 11655, 12762
nucleic acids 3438	aneuploidy 9076
nucleocytoplasmic interaction 7791	artificial selection 222, 4431, 10300
germplasm releases 2412	11647
nucleolus organizer, recombination 10269	chromosome addition 3506
nucleotide sequences 3446	chromosome translocation 214
evolution 4361	combining ability 221, 11641
polyploidy 4361	economics 12763
nutrients 198-200, 2396, 3475, 3486,	gene location 2473, 3506, 9076
4373, 4405, 6633, 7839, 9038,	
	gene mapping 12768
11580, 11621, 11626, 12750	genetic variance 221
artificial selection 9056	genetics 219, 222, 1429, 1435-1437
chromosome addition 3542	2472-2473, 3504-3505, 4430,
gene location 3542	
	4435, 6642, 6647, 7772, 7863
genotype environment interaction	7866, 9074, 10306-10307,
7843	11646, 11653-11654, 12765
heritability 2665	germplasm releases 222, 1440-1441

Triticum aestivum cont. Puccinia recondita cont. induced mutations 7868 nucleotide sequences 11545 restriction fragment length polymor-phism 12768 somaclonal variation 2471 Puccinia striiformis 218, 1439, 2474, 4432, 4434, 5318, 5405, 5416, 9073, 9077, 10308, 11652 artificial selection 11647 backcrossing 5417 gene mapping 220 genetics 7772, 7867, 12764, 12766 random amplified polymorphic DNA restriction fragment length polymorphism 220 quality 184-186, 188, 190, 192-194, ty 184-186, 188, 190, 192-194, 2440, 2446, 2448-2449, 2451, 3472-3479, 3482-3485, 3510, 4388, 4392-4393, 4396, 5379-5381, 5384, 6625, 6629, 7821, 7824-7829, 7832, 9052, 10294, 11587, 11610-11611, 11613-11614, 11618, 12742 amplified fragment length polymorphism 11617 artificial selection 10292, 12744 chromosome substitution 3471 chromosome translocation 2447, 9050 combining ability 189, 4397 gene expression 6626 gene location 11616 gene mapping 9054, 11617 genetic engineering 4302, 4391 genetic markers 9054 genetic transformation 4391, 6626 genetics 2442, 2450, 4389, 5359, 6630, 11616 genotype environment interaction 187, 191, 2453, 4394 germplasm releases 2450 heritability 189, 4397, 11606 heterosis 11606 molecular genetics 182 multivariate analysis 2439 mutations 3480 nucleotide sequences 1414, 10288 reciprocal effects 4397 restriction fragment length polymorphism 9054, 11617 techniques 9051, 11612, 12740 quantitative traits, multivariate analysis 1410 random amplified polymorphic DNA 6602, 7784 receptor-like kinase, nucleotide sequences 11545 recombination 3448 regenerative ability 7819, 10283 combining ability 2434 heterosis 2434 repetitive DNA 9013 respiration 218 restriction fragment length polymorphism 2406, 5333, 6607, 6609, 9010, 12774 rhizosphere 7840 Rhopalosiphum padi 5418, 7871 ribosomal RNA, nucleotide sequences 11516 ribulose-bisphosphate carboxylase 5350 combining ability 2460 RNA binding proteins, nucleotide sequences 4348 roots 3489 heterosis 7801 rotations 8571 salinity 202, 1422, 3494, 5394, 6639 chromosome substitution 1424 cytoplasmic inheritance 11639 gene mapping 1424 in vitro selection 212, 7849, 11638, 12754 restriction fragment length polymorphism 1424 Schizaphis graminum 3444 genetic transformation 3439 Secale cereale, intergeneric hybridization 272, 2414, 2534, 4351, 4360, 4475,

Secale cereale intergeneric hybridization	Triticum aestivum cont.	Triticum aestivum cont.
Secale cereale, intergeneric hybridization cont.	Tilletia indica 258, 1434	yield components cont.
5340, 5357, 10266, 10342, 11555-	Tilletia laevis 5414	heritability 145, 1411, 5368, 5370,
11556, 11563	genetics 6645	6564, 7788, 7817, 10281, 12736
secalins	germplasm releases 10304	heterosis 151, 4368, 5366, 5369,
	Tilletia tritici 5414, 12760	7800, 9015, 10280, 12736
chromosome substitution 2528	genetics 6645, 12761	induced mutations 7792, 7868
polymerase chain reaction 2528	germplasm releases 10304	nucleocytoplasmic interaction 4368
seed aging 5341	tissue culture 212, 1412, 2435, 3467-	pleiotropy 1407, 12729
seed production 2448, 5321, 9023	3468, 3494, 5376, 7819	stability 6621, 12747
seed testing 7836, 9044	genetic variance 10285	yield correlations 142, 177, 2429-2431,
seedlings 2415	heritability 10285	2458, 3465, 4381-4382, 5370-5372,
seeds 186, 3460, 3474, 7811, 11581,	toxic substances 203, 1421, 1428, 2396,	6563, 7816, 7854, 9040-9041,
11635	3487, 3489, 4415-4416, 5398, 7847,	10281-10282, 11579, 11601, 12735
gene expression 11575, 12741		yields 6632, 12742
gene location 5352	11632, 11636	artificial selection 209, 6622, 10244
sexual reproduction 11566	chromosome addition 6691	combining ability 11641
Sitobion avenae 223, 2478, 7870-7871,	gene expression 11637	
9081	genetics 3491	genetics 4372, 5359
Sitodiplosis mosellana 11657	nucleotide sequences 11637	genotype environment interaction
sodium, heritability 2665	translocation 3460	2432, 2453, 11600 hotomorie 3463
	transposable elements, molecular genetics	heterosis 3463
soil bacteria 12750	6608	pleiotropy 7806
soil pH 142, 2396, 11632, 11636	trihydroxystilbene synthase, genetic trans-	stability 9055, 11600
soil toxicity, germplasm releases 1427	formation 10946	Zea, intergeneric hybridization 11557
solar radiation 160	triticale	Zea mays, intergeneric hybridization
somaclonal variation 5346, 7820, 11604	chromosome translocation 6559	1400, 3449, 4357, 5347, 7795-7796,
somatic embryogenesis 179	intergeneric hybridization 273, 4352,	8994
source sink relations 172, 4410	4406, 6559, 7791, 10342,	zinc 198, 3486, 4373, 10272, 11636,
artificial selection 6553	10345, 11656	12750
sowing date 208, 1419, 3454, 5349,		chromosome addition 3542, 4373
5370, 9038, 11621, 11625, 11628	tubulin 159	gene location 3542
space flight 7792	Typhula 2465	Triticum araraticum
spikelets	ultrastructure 11566	chromosome pairing 10268
gene location 11593	Urocystis agropyri 5316	interspecific hybridization 10268
gene mapping 12733	Ustilago segetum	Triticum boeoticum
genetics 11593, 12733	genetics 7862	DNA fingerprinting 7837
heterosis 11577	germplasm releases 10303	domestication 2454, 7837
mutations 11593	variety classification 1408, 3464	gene mapping 4342
	variety trials 145, 185, 4296, 5323, 5358,	gliadin 11592
spring and winter habit 3490	5380, 6576-6586, 6599, 7764,	glutenins 1413, 4399, 11592
chromosome substitution 1407, 9034	9003-9004, 10246-10248, 11534-	
gene location 9034	11536, 12714-12716	interspecific hybridization 5350, 9076
gene mapping 11591	statistics 1375	phylogeny, amplified fragment length
pleiotropy 1407	vascular system 164	polymorphism 2454
reciprocal effects 144	vernalization 2416, 2419, 2457, 3454,	random amplified polymorphic DNA
restriction fragment length polymor-	4376	4342 DNA 4242
phism 9034, 11591	artificial selection 4378	repetitive DNA 4342
sprouting 167, 7805, 11579, 12731	chromosome substitution 9032, 9034	ribosomal DNA, nucleotide sequences
artificial selection 10252		6605
genetics 168	gene location 9034	taxonomy 197
stability 7844	gene mapping 11591	Triticum dicoccoides
starch 192-193, 1417, 3479, 7825	genetic transformation 7804	chromosome substitution 3481
starch branching enzyme, gene mapping	genetics 2420, 4375, 4380, 9032,	drought resistance 4310
3453	11588	germination 11590
starch synthase 3464	nucleotide sequences 1398	glutenins 11589
genetic transformation 7831	restriction fragment length polymor-	growth period 173, 9028
genetics 12730	phism 9034, 11591	interspecific hybridization 1416, 3481,
mutations 3480	viruses 10254	6569
polymorphism 12743	vomitoxin 4311	isoenzymes 12712
stems 6612	water balance 207, 1404, 3455, 11572	Leptosphaeria nodorum, nucleocytoplas-
gene location 11594	chromosome translocation 163	mic interaction 5403
genetic variance 11578, 11597	gene location 163	microsatellites 5332
	waterlogging 5397	proteins, gene mapping 1416
genetics 11594	combining ability 2460	vernalization 173
sterility 7846	weeds, competitive ability 9083	water balance 4310
stomata	wheat soil-borne mosaic furovirus, genet-	Triticum dicoccum
artificial selection 5354	ics 9079	cultivars, Davide 11541
genetics 169	wheat streak mosaic rymovirus	Dasypyrum villosum, intergeneric hybrid-
heterosis 169	chromosome banding 4436	ization 9014
stress 4410, 4414	chromosome translocation 4436,	development 2418
artificial selection 6553		
gene expression 12753	11640	genetic resources 4325, 6568
sugars 4388	DNA hybridization 11640	interspecific hybridization 11541
sulfur dioxide 204	fluorescence in situ hybridization	morphology 4325
superoxide dismutase 9022, 11553	4436	plant introduction 9001
taxonomy 4403	wide hybridization 10300	tillering 2418
temperature 5349, 5412, 7803, 7805	yield components 172, 1405, 5362, 5372,	variety trials 6587, 9001
anther culture 12739	9069, 12738	Triticum durum
thaumatin	artificial selection 6564, 7768, 11599	Aegilops, intergeneric hybridization
nucleotide sequences 1396	chromosome substitution 1407	11577, 11660
restriction fragment length polymor-	chromosome translocation 163, 5357,	Aegilops ventricosa, intergeneric hybridi-
phism 1396	9050, 12734	zation 11558
thiol proteases, gene expression 12726	combining ability 175-176, 2420,	amylose, genetics 10287
	4355, 5366, 5369, 5395	aneuploidy 9018
thionins	epistasis 2433, 10279, 11598	anther culture 4384
nucleotide sequences 4299	gene location 163	boron 1420, 4415
polymerase chain reaction 4299	genetic markers 12734	breeding 165, 4335, 11527
thioredoxins	genetic variance 176, 3466, 10279,	history 4316
gene expression 6606		cadmium 9065
nucleotide sequences 6606	11586, 11597	genetics 3461
Thysanoptera 12770	genetics 5367, 7800, 7815, 12729	germplasm releases 1409
tillering 2394, 2418	genotype environment interaction	
heterosis 11577	201, 2433, 2455, 11602, 11622,	chlorophyll, artificial selection 9039
Tilletia contraversa 1394	11627, 12749	chromosome aberrations 5341

riticum durum cont.	Triticum durum cont. quantitative traits, multivariate analysis	nomenclature 12746
chromosome addition 2408 chromosome banding 2408, 5338	1410	nutrients 12732
chromosome morphology 153	random amplified polymorphic DNA	plant composition 12732
chromosome number 11558	1395, 12719	plant introduction 9001
chromosome pairing 11561, 11564	restriction fragment length polymorphism	quality 2441
chromosome substitution 3481	2408	random amplified polymorphic DNA 6602
cold resistance, combining ability 4409	salinity 5396 seed aging 5341	seeds 7811
composite varieties 11532 cultivars 4296	seeds, gene location 5352	spring and winter habit
Beloslava 10261	sodium 5396	chromosome substitution 9034
Dasypyrum villosum	soil pH 142	gene location 9034
intergeneric hybridization 9073	sowing date 2456, 5370, 12748	restriction fragment length polymor-
Secale cereale, intergeneric hybridiza-	spikelets, heterosis 11577	phism 9034
tion 11561	stability 4401	starch synthase, polymorphism 12743
development 2418, 9033	stems 6612	stems 6612
drought resistance 205, 4310, 4316,	stomata	variety trials 6572-6575, 6587, 7769, 9001
4407, 5400, 9059, 10297, 11629, 11631	genetics 5365 heritability 5365	vernalization
artificial selection 9039	Thinopyrum distichum, intergeneric	chromosome substitution 9034
heritability 4417	hybridization 2408	gene location 9034
Elymus, intergeneric hybridization 4352,	thioredoxins	restriction fragment length polymor-
4441	gene expression 6606	phism 9034
Elymus farctus, intergeneric hybridization	nucleotide sequences 6606	Triticum sphaerococcum
1395	tillering 2418	chromosome pairing 4349
Elymus hispidus, intergeneric hybridiza-	heterosis 11577	Hordeum chilense, intergeneric hybridiza-
tion 5338, 11564	toxic substances 1420, 4415, 9065	tion 258 interspecific hybridization 4349
embryology 9033 endosperm 11608	transpiration genetics 5365	Tilletia indica 258
enzymes 11608	heritability 5365	Triticum timopheevii
Erysiphe graminis 6643, 9073	triticale, intergeneric hybridization 4352	adenosinetriphosphatase
experimental design 6567	Urocystis agropyri 5316	mitochondrial genetics 4366
fluorescence in situ hybridization 2408	variety classification 4371	nucleocytoplasmic interaction 4366
fungi 6642	variety trials 4296, 6567, 6588-6598,	cell culture 7798, 9042
genetic resources 10245, 11528, 11530,	6628, 9002, 11536, 12715	cell division 7798, 9042
11532, 12767	water balance 4310, 9059	chromosome morphology, somaclonal variation 7794
genotype environment interaction, mathematics 10295	yield components 2456, 12737 genetics 11596	chromosome number, somaclonal varia-
gliadin 4398	genotype environment interaction	tion 7794
gene expression 6638	201, 2455, 11602	chromosome pairing 4349
glufosinate	heritability 5370	interspecific hybridization 4349, 5350
gene expression 2403	stability 4404	Triticum turgidum
genetic transformation 2403	yield correlations 142, 5370, 7818, 11595	Aegilops tauschii, intergeneric hybridiza-
glutenins 4398, 4401	yields 9065	tion 3507, 5415
chromosome translocation 9049	artificial selection 9039	Aegilops triuncialis, intergeneric hybridi-
gene expression 6638 genetics 2443, 9045	Zea mays, intergeneric hybridization 12724	zation 10309 chromosome translocation 6566
nucleotide sequences 2444	zinc 198, 9065	Elymus, intergeneric hybridization 4352
growth period 165-166	Triticum macha	genetics 6566
haploidy 5345, 6612, 12724	interspecific hybridization 2412, 2463	hybrid necrosis, genetics 7790
heat resistance 5400	waterlogging, genetics 2463	inflorescences, genetics 7813
track about most in a serie and an arrangement	m tit	interspecific hybridization 2412, 7790,
heat shock proteins, gene expression	Triticum monococcum	
6638	chromosome pairing 10268	7813, 11596
6638 internodes, heterosis 11577	chromosome pairing 10268 gene banks 9035	7813, 11596 nomenclature 12746
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416,	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382,	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382,	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076,	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides,	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymor-
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352
6638 internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia graminis, genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia graminis, genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073 genetics 6642, 7863, 11649 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia graminis, genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073 genetics 6642, 7863, 11649 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220 genetics 1438	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344 sprouting, genetics 10344 taxonomy 197 triticale, intergeneric hybridization 10344	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197 Triticum zhukovskyi haploidy 5345, 6612 morphology 5345
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073 genetics 6642, 7863, 11649 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220 genetics 1438 random amplified polymorphic DNA	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344 sprouting, genetics 10344 taxonomy 197 triticale, intergeneric hybridization 10344 Triticum polonicum	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197 Triticum zhukovskyi haploidy 5345, 6612 morphology 5345 stems 6612
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073 genetics 6642, 7863, 11649 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220 genetics 1438 random amplified polymorphic DNA	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia graminis, genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344 sprouting, genetics 10344 taxonomy 197 triticale, intergeneric hybridization 10344 Triticum polonicum interspecific hybridization 5382	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197 Triticum zhukovskyi haploidy 5345, 6612 morphology 5345 stems 6612 Trochetia blackburniana
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073 genetics 6642, 7863, 11649 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220 genetics 1438 random amplified polymorphic DNA 220 restriction fragment length polymor-	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344 sprouting, genetics 10344 taxonomy 197 triticale, intergeneric hybridization 10344 Triticum polonicum interspecific hybridization 5382 quality, genetics 5382	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197 Triticum zhukovskyi haploidy 5345, 6612 morphology 5345 stems 6612 Trochetia blackburniana nectar 10015
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073 genetics 6642, 7863, 11649 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220 genetics 1438 random amplified polymorphic DNA 220 restriction fragment length polymorphism 220	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344 sprouting, genetics 10344 taxonomy 197 triticale, intergeneric hybridization 10344 Triticum polonicum interspecific hybridization 5382 quality, genetics 5382 Triticum spelta	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197 Triticum zhukovskyi haploidy 5345, 6612 morphology 5345 stems 6612 Trochetia blackburniana nectar 10015 pollination 10015
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073 genetics 6642, 7863, 11649 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220 genetics 1438 random amplified polymorphic DNA 220 restriction fragment length polymorphism 220 quality 1415, 4392, 4395, 4401, 6628,	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344 sprouting, genetics 10344 taxonomy 197 triticale, intergeneric hybridization 10344 Triticum polonicum interspecific hybridization 5382 quality, genetics 5382 Triticum spelta breeding, conferences 7630	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197 Triticum zhukovskyi haploidy 5345, 6612 morphology 5345 stems 6612 Trochetia blackburniana nectar 10015 pollination 10015 Tropaeolum majus
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073 genetics 6642, 7863, 11649 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220 genetics 1438 random amplified polymorphic DNA 220 restriction fragment length polymorphism 220 quality 1415, 4392, 4395, 4401, 6628, 9047-9048, 11615	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344 sprouting, genetics 10344 taxonomy 197 triticale, intergeneric hybridization 10344 Triticum polonicum interspecific hybridization 5382 quality, genetics 5382 Triticum spelta breeding, conferences 7630 Erysiphe graminis, gene location 10302	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197 Triticum zhukovskyi haploidy 5345, 6612 morphology 5345 stems 6612 Trochetia blackburniana nectar 10015 pollination 10015 Tropaeolum majus β-glucosidase
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073 genetics 6642, 7863, 11649 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220 genetics 1438 random amplified polymorphic DNA 220 restriction fragment length polymorphism 220 quality 1415, 4392, 4395, 4401, 6628,	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344 sprouting, genetics 10344 taxonomy 197 triticale, intergeneric hybridization 10344 Triticum polonicum interspecific hybridization 5382 quality, genetics 5382 Triticum spelta breeding, conferences 7630	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197 Triticum zhukovskyi haploidy 5345, 6612 morphology 5345 stems 6612 Trochetia blackburniana nectar 10015 pollination 10015 Tropaeolum majus β-glucosidase gene expression 12522
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073 genetics 6642, 7863, 11649 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220 genetics 1438 random amplified polymorphic DNA 220 restriction fragment length polymorphism 220 quality 1415, 4392, 4395, 4401, 6628, 9047-9048, 11615 chromosome substitution 3481 combining ability 4409 genetics 9045	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344 sprouting, genetics 10344 taxonomy 197 triticale, intergeneric hybridization 10344 Triticum polonicum interspecific hybridization 5382 quality, genetics 5382 Triticum spelta breeding, conferences 7630 Erysiphe graminis, gene location 10302 fibre 7811 genetic resources 4325 haploidy 5345, 6612	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197 Triticum zhukovskyi haploidy 5345, 6612 morphology 5345 stems 6612 Trochetia blackburniana nectar 10015 pollination 10015 Tropaeolum majus β-glucosidase
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220 genetics 1438 random amplified polymorphic DNA 220 restriction fragment length polymorphism 220 quality 1415, 4392, 4395, 4401, 6628, 9047-9048, 11615 chromosome substitution 3481 combining ability 4409 genetics 9045 genotype environment interaction	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344 sprouting, genetics 10344 taxonomy 197 triticale, intergeneric hybridization 10344 Triticum polonicum interspecific hybridization 5382 quality, genetics 5382 Triticum spelta breeding, conferences 7630 Erysiphe graminis, gene location 10302 fibre 7811 genetic resources 4325 haploidy 5345, 6612 hybrid varieties 7769	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197 Triticum zhukovskyi haploidy 5345, 6612 morphology 5345 stems 6612 Trochetia blackburniana nectar 10015 pollination 10015 Tropaeolum majus β-glucosidase gene expression 12522 nucleotide sequences 12522 Tropical fruits biotechnology, conferences 13622
internodes, heterosis 11577 interspecific hybridization 220, 1416, 1429, 1432, 3481, 4417, 5382, 6643, 9049, 9073, 11541, 11596 manganese 6641 morphology 5345 gene location 9018 mycorrhizas 205 nitrogen 9065 nutrients 198, 5396, 9065, 12748 pathogens 4419 phenols, gene location 5352 phosphorus 9065 photoperiodism 166 germplasm releases 12717 photosynthesis 7802 plant disorders 12748 polyploidy 9033 proteins 6628 Puccinia graminis 9073 genetics 217 Puccinia recondita 9073 genetics 6642, 7863, 11649 Puccinia striiformis 9073, 12767 gene mapping 220 genetics 1438 random amplified polymorphic DNA 220 restriction fragment length polymorphism 220 quality 1415, 4392, 4395, 4401, 6628, 9047-9048, 11615 chromosome substitution 3481 combining ability 4409 genetics 9045	chromosome pairing 10268 gene banks 9035 gene mapping 4342 genetic resources 4325, 11531 glutenins 1413, 4399 interspecific hybridization 7858, 9076, 10268 isoenzymes, genetic variation 9035 morphology 4325 nucleolus organizer, recombination 10269 Pseudocercosporella herpotrichoides, genetics 2464 Puccinia graminis, genetics 11648 Puccinia recondita 3502 genetics 11648 quality 2441 random amplified polymorphic DNA 4342 repetitive DNA 4342 nucleotide sequences 9011 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 Secale cereale, intergeneric hybridization 10344 sprouting, genetics 10344 taxonomy 197 triticale, intergeneric hybridization 10344 Triticum polonicum interspecific hybridization 5382 quality, genetics 5382 Triticum spelta breeding, conferences 7630 Erysiphe graminis, gene location 10302 fibre 7811 genetic resources 4325 haploidy 5345, 6612	7813, 11596 nomenclature 12746 polyploidy 6566 Puccinia recondita 4433 gene mapping 3507 genetic markers 3507 Secale cereale, intergeneric hybridization 4353 Tilletia indica genetic markers 5415 restriction fragment length polymorphism 5415 triticale, intergeneric hybridization 4352 yield components chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462 genetics 11596 stability 7838 Triticum urartu gliadin 11592 glutenins 1413, 4399, 11592 ribosomal DNA, nucleotide sequences 6605 taxonomy 197 Triticum zhukovskyi haploidy 5345, 6612 morphology 5345 stems 6612 Trochetia blackburniana nectar 10015 pollination 10015 Tropaeolum majus β-glucosidase gene expression 12522 nucleotide sequences 12522 Tropical fruits

Promiser :	(m. ). 14	
ropisms	α-Tubulin cont.	Ubiquitin cont.
Arabidopsis thaliana	Zea mays	Žea mays
gene expression 11430	gene expression 11700	gene expression 10366
genetics 79	genetic engineering 11700	genetic engineering 10366, 11782
mutations 79, 8951		
	Tulip breaking potyvirus	promoters 11782
nucleotide sequences 11430	Tulipa fosteriana, artificial selection	Ubiquitin conjugating enzyme
Brassica napus (rape), genetic transfor-	11313	Lycopersicon esculentum
mation 879	Tulipa gesneriana, artificial selection	gene expression 7070
evolution 11499	11313	
		nucleotide sequences 7070
molecular genetics 11499	Tulipa	Ubiquitin conjugating enzymes
Nicotiana sylvestris, mutations 9888	breeding 6360	Arabidopsis thaliana
Pinus pinaster, heritability 2175	carbohydrates, gene expression 11308	gene expression 5224
True seeds, Solanum tuberosum 680-681,	Fusarium oxysporum, artificial selection	nucleotide sequences 5224
2881, 4689	11292	
		UDPglucose 4-epimerase, Arabidopsis
Trypsin inhibitors	gene banks 11307	thaliana, gene expression 6497
Brassica oleracea (cauliflowers)	interspecific hybridization 11306	UK, reports, John Innes Centre and Sain-
gene expression 12052	pollination 11306	sbury Laboratory 13615
genetic transformation 12052	quality 11311	Ulmus
Erythrina variegata, molecular genetics	genetics 11304	chromosome number 6273
4077	somatic embryogenesis 11310	cryopreservation 7428
Fragaria ananassa, genetic transforma-	storage 11307	Ulmus davidiana
tion 6025	taxonomy 11312	interspecific hybridization 6274, 7454
Glycine max 2798		
	translocation, gene expression 11308	Pyrrhalta luteola 6274
mutations 9399	Tulipa agenensis	tissue culture 7454
Glycine soja, polymorphism 9393	embryology 1119	Ulmus pumila
Hordeum spontaneum 240	interspecific hybridization 1119, 11306	Agrobacterium tumefaciens, genetic
Hordeum vulgare 240		
	pollination 11306	transformation 9896
Ipomoea batatas	Tulipa fosteriana	interspecific hybridization 6274, 7454
gene expression 12052	interspecific hybridization 11313	Pyrrhalta luteola 6274
genetic engineering 12052	tulip breaking potyvirus, artificial selec-	tissue culture 7454, 9896
	tion 11313	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
Nicotiana tabacum, genetic transforma-		Ulmus wilsoniana
tion 2128	Tulipa gesneriana	interspecific hybridization 6274
Oryza sativa	embryology 1119	Pyrrhalta luteola 6274
gene expression 11853	hybridization 1119	Ultrastructure
genetic transformation 11853	in vitro selection 11287	Brassica 12281
Pisum sativum	interspecific hybridization 1119, 11306,	Camellia 9855
gene expression 4656, 13119	11313	Digitaria sanguinalis 10582
genetic transformation 13119	pollen culture 11309	Lolium perenne 10582
triticale 275	pollination 11306	Oryza sativa 10553
Vicia faba, artificial selection 13103	tulip breaking potyvirus, artificial selec-	Paspalum dilatatum 10582
Vigna unguiculata, genetic engineering	tion 11313	techniques 10225
2128	Tulipa heweri, taxonomy 6361	Triticum aestivum 11566
<b>Fryptophan</b>	Tulipa whittalii	Zea mays 10582
Arabidopsis thaliana	ribosomal RNA	Ultraviolet radiation
gene expression 12649	DNA binding proteins 5123	angiosperms 8976
mutations 12649	gene expression 5123	Arabidopsis thaliana 1324, 4948, 5240,
nucleotide sequences 12649	Tumours	7731
Zea mays	Nicotiana glauca, mutations 11137	development 12646
genetics 10476	Nicotiana langsdorffii, mutations 11137	gene expression 12638
heterosis 10476	Tungro spherical waikavirus, Oryza sativa,	Brassica napus (rape) 4948
Tuber himalayense, restriction fragment	conferences 5177	Brassica oleracea (cabbages) 7042
length polymorphism 3339	Tungsten	Citrus paradisi 7222
Tuber indicum, restriction fragment length	Glycine max, in vitro selection 960	Cymbidium 6364
polymorphism 3339	Nicotiana tabacum, in vitro selection 960	Lycopersicon esculentum, gene expres-
Tuber melanosporum	Turnera krapovickasii	sion 12100
	heterostyly	Picea abies 9978
microsatellites 12577		
random amplified polymorphic DNA	gene mapping 907	Pisum sativum 4658
12577	linkage 907	gene expression 2839
restriction fragment length polymorphism	Turnera scabra	Prunus persica 1922
3339	heterostyly	Uncinula necator
Tuber sinense, restriction fragment length	gene mapping 907	Vitis 1952
polymorphism 3339	linkage 907	genetics 3054
Tubers	Turnera subulata	Vitis vinifera 1949, 1951, 8457, 10952
Dioscorea 5842	heterostyly	Uncoupling proteins
	gene manning 007	Solanum tuberosum
Solanum gourlayi 13164	gene mapping 907	
Solanum kurtzianum 13164	linkage 907	gene expression 1761
Solanum microdontum 13164	Turnera ulmifolia	nucleotide sequences 1761
Solanum tuberosum	chloroplast genetics 9819	2-Undecanone
		Lycopersicon esculentum 745, 757
combining ability 5800	cytoplasmic inheritance 9819	
gene expression 12030	Turnip crinkle carmovirus	Lycopersicon hirsutum 745, 757
genetic transformation 12030	Arabidopsis thaliana	Unreduced gametes
Tubulin Tubulin	gene expression 2361	Aegilops tauschii 1368
		Lotus tenuis, artificial selection 13054
Aegilops caudata 159	genetic transformation 2361	
Aegilops kotschyi 159	Turnip mosaic potyvirus	Medicago sativa 519, 8177
Arabidopsis thaliana, gene expression	Brassica campestris (turnips) 1808	mutations 2736
10168	Brassica chinensis 1808	random amplified polymorphic DNA
		2736
Atropa belladonna, induced mutations	Brassica juncea 1808	
3179	artificial selection 12293	restriction fragment length polymor-
Cicer arietinum	Brassica pekinensis 1808	phism 2736
gene expression 10707	artificial selection 10794	Musa 6045, 8463
nucleotide comences 10707		Populus 9951
nucleotide sequences 10707	Tylenchulus semipenetrans, Citrus 6055	
Nicotiana plumbaginifolia	Typhula, Triticum aestivum 2465	Populus tomentosa 7445
induced mutations 3179	Ubiquinones, Arabidopsis thaliana, gene	Prunus avium 3015
mutations 13444	expression 8930	Prunus cerasus 3015
	Ubiquitin	Saccharum 2078
Nicotiana sylvestris, induced mutations		Solanum 10739
3179	Arabidopsis thaliana, mutations 10176	
Triticum aestivum 159	Nicotiana tabacum	Solanum sparsipilum 696
x-Tubulin	gene expression 9876	Solanum tuberosum 683, 696, 4687,
Nicotiana tabacum	genetic transformation 9876, 12411	10739
		Solanum vernei 696
gene expression 11700	Oryza sativa, genetic transformation	Trifolium repens 542
genetic transformation 11700	10366	

Variety classification cont.

Unreduced gametes cont. triticale 1368 Vaccinium corymbosum, random amplified polymorphic DNA 831 Vaccinium darrowii, random amplified polymorphic DNA 831 Vitis 12231 Urate oxidase Glycine max gene expression 3723 nucleotide sequences 3723 Uredo, Chrysanthemum frutescens 5111 Urocystis agropyri triticale 5316 Triticum aestivum 5316 Triticum durum 5316 Uroleucon compositae, Carthamus tinctorius 8539 Uromyces appendiculatus
Phaseolus acutifolius, genetics 6934
Phaseolus vulgaris 13116
Vigna unguiculata 8298, 9499
genetics 6970, 8299
induced mutations 6071 induced mutations 6971 Uromyces dianthi, Dianthus caryophyllus Uromyces transversalis, Gladiolus tristis, genetics 11295 Uromyces viciae-fabae Lens culinaris 10704 genetics 10705 Uroporphyrinogen decarboxylase Nicotiana tabacum, genetic transformation 12404 Zea mays, nucleotide sequences 11739 Uroporphyrinogen-III methyltransferase Arabidopsis thaliana gene expression 1317 nucleotide sequences 1317 USA reports Cooperative Forest Genetics Research Program 8861 Cooperative Forest Tree Improvement Program 8862 Ustilago panici-frumentacei, Echinochloa frumentacea 3598 Ustilago scitaminea Saccharum, genetic markers 8603 Saccharum officinarum 4002, 9829 Ustilago segetum cereals 5314 Hordeum vulgare 4466 Triticum aestivum genetics 7862 germplasm releases 10303 Ustilago zeae Zea diploperennis 10491 Zea mays 9181, 10490-10491 techniques 5537 Zea perennis 10491 Vaccines genetic transformation, reviews 5209 Nicotiana tabacum, genetic transformation 5201 Solanum tuberosum 9522 genetic transformation 3786, 5201 amplified fragment length polymorphism breeding 7171-7172 conferences 8863 cold resistance 7179 Colletotrichum acutatum 7181 genetic engineering, reviews 7173 genetics 7178 height 7179 interspecific hybridization 7176 isoenzymes heterozygosity 12206 polyploidy 12206 pollination 7178 random amplified polymorphic DNA 7174 Sclerotinia vaccinii-corymbosi 7181-7182 taxonomy 7178 tissue culture, reviews 7173 Vaccinium ashei Botryosphaeria dothidea 7180 breeding 3024 cultivars, Austin 6017

Vaccinium ashei cont. fruits 12207 xenia 7177 interspecific hybridization 8441 plant composition 12207 Vaccinium constablaei, interspecific hybridization 8441 Vaccinium corymbosum cultivars, Misty 6018 fruits, xenia 7177 interspecific hybridization 831, 8441, 10941 ovules 3906 pollination 3906, 4811 Sclerotinia vaccinii-corymbosi 1929 unreduced gametes, random amplified polymorphic DNA 831 Vaccinium darrowii interspecific hybridization 831, 10941 unreduced gametes, random amplified polymorphic DNA 831 Vaccinium macrocarpon interspecific hybridization 7175 nectar 3908 Vaccinium myrtillus flowering 3907 pollination 3907 Vaccinium reticulatum, interspecific hybridization 7175
Vaccinium uliginosum flowering 3907 pollination 3907 Vaccinium vitis-idaea breeding 7170 flowering 3907 genetic resources 7170 interspecific hybridization 7175 pollination 3907 Valeriana, essential oils 4181 Valeriana jatamansii, chromosome morphology 7580

Valeriana officinalis
breeding 2231 chromosome morphology 7580 essential oils 1155, 1168, 1179, 4181 artificial selection 12561 in vitro culture 1179
Valerianella locusta, variety trials 735
Vanda, breeding, books 4214
Vanda cristata, tissue culture 4157
Vanilla planifolia embryo culture 8848 somaclonal variation 8848 Variegation Arabidopsis thaliana 11509 Brassica 11509 Collinsia heterophylla, genetics 10019 Cryptomeria japonica, genetics 8726 genetics 1366 Juniperus conferta 11223 Malus pumila, induced mutations 804 Nicotiana tabacum 11509 Varieties (see cultivars within each crop species) (see also Composite varieties; Germplasm releases; Hybrid varieties; Synthetic varieties Variety classification
Abelmoschus esculentus 7119 Actinidia deliciosa, random amplified polymorphic DNA 4886

Amelanchier alnifolia, random amplified polymorphic DNA 6001 Amelanchier sanguinea, random amplified polymorphic DNA 6001

Ananas comosus 9722 computer programming 9723

Annona cherimola 7249, 8486

Annona squamosa 7249

Asparagus officinalis, random amplified polymorphic DNA 12085

Avena sativa 265, 4471, 6678

random amplified polymorphic DNA random amplified polymorphic DNA 11519 Brassica juncea, random amplified polymorphic DNA 11001
Brassica napus 11004 Brassica napus (rape) 3966, 7268 random amplified polymorphic DNA

Camellia sinensis, random amplified polymorphic DNA 7364 Cicer arietinum, molecular genetics 11993 Citrus aurantium 8467 Citrus sinensis esterases 12253 peroxidases 12253 Cocos nucifera 4977 Coffea arabica 12372 Coffea canephora 12372 Colocasia esculenta, isoenzymes 12060 Cucumis melo, polymerase chain reaction 13241 Cyclamen persicum, random amplified polymorphic DNA 2193 Cymbidium, random amplified polymorphic DNA 6362 Cynodon, molecular genetics 502 Daucus carota 5825 random amplified polymorphic DNA 5817 Diospyros kaki 4924 Durio zibethinus leaves 10979 morphology 10979 Festuca pratensis 2716
Flammulina velutipes, random amplified polymorphic DNA 7620
Fragaria ananassa 4840, 12215
Glycine max 9390
DNA fingerprinting 1680
polymerses chain reaction 6000 polymerase chain reaction 6909 random amplified polymorphic DNA 1679 repetitive DNA 1680 Glycine soja, polymerase chain reaction 6909 Heliconia, random amplified polymorphic DNA 7532 Heliconia psittacorum, random amplified polymorphic DNA 7532 Hordeum vulgare 2498 amplified fragment length polymor-phism 229, 2497 genetic markers 229, 6656 polymorphism 9098 random amplified polymorphic DNA 229, 11519 repetitive DNA 229 restriction fragment length polymor-phism 229 Ixora, random amplified polymorphic DNA 3254 Juglans regia, random amplified polymorphic DNA 9749 Lens culinaris mitochondrial genetics 5769 restriction fragment length polymor-phism 5769 Lens orientalis mitochondrial genetics 5769 restriction fragment length polymor-phism 5769 Lilium longiflorum 7560 Lolium perenne amplified fragment length polymor-phism 6861, 8142 random amplified polymorphic DNA 5659 restriction fragment length polymor-phism 11877 Malus floribunda, repetitive DNA 10866 Malus pumila 1906 amplified fragment length polymorphism 12152 multivariate analysis 3873 repetitive DNA 10866 Manihot esculenta, random amplified polymorphic DNA 2889, 10762 Medicago sativa, random amplified polymorphic DNA 3688 Musa 10959 polymerase chain reaction 6041 repetitive DNA 12248 Olea europaea 3116, 7324, 9808

random amplified polymorphic DNA

6100

ornamental plants 11218

Opuntia 860

Variety classification cont.	Variety trials cont.	Variety trials cont.
Oryza sativa 3638 polymerase chain reaction 9225	Allium porrum 13186	Oryza sativa 353, 1558-1559, 2627-262
Paeonia rockii 11220	Allium sativum 5860 Anacardium occidentale 10992	3603-3605, 3607, 3622, 5572, 561
Paeonia suffruticosa, random amplified	Arachis hypogaea 3117, 8546-8550, 9810	6746, 6750, 6810, 11772-11773, 12925-12926
polymorphic DNA 4105	Asparagus officinalis 7048-7049	mathematics 12927
Pelargonium hortorum, DNA fingerprint-	Avena sativa 260, 2520, 4296, 6675,	Panicum maximum 11753
ing 6308	7764, 9116-9117	Passiflora 13335
Pelargonium peltatum, DNA fingerprint-	Azolla microphylla 10091	Penstemon 4132
ing 6308	Beta vulgaris (sugarbeet) 2084, 4003,	Phaseolus vulgaris 1699-1700, 2815-
Persea americana, restriction fragment	6142-6144, 7362, 8610-8612, 9835-	2816, 5746, 10677, 11966
length polymorphism 12257	9839, 11072-11073, 12355-12358,	Phleum pratense 2700, 8125
Petunia hybrida, random amplified	12365	Piper nigrum 3326
polymorphic DNA 2193  Phalaenopsis, amplified fragment length	Brassica campestris (toria) 11000	Pistacia vera 13345
polymorphism 7491	Brassica napus (rape) 3083, 6073, 8495 statistics 8496	Pisum sativum 617-618, 1710, 5757, 10680
Phaseolus vulgaris 2820	Brassica oleracea 7035	Poa pratensis 2700
DNA fingerprinting 11969	Brassica oleracea (cauliflowers) 723	Populus 5061
microsatellites 11969	Brassica oleracea (kohlrabi) 12088	Populus trichocorpa 5061
Phoenix dactylifera, random amplified	Cajanus cajan 652, 1734, 1736, 2849	Prunus armeniaca 3003, 10889
polymorphic DNA 13331	Camellia sinensis 7363	Prunus avium 10900
Pistacia, isoenzymes 6072	Capsicum annuum 5940, 13234	Prunus cerasus 10901
Pistacia vera 8493 Pisum sativum 11983	Carya illinoinensis 865, 2008	Prunus dulcis 7253
polymorphism 2837	Centrosema brasilianum 6896	Prunus emarginata 10900 Prunus mume 9649
Poa alpina 488	cereals 2392	Prunus persica 12183-12184
Prunus armeniaca, restriction fragment	Chenopodium quinoa 6852	Prunus (plums) 8422, 10896
length polymorphism 9654	Chrysanthemum morifolium 1074 Cicer arietinum 648	Psidium guajava 7241, 9735
Prunus avium, random amplified	Cichorium endivia 733-734	Ribes (black currants) 7169
polymorphic DNA 8426	Cichorium intybus 13203	Ribes rubrum 12205
Prunus dulcis 4935	Coffea canephora 2096	Rosa 7512
Prunus mume 10894	Coleus forskohlii 11328	Saccharum officinarum 2074, 6119-6120
Prunus persica	Colocasia esculenta 1794	8590, 9824, 11058-11059, 11066,
amplified fragment length polymor-	computer programming 7659	12344-12345, 13391-13393 Salvia 4133
phism 10920 random amplified polymorphic DNA	crops 1363-1364, 2289, 11505	Secale cereale 6685
10920	statistics 2302	Sesamum indicum 3123
restriction fragment length polymor-	Cucumis melo 2973	Solanum tuberosum 4689, 5792', 9509,
phism 10920	Cucumis sativus 1875, 5901, 12139	10729-10731
Quercus 6268	Cucurbita pepo 12138 Dactylis glomerata 483, 2700	Sorghum bicolor 329, 6733, 12903-1290
Rhododendron 6268	databases 7661	Spinacia oleracea 2939
Rhododendron simsii, amplified fragment	Daucus carota 5813-5814	Trifolium incarnatum 11908
length polymorphism 7491	Elettaria cardamomum 8843	Trifolium pratense 2753, 5645, 9295
Rosa 5096, 8762	Fagopyrum esculentum 13027	Trifolium repens 8125
amplified fragment length polymor- phism 7491	Festuca arundinacea 483, 500	triticale 2532, 4474, 6692, 7911, 12835- 12837
Rosa laevigata, random amplified	Festuca pratensis 2700, 2707, 9295	Triticum aestivum 145, 185, 4296, 5323
polymorphic DNA 4128	Fragaria ananassa 3026-3028, 3030,	5358, 5380, 6576-6586, 6599, 776
Rubus idaeus, random amplified	4827-4833, 4857, 6019, 10942,	9003-9004, 10246-10248, 11534-
polymorphic DNA 8439	12210	11536, 12714-12716
Rubus occidentalis, random amplified	Glycine max 2774-2775, 9358-9360 Gossypium 3190, 6195, 6197, 9917	statistics 1375
polymorphic DNA 8439	Gossypium 1190, 0193, 0197, 9917 Gossypium hirsutum 7399-7400, 7416,	Triticum dicoccum 6587, 9001
Saccharum 913-914	8661, 9914-9916, 11140-11141	Triticum durum 4296, 6567, 6588-6598,
random amplified polymorphic DNA 4990	grasses 5645	6628, 9002, 11536, 12715
Solanum tuberosum	Helianthus annuus 8532, 11027	Triticum spelta 6572-6575, 6587, 7769, 9001
amplified fragment length polymor-	Helianthus tuberosus 2920	Valerianella locusta 735
phism 9518	Hevea brasiliensis 11166-11167, 11171	Vigna mungo 666
random amplified polymorphic DNA	Hordeum vulgare 4296, 7764, 7895,	Vigna radiata 6973
3785	10312-10314, 10334, 12777-12778	Vigna unguiculata 12014
Sorghum bicolor 2614	computer programming 7874	Viola 3264
techniques 7666	multivariate analysis 7874 Humulus lupulus 12573, 13609	Viola wittrockiana 3264
Trifolium subterraneum 5700	information processing, conferences 7629	Vitis vinifera 3913, 7192, 12225-12226
triticale, random amplified polymorphic	Ipomoea batatas 704, 8333	Zea mays 278, 316, 2552-2553, 2588, 2591-2592, 7923-7925, 7945, 913
DNA 11519	Iris hybrida 6353	10356-10359, 11720
Triticum aestivum 1408, 3464 Triticum durum 4371	Iris sibirica 6353	statistics 1483
Vetiveria zizanioides 6390	Juglans regia 10988-10989, 12265-12266	Zea mays (sweetcorn) 10360
Vicia faba 603	Lactuca sativa 1812, 12081	Zingiber officinale 2240
Vicia sativa 552	Lens culinaris 633, 10696-10697	Vascular system
Vicia villosa 552	Leucaena 563-564	Oryza sativa 9255, 10549
Vitis 13296	Leucaena leucocephala 563	Phaseolus vulgaris
isoenzymes 10949	Leucospermum 7494	gene expression 11967
Vitis labrusca, random amplified	Lolium 2392 Lolium hybridum 9300	nucleotide sequences 11967 promoters 11967
polymorphic DNA 8446	Lolium multiflorum 8125, 9300	Triticum aestivum 164
Vitis vinifera 3047, 7200-7202	Lolium perenne 2700, 2707, 7670	Vegetables
genetic markers 8444 isoenzymes 12235	Lycopersicon esculentum 737, 746, 1813-	breeding 9557, 9560, 10234
microsatellites 8445	1814, 1828, 3826-3827, 5901, 5903,	conferences 11351
random amplified polymorphic DNA	9595-9596	gene banks 9559
3915-3916, 8446	Malus pumila 8398-8399	genetic resources 3365, 7752, 9556-955
repetitive DNA 9675	Mangifera indica 6058, 7232	9559-9562
techniques 13295	mathematics 7660, 10122	conferences 10099
Zea mays 2577, 10363, 12884	Medicago sativa 1647, 2732, 4593, 5645,	genotype environment interaction 7756
mathematics 9167	6877, 8167-8169, 10604	isoenzymes, genetic markers 10238  Vegetative hybridization (see Graft
random amplified polymorphic DNA	Morus indica 12244 multivariate analysis 7675-7676	hybridization)
11702 restriction fragment length polymor-	Musa 1966-1969, 1978, 3057	Vegetative propagation 114
phism 11702	Ocimum basilicum 2255	Cryptomeria japonica 1055
Variety trials	Opuntia ficus-indica 857	Cupressus sempervirens 2188
Allium cepa 5857-5859, 10773	Origanum majorana 12567	legislation 8888

Vegetative propagation cont.	Verticillium dahliae	Vicia faba cont.
Lilium 5122	Amoracia rusticana 2267	induced mutations 6920-6921
Manihot esculenta 702	Armoracia rusticana 5166	isoenzymes
Morus 4904	Capsicum 7054	gene location 9467
Musa 9693	Capsicum annuum 3849	genetics 9467
Populus nigra 3220	Fragaria ananassa 3912, 6024	linkage 9467
Saccharum officinarum 11064	artificial selection 3911	polymorphism 11962
statistics 2372	Gossypium hirsutum 13480	male sterility, mitochondrial genetics,
Zea diploperennis 3557	artificial selection 13481	nucleotide sequences 9465
Venturia inaequalis	Helianthus annuus 7313	methyl methanesulfonate 4641
Malus 5996, 7136, 10871	Lycopersicon esculentum 7054	N-methyl-N-nitrosourea 6920-6921
Malus pumila 806, 2996, 5995, 9641,	genetic markers 12112	mutagens 4641, 5272, 6920-6921
10874, 12161	random amplified polymorphic DNA	mycotoxins 3429
artificial selection 808-809, 9635	12112	NADH dehydrogenase, mitochondrial
gene mapping 9642	Mentha piperita 10070	genetics, nucleotide sequences 9465
genetic markers 9642, 12160	Mentha spicata 10070	nuclei 8262
genetics 1913, 2994-2995, 3876,	Solanum melongena 10832	outcrossing 9466
7137	Solanum tuberosum, genetic transforma-	peroxidases
linkage 12160	tion 4695	genetic markers 8264
polymerase chain reaction 12160	Vetiveria zizanioides	genetics 8264
random amplified polymorphic DNA	clonal variation, random amplified	plant composition 568
12162	polymorphic DNA 7600, 12570	pollination 9466
Venturia pirina	essential oils	proteins
Pyrus communis 12173	artificial selection 3332	gene expression 6919
Pyrus pyrifolia 12173	heritability 2262	nucleotide sequences 6919
Verbena	multivariate analysis 2262	rapamycin
cultivars	random amplified polymorphic DNA	gene expression 13101
Lilac Reflections 8772	6390	nucleotide sequences 13101
Pink Passion 8773	variety classification 6390	seeds 603, 3736, 8263
Pink Profusion 8770	yield components	storage 2772
	heritability 2262	sister chromatid exchange 5272
Purple Passion 8774	multivariate analysis 2262	stress 8265
Sanmaripi 8770	Viburnum foetens, nomenclature 1067	
Sanmarisu 8771	Viburnum grandiflorum, nomenclature 1067	tannins, artificial selection 13103
Scarlet Fire 8771	Viburnum opulus	trypsin inhibitors, artificial selection
Suntory TP-L 8772	cultivars	13103
Suntory TP-P 8773	Taezhnye Rubiny 10957	variety classification 603
Suntory TP-V 8774	Vigorovskaya 10957	yield components
Suntory TP-W 8775	Viceae, gynoecium, phylogeny 2773	genetic variance 11961
White Lightning 8775	Vicia	heritability 9468, 10667
Vernalization	albumins 4642	heterosis 602, 13102
Aegilops, genetics 4370	chemotaxonomy 4642	inbreeding depression 11961
Arabidopsis thaliana	cytology 1660	yield correlations 9469, 10667
DNA methylation 12651	gene banks 13050	Vicia kalakhensis
gene mapping 880	genetic resources 551, 11912	albumins 3736
mutations 8948	isoenzymes	chemotaxonomy 3736
restriction fragment length polymor-		seeds 3736
phism 880	genetic variation 1661 polymorphism 13050	Vicia narbonensis
Avena sativa, gene mapping 261	phylogeny 1661	amylases, genetic transformation 6902
Brassica campestris (turnip rape)		genetic resources 551
gene mapping 880	reproduction 13050	genetic transformation 6892
restriction fragment length polymor-	taxonomy 1662	β-glucuronidase
phism 880	Vicia amphicarpa, taxonomy 11913	gene expression 10665
Brassica napus (rape)	Vicia benghalensis	genetic transformation 10665
gene mapping 880	isoenzymes, genetic variation 1659	proteins
restriction fragment length polymor-	taxonomy 11913	gene expression 10665
phism 880	Vicia dumetorum, random amplified	genetic transformation 10665
Poa annua 1622	polymorphic DNA 4609	seeds
Raphanus sativus 3803, 9553	Vicia faba	gene expression 10665
Triticum, genetics 4370	actin 8262	genetic transformation 10665
Triticum aestivum 2416, 2419, 2457,	albumins 3736	Vicia sativa
3454, 4376	aneuploidy, linkage 6922	
artificial selection 4378	Ascochyta fabae 2813	aspartate aminotransferase 10691
chromosome substitution 9032, 9034	aspartate-ammonia ligase	breeding 2754
gene location 9034	gene expression 10668	cultivars
gene mapping 11591	nucleotide sequences 10668	Baičiai 2754
	binding proteins	Kuršiai 2754
genetic transformation 7804	gene expression 13101	Pilkiai 2754
genetics 2420, 4375, 4380, 9032,	nucleotide sequences 13101	cytology 1660
11588	breeding 600, 8265, 11960	isoenzymes 10691
nucleotide sequences 1398	history 601, 2812	nodulation
restriction fragment length polymor-	carbohydrates 568	gene expression 2755
phism 9034, 11591	cell division 3429	nucleotide sequences 2755
Triticum dicoccoides 173	chemotaxonomy 3736	proteinases
Triticum spelta	chromosome aberrations 10666	gene expression 4610
chromosome substitution 9034	crop density 1697	nucleotide sequences 4610
gene location 9034	cultivars 8234	stress 10691
restriction fragment length polymor-	Ascot 2813	taxonomy 11913
phism 9034	Barkool 2814	variety classification 552
Vernonia, taxonomy 3997	deoxynucleoside triphosphates 5272	Vicia villosa, variety classification 552
Vernonia galamensis	determinate and indeterminate habit 602	Vicilin
genetic resources 906	drought resistance 3706-3707	Lathyrus sativus, genetics 6898
oils 906	esterases	Matteuccia struthiopteris
Verticillium (see also Phialophora)	genetic markers 8264	
Verticillium albo-atrum		gene expression 7622
Lycopersicon esculentum, gene expres-	genetic resources 8261 10117	nucleotide sequences 7622
sion 5924	genetic resources 8261, 10117	Pisum sativum
Medicago sativa 6888	genotype environment interaction, mathe-	gene expression 10688
Solanum berthaultii 1774	matics 8892	mutations 10688
	globulins	Vigna
Solanum chacoense 1774	molecular genetics 10196	gene banks 9352
genetics 1774	mutations 10196	phylogeny, random amplified
Solanum tarijense 1774	growth period 8263	polymorphic DNA 6976

Vigna cont. restriction fragment length polymorphism	Vigna radiata cont.	Vigna unguiculata cont.
567	Riptortus clavatus cont. restriction fragment length polymor-	β-glucuronidase, genetic transformation 9496
Vigna aconitifolia, yield components, stabil-	phism 10727	habit, artificial selection 5783
ity 6978	sodium azide 3781	heat resistance 8297
Vigna angularis anthers 9503	stability 2866 sucrose synthase	genetics 9498 pleiotropy 9498
breeding 665	gene expression 4676	herbicides, in vitro selection 1673-1674
development 9503	genetic engineering 4676	insects 3773, 10719, 13146
genetic resources 665  Phialophora gregata 13151	variety trials 6973	interspecific hybridization 1748, 12015
yield components, genetic variance 670	vignatic acids gene mapping 10727	leghaemoglobin gene expression 8295
Vigna dolomitica, isoenzymes, genetic dis-	linkage 10727	nucleotide sequences 8295
tance 10720 Vigna lobatifolia	random amplified polymorphic DNA	lipids 663
chemotaxonomy 13150	10727 restriction fragment length polymor-	Macrophomina phaseolina 3774 techniques 3775
isoenzymes, polymorphism 13150	phism 10727	Maruca vitrata 3777, 13145
Vigna luteola	Xanthomonas axonopodis 672	monocrotophos, in vitro selection 1673
reverse transcriptase 2853 transposable elements 2853	yield components	morphology, multivariate analysis 9497 mutagens 662, 6971
Vigna mungo	combining ability 4677 heritability 1749	naringenin-chalcone synthase, gene
chlorophyll, induced mutations 6974,	heterosis 2865, 9505	expression 3772
10724 crop mixtures 6977	inbreeding depression 2865	nodulation
cultivars, Birsa Urid-1 8300	induced mutations 3781 multivariate analysis 10726	gene expression 2857 nucleotide sequences 2857
drought resistance, in vitro selection	stability 5789	phenols 13145
8303 ethyl methanesulfonate 6974	yield correlations 1749, 1751, 8302,	phosphoribosylformylglycinamidine
gamma radiation 8301	Vigna raticulata, isoenzymes, genetic dis	cyclo-ligase gene expression 6964
induced mutations 8301	Vigna reticulata, isoenzymes, genetic distance 10720	nucleotide sequences 6964
interspecific hybridization 10722	Vigna sublobata, interspecific hybridization	photoperiodism 8297
mung bean yellow mosaic bigeminivirus, genetics 5790	10727	phytoalexins 5787 Phytophthora vignae 5787
mutagens 6974	Vigna subterranea breeding 1746	plant hairs 3777, 10719
nutritive value 3705	conferences 2275	proteins 663
quality 3705 tissue culture 4678	databases 1745	induced mutations 13144 quality
variety trials 666	gene banks 1744 genetic resources 1745, 1747	combining ability 8296
yellow vein mosaic virus 666	conferences 2275	genetic variance 8296
yield components 666 genetic variance 2863, 13149	interspecific hybridization 1748	random amplified polymorphic DNA 4672
heritability 1750	yield correlations 1752  Vigna umbellata	restriction fragment length polymorphis
heterosis 2864	chromosome pairing 10721	4672
induced mutations 6974 multivariate analysis 6977	incompatibility 668	reverse transcriptase 2853  Rhizobium, gene expression 3772
yield correlations 669	interspecific hybridization 668, 10721	roots 4675
Vigna radiata	peroxidases 10721 pollen germination 668	seeds, induced mutations 13144
chlorophyll, induced mutations 667	yield components	Sphaceloma, combining ability 3776 tannins 13145
chlorosis 671 chromosome pairing 10721	genetic variance 2860	taxonomy 4673
colour 3780	heritability 2860-2861 heterosis 9504	tissue culture 3770, 9496
cultivars Green Diamond 3778	multivariate analysis 10725	translocation 1740 transposable elements 2853
HS23 3778	yield correlations 2860, 2862, 9506	trypsin inhibitors, genetic engineering
cysteine proteinases	Vigna unguiculata amino acids 663, 13143	2128
gene expression 3779	Aphis craccivora 1742-1743	Uromyces appendiculatus 8298, 9499 genetics 6970, 8299
nucleotide sequences 3779 epichlorohydrin 10723	atrazine, in vitro selection 1673-1674	induced mutations 6971
Erysiphe polygoni 1754	blackeye cowpea mosaic potyvirus 10717 germplasm releases 1741	variety trials 12014
ethyl methanesulfonate 3781, 9501,	breeding 661, 6969	yield components
10723 fruits 3780	calcium 9499	combining ability 2855, 12017 genetic variance 6967
gamma radiation 667, 9501, 10723	Callosobruchus maculatus 5788, 10718	heritability 6968
gene expression, techniques 9500	cold resistance, genetics 664	heterosis 3769
genetic resources 6972 genetic transformation 13147	genetics 6965-6966, 12016	inbreeding depression 3769 induced mutations 662
genotype environment interaction 2867	pleiotropy 6965	multivariate analysis 2854, 2856
incompatibility 668	cowpea aphid-borne mosaic potyvirus 10717	yield correlations 5784-5785  Vigna vexillata
induced mutations 9501, 10723 interspecific hybridization 668, 10721-	cultivars, Melakh 3768	chemotaxonomy 13150
10722, 10727	dehydrins, genetics 664	embryo culture 3771, 12015
iron 671	digestibility, genetic variance 5786 diseases 3773, 12014	globulins, polymorphism 6975
mitochondrial genetics 2859 mung bean yellow mosaic bigeminivirus	drought resistance 4674-4675	interspecific hybridization 12015 isoenzymes 13148
672	genetic transformation 6516	polymorphism 13150
mutagens 3781, 9501, 10723	dry matter 1740 embryo culture 3771, 12015	random amplified polymorphic DNA
Mycosphaerella cruenta 672 nucleotide sequences 2859	Entyloma vignae 2858	13148 reverse transcriptase 2853
techniques 9500	ethyl methanesulfonate 662, 6971	transposable elements 2853
nutrients 671	extensins	Vigna wittei, isoenzymes, genetic distance
peroxidases 10721	gene expression 2857 nucleotide sequences 2857	10720 Vignatic acids
pollen germination 668 Protomycopsis phaseoli 1753	flowers, genetics 12016	Vigna radiata
pyrophosphatases	formothion, in vitro selection 1673	gene mapping 10727
gene expression 9502	fruits combining ability 8296	linkage 10727 random amplified polymorphic DNA
nucleotide sequences 9502 Riptortus clavatus	genetic variance 8296	10727
gene mapping 10727	genetics 6966	restriction fragment length polymor
linkage 10727 random amplified polymorphic DNA	gamma radiation 6971 gene mapping 4672	phism 10727 Vigour
10727	genetic resources 6961-6963, 10716	Glycine max 9392

Vigour cont.	Vitis cont.	Vitis vinifera cont.
Glycine soja 9392	quality	cultivars <i>cont.</i> Evmolpiya 6027
Helianthus annuus	conferences 5174 genetics 8452	Greco di Cirò B 3038
artificial selection 11028	random amplified polymorphic DNA	Greco di Gerace B 3040
heritability 11028	837, 1940, 6029, 12228	Greco di Rogliano B 3037
mathematics 3976  Lotus corniculatus, in vitro selection	techniques 3379	Greco di Tufo B 3039
2759	restriction fragment length polymorphism	Greco Nero N 3041
Pyrus 2999	6029, 12228	Heimi 13292
Viola	rootstocks 13296	Kecskemet-15 7193
seeds 10023	random amplified polymorphic DNA	nomenclature 4873
taxonomy 10023	10947	Skookum Seedless 4871
random amplified polymorphic DNA	seedlessness, artificial selection 8447	Sooke Seedless 4872
12513	somatic embryogenesis 4876	Viorica 7195 Zhemchuzhina OSKhI 6028
variety trials 3264	taxonomy, random amplified polymorphic DNA 12238	development, genotype environment
Viola awagatakensis, taxonomy 4142	temperature 3046	interaction 10950
Viola wittrockiana, variety trials 3264	transposable elements, random amplified	diseases, genetic engineering 9678
Viruses 20 biosafety 3370	polymorphic DNA 7198	drought resistance 4881
Capsicum, genetics 772	Uncinula necator 1952	Elsinoë ampelina 1949-1950
crops 18	genetics 3054	genetics 8458
genetic engineering 2312	unreduced gametes 12231	embryo culture 13298
genetic transformation 19, 10128	variety classification 13296	Eotetranychus willametti 9679
Cucumis sativus	isoenzymes 10949	fertility, genetics 4874
gene mapping 2979	Viteus vitifoliae, in vitro selection 10953	flavonol 3-O-glucosyltransferase
linkage 2979	Vitis amurensis	gene expression 10948
Cucurbita pepo, genetic transformation	Agrobacterium tumefaciens 1947 Agrobacterium vitis 1947	nucleotide sequences 10948 fluorescence 8449
12138	Plasmopara viticola, genetics 12239	gene expression 13294
genetic engineering 4221	sex, genetics 6031	genetic resources 1936, 13290
biosafety 2311	Vitis berlandieri	genetic transformation 7196, 13294
genetic transformation 1263, 3370, 4047,	arabis mosaic nepovirus, genetic transfor-	genetics 13291
6413	mation 7209	germination 1944
conferences 4206 reviews 6439	grapevine fanleaf nepovirus, genetic	glutamate synthase (ferredoxin)
Lens culinaris 10706	transformation 7209	gene expression 1939
Lycopersicon 5931	interspecific hybridization 7209	nucleotide sequences 1939
Malus pumila 2996	Vitis californica	grapevine fanleaf nepovirus, genetic
molecular genetics, reviews 6439	Eotetranychus willametti 9679	transformation 7209
Nicotiana	Tetranychus pacificus 9679	grapevine leafroll-associated closterovin
gene expression 944	Vitis candicans, interspecific hybridization	841, 6035
nucleotide sequences 944	4883 Vitis champini	growth period 13297 interspecific hybridization 4883, 8458,
Nicotiana tabacum	fluorescence 8449	12231-12232
gene expression 944, 8650	interspecific hybridization 4883	isoenzymes
genetic engineering 966	photosynthesis 8449	genetic variation 7201
genetic transformation 3185, 4044	Vitis coignetiae	polymorphism 7201
nucleotide sequences 944	interspecific hybridization 12232	leaves 841, 3047, 12234
Rubus 9669 Solanum 4701	pollination 12232	genetics 7203
Solanum tuberosum 2883	Vitis labrusca	techniques 13295
chloroplast genetics 5795	fluorescence 8449	Lobesia botrana 4884
combining ability 689	interspecific hybridization 4883, 12232	Meloidogyne 8456
gene mapping 5795	photosynthesis 8449	microsatellites 1941, 3914, 7197, 12227
genetic transformation 695	variety classification, random amplified	osmotin, gene expression 1942
Solanum (tuberous species) 1779, 12036	polymorphic DNA 8446 Vitis labruscana	ozone, gene expression 6033 phenolic compounds 3919, 4879
chloroplast genetics 5795	chitinase, genetic transformation 7208	photosynthesis 8449
gene mapping 5795	interspecific hybridization 12231	plant composition, clonal variation 4878
Triticum aestivum 10254	tissue culture 1945	Plasmopara viticola 1948, 1951
Viscotoxin, Viscum album, genetic engineer-	Vitis lanata, interspecific hybridization 4883	polymorphism, isoenzymes 12233
ing 5262	Vitis rotundifolia	polyploidy 6030
Viscum album, viscotoxin, genetic engineer-	breeding 3035	pruning 4880
vitoming Junear angles and secular term 1827	interspecific hybridization 4883	quality 3919, 3921, 4879-4880, 6032,
Vitamins, Lycopersicon esculentum 1827	Vitis rupestris	7190, 7204, 7206-7207, 13299
Viteus vitifoliae, Vitis, in vitro selection 10953	arabis mosaic nepovirus, genetic transfor-	clonal variation 3050-3051
Vitex lucens	mation 7209	genetics 9676
inbreeding 4078	grapevine fanleaf nepovirus, genetic	genotype environment interaction
random amplified polymorphic DNA	transformation 7209	840, 3050
4078	interspecific hybridization 7209  Vitis vinifera	stability 8453
Vitidaceae, random amplified polymorphic	Agrobacterium tumefaciens 1947	quantitative traits 3044 rootstocks 3043, 3916
DNA 837	Agrobacterium vitis 1947, 8456	seedlessness
Vitis	amplified fragment length polymorphism	artificial selection 3044
Agrobacterium tumefaciens 6034	12229	genetics 3042
Agrobacterium vitis 1946	anther culture 12237	seeds 1944
breeding 3036	anthocyanins	somaclonal variation 9677
cold resistance 2305, 3053	gene expression 10948	somatic embryogenesis 7205
cultivars 6026	nucleotide sequences 10948	stilbene synthase, genetic engineering
development 7199	arabis mosaic nepovirus, genetic transfor-	5925
Elsinoë ampelina 8459	mation 7209	stilbenes 1943
genetics 8458 fruits, genetics 8448	aroma 3918, 3920	temperature 3049
genetic resources 1937, 7189, 8459	artificial selection 12224	Tetranychus pacificus 9679
books 10112	Botrytis cinerea 1951, 4882 breeding 1935, 1938, 13201	tissue culture 838-839, 1945, 3048-3049
genetic transformation 7354	breeding 1935, 1938, 13291 history 7197	4877, 7205, 8450-8451, 9677,
interspecific hybridization 8458	chitinase, genetic transformation 7208	12236, 13294
isoenzymes 13296	clonal variation 7191, 9674	trihydroxystilbene synthase
light 3045	cold resistance 3052, 8455, 10951, 13300	gene expression 6033 genetic engineering 10946
microsatellites 12230	stability 8454	Uncinula necator 1949, 1951, 8457,
photosynthesis 3045-3046	cultivars 7194, 9674	10952
Plasmopara viticola, genetics 4883	Black Emerald 10945	variety classification 3047, 7200-7202
pollen 7199	Cygne Blanc 13293	genetic markers 8444

Vitis vinifera cont.	Waterlogging cont.	Wood properties cont.
variety classification cont.	Picea sitchensis 12477	Picea abies
isoenzymes 12235	Saccharum officinarum 8601, 12351	
microsatellites 8445		artificial selection 6293
	Triticum aestivum 5397	heritability 1048
random amplified polymorphic DNA	combining ability 2460	Pinus radiata 1038
3915-3916, 8446	Triticum macha, genetics 2463	heritability 1039
repetitive DNA 9675	Zea mays, artificial selection 5480	Pinus taeda 1040
techniques 13295	Watermelon mosaic 2 potyvirus	Quercus petraea 1001
variety trials 3913, 7192, 12225-12226	Citrullus lanatus	Quercus robur 1001
water balance 3917, 4875	germplasm releases 5968	Woody plants, DNA, techniques 1341
wide hybridization 9676	8389	
Xiphinema index 8456		X chromosome (see Sex chromosomes)
	Cucurbita 2977	X radiation
yield components, genetics 9676	Waxes	Arabidopsis thaliana, induced mutations
yields, stability 8453	Arabidopsis thaliana, mutations 5255	1303, 2337
Vitis yenshanensis, Agrobacterium	Eucalyptus 4063	Arachis hypogaea 8559
tumefaciens 6034	Gossypium 8681	Glycine max 1684, 11950
Vivipary	Oryza sativa	Helianthus annuus 894
Craterostigma plantagineum	genetics 1583	Nigella damascena 3272
gene expression 3270	induced mutations 1583	Oryza sativa 429, 5584, 9227
genetic engineering 3270	Zea mays	Ricinus communis 4985
nucleotide sequences 3270		
	mutations 4501, 5255	Secale cereale 2525
Nicotiana tabacum, genetic transforma-	nucleotide sequences 4501	Tradescantia 3307, 11483
tion 3270	Weeds	Tradescantia hirsutiflora 11324
Zea mays	Oryza sativa 475	Tradescantia subacaulis 11324
gene expression 3556	mathematics 9291	Zea mays 2578
mutations 1509, 3556, 3560, 3564-	Triticum aestivum, competitive ability	Xanthine dehydrogenase, Oryza sativa,
3566	9083	induced mutations 10547
Vochysia guatemalensis	Wheat soil-borne mosaic furovirus, Triti-	Xanthomonas albilineans, Saccharum 4001
leaves 1018		
plant composition 1018	cum aestivum, genetics 9079	Xanthomonas axonopodis
Valatile composition 1016	Wheat streak mosaic rymovirus	Anthurium andraeanum 11264
Volatile compounds	Elymus hispidus	Atalantia ceylanica 3942
Boronia megastigma 4195	chromosome banding 4436	Atalantia monophylla 3942
Foeniculum vulgare 1199	chromosome translocation 4436	Citrus 3942
Jasminum polyanthum, induced mutations	fluorescence in situ hybridization	Fortunella margarita 3942
1064	4436	Glycine max, genetics 8256
Volvariella diplasia	Triticum aestivum	Gossypium hirsutum 13478
adenine, induced mutations 4202	chromosome banding 4436	genetic transformation 11152
cellulase, induced mutations 2268, 4202	chromosome translocation 4436,	germplasm releases 6225
	11640	
N-methyl-N-nitro-N-nitrosoguanidine		Lactuca sativa 3822
4202	DNA hybridization 11640	Limonia acidissima 3942
N-methyl-N'-nitro-N-nitrosoguanidine	fluorescence in situ hybridization	Microcitrus australis 3942
2268	4436	Phaseolus
mutagens 2268, 4202	Zea mays 1529	genetic markers 2828
Volvariella volvacea, genetic transformation	genetic markers 3586	random amplified polymorphic DNA
12575	genetics 3586	2828
Vomitoxin	Whetzelinia (see Sclerotinia)	Phaseolus acutifolius 10678
Avena sativa 4311	Widdringtonia cedarbergensis, isoenzymes,	Phaseolus vulgaris 614-615, 4649, 5754
Hordeum vulgare 4311	genetic variation 2187	6932
Triticum aestivum 4311	Widdringtonia nodiflora, isoenzymes,	heritability 2827, 8270
Vouacapaoua americana, amplified frag-	genetic variation 2187	Severinia buxifolia 3942
ment length polymorphism 6472	Widdringtonia schwarzii, isoenzymes,	Vigna radiata 672
Warburgia salutaris, tissue culture 13589	genetic variation 2187	Xanthomonas campestris
Water balance	Wide hybridization	Arabidopsis thaliana, gene expression
Arabidopsis thaliana, gene expression	Agaricus bisporus 3338	7737
7724	Beta vulgaris (sugarbeet) 9843	Brassica nigra 8525
Arachis hypogaea 8563	Brassica napus (rape) 3090, 13351	Brassica oleracea 13198
Brassica 7299	reviews 7272	Brassica oleracea (cabbages) 10793
Coffea 4009	Coffea arabica 9857	Brassicaceae 8525
Eucalyptus microtheca 997, 7433	Coix lacryma-jobi 2682	Cajanus cajan 2852
Gossypium barbadense 8673	Daucus carota 5832	Capsicum annuum, genetics 4784
Gossypium hirsutum 8673	Elaeis guineensis 6097	Gossypium hirsutum, germplasm releases
Helianthus annuus, genotype environ-	Helianthus annuus 7305, 12298	3200, 3204
ment interaction 12306	Musa 843, 3061, 8463	Helianthus annuus, techniques 11034
Hordeum vulgare 4310, 9105	Oryza sativa 396, 1597, 2642, 2657,	Hordeum vulgare, gene mapping 4460
·	5591, 5604, 5610, 6771, 6776,	Oryza sativa 5625
gene mapping 1451 random amplified polymorphic DNA	6795, 6800, 9230, 9249, 10536,	genetics 10569
1451	11803, 12947	Phaseolus vulgaris 13113
restriction fragment length polymor-	gene mapping 6769	Xanthomonas oryzae
phism 1451	genetic markers 3617, 6769	Oryza meyeriana, somaclonal variation
Lycopersicon esculentum, gene expres-	genetics 397, 2644, 3617, 12945	437
sion 5920	restriction fragment length polymor-	Oryza sativa 2673-2674, 3651, 3653-
Oryza sativa 9283	phism 2644	3654, 5624, 5626, 9286, 10566,
Picea mariana 8718	Phaseolus vulgaris 4645	10568, 13007, 13009
Pistacia lentiscus 10995	Rehmannia glutinosa, random amplified	DNA hybridization 10564
		gene expression 3652, 6833, 11849
Prunus dulcis 9747	polymorphic DNA 5133	
Solanum tuberosum 1764	Rhododendron 9998	genetic markers 1606, 6832
Sorghum bicolor 12908	Saccharum 3138	genetic transformation 1609, 3610,
genotype environment interaction	Saccharum officinarum 3138	11849
9197	Solanum tuberosum 683	genetics 462, 1607-1608, 5623, 8097
Theobroma cacao 9874	triticale 7919	10569, 13008, 13010
Triticum aestivum 207, 1404, 3455,	Triticum aestivum 10300	molecular genetics 461, 6831, 10567
	Vitis vinifera 9676	nucleocytoplasmic interaction 5622
11572	Wild flowers, domestication 8729	nucleotide sequences 6833, 10565,
chromosome translocation 163		10567
gene location 163	Wind, Hevea brasiliensis 11171	
Triticum dicoccoides 4310	Wood properties	polymerase chain reaction 6832
Triticum durum 4310, 9059	Eucalyptus	Xanthomonas populi
Vitis vinifera 3917, 4875	artificial selection 999	Populus deltoides, gene mapping 7453
Zea mays 298	economics 999	Populus nigra, gene mapping 7453
Waterlogging	Eucalyptus globulus, heritability 4066	Populus trichocarpa, gene mapping 745
Gossypium 7412	Eucalyptus urophylla, heritability 4067	Xanthomonas vesicatoria
	forest trees 5176	Capsicum 3851, 10839
Oryza sativa 11842		

Yield components cont. Yield components cont.

Arachis hypogaea cont. Xanthomonas vesicatoria cont. Cucurbita moschata, artificial selection Capsicum cont. genotype environment interaction 6101-6102 13246 genetics 4783 Cucurbita pepo Capsicum annuum, anther culture 13235 combining ability 13254 heterosis 13255 heritability 9814 induced mutations 8560-8561, 8566, Capsicum pubescens 10839 Lycopersicon esculentum 2958, 3840, 5921-5922, 8380 9813-9814 Curcuma, heritability 13594 Lycopersicon pimpinellifolium 3840 Xanthones, Iris 1113 Xanthophylls Cyamopsis tetragonoloba combining ability 1755, 5791 genetic variance 1755 multivariate analysis 2055 stability 12332 Asparagus officinalis, heritability 2941 Avena sativa 5460 induced mutations 1755 Arabidopsis thaliana, mutations 11452 Zea mays, mutations 3565-3566 Xanthosine-N<sup>7</sup>-methyltransferase, Coffea Cynara scolymus, heritability 13205 multivariate analysis 6679 Daucus carota, genotype environment interaction 5831 Azadirachta indica, multivariate analysis arabica, nucleotide sequences 13410 2239 Echinochloa frumentacea 9205 Elaeis guineensis, multivariate analysis 12319 Beta vulgaris (sugarbeet) Xanthosoma combining ability 8619, 9831 esterases 9552 isoenzymes 9552 genetics 8619 Elettaria cardamomum 5147 somaclonal variation 8846 phylogeny 9552 Brachiaria ramosa 5567 Brassica campestris, heritability 9780 random amplified polymorphic DNA Eleusine coracana combining ability 6744 heritability 11768 multivariate analysis 8029 7022 Brassica campestris (sarson), heterosis Xanthosoma sagittifolium 8516 Brassica campestris (toria), combining ability 2020 genetic resources 7027 tissue culture 8306 Elymus hispidus artificial selection 3680 heritability 3680 Eruca vesicaria, heritability 8587 Brassica carinata, heritability 9780 Xenia Brassica campestris (sarson) colour 11016 seeds 11016 Brassica chinensis genetic variance 9574 heritability 9574 heterosis 9574 Fagopyrum esculentum, stability 478, Brassica carinata colour 11016 Brassica juncea 13355 genetic variance 8511, 8513, 8515 heritability 9780 13028 seeds 11016 Fagopyrum tataricum, stability 11865 Vaccinium ashei, fruits 7177
Vaccinium corymbosum, fruits 7177
Xiphinema diversicaudatum, Arabidopsis
thaliana, gene expression 3411
Xiphinema index, Vitis vinifera 8456 Fragaria ananassa induced mutations 5887, 13359 artificial selection 4816, 7186 Brassica napus, heritability 9780 genetic variance 4849 genotype environment interaction 7186 Brassica napus (rape) combining ability 3094, 7288, 9777, 13348 **Xylanases,** *Brassica napus* (rape), genetic transformation 6076 heritability 4849 genetic variance 3094 heterosis 9777, 9779, 13348 multivariate analysis 12282 Glycine max 4616, 9395, 9417, 11957, 13083 Arabidopsis thaliana gene expression 7533 artificial selection 4627-4629 combining ability 1683 genetics 8249-8250 heritability 1681, 2795, 4628, 9420, 11946 Brassica oleracea (broccoli), genetics genetic transformation 7533 9573 Brassica oleracea (cabbages), heritability 10790 Pinus taeda gene expression 13503 gene expression 13503
nucleotide sequences 13503
Zinnia elegans, gene expression 7533
Xyloglucan endotransglycosylase
Arabidopsis thaliana, nucleotide
sequences 12618
Glycine max, gene expression 6906
Hordeum vulgare heterosis 1682-1683, 13081-13082 inbreeding depression 13082 induced mutations 2790, 8245 Brassica oleracea (cauliflowers) combining ability 727 genetic variance 727 heritability 1804 multivariate analysis 9422-9423, Cajanus cajan 11945 combining ability 4671, 5779, 6960, 12010 Gossypium combining ability 977 gene expression 3522 genetic variance 4671, 12011 genetic variance 977 genotype environment interaction 6958 nucleotide sequences 3522 Gossypium arboreum, heterosis 8677 Xyloglucan:xyloglucosyl transferase Gossypium barbadense heritability 3766, 6957, 12009, 12011 heterosis 657, 12010 Actinidia deliciosa epistasis 13466 gene expression 12242 genetic variance 13466 heritability 13466 heterosis 13466 nucleotide sequences 12242 Capsicum annuum 764 combining ability 5949, 5951, 10838, 12122-12123 Xylose isomerase Lycopersicon esculentum, genetic trans-Gossypium herbaceum, multivariate analgenetic variance 5951, 10838 heritability 767, 4782, 7097 heterosis 5949, 8386, 12122 induced mutations 1843 formation 8908 ysis 11147 Nicotiana tabacum, genetic transforma-tion 8908 Gossypium hirsutum 4050, 9929 combining ability 976, 12418, 12420 genetic variance 6210, 12419 Solanum tuberosum, genetic transformation 8908 Carthamus tinctorius genotype environment interaction Xylulose-5-phosphate synthase
Mentha piperita
gene expression 8853 combining ability 11039
genetic variance 2047, 11039
genotype environment interaction
12316 11145 heritability 5033, 8678, 9921, 12417 heterosis 5032 nucleotide sequences 8853

Y chromosome (see Sex chromosomes) Guizotia abyssinica, heterosis 910 heritability 2047 heterosis 4976 Helianthus annuus combining ability 2035, 2038, 7306-7307, 8535, 12302, 12308, 12313 Yeast artificial chromosomes, Oryza sativa Cassia angustifolia Yellow vein mosaic virus, Vigna mungo artificial selection 13587 genetic variance 7308, 8535, 12302, 12308 multivariate analysis 5138, 13587 666 **Yield components** Cenchrus ciliaris, heritability 13038 heterosis 2036, 3114, 4971, 7309, 8535 Abelmoschus esculentus Cicer arietinum genotype environment interaction 10857 artificial selection 643, 6950 induced mutations 2034
multivariate analysis 3977
Hevea brasiliensis
heritability 7420, 11168
heterosis 11168
Hibiscus cannabinus
combining ability 5045
heterosis 5045
Hibiscus sabdariffa combining genotype environment interaction 9493, 10708, 10712 heritability 795, 10857 heterosis 2981, 9629 heritability 10708 multivariate analysis 5773 stability 9493, 11996 yield components 12141 Agropyron cristatum, heritability 1636 Amaranthus cruentus, stability 13029 Amaranthus hypochondriacus Coix lacryma-jobi 6854 Coriandrum sativum 1187 multivariate analysis 6853 stability 11867, 13029 Amaranthus tricolor, heterosis 2945 Cucumis melo, heritability 2974 Hibiscus sabdariffa, combining ability 8695 Cucumis sativus artificial selection 10849 Anacardium occidentale, inbreeding depression 9754

Arachis glabrata 902

Arachis hypogaea 11049

combining ability 12328-12329

epistasis 6101 Hordeum vulgare 4466
amplified fragment length polymorphism 7877
combining ability 7887
gene mapping 7886
genetic variance 7889, 12786 combining ability 791, 7112, 13263 heritability 791 heterosis 791, 7112 induced mutations 7111 linkage 1878

statistics 13263

Yield components cont.	Yield components cont.	Yield components cont.
Hordeum vulgare cont.	Papaver somniferum cont.	Theobroma cacao, stability 11102
genetics 6663, 7891 genotype environment interaction	heterosis 3320	Trifolium pratense 9336
7896	stability 10062  Paspalum notatum, artificial selection	Trifolium repens, multivariate analysis 539
heritability 7889-7890, 12786	9311	Trigonella foenum-graecum
heterosis 7877, 7889	Pennisetum glaucum	genetic variance 3327
somaclonal variation 6665, 7893	combining ability 2624-2625	heritability 3327
Ipomoea batatas artificial selection 10763	cytoplasmic inheritance 11761	triticale 12839, 12848, 12857
multivariate analysis 2903	genetic variance 2623 genotype environment interaction	combining ability 5472 heritability 7918
Lablab purpureus, heritability 673	12920	heterosis 12838, 12840
Lactuca sativa, heritability 7047	heterosis 3596, 5562	multivariate analysis 12843
Lathyrus sativus	multivariate analysis 6739	Triticum aestivum 172, 1405, 5362, 537
genetic variance 10626 multivariate analysis 8232	Phaseolus vulgaris 609, 10674 combining ability 4648	9069, 12738
Lavandula angustifolia, multivariate anal-	genetic variance 11970	artificial selection 6564, 7768, 1159 chromosome substitution 1407
ysis 7605	genetics 3740	chromosome translocation 163, 5357
Lens culinaris 6949	heritability 610, 1703, 5750, 8266	9050, 12734
artificial selection 5767, 8284 multivariate analysis 1724	induced mutations 610, 8266, 11970 mathematics 3740	combining ability 175-176, 2420, 4355, 5366, 5369, 5395
Linum usitatissimum (flax), genetic vari-	Pisum sativum	epistasis 2433, 10279, 11598
ance 4056	combining ability 11986	gene location 163
Linum usitatissimum (linseed)	genetic variance 5762	genetic markers 12734
combining ability 11025 genetics 11024-11025	heritability 8280	genetic variance 176, 3466, 10279,
genotype environment interaction	heterosis 9490 multivariate analysis 2840	11586, 11597 genetics 5367, 7800, 7815, 12729
2030	Populus tremula	genotype environment interaction
Lotus corniculatus	heritability 6269	201, 2433, 2455, 11602, 11622
genetic variance 2760	heterosis 6269	11627, 12749
genotype environment interaction 2760	Populus tremuloides heritability 6269	heritability 145, 1411, 5368, 5370, 6564, 7788, 7817, 10281, 1273
Lotus uliginosus	heterosis 6269	heterosis 151, 4368, 5366, 5369,
genetic variance 2760	Prunus armeniaca, multivariate analysis	7800, 9015, 10280, 12736
genotype environment interaction	10892	induced mutations 7792, 7868
2760 Lycopersicon esculentum 8375	Saccharum artificial selection 6116	nucleocytoplasmic interaction 4368 pleiotropy 1407, 12729
combining ability 3833	genetic variance 11065	stability 6621, 12747
genetic variance 3833	heritability 4000, 11065	Triticum durum 2456, 12737
heritability 12113, 13217	multivariate analysis 13397	genetics 11596
heterosis 4765, 5917, 7064 stability 13218	Saccharum officinarum 6131 artificial selection 4991, 6117, 13396	genotype environment interaction 201, 2455, 11602
Macrotyloma uniflorum	combining ability 8592	heritability 5370
artificial selection 12018	genetic variance 8592, 8594	stability 4404
heritability 8304	heritability 8593-8594, 12347, 13396	Triticum turgidum
Malus pumila, heritability 10868	multivariate analysis 7347	chromosome substitution 3462 chromosome translocation 3462
Manihot esculenta artificial selection 9543	Saccharum robustum, multivariate analy- sis 7347	genetics 11596
heterosis 2892	Secale cereale 12823	stability 7838
Momordica charantia, genetic variance	genetics 12821	Vetiveria zizanioides
5980, 7118  Marus combining ability 4003	multivariate analysis 12822	heritability 2262 multivariate analysis 2262
Morus, combining ability 4903 Musa	Sesamum indicum combining ability 6109, 7335, 9818,	Vicia faba
heritability 844	12336, 13386	genetic variance 11961
multivariate analysis 844	genetic variance 6111, 12335	heritability 9468, 10667
Myrtus communis 970	genotype environment interaction 2070, 12338	heterosis 602, 13102 inbreeding depression 11961
Nicotiana tabacum combining ability 2120, 13433	heritability 3128	Vigna aconitifolia, stability 6978
genetic variance 13433	heterosis 7334-7335, 13386	Vigna angularis, genetic variance 670
heterosis 2120	induced mutations 11054, 12334	Vigna mungo 666
Oryza 9232	multivariate analysis 2068, 13385  Setaria italica, artificial selection 6736	genetic variance 2863, 13149 heritability 1750
Oryza sativa 5586, 9232, 12976, 12994 artificial selection 1586, 10551	Solanum melongena	heterosis 2864
combining ability 433, 5606, 6797,	combining ability 2962	induced mutations 6974
9260, 9263, 12978	heterosis 2963, 10831, 12115	multivariate analysis 6977
epistasis 1585, 4542	multivariate analysis 760 stability 761	Vigna radiata combining ability 4677
genetic variance 1578, 5583, 6796, 9260-9261, 12977	Solanum phureja 12037	heritability 1749
genetics 9256	Solanum tuberosum	heterosis 2865, 9505
genotype environment interaction	combining ability 5797, 5800, 6991,	inbreeding depression 2865
5617, 8087, 9261, 11815, 11831-11833, 12981	12028 genetics 10741	induced mutations 3781 multivariate analysis 10726
heritability 421, 434, 1586, 2656,	heritability 10741	stability 5789
3631, 4552, 5583, 5609, 6798,	in vitro selection 13166	Vigna umbellata
8068, 8070-8071, 9257, 9259,	multivariate analysis 10743	genetic variance 2860
11811-11812, 11815 heterosis 1587, 2657, 4542, 5606-	stability 683 Solanum viarum 1185	heritability 2860-2861 heterosis 9504
5608, 6770, 6795, 6797, 11787,	Sorghum bicolor	multivariate analysis 10725
11808-11809, 11813, 11819,	combining ability 1540, 1543, 1547,	Vigna unguiculata
12979	5555, 6731, 9195, 11748	combining ability 2855, 12017
induced mutations 9235 multivariate analysis 434, 2658, 8087	genetic variance 1540, 6731, 11748 genetics 8018	genetic variance 6967 heritability 6968
nucleocytoplasmic interaction 9262,	genetics 8016 genotype environment interaction	heterosis 3769
12969	6733, 12913, 12915	inbreeding depression 3769
stability 1599, 8088, 11830, 11832	heritability 5554, 6730	induced mutations 662
statistics 12995	heterosis 334, 1542, 8016-8017, 12910	multivariate analysis 2854, 2856 Vitis vinifera, genetics 9676
Panicum maximum 6735 Panicum miliaceum, multivariate analysis	multivariate analysis 4520	Zea mays 10354, 10458, 10469
340	stability 12914-12915	artificial selection 317-318, 1480,
Papaver somniferum	Spondias tuberosa, multivariate analysis	1482, 3546, 7930, 7932, 9129,
combining ability 12560	2002	9168-9169, 10355

Yield components cont.	Yield correlations cont.	Yields cont.
Zea mays cont.	Saccharum barberi 3999	Lens culinaris 13128
combining ability 277, 302, 305, 308,	Saccharum officinarum 918-919, 3999,	combining ability 10702  Linum usitatissimum (linseed)
1512, 2583, 5511, 5514-5516,	7349, 8593, 12349, 13396	heterosis 4963
5518, 6711, 7944, 9169, 10464,	Saccharum robustum 3999	induced mutations 11026
10466, 11713-11715, 12885	Saccharum sinense 3999	Lolium perenne 8133, 8144
computer simulation 7932	Saccharum spontaneum 3999	Lycopersicon, artificial selection 2953
gene mapping 1490	Secale cereale 6684	Lycopersicon esculentum 9590
genetic markers 5506	Sesamum indicum 2069, 3127, 6110, 12334	Malus pumila 10874
genetic variance 277, 310, 6706,		Medicago sativa, artificial selection
7930, 7942 genetics 2584, 5510, 7932, 10464,	Solanum melongena 12116 Sorghum bicolor 1541, 5554, 6730, 8019,	8181-8182
11713	9193-9194, 11749	Musa 9695, 9699
genotype environment interaction	Spondias tuberosa 9739	combining ability 12249
3549, 6711, 9176, 11728, 12889	Trigonella foenum-graecum 3328	heterosis 12249
heritability 1482, 10468	triticale 142, 7917	polyploidy 12249
heterosis 310, 1482, 1504, 1512,	Triticum 2398	Opuntia 8485
1521, 5515, 6706	Triticum aestivum 142, 177, 2429-2431,	Oryza sativa 6809, 9254, 12923
multivariate analysis 309, 1491, 1513,	2458, 3465, 4381-4382, 5370-5372,	artificial selection 6749
5517	6563, 7816, 7854, 9040-9041,	combining ability 11810
stability 12888-12889	10281-10282, 11579, 11601, 12735	gene mapping 2646
Zea mays (sweetcorn)	Triticum durum 142, 5370, 7818, 11595	genetics 6784
combining ability 1502	Vicia faba 9469, 10667	heterosis 8063
epistasis 1502	Vigna mungo 669	mathematics 8067
Yield correlations	Vigna radiata 1749, 1751, 8302, 10726	stability 9279, 12997
Allium sativum 5870, 5872	Vigna subterranea 1752	Papaver somniferum, induced mutations
Antirrhinum majus 2221	Vigna umbellata 2860, 2862, 9506	7587, 12554
Arachis hypogaea 12331	Vigna unguiculata 5784-5785	Pennisetum glaucum, heterosis 8027
Asparagus officinalis 2941	Zea mays 1482, 5512-5513, 7999, 11712,	Phaseolus vulgaris 8269
Avena sativa 2521	11726, 12886	Phleum pratense 8133
Beta vulgaris (sugarbeet) 8618	mathematics 5264	Pinus massoniana, clonal variation 1246
Boehmeria nivea 11159	Yields	Rubus idaeus 8440
Brassica carinata 878, 881	Agropyron cristatum 8131	Saccharum, stability 6130
Brassica juncea 878, 881, 7285, 7289,	Allium cepa 7032	Saccharum officinarum
8512, 8523	Arachis hypogaea, stability 11050	genotype environment interaction
Brassica napus (rape) 878, 881, 8512,	Avena sativa, heterosis 6676	6129
9776, 9778  Prassica alargana (ashbagas) 10700	Beta vulgaris, polyploidy 8617	stability 9827
Brassica oleracea (cabbages) 10790	Beta vulgaris (beetroots), stability 11092	Sesamum indicum, heterosis 3125
Bunium persicum 7591 Cajanus cajan 656, 1736, 3766, 8292	Beta vulgaris (fodder beet), stability 11092	Solanum tuberosum genetic distance 2875
Capsicum annuum 768, 2970, 5950	Beta vulgaris (sugarbeet) 11098	genotype environment interaction
Carthamus tinctorius 2047	combining ability 11077-11078	9528
Cenchrus ciliaris 13038	genetic markers 11086	heterosis 2875
Cicer arietinum 644, 5774, 13137	genotype environment interaction	Sorghum bicolor, genotype environment
Coix lacryma-jobi 6854	8621	interaction 10506
Colocasia esculenta 2912	heterosis 11078	triticale 12852
Cucumis melo 2974	stability 11092	Triticum aestivum 6632, 12742
Cucumis sativus 10849, 13262	Brassica juncea	artificial selection 209, 6622, 10244
Curcuma longa 8842	heterosis 8514	combining ability 11641
Cynara scolymus 13205	inbreeding depression 8514	genetics 4372, 5359
Daucus carota 2885	Brassica napus (swedes), heterosis 4709	genotype environment interaction
Eleusine coracana 11768	Calendula officinalis 11256	2432, 2453, 11600
Eruca vesicaria 8587	Capsicum annuum 12119	heterosis 3463
Fagopyrum esculentum 6850	Cicer arietinum, stability 6952, 10711	pleiotropy 7806
Foeniculum vulgare 5154	Cinnamomum zeylanicum 13595	stability 9055, 11600
Glycine max 578, 599, 1681, 2795, 4629,	Citrus 9708	Triticum durum 9065
5731, 9401, 9418, 9420-9421,	Citrus sinensis 7221	artificial selection 9039
10647, 11947, 11951	Coffea arabica 9857	Vitis vinifera, stability 8453
Gossypium hirsutum 6209, 6237, 9921	Coffea canephora 9866	Zea mays 6720, 9166, 10465
Helianthus annuus 2037, 6094, 11030-	crops	artificial selection 5508, 11690
Hordeum vulgare 225, 2518, 5438, 6664,	biotechnology 8869	combining ability 5502, 11716
7888, 7890	conferences 8869	genetic markers 5502
mathematics 2506	Cucumis sativus, artificial selection 10849-10850	genetic variance 7947
Ipomoea batatas 2904	Cymbopogon 13605	genetics 5509
Lablab purpureus 673	Dactylis glomerata 5655, 8131, 8138	genotype environment interaction 5522, 9174-9175
Lathyrus sativus 2766	Elettaria cardamomum, somaclonal varia-	heterosis 2567, 7947, 11716
Lens culinaris 13129	tion 8844	stability 7948, 10481-10482, 12890
Lotus corniculatus 2760	Eragrostis tef 10600	Yucca
Lotus uliginosus 2760	Festuca valesiaca 8131	evolution 4076
Lycopersicon esculentum 4766, 9593,	Glycine max 10651	pollination 4076
13218	artificial selection 572, 11943, 13065	Yucca filamentosa, isoenzymes, polymor-
Malus pumila 10868	heritability 9439	phism 9930
mathematics 5264	stability 9439-9440, 11951	Yucca mixtecana, taxonomy 13487
Medicago sativa 516, 8182	Gossypium	Zabrotes subfasciatus
Morus 7214	artificial selection 9925	Phaseolus vulgaris 1708-1709, 4651-
Myristica fragrans 6385	combining ability 6245	4652, 5756, 6937, 10672
Oenothera erythrosepala 10059	Gossypium barbadense, genetics 11146	molecular genetics 3747
Oryza sativa 418, 434, 444, 2656, 2659,	Gossypium hirsutum 2143, 8661	Zamia gentryi, taxonomy 11214
4552, 5609-5610, 5619, 6798, 6829,	genetics 11146	Zea
8069-8070, 8072-8073, 9253, 9258,	heterosis 3195	chromosome pairing 10394
9260, 9264, 11811-11812, 11814,	Hedysarum coronarium, artificial selec-	evolution
12982 maternal effects 2647	tion 5714	genetics 11724
	Helianthus annuus, stability 6095	nucleotide sequences 11724
Pennisetum glaucum 11766 Phaseolus vulgaris 2824, 10676	Hordeum vulgare	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza
Picea abies 6294	combining ability 12787	tion 11557
Pinus contorta 7474	gene mapping 5443	Zea diploperennis
Pisum sativum 11982	genotype environment interaction 12787	DIMBOA 10442
Prunus dulcis 7255	Ipomoea batatas 2907	forage 9157
Ricinus communis 3990	stability 10769	β-glucuronidase 10442
		inbreeding 2566

Lea diploperennis cont.	Zea mays cont.	Zon mann cont
interspecific hybridization 2566, 9157	backcrossing 7922	Zea mays cont.
leaves 10442		crossing over, genotype environment
tillering 9157	binding proteins gene expression 8008	interaction 6719
transposable elements, molecular genetics	nucleotide sequences 8008	crystal proteins, genetic transformation 7963
3554		
Ustilago zeae 10491	biosafety, genetic engineering 4292, 4480 breeders' rights 10350	cultivars 5305, 8986 Agua Blanca 5480
vegetative propagation 3557		
Lea luxurians	breeding 276, 2542, 2544-2545, 3544,	Al-Rabee 6694
alcohol dehydrogenase, nucleotide	5474, 5478, 9170, 10349, 10352,	GS Yuyu-11 279
sequences 11723	11719, 12860	Hatayutaka 9132-9133
interspecific hybridization 10394	computer programming 3543	Knezha-550 <sub>2</sub> 5479
Lea mays	history 2547, 9126, 11729	Mi19 9133
abscisic acid 10459	Busseola fusca 7999, 9183	Nordic 9134
	artificial selection 8003	Norin Kou-39 9132
gene expression 322, 3560, 3564,	callose 320	Norin Kou Oya-40 9133
3567, 5505, 9140, 10529	carbohydrates	Ruse-424 10361
genetic markers 5531, 10454	artificial selection 3588	Ruse-555 10362
mutations 3566, 5505	mutations 9165	Satoyutaka 2554
nucleotide sequences 5505	carbonate dehydratase	Xiangyu-9 1365
accessory chromosomes 6707, 9150,	gene expression 2563	cyclins, gene expression 9137
10409-10410	nucleotide sequences 2563	cysteine proteinase
chromosome transmission 10408	carotenoids 7950	gene expression 284
acetoacetyl-CoA reductase	catalase, gene expression 1498	nucleotide sequences 284
gene expression 5495	catechol O-methyltransferase, nucleotide	cytochrome-c oxidase
genetic transformation 5495	sequences 290	gene expression 2555
acetyl-CoA C-acyltransferase	cell culture 10365	mitochondrial genetics 2555
gene expression 5495	cell division	cytokinins
genetic transformation 5495	gene expression 6703, 6709, 9137,	gene expression 9141
acid phosphatase, genetics 7952	9149	nucleotide sequences 9141
Acidovorax avenae 2596	induced mutations 10395	cytology, techniques 10404
adenosinetriphosphatase	molecular genetics 9149	cytomixis 2569, 5494
gene expression 2555	mutations 10418	cytoplasmic male sterility 10419-10420
mitochondrial genetics 2555	techniques 10403	11735
alachlor	cells 3558	gene mapping 296, 2570
gene mapping 5548, 8009	mutations 11691	genetics 1494, 1497, 4495
mathematics 8009	nucleotide sequences 11691	mitochondrial genetics 4495, 4497
restriction fragment length polymor-	Cephalosporium maydis 7955	molecular genetics 4496
phism 5548	Cercospora zeae-maydis 3583	nucleotide sequences 4497
alcohol dehydrogenase	chaperonins, gene expression 3561	restriction fragment length polymor-
gene expression 1485	Chilo agamemnon 8002	phism 296
nucleotide sequences 11723	Chilo partellus 324-325, 7965, 7981	Dalbulus maidis, artificial selection 795
aldehyde oxidase	artificial selection 7998, 8003, 11742	death, gene expression 9162
gene expression 4479	reviews 7976	dehydrins
nucleotide sequences 4479		
	chitinase, genetic engineering 4031	gene location 12875
alternative oxidase	chlorophyll 298, 1520	genetics 12875
molecular genetics 10378	induced mutations 10406	desiccation 1509
polymerase chain reaction 10378	mutations 10449	gene expression 322, 3556
aluminium 319-320, 7951, 8990, 12892	chlorophyll a/b binding protein, gene	mutations 3556
artificial selection 5529	expression 4500	development 7937, 9160, 10401, 12883
gene mapping 5529	chloroplast genetics 1486, 2556, 9143	gene expression 3560, 7940, 9156,
restriction fragment length polymor-	chloroplasts, mutations 1510	10416
phism 5529	chromatin 3555, 5504, 10488, 12619	gene location 307
amplified fragment length polymorphism	chromosome aberrations 11718	gene mapping 11699
5482, 6706, 10363, 10371, 10414	induced mutations 10395, 10405,	genetics 2580, 4254
α-amylase, mutations 9165	10407	inbreeding 11709
amylopectin, mutations 9172	chromosome addition	induced mutations 2578, 9152
amylose 3576	polymerase chain reaction 12868	mutations 1500-1501, 4254, 5499,
anoxia	techniques 12868	9156, 9159, 10429, 10441,
gene expression 12891	chromosome banding 9151, 10402,	10451-10452, 10474
nucleotide sequences 12891	10410	nucleotide sequences 9159, 10451
anther culture 5519, 10470, 11717	chromosome morphology 9151, 10412,	techniques 7936
anthers, mutations 10439	12872	Diabrotica 7993
anthocyanins	chromosome number, techniques 6708	Diabrotica virgifera
gene expression 2573, 3564, 3569,	chromosome pairing 2568	artificial selection 8004
6696, 10367, 11697	induced mutations 10406	hydroxamic acids 7979
genetic engineering 6695, 10367	chromosome translocation 10413-10414,	Diatraea grandiosella 7970, 7973, 8006
genetics 1506, 1508, 3569	11717	artificial selection 7992, 7996
molecular genetics 11697	cinnamoyl-CoA reductase	gene mapping 5489, 12897, 12899
mutations 3564, 11704	gene expression 12865	genetic markers 3589, 7987, 11741
	nucleotide sequences 12865	genetic transformation 10497
nucleotide sequences 280, 6696	cinnamyl-alcohol dehydrogenase	genetics 7996
transposable elements 280	gene expression 10436	restriction fragment length polymor
anthranilic acid, mutations 10439	nucleotide sequences 10436	phism 3589, 7987
Aphidoidea 7964	climate 12890	techniques 7991
apomixis 10415, 10425-10426		Diatraea saccharalis 7973
aquaporin	Cochliobolus carbonum 10488	
gene expression 12877-12878	genetics 3581, 6725	artificial selection 7992
nucleotide sequences 12877	molecular genetics 6725	gene mapping 12897
archaeology 10479	Cochliobolus heterostrophus 7958, 7998,	genetic markers 3589, 7987, 11741
artificial selection 2546, 3548, 5475,	11735	restriction fragment length polymor
9125, 9127, 9130, 10353, 12861	cold resistance 1519-1520, 5528, 6721,	phism 3589, 7987
mathematics 12859	7950, 11733	digestibility 312, 1515-1516, 2587, 552
Aspergillus flavus 5535-5536, 7956	combining ability 9178	6714, 11722
combining ability 7957	Colletotrichum graminicola, artificial	genotype environment interaction
genetics 3582	selection 5539	2589
Avena sativa, intergeneric hybridization	colour	heritability 3573
4469	mutations 10461	restriction fragment length polymor
Bacillus thuringiensis	nucleocytoplasmic interaction 10455	phism 3573
gene expression 9182	combining ability 2543, 9125	dihydrokaempferol 4-reductase
genetic transformation 326, 1535,	crop density 3579, 5488, 5503, 7939,	gene expression 9144
3587, 9182	10480	nucleotide sequences 9144
polymerase chain reaction 6727	crop mixtures, artificial selection 11726	DIMBOA 7964, 7993, 10442
polymerase emain reaction oral		

Zea mays cont.	
DIMBOA cont.	
mutations 3568	
diseases, genetic engineering 2594	
DNA 10401, 10409-10410	
DNA binding proteins 10364	
gene expression 2402, 4481, 4487.	
9142, 9156, 10529, 12866	
mutations 9156	
nucleotide sequences 291, 9142	
polymorphism 291	
DNA methylation 4477, 5488, 11696	
domestication 2541, 11723	
drought resistance 5533	
artificial selection 2593, 5532, 11731	
gene expression 323	
genetic markers 323, 5530-5531	
reviews 5526	
dry matter	
artificial selection 300	
combining ability 10475	
Elasmopalpus lignosellus 7982	
Eldana saccharina, artificial selection	
8007	
elongation factors 3571	
embryo culture 7795, 10471	
techniques 8994 embryo sac 1495	
endosperm 3558, 3576, 10401, 10426,	
10473	
chromosome translocation 10392	
gene expression 5500, 10386	
genetic transformation 12871	
induced mutations 10396	
linkage 10391-10392	
molecular genetics 5498	
mutations 1507, 5500, 10472, 10474,	
10478	
nucleotide sequences 10386	
restriction fragment length polymor-	
phism 9146	
endotoxins, polymerase chain reaction	
6700	
epidermis, mutations 12881	
Erwinia chrysanthemi 11734	
ethyl methanesulfonate 2578, 9152	
induced mutations 10396	
evolution 9173	
evolution 9173 genetics 11724	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymor-	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymor- phism 10373	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymor- phism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588 2581 9157, 10357, 12880	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934, 10475	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934, 10475 genetic markers 7934	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934 heritability 3573	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934, 10475 genetic markers 7934 heritability 3573 restriction fragment length polymor-	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934, 10475 genetic markers 7934 heritability 3573 restriction fragment length polymorphism 3573	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934, 10475 genetic markers 7934 heritability 3573 restriction fragment length polymorphism 3573 fumonisins 11736	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934, 10475 genetic markers 7934 heritability 3573 restriction fragment length polymorphism 3573 fumonisins 11736 fungi 10489	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934 heritability 3573 restriction fragment length polymorphism 3573 fumonisms 11736 fungi 10489 heterosis 6724	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934, 10475 genetic markers 7934 heritability 3573 restriction fragment length polymorphism 3573 fumonisins 11736 fungi 10489 heterosis 6724 Fusarium	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934, 10475 genetic markers 7934 heritability 3573 restriction fragment length polymorphism 3573 fumonisins 11736 fungi 10489 heterosis 6724 Fusarium genetic transformation 4510	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934, 10475 genetic markers 7934 heritability 3573 restriction fragment length polymorphism 3573 fumonisins 11736 fungi 10489 heterosis 6724 Fusarium genetic transformation 4510 genetics 9180	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonoids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934, 10475 genetic markers 7934 heritability 3573 restriction fragment length polymorphism 3573 fumonisms 11736 fungi 10489 heterosis 6724 Fusarium genetic transformation 4510 genetics 9180 techniques 5537	
evolution 9173 genetics 11724 molecular genetics 5311 mutations 1510 nucleotide sequences 11724 experimental design 4217, 7960 farm inputs 2592 farnesyl-diphosphate farnesyltransferase gene expression 5302 nucleotide sequences 5302 fatty acid desaturases gene expression 4483 nucleotide sequences 4483 ferredoxin, nucleotide sequences 3550 ferritin, gene expression 4498 fertilization 1495-1496, 2571, 9160 gene expression 6709, 10416 fibre 1533 flavones 7971 restriction fragment length polymorphism 10373 flavonids 1531 genetic engineering 6351 flowering 10465 gene expression 10457 genetic markers 10453-10454 nucleotide sequences 10457 fluorescence in situ hybridization 9150 forage 2588, 2591, 9157, 10357, 12889 combining ability 7934, 10475 genetic markers 7934 heritability 3573 restriction fragment length polymorphism 3573 fumonisins 11736 fungi 10489 heterosis 6724 Fusarium genetic transformation 4510 genetics 9180	

```
Zea mays cont.
    gene conversion 10388-10389
    gene expression 1488, 2556, 6451, 6699, 9143, 11693
gene mapping 37, 2564, 6701, 10381-10383, 11695
     genetic distance 10371
    genetic engineering 6552
conferences 12585
     genetic markers 3545-3546, 10370,
            12862
         mathematics 12859
     genetic resources 2541, 3547, 3549,
            6693, 10351, 12858
    genetic transformation 292, 1488, 2559-
2560, 3372, 5484-5486, 5490, 6700,
            8000, 10376, 10384, 11693
     genetic variance, techniques 6705
    genetics, history 10393
genomes 5492, 12619
     genotype environment interaction, mathe-
            matics 8892
    geranyltranstransferase
    gene expression 1487
nucleotide sequences 1487
germination 5504
         gene expression 299
genetic variance 11710
germplasm releases 2581
         heritability 11710
         nucleotide sequences 299
     germplasm releases 2548-2551, 3548,
            5477, 10352
     Gibberella, genetic transformation 4510
Gibberella fujikuroi 1523, 5538, 11736
artificial selection 5539
          gene expression 12894
     Gibberella zeae 1526, 4513, 6723, 7954
         artificial selection 5539 techniques 1524
     gibberellins, mutations 2574
     Glomus intraradices, gene expression 9154
    glucan branching enzyme, mutations 9172
     glucose-1-phosphate adenylyltransferase
         gene dosage 10435
genetic engineering 12874
         mutations 10435, 12874
     β-glucosidase
         amino acids 10443
          isoenzymes 10444
     β-glucuronidase 10442
         gene expression 12863, 12869
         genetic transformation 10372, 12863,
               12869
    glufosinate, genetic transformation 6441, 10495, 11740
    glutamate-ammonia ligase, gene expression 304, 10433
glutamate synthase, gene expression 304
     glutathione transferase
    gene expression 4478
nucleotide sequences 4478
glycine-rich proteins
         gene expression 5481
    glycoproteins, gene expression 12894
glycoproteins, gene expression 12894
glyphosate, combining ability 1536
growth period 5474, 6712, 7938, 10430,
10480, 10482, 12890
         artificial selection 1504, 2576, 9161
         combining ability 10467
         genetic markers 10453-10454
         genotype environment interaction 5522
    growth regulators 10459, 12882
gene expression 322, 3564, 9141,
               10529
         genetic markers 10454
         mutations 1511
         nucleotide sequences 9141
     habit 5501
         evolution 11705
    molecular genetics 11705
haploidy 2571, 5519, 7795
         genetic markers 1493
     heat resistance
         genetic markers 321
         restriction fragment length polymor-
                phism 321
```

```
Zea mays cont.
    heat shock, gene expression 10241
    heat shock proteins, gene expression
5534, 10484-10486
height 2572, 2582, 3579, 5503
         epistasis 10448
         gene mapping 5489 genetics 301
    Helicoverpa zea 7966, 7971, 7974, 12895
         artificial selection 9184
         gene mapping 327
         genetic transformation 10497 genetics 7967, 7984
   genetics 7967, 7984
restriction fragment length polymorphism 9185
reviews 7972
herbicides 4515, 9186, 10498
combining ability 1536
gene expression 8008
gene mapping 5548, 8009
genetic engineering 2561
genetic transformation 6467, 11740
mathematics 8009
         mathematics 8009
         nucleotide sequences 8008
        restriction fragment length polymor-
phism 5548
    heterosis 4506, 11698
         combining ability 5511
    high plains virus 1529
         genetic markers 3586
         genetics 3586
    histone deacetylase
         gene expression 10368, 10440
         genetic transformation 10368, 10440
    histones, gene expression 9136
    history, gene mapping 5483
hybrid seed production 1492, 7933, 9148,
10419-10420
    germplasm releases 1481, 5545
hybrid varieties 297, 3544, 5305, 5479,
7924, 7934, 8000, 8005, 9134,
10458
         history 9126
    hydroxamic acids, genetic engineering
    IAA, mutations 1511
    ideotypes 2593
    in vitro culture 1495-1496
    inbreeding 2543, 2548-2550, 2566, 3545-3546, 5476, 7922, 9130
    inbreeding depression 9128
    indole synthase, mutations 3568
    induced mutations 5520, 10398
    inflorescences 2582
         artificial selection 306, 12880
         gene expression 10438
         gene mapping 10431-10432
         genetic variance 2579
         genetics 2579
         mutations 303, 3563, 10431-10432,
               10438
    insects 7962, 7977
         artificial selection 2600
         genetic engineering 2561 reviews 7968
         techniques 7975
    interspecific hybridization 2566, 2569, 9157-9158
    irrigation 316
    isoamylase, gene expression 10472 isoenzymes 7929, 10354
         genetic variation 10463
    isomerases
         gene expression 9145
nucleotide sequences 9145
    lasers 10407
    leaves 3579, 10442
         gene mapping 281
         genetics 301
         heterosis 4493
         induced mutations 9152
         linkage 10460
         mutations 281, 6710, 10450-10452, 10461, 11691
         nucleotide sequences 10451, 11691
    legislation 6700
    ligases, nucleotide sequences 12864
    light, gene expression 4481
    lignin
         artificial selection 3588
```

ea mays cont.	Zea mays cont.	Zea mays cont.
lignin cont.	oils cont.	promoters
mutations 10436	combining ability 1517	molecular genetics 10385
lodging 5507, 7943	genetic markers 6718	nucleotide sequences 10385
artificial selection 9161, 11708	heterosis 1517	protein kinase
combining ability 7941	maternal effects 9171	gene expression 10386
genetic variance 7941	reciprocal effects 9171	gene location 288
low input agriculture, reviews 5524, 5526	stability 1517	in situ hybridization 288
lysine 3571	Oryza sativa, intergeneric hybridization	nucleotide sequences 10386
mutations 10478 maize chlorotic mottle machlomovirus,	6814	proteinases
germplasm releases 5545	Ostrinia furnacalis 7998, 8005 artificial selection 8001	gene expression 9138
maize dwarf mosaic potyvirus 1527-	Ostrinia nubilalis 1533, 2599, 5547,	nucleotide sequences 9138
1528, 2598, 5544, 11738	7954, 7969, 7977, 7983, 8002	proteins 7956
maize mosaic nucleorhabdovirus, germ-	artificial selection 1534, 3588, 7994	gene expression 6698, 9140, 9155 genetic distance 1337
plasm releases 1530	genetic markers 7988-7989	maternal effects 9171
maize rayado fino marafivirus 4514	genetic transformation 326, 1535,	polymorphism 1337
maize streak monogeminivirus 10492	3587, 4510, 7963, 7989, 10495,	reciprocal effects 9171
genetic markers 6726	11740	protoplast fusion 1496
genetics 6726	heritability 2601, 12900	Puccinia polysora 7960
restriction fragment length polymor-	restriction fragment length polymor-	gene mapping 5542
phism 6726 maize yellow stripe tenuivirus, artificial	phism 7988	genetics 3585
selection 7953, 7961	ovules 1495 parathion-methyl 8006	heritability 5542
male sterility 7937, 10421	pathogenesis-related proteins 5536	restriction fragment length polymor
gene mapping 10422-10423	pectin methylesterase	phism 5542
mutations 10422-10424	gene expression 9139	Puccinia sorghi
maysin 7974	nucleotide sequences 9139	artificial selection 5543
artificial selection 9184	Peronosclerospora sorghi, gene expres-	genetics 3584, 5540
genetics 7967	sion 10487	germplasm releases 5541 pyruvate,orthophosphate dikinase
restriction fragment length polymor-	peroxidases	evolution 138
phism 9185, 10373	gene expression 4484	gene expression 138, 1499
meiosis	nucleotide sequences 4484	genetic engineering 1499
genetics 4494, 10400	pesticides 8006	nucleotide sequences 138
mutations 4494, 10400	pests 7990, 7997	quality 1518, 2587, 3434, 3577, 6715,
Melanaphis sacchari 10496 Meloidogyne arenaria, germplasm	conferences 8868 genetic engineering 2594	11720, 12887
releases 10494	Phaseolus vulgaris, crop mixtures 5750	artificial selection 3574
Meloidogyne incognita, germplasm	phenolic compounds 4513	combining ability 7944
releases 10494	artificial selection 1534	genetic engineering 11721
mercaptopurine 10407	phosphate transporters	genetics 10476
meristems, mutations 10441	gene expression 4499	heterosis 10476
messenger RNA, gene expression 4505	nucleotide sequences 4499	quantitative traits
methyl methanesulfonate 10395	phosphoenolpyruvate carboxylase,	computer programming 7931 gene mapping 1489-1490, 5483,
metolachlor 10498	induced mutations 5496	11699
mites 7980	phosphoglucomutase	genetics 7931
mitochondria 10434	gene expression 12891	multivariate analysis 3547
mitochondrial genetics 5793, 10375	nucleotide sequences 12891	restriction fragment length polymor
mitotic recombination 10399	phosphogluconate dehydrogenase, gene expression 9163, 11706	phism 6716
moisture content, artificial selection 1505 molecular genetics 3551, 4485, 6697,	phosphoprotein phosphatase	raffinose
7926	gene location 288	gene expression 3556
techniques 282	in situ hybridization 288	mutations 1509, 3556
morphology 1492, 5507	phosphorus 314	random amplified polymorphic DNA
genetics 10462	genotype environment interaction	2558, 2562, 9135, 10369, 10381
multivariate analysis 5491, 5517,	10483	techniques 3379
9153	induced mutations 10477	recombinant proteins, genetic transform
multivariate analysis, mathematics 5264	photoperiodism 2572, 7938, 10421	tion 12870 recombination 2557, 2565, 4488, 1038
mutagens 2578, 5520, 9152, 10395,	photosynthesis 1519, 7950, 11703, 11731	10389
10407	heterosis 4493	genetics 295
induced mutations 10396	nucleotide sequences 4504	restriction fragment length polymor
mutations 10383, 10397	Physopella zeae 6722 phytoene desaturase	phism 295
mycoplasma-like organisms, artificial selection 7961	gene expression 4503	transposable elements 9147
mycorrhizas, gene expression 9154	mutations 4503	regenerative ability 6713
Mycosphaerella zeae-maydis 11735	plant composition 7977, 7983	repetitive DNA 2568, 12862
mycotoxins 11735	genetics 10476	restriction fragment length polymorphi
genetics 3581-3582	heterosis 10476	302, 5482, 6701, 6706, 7929,
necroses	plant disorders, nucleotide sequences	10371, 10381-10382, 10412
mutations 283	11739	ribosomal RNA, gene expression 286, 12867
nucleotide sequences 283	plant embryos 1509, 9160	ribosome-inactivating proteins, genetic
nicosulfuron 9186	gene expression 3567, 7935, 9155,	engineering 4041
nitrate reductase, gene expression 304,	10374, 10417	ribosomes, mitochondrial genetics 4482
9154	mutations 1501, 10427, 10429, 10450	ribulose-bisphosphate carboxylase
nitrite reductase, gene expression 304	plastids molecular genetics 10385	gene expression 4486
nitrogen 317, 5527, 6720, 7949, 11727, 11729, 12887	nucleotide sequences 10385	nucleotide sequences 4486
artificial selection 318, 5525	pollen 2575, 7937, 10428	rimsulfuron 9186
genetic markers 5523	gene expression 11701, 12873	RNA binding proteins, molecular gene
nuclei 10364	mutations 10418	ics 12876
nucleolus 10411	techniques 7936	RNA polymerase
nucleotide sequences 10377, 11695	pollen germination 10498, 10582	molecular genetics 10385
nutrients 314, 317, 319, 3578, 5527,	pollination 7933, 9171, 10393	nucleotide sequences 10385
6720, 7947, 7949, 9176, 11727,	polyamine oxidase, nucleotide sequences	roots 1503, 5497, 6721, 8990, 11510
11729, 12887	10380	artificial selection 300, 11708
artificial selection 318, 5525, 5532	polyamines, in vitro selection 3580	gene expression 289, 9163, 11730 mutations 10445-10447
genetic markers 5523	polymerase chain reaction 2562, 5487	nucleotide sequences 289; 11730
induced mutations 10477	profilin, gene expression 11701 prolificacy, artificial selection 7939,	salinity 9181
nutritive value 3572, 5521, 6717, 7945	11707	genetic markers 7952
oils 312, 3572	proline gene expression 7935	in vitro selection 3580

Lea mays cont.	Zea mays cont.	Zea mays cont.
salinity <i>cont</i> .	sucrose synthase cont.	vivipary cont.
random amplified polymorphic DNA	gene expression cont.	mutations 1509, 3556, 3560, 3564-
7952	genetic transformation 12871	3566
Sclerophthora rayssiae 7998	genetics 12879	water balance 298
seed aging 297	nucleotide sequences 12879	waterlogging, artificial selection 5480
seed production 9166	sugarcane mosaic potyvirus 1527-1528,	waxes
seed testing 4502	2598, 11738	mutations 4501, 5255
seedlings, germplasm releases 2581	gene mapping 10493	nucleotide sequences 4501
seeds	genetics 10493	wheat streak mosaic rymovirus 1529
gene expression 2573, 3560, 4503,	germplasm releases 5545	genetic markers 3586
7927, 9140, 10379	restriction fragment length polymor-	genetics 3586
genetic transformation 10379	phism 10493	X radiation 2578
genetics 4254, 7985, 10476	sugars, quality 7946	xanthophylls, mutations 3565-3566
heterosis 10476	superoxide dismutase	yield components 10354, 10458, 10469
maternal effects 9171	gene expression 10456, 12699	artificial selection 317-318, 1480,
mutations 4254, 4503, 9159 nucleotide sequences 9159	genetic transformation 12699	1482, 3546, 7930, 7932, 9129, 9168-9169, 10355
reciprocal effects 9171	synthetic varieties 7930	combining ability 277, 302, 305, 308,
storage 6715	telomerase	1512, 2583, 5511, 5514-5516,
senescence	chromosomes 11521	5518, 6711, 7944, 9169, 10464,
gene expression 284	polymerase chain reaction 11521	10466, 11713-11715, 12885
mutations 5499	temperature 7938 tillage 11725	computer simulation 7932
nucleotide sequences 284	tillering 9157-9158	gene mapping 1490
Sesamia calamistis, artificial selection	mutations 10447	genetic markers 5506
8007	tissue culture 311, 1514, 4507, 5520,	genetic variance 277, 310, 6706,
Sesamia cretica 8002	6713, 10415, 12883	7930, 7942
Sesamia nonagrioides 12901	toxic substances 319-320, 7951, 8990,	genetics 2584, 5510, 7932, 10464,
combining ability 11743	12892	11713
genetic transformation 10495	artificial selection 5529	genotype environment interaction
reciprocal effects 11743	gene mapping 5529	3549, 6711, 9176, 11728, 12889
Setosphaeria turcica 1525, 4512, 11737	restriction fragment length polymor-	heritability 1482, 10468
genetic variance 7959	phism 5529	heterosis 310, 1482, 1504, 1512,
genetics 4511	transcription factors	1521, 5515, 6706
heritability 7959	gene expression 10365, 10374, 10379	multivariate analysis 309, 1491, 1513,
sex 2572	genetic engineering 10365	5517
silage 1516, 6714, 6717, 7925, 10469	genetic transformation 10379	stability 12888-12889
Sitophilus oryzae 12896	transposable elements 4491, 4501, 5492,	yield correlations 1482, 5512-5513, 7999,
Sitophilus zeamais 5546	6702, 6704, 10390, 10397, 10470,	11712, 11726, 12886
genetic variance 12898 genetics 7985	11704	mathematics 5264
genotype environment interaction	DNA hybridization 5493	yields 6720, 9166, 10465
12898	gene dosage 4489	artificial selection 5508, 11690
heritability 12898	gene expression 287, 293, 4490,	combining ability 5502, 11716
soil pH 319, 1521	4492, 7705	genetic markers 5502
soil toxicity 1521	gene mapping 281	genetic variance 7947
epistasis 9177	gene tagging 4490, 11424	genetics 5509
genetic variance 9177	genetic engineering 2336, 11424	genotype environment interaction
soil types 9176	modifiers 3553	5522, 9174-9175 heterosis 2567, 7947, 11716
somaclonal variation 5520, 11718	molecular genetics 294, 3552, 3554	stability 7948, 10481, 12890
somatic embryogenesis 3570	mutations 281	zein 2577, 10363
genetics 2585	nucleotide sequences 285 Trichogramma 12895	gene expression 3432, 9142
mutations 9173	Tripsacum, intergeneric hybridization	genetic engineering 2590
source sink relations 3559, 7939	10415, 10425	genetics 3562, 3575
sowing date 315, 5544, 12890	Tripsacum dactyloides, intergeneric	linkage 3562
Sphacelotheca reiliana 2595	hybridization 5550, 11717	nucleotide sequences 9142, 11694
techniques 5537	triticale, intergeneric hybridization 271	polymerase chain reaction 6700
spikelets gene expression 9164	Triticum, intergeneric hybridization 6613	polymorphism 2558
mutations 305	Triticum aestivum, intergeneric hybridiza-	Zea mays (popcorn)
Spodoptera frugiperda 1531-1532, 7966,	tion 1400, 3449, 4357, 5347, 7795-	accessory chromosomes 5308
7970-7971, 7974, 7982, 8006	7796, 8994	chromosome morphology 5308
artificial selection 7986, 7995-7996	Triticum durum, intergeneric hybridiza-	meiosis 5308
genetic transformation 10497	tion 12724	Zea mays (sweetcorn)
genetics 7986, 7996	tryptophan	artificial selection 10348
reviews 7972	genetics 10476	Cochliobolus heterostrophus 12893
stability 4508	heterosis 10476	cold resistance 4509
yields 10482	α-tubulin	cultivars, Florida XP-7 1484
starch 3434, 3576-3577, 10473	gene expression 11700	endosperm, mutations 11711
maternal effects 9171	genetic engineering 11700	maize dwarf mosaic potyvirus 2597
mutations 313, 2586	ubiquitin	Pantoea stewartii 12893
reciprocal effects 9171	gene expression 10366	Puccinia sorghi 12893
starch synthase	genetic engineering 10366, 11782	Setosphaeria turcica 12893
gene expression 7928, 10437, 11692	promoters 11782	sugarcane mosaic potyvirus 2597
mutations 7928	ultrastructure 10582	variety trials 10360
nucleotide sequences 7928, 10437,	uroporphyrinogen decarboxylase, nucleo-	yield components
Stancograella mandia 1522	tide sequences 11739 Ustilago zeae 9181, 10490-10491	combining ability 1502
Stenocarpella maydis 1522	techniques 5537	epistasis 1502
combining ability 9179 genetics 9179	variety classification 2577, 10363, 12884	Zea mexicana  chromosome pairing 2568
stress	mathematics 9167	chromosome pairing 2568 cytomixis 2569
gene expression 11730	random amplified polymorphic DNA	interspecific hybridization 2569, 9158
genetic engineering 11732	11702	repetitive DNA 2568
nucleotide sequences 11730	restriction fragment length polymor-	tillering 9158
reviews 5524	phism 11702	Zea parviglumis, alcohol dehydrogenase,
Striga hermonthica, artificial selection	variety trials 278, 316, 2552-2553, 2588,	nucleotide sequences 11723
11744	2591-2592, 7923-7925, 7945, 9131,	Zea perennis
sucrose-phosphate synthase, gene expres-	10356-10359, 11720	interspecific hybridization 10394
sion 3831	statistics 1483	Ustilago zeae 10491
sucrose synthase	vivipary	Zeatin, Nicotiana plumbaginifolia, mutations
gene expression 12879	gene expression 3556	2113

Leaxanthin epoxidase
Lycopersicon esculentum
gene expression 1816
nucleotide sequences 1816  Zein
Nicotiana tabacum
gene expression 2590
genetic transformation 2590
Zea mays 2577, 10363
gene expression 3432, 9142
genetic engineering 2590
genetics 3562, 3575
linkage 3562
nucleotide sequences 9142, 11694
polymerase chain reaction 6700
polymorphism 2558
Cephyranthes aborrations 6355
chromosome aberrations 6355 chromosome pairing 6355
Zeuxine assamica, taxonomy 5128
Leuzera pyrina, Juglans regia 6068
Zigadenus paniculatus, inflorescences, nati
ral selection 3301
Zinc
Aegilops, chromosome addition 4373
Arabidopsis thaliana
gene expression 11462
nucleotide sequences 11462
Avena sativa 4373
Brassica juncea 883-884
Brassica napus (rape) 883-884
Elymus, chromosome addition 4373
Secale cereale 4373
chromosome addition 3542
gene location 3542
triticale 4373, 10272
chromosome addition 3542
gene location 3542
Triticeae 4373 Triticum aestivum 198, 3486, 4373,
10272, 11636, 12750
chromosome addition 3542, 4373
gene location 3542
Triticum durum 198, 9065
Zinc methyl arsenate
Brassica campestris (turnip rape) 8507
Brassica napus (rape) 8507
Zingiber eborinum, taxonomy 5150
Zingiber flammeum, taxonomy 5150
Zingiber officinale
anther culture 8847
chromosome morphology 12564
chromosome number 12564
plant composition 11335
polyploidy 8847, 12564
random amplified polymorphic DNA 5148
somaclonal variation 5148
tissue culture 2241
variety trials 2240
Zinnia elegans
deoxyribonuclease
gene expression 11667
nucleotide sequences 11667
pectate lyase
gene expression 5104
nucleotide sequences 5104
xylem, gene expression 7533
Zizania texana, genetic resources 479
Ziziphus mauritiana
Carpomya vesuviana 13338 fruits 9738
Oidium erysiphoides 6063
Ziziphus sativa
breeding 12262
cultivars
Burnim 8488
Dongzao 4932
Finik 8488
Khurman 8488
Kitaĭskiĭ-93 8488
Lejin-1 12263
Lejin-2 12263
Leling Seedless-1 12263
Yuzhanin 8488
Zostera marina, pollination 1217-1218
Zoysia chloroplast genetics 2728
ecotypes 4590 genetic resources 507
genetic resources 507
interspecific hybridization 4590

```
Zoysia cont.

morphology, multivariate analysis 507
random amplified polymorphic DNA,
taxonomy 4590
restriction fragment length polymorphism
2728
salinity 11895
Zoysia japonica
gene expression 6322
genetic transformation 7516
salinity, restriction fragment length polymorphism 11894
Zoysia matrella, salinity, restriction fragment length polymorphism 11894
Zucchini yellow mosaic potyvirus
Cucumis sativus 8395
genetics 1888
Cucurbita 1870, 2977
Cucurbita pepo 1871
Nicotiana benthamiana, genetic transformation 11135
Zulia entreriana, Brachiaria brizantha 1646
Zyongramma archamationis Helionthus
     Zoysia cont.
    Zulia entreriana, Brachiaria brizantha 1646
Zygogramma exclamationis, Helianthus
annuus 2046
```

## LIST OF SERIALS ABSTRACTED

Listed below are the titles of the serial publications (excluding most annual reports and conference proceedings)

abstracted during 1998 for this journal.

Many other serials were scanned during 1998 but no relevant articles were selected. A full list of all the serials scanned for items suitable for abstracting for the CAB ABSTRACTS database and the whole range of CABI's abstract journals is given in the CAB International Serials Checklist, 1995 edition. The publication includes ISSNs and publishers' addresses.

ACIAR Food Legume Newsletter ACIAR Proceedings Series

Acta Agriculturæ Scandinavica. Section B, Soil and Plant Science Acta Agriculturae Boreali-Sinica

Acta Agriculturae Shanghai Acta Agriculturae Zhejiangensis Acta Agronomica Hungarica

Acta Agronomica Sinica
Acta Biochimica et Biophysica Sinica
Acta Biochimica Polonica Acta Biologica Hungarica Acta Biotechnologica Acta Biotheoretica Acta Botanica Gallica Acta Botánica Mexicana Acta Botanica Neerlandica Acta Botanica Sinica Acta Botanica Venezuelica Acta Botanica Yunnanica Acta Fytotechnica

Acta Horticulturae Acta Horticulturae et Regiotecturae

Acta Horticulturae Sinica

Acta Oecologica

Acta Physiologiae Plantarum

Acta Phytopathologica et Entomologica Hungarica

Acta Phytopathologica Sinica Acta Phytophylacica Sinica Acta Phytophysiologica Sinica Acta Phytotaxonomica Sinica Acta Prataculturae Sinica Acta Pruhoniciana

Acta Scientiarum Naturalium Universitatis Normalis Hunanensis

Acta Scientiarum Naturalium Universitatis Sunyatseni

Acta Universitatis Agriculturae et Silviculturae Mendelianae Brunensis

Acta Universitatis Agriculturae Sueciae - Agraria

Adansonia

Advances in Agricultural Research in India Advances in Agronomy Advances in Horticultural Science

Advances in Plant Sciences

African Entomology
African Journal of Mycology and Biotechnology

AgBiotech News and Information Agnote - NSW Agriculture

Agraarteadus Agrarforschung

Agricoltura Mediterranea

Agricultura Tropica et Subtropica Agricultura, Revista Agropecuaria Agricultural and Food Science in Finland

Agricultural Economics

Agricultural Research (Washington) Agricultural Reviews (Karnal) Agricultural Science Agricultural Science (Tabriz)

Agricultural Systems Agriculture and Human Values Agriculture et Développement Agriculture Handbook (Washington) Agriculture, Ecosystems & Environment

AgriTopia

Agro Food Industry Hi-Tech

Agro-Ciencia Agrociencia Agroforestry Systems
Agroforestry Today
Agronomía Colombiana
Agronomía Mesoamericana
Agronomía Tropical (Maracay)

Agronomie Agronomski Glasnik Agronomy Journal Agropecuária Catarinense

Alexandria Journal of Agricultural Research

Alimentaria

Allergy (Copenhagen)

Allgemeine Forst- und Jagdzeitung

American Journal of Botany

American Journal of Enology and Viticulture American Journal of Potato Research

American Naturalist American Potato Journal

American Rhododendron Society Journal

Anadolu

Anais da Sociedade Entomológica do Brasil

Analele Institutului de Cercetări pentru Cereale și Plante Tehnice,

Fundulea

Anales del Jardín Botánico de Madrid

Analyst

Analytica Chimica Acta Analytical Biochemistry Angewandte Botanik Annales Botanici Fennici Annales des Sciences Forestières Annales du Tabac. Section 2

Annales Universitatis Mariae Curie-Skłodowska. Sectio EEE,

Horticultura

Annals of Agri Bio Research Annals of Agricultural Research Annals of Agricultural Science (Cairo) Annals of Agricultural Science, Moshtohor

Annals of Applied Biology Annals of Arid Zone Annals of Biology (Ludhiana)

Annals of Botany
Annals of Plant Physiology

Annals of Plant Protection Sciences Annals of the Missouri Botanical Garden Annals of the Phytopathological Society of Japan Annual Report - National Institute of Genetics, Japan

Annual Report of the Society of Plant Protection of North Japan

Annual Review of Ecology and Systematics Annual Review of Entomology

Annual Review of Genetics

Annual Review of Phytopathology
Annual Review of Plant Physiology and Plant Molecular Biology

Antonie van Leeuwenhoek

Appita Journal

Applied and Environmental Microbiology Applied Entomology and Phytopathology Applied Entomology and Zoology

Applied Plant Science
Arab Gulf Journal of Scientific Research

Arab Universities Journal of Agricultural Sciences

Arboriculture Fruitière
Archives of Phytopathology and Plant Protection
Archives of Virology
Arid Soil Research and Rehabilitation

Arnoldia (Boston) Arquivos de Biologia e Tecnologia

Arroz

Asia Pacific Journal of Clinical Nutrition Asian-Australasian Journal of Animal Sciences

Assart Australasian Journal of Animal Sciences
Aspects of Applied Biology
Assiut Journal of Agricultural Sciences
Australasian Plant Pathology
Australian & New Zealand Wine Industry Journal Australian Journal of Agricultural Research

Australian Journal of Botany

Australian Journal of Entomology

Australian Journal of Experimental Agriculture Australian Journal of Plant Physiology

Australian Plant Introduction Review Australian Plants

Australian Systematic Botany

Bulletin of the Hiroshima Prefectural Agriculture Research Center Austrobaileva Avance Agroindustrial Bacterial Wilt Newsletter Bulletin of the Hokuriku National Agricultural Experiment Station Bulletin of the Institute for Comprehensive Agricultural Sciences, Kinki Bangladesh Journal of Botany Bulletin of the Institute of Tropical Agriculture, Kyushu University Bangladesh Journal of Zoology Bulletin of the Institute of Tropical Agriculture, Kyushu University Bulletin of the Kyushu National Agricultural Experiment Station Bulletin of the National Institute of Agrobiological Resources Bulletin of the National Research Institute of Vegetables, Ornamental Plants and Tea. Series A: Vegetables and Ornamental Plants Bulletin of the Research Institute for Bioresources, Okayama University Bulletin of the Rubber Research Institute of Sri Lanka Bulletin of the Shikoku National Agricultural Experiment Station Bulletin of the Tohoku National Agricultural Experiment Station BASE: Biotechnologie, Agronomie, Société et Environnement Bean Bag
Beijing Agricultural Sciences Beiträge zur Biologie der Pflanzen Beiträge zur Züchtungsforschung - Bundesanstalt für Züchtungsforschung an Kulturpflanzen
Berita - Pusat Penelitian Perkebunan Gula Indonesia Berita ISOPB Betodlaren Búvísindi Cactus and Succulent Journal Better Crops with Plant Food Cactus and Succlient Journal
Cahiers Agricultures
Cahiers de la Recherche Développement
Cahiers Options Méditerranéennes
California Agriculture
Canadian Entomologist
Canadian Journal of Botany Betteravier (Bruxelles) Bhartiya Krishi Anusandhan Patrika Biochemical Genetics Biochemical Journal (London) Biochemical Systematics and Ecology Biochemistry (Washington) Biochemistry and Cell Biology
Biochemistry and Molecular Biology International
Biochimica et Biophysica Acta, Gene Structure and Expression
Biochimica et Biophysica Acta, Molecular Cell Research Canadian Journal of Forest Research Canadian Journal of Plant Pathology Canadian Journal of Plant Science Candollea Capsicum & Eggplant Newsletter Carta Trimestral - CENICANA, Centro de Investigación de la Caña de **Biochimie** Biocontrol Science and Technology Biodiversity and Conservation Biodiversity Letters Azúcar de Colombia Caryologia Bioelectrochemistry and Bioenergetics Cashew BioEssays Castanea Cell (Cambridge) Biofutur Cell Biology International
Cellular and Molecular Life Sciences Biológia (Bratislava) Biologia Plantarum Biological & Pharmaceutical Bulletin Cercetări Agronomice în Moldova Cereal Chemistry Cereal Foods World Biological Agriculture & Horticulture Biological Chemistry Hoppe-Seyler Biological Conservation Biological Journal of the Linnean Society Cereal Research Communications Chambres d'Agriculture Chemistry and Industry (London) Chemistry and Industry of Forest Products Chemistry of Natural Compounds Biological Reviews of the Cambridge Philosophical Society Biologija Biologist (London)
Biology and Fertility of Soils
Biology Bulletin of the Russian Academy of Sciences Chemosphere China Cottons China Cottons
China Fruits
China Vegetables
China's Fibre Crops
Chinese Journal of Applied and Environmental Biology
Chinese Journal of Applied Ecology
Chinese Journal of Rice Science Biology International Biomass and Bioenergy Biometrics Bioresource Technology BioScience Bioscience, Biotechnology and Biochemistry Biotechnic & Histochemistry Chinese Journal of Virology BioTechniques (Euro Edition) Chmelařství Biotechnology Advances Choices. The Magazine of Food, Farm, and Resources Issues Biotechnology and Bioengineering Chromosoma Biotechnology and Development Monitor Chromosome Research Biotechnology Letters Ciência e Agrotecnologia Biotechnology Progress Ciencia e Investigación Agraria Biotechnology Techniques Ciência Rural Biuletyn Instytutu Hodowli i Aklimatyzacji Roślin CIP Circular Blumea Circular - Texas Forest Service Boletim de Pesquisa - Embrapa Centro de Pesquisa Agropecuária do Cold Spring Harbor Symposia on Quantitative Biology Oeste Colloques de l'INRA Boletín de Entomología Venezolana Colture Protette Botanica Acta Botanica Helvetica Commonwealth Forestry Review Communications in Soil Science and Plant Analysis Botanical Bulletin of Academia Sinica Botanical Journal of Scotland Compact Fruit Tree Comptes Rendus de l'Académie d'Agriculture de France Comptes Rendus de l'Académie des Sciences. Série III, Sciences de la Botanical Journal of the Linnean Society Botanical Review Vie Botanicheskiĭ Zhurnal Bothalia Filiales Brazilian Journal of Genetics Breeding Science British Sugar Beet Review

Comptes Rendus des Séances de la Société de Biologie et de ses Comunicado Técnico - Centro Nacional de Pesquisa de Algodão Comunicado Técnico - EMBRAPA Centro de Pesquisa Agropecuária do Oeste

Conservation Biology Cooperative Sugar Cornell Focus

Critical Reviews in Plant Sciences Crop Improvement

Crop Protection Crop Research (Hisar) Crop Science

CRRN, Chinese Rice Research Newsletter Cruciferae Newsletter

Cryo-letters

Cryptogamie, Mycologie CSM Informatie

Cuban Journal of Agricultural Science

Cukoripar Cultivar Cultivos Tropicales

Bulletin of Faculty of Agriculture, University of Cairo
Bulletin of Hokkaido Prefectural Agricultural Experiment Stations Bulletin of Taichung District Agricultural Improvement Station Bulletin of Tachung District Agricultural Improvement Station Bulletin of the Chugoku National Agricultural Experiment Station Bulletin of the College of Agriculture, Utsunomiya University Bulletin of the Faculty of Agriculture, Meiji University Bulletin of the Faculty of Bioresources, Mie University Bulletin of the Forestry and Forest Products Research Institute, Ibaraki

Bulgarian Journal of Agricultural Science

Bulletin d'Information - CORESTA

Bulletin of Entomological Research

Brittonia

și Chimice

Bulletin de l'OIV

Buletinul Academiei de Științe a Republicii Moldova, Stiințe Biologice

Bulletin - Mississippi Agricultural and Forestry Experiment Station Bulletin - Pusat Penelitian Perkebunan Gula Indonesia

Forstarchiv

Fourrages

Serial Publications Cited Current Agriculture Current Biology Fragmenta Floristica et Geobotanica Fragmenta Floristica et Geobotanica, Series Polonica, Supplementum Current Genetics FRI Bulletin Current Opinion in Biotechnology Fruit Belge Current Research - University of Agricultural Sciences (Bangalore) Fruit Varieties Journal Current Science Fruits (Paris) Curtis's Botanical Magazine Fruits (Faris)
Fruitteelt (Den Haag)
Functional Ecology
Fundamental and Applied Nematology
Fungal Genetics and Biology Cytobios Cytologia Czech Journal of Genetics and Breeding Czech Mycology Developmental Biology Garden (London) Gartenbauwissenschaft Dirasat. Agricultural Sciences Gemüse (München) Discovery and Innovation Gene General Technical Report - Rocky Mountain Forest and Range Experiment Station, USDA Forest Service Diversity DNA Sequence Documentos - Centro Nacional de Pesquisa de Florestas Documentos - Centro Nacional de Pesquisa do Algodão Genes & Development Genes and Genetic Systems Doklady, Biochemistry Genes to Cells Doklady, Biological Sciences Ecological Applications Ecological Entomology Genetic Resources and Crop Evolution Genetic Resources Communication Genetica Ecological Modelling Genetical Research Ecology Genetics Economic Botany Genetics and Molecular Biology Écoscience Genetics, Selection, Evolution Egyptian Journal of Agricultural Research Egyptian Journal of Horticulture EMBO Journal Genetika (Moskva) Genetika a Šlechtění Genome Entomologia Experimentalis et Applicata Genome Research Entwicklung + Ländlicher Raum Genomics (San Diego) Environment and Ecology Georgofili Environment Control in Biology Gesunde Pflanzen Environmental and Experimental Botany Getreide Magazin Environmental and Molecular Mutagenesis Global Journal of Pure and Applied Sciences **Environmental Entomology** Good Fruit Grower Grøn Viden, Havebrug Grøn Viden, Markbrug **Environmental Pollution** Environmentally Sustainable Development Studies and Monographs Grana Enzyme and Microbial Technology Grassland of China Ernährung Grassland Science Ernstia Great Basin Naturalist Erwerbsobstbau Haryana Agricultural University Journal of Research Euphytica Helia European Journal of Agronomy European Journal of Biochemistry European Journal of Cell Biology European Journal of Forest Pathology Hemijska Industrija Herba Polonica Hereditas (Beijing) Hereditas (Landskrona) European Journal of Plant Pathology Heredity HGCA Project Report Highlights of Agricultural Research - Alabama Agricultural Experiment Evolution Evolutionary Ecology
Experimental & Applied Acarology Station Honeybee Science Experimental Agriculture Horticultural Journal Horticultural Science Fagopyrum Farm & Food Farm Management HortScience HortTechnology Farmers' Newsletter, Large Area HRC, Journal of High Resolution Chromatography Hunan Agricultural Research Newsletter FEBS Letters Feddes Repertorium IAR Newsletter of Agricultural Research
ICAR News - Science and Technology Newsletter Feed Compounder Feedstuffs ICRISAT Information Bulletin Immergrüne Blätter FEMS Microbiology Letters Fern Gazette Immunotechnology In Vitro Cellular & Developmental Biology - Plant Fett/Lipid Field Crops Research Indian Coconut Journal (Cochin) Fitopatología Fitopatologia Brasileira Fitopatologia Colombiana Fiziologiya i Biokhimiya Kul'turnykh Rastenii Indian Coffee Indian Journal of Agricultural Research Indian Journal of Agricultural Sciences
Indian Journal of Biochemistry & Biophysics Flavour and Fragrance Journal Indian Journal of Entomology Flora (Jena) Indian Journal of Environment and Toxicology Florida Entomologist Folia Geobotanica et Phytotaxonomica Indian Journal of Experimental Biology Folia Horticulturae Folia Microbiologica Indian Journal of Forestry Indian Journal of Genetics & Plant Breeding Indian Journal of Microbiology
Indian Journal of Plant Physiology Food Biotechnology Food Chemistry Food Ingredients and Analysis International Indian Journal of Plant Protection Indian Journal of Sericulture Indian Journal of Virology Food Science and Technology International/Ciencia y Tecnología de Alimentos Internacional Food Science and Technology Today Indian Phytopathology Indian Sugar Food Technology (Chicago) Indian Textile Journal Förderungsdienst Forest Ecology and Management Forest Genetic Resources Industrial Crops and Products Infomusa Informatore Agrario Supplemento Informatore Fitopatologico Forest Genetics Forest Research Forestry (Oxford) Forst und Holz

Infos (Paris)
INGENIC Newsletter

Inligtingsbulletin - Instituut vir Tropiese en Subtropiese Gewasse

Journal of Hill Research

Journal of Horticultural Science Insect Environment Journal of Horticultural Science and Biotechnology Integrated Pest Management Reviews Journal of Huazhong Agricultural University Interciencia International Arachis Newsletter
International Chickpea and Pigeonpea Newsletter
International Congress and Symposium Series - Royal School of Journal of Hunan Agricultural University Journal of Industrial Microbiology & Biotechnology Journal of Insect Behavior Journal of Insect Physiology Medicine International Crop Network Series
International Journal of Food Sciences and Nutrition Journal of Interacademicia Journal of Japanese Botany Journal of Japanese Botany
Journal of Jiangsu Agricultural College
Journal of Maharashtra Agricultural Universities
Journal of Medicinal and Aromatic Plant Sciences
Journal of Mycology and Plant Pathology
Journal of Mycopathological Research
Journal of Nanjing Agricultural University
Journal of Natural Resources and Life Sciences Education International Journal of Nematology International Journal of Pest Management International Journal of Plant Sciences International Journal of Tropical Agriculture International Rice Research Notes International Sugar Journal (Cane Sugar Edition) IPGRI Newsletter for Asia, the Pacific and Oceania Iranian Journal of Agricultural Sciences Journal of Nematology
Journal of Northeast Agricultural University (English Edition)
Journal of Northeast Forestry University
Journal of Northwest Forestry College ISAAA Briefs Israel Journal of Plant Sciences Italus Hortus ITEA Producción Vegetal IUFRO World Series Journal of Nuclear Agriculture and Biology Journal of Pesticide Science Ivy Journal
Izvestiya Timiryazevskoĭ Sel'skokhozyaĭstvennoĭ Akademii
Japanese Journal of Crop Science
Japanese Journal of Tropical Agriculture
JARQ, Japan Agricultural Research Quarterly
Jiangsu Journal of Agricultural Sciences
JIRCAS International Symposium Series
JIRCAS Journal
Journal - American Society of Symposium Control Control Ivy Journal Journal of Phytopathology

Journal of Plant Biochemistry and Biotechnology Journal of Plant Growth Regulation Journal of Plant Nutrition Journal of Plant Pathology Journal of Plant Physiology
Journal of Plant Protection Research Journal - American Society of Sugar Cane Technologists Journal International des Sciences de la Vigne et du Vin Journal of Plant Resources and Environment Journal of Production Agriculture Journal of Agricultural and Food Chemistry Journal of Range Management Journal of Research ANGRAU Journal of Agricultural Entomology Journal of Agricultural Research of China Journal of Research, Birsa Agricultural University Journal of Agricultural Science Journal of Research, Punjab Agricultural University Journal of Root Crops Journal of Agricultural, Biological, and Environmental Statistics Journal of Root Crops
Journal of Rubber Research
Journal of Scientific & Industrial Research
Journal of Shandong Agricultural University
Journal of Shanghai Agricultural College
Journal of Somall Fruit & Viticulture
Journal of Soils and Crops
Journal of South China Agricultural University
Journal of Southwest Agricultural University
Journal of Spices and Aromatic Crops
Journal of Sustainable Agriculture
Journal of Taiwan Livestock Research
Journal of Tea Science Journal of Agriculture and Forestry Journal of Agriculture of the University of Puerto Rico Journal of Agriculture of the University of Journal of Agronomy and Crop Science Journal of Animal and Feed Sciences Journal of Animal Breeding and Genetics Journal of Animal Science Journal of Applied Ecology Journal of Applied Entomology Journal of Applied Genetics Journal of Applied Phycology Journal of Applied Phycology Journal of Applied Poultry Research Journal of Applied Seed Production Journal of Arid Environments Journal of Bacteriology Journal of Tea Science Journal of the American Oil Chemists' Society Journal of the American Society for Horticultural Science Journal of the Andaman Science Association Journal of Bacteriology Journal of Beijing Forestry University Journal of the Andaman Science Association
Journal of the Faculty of Agriculture, Kyushu University
Journal of the Faculty of Agriculture, Shinshu University
Journal of the Indian Potato Association
Journal of the International Hemp Association
Journal of the Japanese Society for Horticultural Science
Journal of the Japanese Society of Agricultural Machinery Journal of Biochemistry (Tokyo) Journal of Biological Chemistry Journal of Biological Education Journal of Biosciences Journal of Biotechnology Journal of Camel Practice and Research Journal of Cell Science Journal of Cereal Science Journal of Chemical Ecology Journal of the Korean Society for Horticultural Science Journal of the Korean Society of Grassland Science Journal of Chemical Ecology
Journal of China Agricultural University
Journal of Crop Production
Journal of Dairy Science
Journal of Ecology (Oxford)
Journal of Economic and Taxonomic Botany
Journal of Economic Entomology
Journal of Entomological Research
Journal of Entomological Science
Journal of Environmental Harriculture Journal of the National Science Council of Sri Lanka Journal of the Oil Technologists' Association of India Journal of the Science of Food and Agriculture Journal of the Southern African Society for Horticultural Sciences Journal of the Torrey Botanical Society Journal of Tropical and Subtropical Botany
Journal of Tropical Ecology
Journal of Tropical Forest Science
Journal of Turfgrass Management
Journal of Turkish Phytopathology
Journal of Virology
Journal of Wine Research
Journal of Yangzhou University, Natural Science Edition
Journal of Zhejiang Agricultural University
Journal of Zhejiang Forestry College
Journal of Zhejiang Forestry Science and Technology
Karnataka Journal of Agricultural Sciences
Kartofel' i Ovoshchi Journal of Tropical and Subtropical Botany Journal of Environmental Horticulture Journal of Environmental Quality Journal of Essential Oil Research Journal of Evolutionary Biology Journal of Experimental Botany Journal of Food and Drug Analysis Journal of Food Composition and Analysis Journal of Food Protection Journal of Food Science and Technology (Mysore) Kartofel' i Ovoshchi Journal of Forestry Kartoffelbau Journal of Fruit Science Kasetsart Journal, Natural Sciences Journal of Fruit Science
Journal of Fujian Academy of Agricultural Sciences
Journal of Fujian Agricultural University
Journal of General Virology Kenya Coffee Kew Bulletin Korean Journal of Applied Entomology Korean Journal of Crop Science Korean Journal of Plant Pathology Journal of Genetics Journal of Genetics & Breeding
Journal of Guangxi Agricultural University
Journal of Hebei Agricultural University
Journal of Henan Agricultural Sciences Korean Journal of Weed Science Kühn-Archiv Kukuruza i Sorgo Journal of Herbs, Spices & Medicinal Plants Landscope Journal of Heredity Landtechnik

Lavoura Arrozeira

Serial Publications Cited Nucleic Acids Research Lebensmittel-Wissenschaft & Technologie Nuytsia Obst- und Weinbau Obstbau Weinbau Lens Newsletter Lietuvos Žemdirbystės Instituto Mokslo Darbai, Žemdirbystė Ochrana Rostlin Lindleyana Listy Čukrovarnické a Řepařské OCL - Oléagineux, Corps Gras, Lipides Macedonian Agricultural Review Oecologia Madras Agricultural Journal Oikos Magnolia Oil Crops of China Magyar Szőlő- és Borgazdaság Oléoscope Olivæ Maize Genetics Cooperation Newsletter Majalah Penelitian Gula Ondokuzmayıs Üniversitesi, Ziraat Fakültesi Dergisi Options Méditerranéennes. Série B, Études et Recherches Maydica Orchids Mededelingen - Faculteit Landbouwkundige en Toegepaste Biologische **ORSTOM Actualités** Wetenschappen, Universiteit Gent Oryza Osteuropastudien der Hochschulen des Landes Hessen. Reihe 1, Giessener Abhandlungen zur Agrar- und Wirtschaftsforschung des Memoirs of Osaka Kyoiku University. III, Natural Science and Applied Europäischen Ostens Outlook on Agriculture Memoirs of the College of Agriculture, National Taiwan University Memoirs of the Faculty of Agriculture of Kinki University Memoirs of the Faculty of Agriculture, Kagoshima University Mezhdunarodnyĭ Sel'skokhozyaistvennyĭ Zhurnal Outrook of Agriculture
Oversigt over Landsforsøgene
PAC Occasional Paper - Pakhribas Agricultural Centre
PAC Technical Paper - Pakhribas Agricultural Centre
Pakistan Journal of Scientific and Industrial Research
Paper - American Society of Agricultural Engineers
Papua New Guinea Journal of Agriculture, Forestry and Fisheries Micología Neotropical Aplicada Microbiological Research Microbiology (Reading) Microbiology and Molecular Biology Reviews Pastos y Forrajes
PAV Bulletin Vollegrondsgroenteteelt Microbios Mikologiya i Fitopatologiya Miscellaneous Publication - National Institute of Agrobiological Pea & Bean Progress Pedosphere Pelita Perkebunan Pennsylvania Fruit News Mitteilungen aus dem Gebiete der Lebensmitteluntersuchung und Periodicum Biologorum Pesquisa Agropecuária Brasileira Mitteilungen aus dem Institut für Allgemeine Botanik Hamburg Mitteilungen Klosterneuburg, Rebe und Wein, Obstbau und Pesquisa em Andamento - Centro Nacional de Pesquisa de Milho e Früchteverwertung
Mokuzai Gakkaishi = Journal of the Japan Wood Research Society Sorgo Pesquisa em Andamento - Centro Nacional de Pesquisa do Algodão Molecular and Cellular Biochemistry Pesquisa em Andamento - EMBRAPA Centro de Pesquisa Agropecuária Molecular and Cellular Biology Molecular and General Genetics Pest Management in Horticultural Ecosystems Molecular Biology and Evolution Molecular Biology Reports Pesticide Outlook Pesticide Science Molecular Breeding PGRSA Quarterly Molecular Ecology Philosophical Transactions of the Royal Society of London. Series B, Molecular Immunology Biological Sciences Molecular Phylogenetics and Evolution Photosynthesis Research Molecular Plant-Microbe Interactions Photosynthetica Molecules and Cells Physiologia Plantarum Physiological and Molecular Plant Pathology Monti e Boschi Phytochemistry Phytoma Mühle + Mischfuttertechnik MusAfrica Phytomorphology Phyton (Buenos Aires) Mutation Research, DNA Repair Mutation Research, Fundamental and Molecular Mechanisms of Phyton (Horn) Phytoparasitica Mutation Research, Genetic Toxicology and Environmental Mutagenesis Phytopathologia Mediterranea Phytopathologia Polonica Mutation Research, Reviews in Mutation Research Mycologia Phytopathology PKV Research Journal Mycological Research Mycorrhiza Plant and Cell Physiology Mycosystema Plant and Soil Mycotaxon Mysore Journal of Agricultural Sciences Nachrichtenblatt des Deutschen Pflanzenschutzdienstes Plant Breeding Plant Breeding Abstracts Plant Cell Nahrung Plant Cell Reports National Academy Science Letters Plant Cell, Tissue and Organ Culture Nature (London) Plant Disease Nature Biotechnology Plant Disease Research Nature Genetics Plant Ecology
Plant Genetic Resources Newsletter Nature Medicine Neltropika Bulletin Plant Growth Regulation Nematologia Mediterranea Plant Journal Nematologica Netherlands Journal of Agricultural Science Plant Material Description Plant Molecular Biology New Forests New Phytologist Plant Molecular Biology Reporter Plant Pathology New Plantsman New York's Food and Life Sciences Bulletin
New Zealand Journal of Agricultural Research
New Zealand Journal of Botany
New Zealand Journal of Crop and Horticultural Science
Newsletter - International Herbage Seed Production Research Group Plant Physiology Plant Physiology and Biochemistry (Paris) Plant Physiology Communications Plant Production Science Plant Protection Newstetter - International Heroage Seed Troduction Research Group Ningxia Journal of Agricultural and Forestry Science and Technology Nippon Nogeikagaku Kaishi Nippon Shokuhin Kogyo Gakkaishi = Journal of the Japanese Society for Food Science and Technology Plant Science (Limerick) Plant Systematics and Evolution Plant Varieties & Seeds Plant Varieties & Secus
Plant Varieties Journal
Plant Variety Protection Office Official Journal
Plant, Cell and Environment Nordic Journal of Botany North Carolina Flower Growers' Bulletin Planta Northwest Science

Planta Medica

Plantations, Recherche, Développement

Növényvédelem

**NUCIS** Newsletter

Novon

Polish Botanical Studies

Polioprivreda

Poljoprivredna Znanstvena Smotra Polskie Pismo Entomologiczne

Postharvest Biology and Technology

Potato Research Poultry Science

Prace z Zakresu Nauk Rolniczych

Preslia

Principes

Probleme de Genetică Teoretică și Aplicată

Proceedings - Soil and Crop Science Society of Florida

Proceedings of Faculty of Agriculture, Kyushu Tokai University Proceedings of the Annual Congress - South African Sugar Technolo-

gists' Association Proceedings of the Association for Plant Protection of Kyushu

Proceedings of the Indian National Science Academy. Part B, Biological Sciences

Proceedings of the Kansai Plant Protection Society Proceedings of the Latvian Academy of Sciences. Section B, Natural Sciences

Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America

Proceedings of the National Science Council, Republic of China. Part B, Life Sciences

Proceedings of the Nutrition Society of New Zealand

Proceedings of the Section Experimental and Applied Entomology of the Netherlands Entomological Society

Proeftuinnieuws

Progrès Agricole et Viticole Progress in Lipid Research

Project Appraisal

Protoplasma
Punjab Vegetable Grower
Quarterly Journal of the Experimental Forest of National Taiwan

University Quarterly Newsletter - Tea Research Foundation of Central Africa

RAFI Communique Rasteniev"dni Nauki Rastitel'nye Resursy

RDA Journal of Crop Protection RDA Journal of Crop Science RDA Journal of Horticulture Science RDA Journal of Industrial Crop Science

Report - Cucurbit Genetics Cooperative Report of the Soy Protein Research Committee (Japan)

Report of the Taiwan Sugar Research Institute

Report of the Tokai Branch of the Crop Science Society of Japan Reports of the Tottori Mycological Institute Research Bulletin - Georgia Agricultural Experiment Stations
Research Bulletin of Obihiro University, Natural Science
Research Bulletin of the Aichi-ken Agricultural Research Center
Research Bulletin of the Hokkaido National Agricultural Experiment

Station

Research of Agricultural Modernization

Research Report - Georgia Agricultural Experiment Stations Research Report of the Oita Prefectural Forestry Experimental Station

Research Series - Arkansas Agricultural Experiment Station

Resistant Pest Management

Review of Palaeobotany and Palynology

Review of Research Work at the Faculty of Agriculture, Belgrade

Revista Brasileira de Biologia

Revista Brasileira de Fisiologia Vegetal

Revista Brasileira de Zootecnia

Revista Ceres

Revista da Sociedade Brasileira de Zootecnia

Revista de Agricultura (Piracicaba) Revista de Biología Tropical

Revista de Biologia Tropical Revista de la Facultad de Agronomía, Universidad del Zulia Revista de Protección Vegetal Revista Frutícola Revista UNIMAR

Revue Agricole et Sucrière de l'Île Maurice Revue Horticole Suisse

Revue Suisse d'Agriculture Revue Suisse de Viticulture, d'Arboriculture et d'Horticulture

Rhodora

Rice Biotechnology Quarterly

Rice Genome

RIS Biotechnology and Development Review

Rivista di Agronomia

Rivista di Frutticoltura e di Ortofloricoltura

Rivista di Scienza dell'Alimentazione Rivista di Viticoltura e di Enologia

Rivista Italiana delle Sostanze Grasse Rośliny Oleiste

Rostlinná Výroba

Russian Agricultural Sciences Russian Journal of Ecology Russian Journal of Nematology

Russian Journal of Plant Physiology SAAS Bulletin of Biochemistry and Biotechnology

SABRAO Journal of Breeding and Genetics SAD, Revija za Sadjarstvo, Vinogradništvo in Vinarstvo Sadovodstvo i Vinogradarstvo

Sakharnaya Svekla

Sandakania

Sarhad Journal of Agriculture Sborník - Jihočeská Univerzita Zemědělská Fakulta, České Budějovice. Fytotechnická Řada

Scandinavian Journal of Forest Research
Schriftenreihe des Bündesministeriums für Ernährung, Landwirtschaft
und Forsten. Reihe A, Angewandte Wissenschaft
Schweizerische Zeitschrift für Forstwesen

Science (Washington)
Science Bulletin of the Faculty of Agriculture, Kyushu University

Scientia Agricola

Scientia Agricultura Sinica Scientia Agriculturae Bohemica

Scientia Horticulturae

Scientific American Scientific Reports of the Faculty of Agriculture, Okayama University

Sécheress Seed and Plant

Seed Research Seed Science and Technology

Seed Science Research

Seed Technology

Seedling Sel'skokhozyaĭstvennaya Biologiya

Selekcija i Semenarstvo

Sementi Elette

Sendtnera, Mitteilungen der Botanischen Staatssammlung und des Instituts für Systematische Botanik der Universität München Sexual Plant Reproduction

Shashpa Silva Belgica

Silva Lusitana Silvae Genetica

Sinet, an Ethiopian Journal of Science

Sjemenarstvo SOB Informa

Sochi Shikenjo Kenkyu Hokoku = Bulletin of the National Grassland

Research Institute Sodobno Kmetijstvo

Soil Biology & Biochemistry Soil Science and Plant Nutrition South African Journal of Botany South African Journal of Plant and Soil

South African Journal of Science South China Fruits

Southwestern Entomologist Soybean Genetics Newsletter

Soybean Science

SP Rapport - Statens Planteavlsforsøg Special Circular - Ohio Agricultural Research and Development Center Special Publication - Taichung District Agricultural Improvement

Special Report - Agricultural Experiment Station, Division of Agriculture, University of Arkansas

Sugar Cane Sugar Journal

Summa Phytopathologica Svensk Frötidning

Sveriges Utsädesförenings Tidskrift

Swedish Journal of Agricultural Research Sweetpotato Research Front

Symbiosis (Rehovot) Systematic Botany

Tabacco

Taiwan Journal of Forest Science

Taiwan Sugar Taiwania Talanta (Oxford)

Tappi Journal TASPO Gartenbaumagazin

Taxon Tea

Technical Bulletin - ICAR Research Complex for Goa

Technical Bulletin - United States Department of Agriculture

Technical Bulletin of the Faculty of Agriculture, Kagawa University

Technical News - Institute of Radiation Breeding

Tecnica Molitoria Tecnología en Marcha

Telopea Terra e Sole

Thaiszia Theoretical and Applied Genetics Theoretical Population Biology

Tissue & Cell

Tohoku Journal of Agricultural Research

Zootecnia Tropical Zprávy Lesnického Výzkumu Zuckerindustrie

Zygote

Serial Publications Cited Tohoku Nogyo Shikenjo Kenkyu Shiryo = Miscellaneous Publication of the Tohoku National Agricultural Experiment Station Transactions of the Illinois State Academy of Science Transgenic Research Tree Physiology Trees: Structure and Function Trends in Biochemical Sciences Trends in Biotechnology Trends in Ecology & Evolution
Trends in Food Science & Technology Trends in Genetics Trends in Microbiology Trends in Plant Science Tropical Agriculture Tropical Forestry Reports - Department of Forest Ecology, University of Helsinki Tropical Fruits Newsletter Tropical Grasslands Tropical Science Tsitologiya i Genetika
Turkish Journal of Agriculture & Forestry
Turkish Journal of Biology
Turkish Journal of Botany Turkish Journal of Field Crops Ukrainskiĭ Botanichniĭ Zhurnal Uspekhi Sovremennoĭ Biologii Uttar Pradesh Journal of Zoology Vaccine Växtskyddsnotiser Verbondsnieuws Vestsī Akadėmīī Navuk Belarusi. Seriya Bīyalagīchnykh Navuk Vetiver Newsletter Vignevini Vinohrad (Bratislava) Virologica Sinica Virology (New York) Vīsnik Agrarnoï Nauki Vita in Campagna Vitis Warta Pusat Penelitian Bioteknologi Perkebunan Watsonia
Weed Research (Oxford)
Weed Science
Weed Technology Wheat Information Service Willdenowia Winter Crop Variety Trials Wood Research Working Paper - Lumle Agricultural Research Centre
World Development (Oxford)
World Forestry Research
World Journal of Microbiology & Biotechnology
Wuhan University Journal of Natural Sciences Yearbook of the Heather Society Zahradnictví Zashchita i Karantin Rasteniĭ Zbornik Biotehniške Fakultete Univerze v Ljubljani, Kmetijstvo Zeitschrift für Arznei- & Gewürzpflanzen Zeitschrift für Arznei- & Gewürzpflanzen
Zeitschrift für Lebensmittel-Untersuchung und -Forschung. A, Food
Research and Technology
Zeitschrift für Naturforschung. Section C, Biosciences
Žemdirbystė, Mokslo Darbai
Zeszyty Naukowe Akademii Rolniczej w Szczecinie, Rolnictwo
Zeszyty Problemowe Postępów Nauk Rolniczych
ZFL, Internationale Zeitschrift für Lebensmittel-Technik, Marketing,
Verpackung und Analytik
Zhurnal Obshcheĭ Biologii
Zeotenia Tronical

rangenic Research

oest Etyslology

frends in Biochembul Sciences

frends in Biochembul Sciences

frends in Biochembul Sciences

frends in frends Science & Technology

frends in George Science & Technology

frends in Flant Science

frends in Flant Science

frends in Flant Science

of Hotsinki with Science

of Hotsinki with Science

Trepical Frends Newboule

Trepical Frends Newboule

Trepical Frends Science

Trepical Frends Science

Tourisk Journal of Agriculture & Forestry

Tourisk Journal of Agriculture & Forestry

Tourisk Journal of Balancy

Tourisk Journal of Balancy

Tourisk Journal of Balancy

Tourisk Journal of Balancy

Tourisk Journal of Balancy

# **I Document Delivery Service**

**Coverage:** We can provide copies of most articles cited in the CAB ABSTRACTS journals and database. Copyright law prohibits supply of more than one article from one periodical issue on any one occasion. Books and other complete publications can be sourced and supplied and are charged at normal (retail) price plus handling/postage, for which a quotation will be sent.

**Ordering:** Please complete an order form, ensuring that you give full bibliographic details and attach a copy of your reference source. Requests may also be sent by post, fax or Email, or placed through online ordering systems. The cost (detailed below) is for each article irrespective of length. UK customers must add VAT, and other EC customers must either quote their VAT number (see below) or UK VAT (currently 17.5%) will be added.

**Payment:** Prepayment is required unless you have a CABI deposit account. Credit cards, cheques, bank drafts or international money orders (not national postal orders) are accepted and should be made payable to CAB INTERNATIONAL. Sterling cheques should be drawn on a UK bank, and US\$ cheques should be drawn on a US bank. Library Services Vouchers (details on request) provide an alternative and convenient method of prepayment.

### **PHOTOCOPY REQUEST (Please type or print clearly)**

CAB INTERNATIONAL, Library Services Centre, Silwood Park, Buckhurst Road, Ascot, Berks, SL5 7TA, UK. Tel: +44 (0) 1344 872747 Fax: +44 (0) 1344 872901	Journal/	,
Email: library@cabi.org	Year:	Vol: Part: Pages:
Despatch to:		Tel:
		Fax:
		Order/Ref. Number:
Delivery Method (Tick one box)	i i na sa sa sa sa sa sa sa sa sa sa sa sa sa	e partiture e conservati se se facilità se e con la fina dell'estato e la compania de la conservatione de la c
Post (£7.50/US\$14.00) + VAT in UK and EC Fax (£17.50/US\$33.00) + VAT in UK and EC		
Payment Method (Tick one box)		
Payment enclosed £/\$ Charge Deposit Account No		
Charge Credit Card, please fill in	details below	
Circle one: ACCESS / AMERICAN EXPRESS / EUROCARD / MASTERCARD / VISA		
Card Number: Expiry date:		
EC COUNTRIES ONLY - If you are registered for VAT (BTW/MWST/IVA/MOMS/FPA/TAV/MWS/AVL/MOM)  Please quote number:		
Please supply me (the undersigned) with the above item which I will use only for private research or study. I have not previously been supplied with a copy of the same material by any librarian, and will not supply a copy of it to anyone else. To the best of my knowledge, no one with whom I work or study has requested or will request substantially the same item for substantially the same purpose.		
Signature:		Date:

## CAB INTERNATIONAL PUBLISHING

CAB INTERNATIONAL (CABI) is a not-for-profit organization in the areas of agriculture, forestry, the management of natural resources and related sciences including human nutrition and health. An active Publishing Programme, under CABI's Publishing Division, markets and publishes worldwide a range of printed and electronic products within these subject areas.

The products are mainly outputs from CABI's main databases, CAB ABSTRACTS and CAB HEALTH, which contain over 3.5 million bibliographic records of the world's scientific and technical literature published since 1973.

CAB ABSTRACTS is the world's leading bibliographic database covering all aspects of agriculture, forestry, veterinary science, soil and water science, as well as leisure, recreation and tourism, and human nutrition.

CAB HEALTH covers parasitic, tropical and communicable diseases of man (including HIV/AIDS), community and public health, human nutrition, and medicinal and poisonous plants.

## FROM THE DATABASES: CAB ACCESS

Provides fast, weekly access to the key literature in agriculture and bioscience.

#### **ABSTRACT JOURNALS**

Printed journals covering broad disciplines as well as specialist interests. Some journals also contain news and other information including review articles. Also available on floppy disk.

#### **CD-ROM**

CAB ABSTRACTS on compact disc, the CABCD, available back to 1973.

CAB HEALTH - Available back to 1973.

CAB SPECTRUM - Subject-specific discs containing at least 25 years of information on each of the major broad disciplines.

CAB COLLECTION - Narrower subject discs containing nearly 25 years of information in a unique, searchable, bibliographic archive.

#### **MAGNETIC TAPES**

Organizations with access to mini or mainframe computers may lease all or part of the CAB ABSTRACTS database.

#### ANNOTATED BIBLIOGRAPHIES

Printed compilations on specific topics.

#### **SEARCH SERVICE**

Question and Answer and Literature Search services are available.

#### ALSO:

#### **PRIMARY JOURNALS**

Bulletin of Entomological Research, Seed Science Research, Journal of Helminthology, Soil Use and Management, British Journal of Nutrition, Proceedings of The Nutrition Society, Nutrition Research Reviews and Public Health Nutrition.

#### **NEWSLETTERS**

Authoritative, accurate and up-to-date synopses of current topics reflected in the international media as well as the technical, scientific and medical press.

#### **SERIAL PUBLICATIONS**

Index of Current Research on Pigs, Distribution Maps of Plant Pests, Distribution Maps of Plant Diseases, Bibliography of Systematic Mycology, Descriptions of Fungi & Bacteria and Index of Fungi.

#### **BOOKS**

CABI has an active book publishing programme and publishes over 60 new titles every year, some of which are available in electronic form. Please contact the Commissioning Editor.

#### **COMPENDIA**

CD-ROM titles providing simple, instant access to detailed, illustrated data in the Crop Protection and Forestry areas with links to bibliographic databases, diagnostic keys and information on the Internet.

#### SCIENTIFIC SOFTWARE AND REFERENCE TOOLS

Interactive Taxonomic Identification Keys and authority files to arthropods, fungi and nematodes.

#### **CABWebs**

WWW sites allowing access to CABI Abstract Journals. In addition, the CABWebs give access to other useful information in relevant subject areas. The CABWebs available are PEST CABWeb - for crop protection, TREE CABWeb - for forestry and VET CABWeb - for veterinary science and animal health information.

#### **CABI** on the WWW

You can find out more about CABI publications and services at http://www.cabi.org

For further information on any of the above products contact:

CAB INTERNATIONAL, Publishing Division, Wallingford, Oxon OX10 8DE, UK Tel: + 44 (0) 1491 832111 Fax: + 44 (0) 1491 826090 E-mail: publishing@cabi.org

CAB INTERNATIONAL, Publishing Division, North America, 198 Madison Avenue, New York, New York 10016-4314, USA
Tel: +1 (212) 726 6490 [toll-free (800) 528 4841] Fax: +1 (212) 686 7993 E-mail: cabi-nao@cabi.org

**CAB INTERNATIONAL, ASIA**, PO Box 210, 43409 UPM Serdang, Malaysia Tel: +60 (0)3 943 2921 Fax: +60 (0)3 943 6400 E-mail: cabi-aro@cabi.org

CAB INTERNATIONAL, CARIBBEAN, Gordon Street, Curepe, Trinidad & Tobago, WI Tel: +1 (809) 645 7628 Fax: +1 (809) 663 2859 E-mail: cabi-cro@cabi.org

CAB INTERNATIONAL, AFRICA, PO Box 76520, Nairobi, Kenya
Tel: +254 (2) 747 329/337 Fax: +254 (2) 747 340 E-mail: cabi-roaf@cabi.org